

Table S6. The amino acid substitutions in two clades of WUXV.

Segment (Protein)	Site	Clade 1 (codon)	Clade 2 (codon)
L (RdRp)	100	R(AGG)	K(AAG)
	252	F(TTC)	Y(TAT)
	261	R(AGG)	K(AAG)
	266	T(ACA)	S(TCA)
	282	A(GAT)	V(GTT)
	345	D(GAT)	E(GAA)
	348	I(ATC)	V(GTT)
	448	D(GAC)	E(GAA)
	484	I(ATC)	V(GTC)
	799	S(AGT)	I(ATT)
	1653	I(ATA)	T(ACA)
	1757	I(ATT)	M(ATG)
	1761	N(AAC)	S(AGT)
	1780	I(ATA)	V(GTG)
	1831	N(AAT)	K(AAA)
	1976	T(ACC)	A(GCC)
	2073	V(GTT)	I(ATT)
M (Gp)	2	F(TTT)	I(ATT)
	93	T(ACA)	S(TCA)
	101	R(AGG)	K(AAG)
	105	H(CAT)	Y(TAT)
	142	A(GCT); T(ACT)	D(GAT); N(AAT)
	143	A(GCT)	V(GTT)
	145	D(GAT)	E(GAG)
	210	N(AAT)	S(AGC)
	218	E(GAA)	G(GGG)
	219	K(AAG)	R(AGA)
	237	E(GAA)	D(GAT)
	255	S(TCC)	T(ACT)
	271	E(GAG)	D(GAT)
	281	S(TCT)	T(ACA)
	284	S(TCT)	A(GCT)
	289	P(CCA)	S(TCA)
	292	V(GTT)	I(ATT)
	297	I(ATA)	M(ATG)
	306	L(CTA); I(ATA)	M(ATG)
	312	A(GCA)	S(TCA)
	313	S(AGT)	D(GAT)
	314	Q(CAA)	L(CTA)

318	T(ACA); A(GCA)	K(AAG)
320	L(CTG)	P(CCA)
340	P(CCC); A(GCC)	D(GAC)
350	I(ATA)	V(GTA)
361	D(GAC)	S(AGC)
480	M(ATG)	L(TTG)
491	M(ATG)	V(GTG)
493	K(AAG)	Q(CAG)
496	S(AGC)	D(GAT)
514	D(GAT)	N(AAT)
530	E(GAA)	D(GAC)
623	M(ATG)	R(AGG)
627	Q(CAG)	R(CGG)
639	I(ATA)	V(GTG)
695	V(GTA)	A(GCA)
731	F(TTT)	L(ATT)
760	T(ACA); A(GCA)	I(ATA)
768	L(CTG)	V(GTG)
770	A(GCT)	I(ATC)
774	I(ATA)	V(GTA)
786	L(TTG)	V(GTG)
790	L(CTA)	V(GTC); I(ATC)
793	I(ATA)	V(GTA)
795	G(GGG)	K(AAG)
798	R(AGG)	K(AAG)
818	D(GAC)	E(GAA)
824	V(GTG)	M(ATG)
830	A(GCA)	M(ATG); V(GTT)
847	V(GTC)	I(ATC)
1032	S(TCT)	H(CAT)
1041	P(CCT)	S(TCT)
1117	D(GAC); G(GGC)	N(AAC)
1230	T(ACT)	P(CCT)
1324	T(ACA)	M(ATG)
1343	A(GCT)	I(ATC)
1346	I(ATA)	V(GTA)
1349	V(GTC)	I(ATC)
1353	V(GTC)	I(ATC)
S (NSs)	99	I(ATC)
	102	M(ATG)
	157	K(AAG)
	166	V(GTT)
	195	A(GCA)

	206	P(CCC)	S(TCC)
	212	H(CAC)	Y(TAT)
	228	E(GAA)	G(GGG)
	230	P(CCT)	S(TCT)
S (N)	136	L(CTT)	I(ATC)
