

Table SM2 . Sequences of the analyzed SSR and SNP loci. The sequences used for primer design are underscored and highlighted in bold. The microsatellite sequences are in italic.

SSR Loci

MT317577

TTAGAAAAAATAACGATATTTTAGATAAAATATTGAGTATTTTGAAAATTATCAAATTGT
TAGAATGATTTAGATAAAAAGAGTTCAGATAGATAGGATTGTTTTGGATATTT**CGGATAAA**
CATATCCGCTTACTTTTCAGGATTGATGATTGATAATTTTTTAAAAATATTTTCGAAGACTTTT
AATAGATTTTAAATTATATATATATATATATATATATATTTGGCTATGCTATGTATATAATTAAT
ATTTGGGTTTTAGTGATTTAACTCCCACTATTTTTAAATCGGAAGAAAAAC(C)TCCAACATA
AAATTTTATGTTTTTAAACCTTGAACCTATTAA**ACCGTTAGTGATGTTAACCTCCGTTAAAA**
AATTTCGTTTTTCTAAACAGACATCCGTTAAATTGAAACGCGGTGTTTCATATAATCACATAA
AGGACACGCAATGTTTATAATCAACAAATATTTTAGTGATTTAAACCTCTAACTATTTTTAA
TAGGATG

MT317527

TGATGAACAAAAAATTCACCATAATTTTTTCGTAAACATGGTGTAGCAGTCGTTGTTAA
TTGCCTTTACGAAAGATACTTTATTTCCACGGTTTATGAAATGACCAGATAAGTCCGATATAT
ATAGTCGGATCAAACATTTTAGAATATTTCTATTTACATGATCTGTACAACATAGTCAGGAA
TGGAGAAGGAAAATGAGAATAAATCCCACTGCTATTATCTGATATGAGATAATTAGTCACT
AAGATCATATCAGAGGGTCAACCCGCGTG**ACTTTGACGAAACGAAGCCCGTGTGTGTGTGT**
GTGTGTGTGTGTGAGTGAAGCTGGTTAGGGTTTTGTCAGAAGGCTCGACAGAGTGTATTAGTC
GTGGTCAAGTTAGAAGAGTGTGCTGTTCAATGGGGCTGCTGCTTGTGGGACTACAGATTCT
GCTTCTCTTTGGTTCTGAGATCCTCACGTTGGAGATTGCAACCACTAGCACATCTACCACA
CCGCTCTCATCTTCTT

MT317537

GATGAAGGTTCCGAGAACTAACCAGCTTGGTGTCAAAACCAAAGATGGGTTATACTATAAA
TTCCTGCTTTCGTGACCAGGTTTGTGTTTTGCAGACAAGATTCCTTTGTCTTTGCTTGAAG
CTTATGTGTGTGTTCTTTTGGTGGTGTAAATAGGATGTTGCGAGCCTGACAAGTTTTTCCAAA
GTGCGTTTGGGAAAACACCTGAAGAGAAA**CAGCTTCTGTTAGTGGTCCGGAATTGGGGAG**
AAGTGGATTGAATGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGCTTCGCATTTAAGCTTCTTATGT
GGATAAAGGTCTTAGCTTTATTTCTTTTTTGTGTTGTGTGTGTGTGAAGGGAATAA**TCTGACGT**
TTTTGGTTGGGGGAAAGCAAGCTTTTGAGGTGTCTCTGGCTGATGTTTCACAGACTCAGCTT
CAAGGGAAAAATGATGTTTTGTTGGAGTTTCATGTTGATGACACTGCTGGTGCCAATGAGGT
ATGATATTGTATGT

MT317610

TTAGTGATTATGCTAGGTTGAAACGGTTTTTAAAAGTAAATTGCAGGTTTGTGAGAAATGGTA
ATTTGCTCGATTGAATCGGTTTTGGTATTAACAATAAGGAAAGGTAGTTAGATTAAAGATT
ACTATTCAGATAATCAGGATTATAATGCTATATATGCCTAATAAGTTGCATGCATGATATTA
AAAAGATTGAAATATGCTAATATGTCCTCGCGTTTTAGACTC**GTCTATTGATCTGATGCCG**
AAAATATCGATCGATGTTTTGACAGCGATATCGATATATATATATATATATATATATATTTGTCTGTC
GATCGGTTACTCTATACGAGTATCGATCGATATAGCTCAGATCGAGTTGATGTGGATGCTCA
CCAAGAT**TCATAGATCGGTTCTCGC**GTATCCCTAGAGGATCTTAGCGTATGCAAGATGATGT
TAGGATGATGATTAAACGAGTTAATTCAATCCAAGATCATATTCTAGTTTGCTACTCTAGGATA
AACATTAGAGTTCA

MT317823

CTCTTATTGCACCTTTTCACGCCCTGAATATTAACACAATGATGTTAAAGATCCTTCCACTTAT
CACTCAGATGAAAAACAAATGCTAAAACATAACCTTAAGTGGAATCCCAAGCATATTACA
GCTGAGACTCTGATATCTTCACTCACGGCTACCATGCAACTTACTCTGCAGAAGCATAAGAT
CACAT**CCAACATAGAAAGGTGCG**TAACAGAACAACGTGCGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGA
GAGAGAGAGATCTACCTGGAACCCATTGATTTGCCAGCCAGTATCAAAGGATGACCAGGGAA
TCTAGCAGCAGTTTCTTTTCAAAAATCCAGATGAAATTCAGTAAGTTTTT**CAGCTTTTGGAG**
GAACTCTTCTTTTCCCTCCAACAATATCTACCCACCCAGAAATTTCCACAAATTAATGAA

TCCCCAATAAGTTTCTATCAAGAACACGAATATTATTATTAATAAATAATCTAGAATTTTCA
CAGACATGGGTAATCAA

SNP Loci

DiploTSNP.045

TCTTTTCACTCGAGAATGATCCATTTGTTAGTAGACTTTCTATTAACCATTATAAATATTGTA
TATAATGTCTTCTTTTGAGCACAGTCCCATGATTAGATATGGTTGTATATGTCTAATTAATT
TTTCTTCTCCATCGTCTCAGTGTAATAGATATGCTTGCCTTACTTGGTGGAAATATGAATGGA
CTATGGTTCCTGAATGTTCAATTTCCGAGCCTACAACTTTC(G/T)AAAGGAAGTTATACTTTG
GAGAACCAGAAAGAGAGATCTCGTGGTTTATATCTTGGAAAACGCTTGCTACTTAAAGA
CTGTAAACAATCTCGGTGAGAGACTGTAATGATGTTCAAACTTAAGATGATCAAAGAGTT
GGCACTTTCTTCTCGAACTTCAACTGCATGTCAACTCATATTCGAATAATCTTATGTTTATAT
TTTTATGATTTGAACTTTGCTTCTATATGTATCCGA

DiploTSNP.062

TACTTTATCAAAAACAGAAAATGTTTGGGAAAATACATGTGAGTTTTTTTCGAAAGACATTCA
ATATAAGGAAACATTATAATAGACCATGTAACCTTATCTCAAATTTTTTTTCTTTGGTTCTATA
TGCGTTTGAATGGTTTCTGGAAAATTTTAGGTATAACCATGACTATGTTGGTTTATAGGATTA
TGTCTAAGTGATG(T/C)CGAAAAAAGAAGGAGCCTTACTGAAAATCAAATAATTTTTTGAGAA
GTAATGGAACCTTCATTAGATAATTGGACATCAATGCTTAAAGCCTTCTGCAACTTTAATGAC
TCTAAAAATGTTTTGATCATGAATGAGCTGAGTTATAACCAAAAAGAGTTTAGGGAAGAAA
ATGATAGAGACATCTTAAAATGACGGATGAGCAAAGGAAGATATACAAAGAAATTATTG
ATGATGTTTTAGAAAAAGAAGGGTGTATTTCGTTTAT

DiploTSNP.090

TTGATGAATGATCAAAACGTATTTTATTGAGAGAAGTAACATACAAACATGCGTATAGAACT
GACTCTTAACGAAGACTATCATCTGTACGTGTTCCCTGGGACATCTTTCATGTCACTGTCACGG
TGCACTCTGTGCCTGATCTCCAGTGATTTTCAGACACTGCCTGTTCCCTTGCCTTTTC(G/T)ATA
CCTTGAGCGCTTGAGAAGAGCTCTACAGGCTCAGACTCTGCGATCTTGCCTCCTTCAAGTGG
TGTCCTCATGTTTGTATCTCACTCGTATAGCCTCGTCTTCAGACTGCTTCGCTTGAGCTGTTGC
GTAGTTTATGTCGTCTTTGTTCTTTGCCATCTTTAGGGTTTAATGAATCACGACTTGACATG
GGACCGTATATAAACAGAGTTAGGTTCTTCGTGTACGCTCTGGACTCTCGTGTGTGCTTAC
TTCTCTTTGTTGTGTGTTCTCTTTTGTGACAC

DiploTSNP.138

AAATAGCATTTACTCTCTTTAACCTAGTACCTTCGATGTACACATTATATAAATACTAGTTGT
ATTGCTTCTTCAATAATAAGAAACACATTACATTTACATGGTATCAAGAGCCTTGTAACAG
ATCCAAAAATTTTCTTCTCTCTTCTTCTCACTACACACCAACTCCATTCATCATGTCTACGA
CCTCTGCTGAAACAG(G/T)CGACACAAATCCACAAACCCTCCTCAATCTGAACATGACAAAC
GTCACGAAACTAACCTCCAGCAACTACATGATGTGGAGCCTCCAAGTTCAAGCTCTCCTTGA
CGGCTATGATCTCAGCAGCCACCTTGACAACCTCCACTCCACCACCGCCACCAACCATAACCA
CTGACGGAAACCAACAGTCACAAACCCAGAGTTTCGCCCTCTGGAAACGTCAAGACCGGCTAA
TCTTTAGCGGTCTCATCGGAGCCATCTCAGTTCCCA

DiploTSNP.213

GAATCCCCTACTGTCTAAGCACCGTCTACTTCTCATTTCCATTTGAACAGCAAATTGGACAAT
ACTTAACCTGAATTCACCGCGAGATGGCATCCTACTCTTTCTCGGCCTACCTGGTGGGCGG
CGTGTTGCTGGCGGGAAGAGCAACCCATTGTCTCCTTCCACACCCATCTTAATTGATGTTATG
TTGGTGTGGTCAACGGGATTGATGCTTCCACTGTAAGCCATTGCCAGTATGCGGTGCTGTA
AACTGGGT(T/C)GACCTTACTCTCCACAGACTCTTTAGCATAAATGCCCGCAGCCATATCAT
GAACACACGGTATGGCTAGCGCTTCAAACCTCCTTGCAAGACCATTTTTTGTTCACCAGATCG
ACTCTTGAATACATTCCATTTTCATCCACAACCTCGTACTCTCCCTCTATGATGTGGTGGACA
CCATATTCTGAACCCTCGCTAAAGTTTTTTTGCCAA

DiploTSNP.220

AAATGTACGCCGTGCAATGCAAGATATTGATCTTGGTAGCAATGATGCTCCTTTTGTGCTAC
CTGTTGATGTGGTGAATCGGGCTGCTGAAGAAAATATATTCATTCTGGTGGGGAGTCCAACG

ATGCCACGGAAACAGAATCTCAGAGGCATCATCTCTACGATGCCAAGAGTTTGGGGGTTA
GAAGGGATTGTTTCGTGGGCAAATTATGGAAGGAAGAAGATTCCAATTCATCTTTCCAAGTGA
GGAAT(T/C)GATGGACAACGTACTCAGACGTGGTCCGTGGGCTTATGCAGATAGGATGATCA
CGCTTCAGAAGTGGACTCCGTTGATGGATTGGCTTTGTTGAACTTCATTCCTTTTTGGATTC
AAGTTCGTGGGATACCTTTCCAGTACAATGAATCGTTAAGTGGTGATCAATATTGCAAGATT
GATGGGGCAATACATCCAAGTGGATTACAATGAAGAACTTGTAGGGCGTTTGGAGTTTGTTT
GTATCAGACTTAATTGG

DiploTSNP.270

AAATAGGTGGCTTATCAGTTTTTCACTCCACTTGTGTCAGGCACACATTATAAGCATCGA
GTCACATGCCCTGACTCAGTTCTAATGAGTTTCGTCGTTCCGCTTACATCTATA
AATATATTAAGTGACATCTCAATGTTTATTGCAAACCTAGTTTTTTTTTTCATAAGGCTTCTTT
TC(A/G)AGTAGTTTGCACAAAGTAGAGAGTGAATAAAATATAATAGAATGTATGCATTAGTA
GAATTTGACTTGGTTCTCCATTACAATGGCCACGCTGCATGTGCAATATCTTTCAAGAACGA
AGGTGATGATGACGATGATGTAGTCTATGATTACGCTCCAGCTGCATGAGTCAATCATCTTT
AGTTATGACGTCTTCACACCAGGAAGAGATAAGCTTTTCTAGCTAGCTAGATACAACCCT
AATTAGCAATATATGTATTTTTAGCAATATATGTAT

DiploTSNP.290

CCACCTTAATGTGTGCTGAGCTGGATTAGTGTAAGATGAGTGATATATCAAAATTAAGTAG
TGAAAATGTGCGAAAGAGATGCTATCGGCTTTTCATGAACCTTATTGTGTAATCAATCATAA
AAGGCTTTACTGCACAATGTATACAAATTAGAAAGCTGATGAGAAGTAAACAATTTGCAAT
ACAACTAAAGAACTGGTAAAGAAAAATAGTGGTCTTTGATATAGGAATCTACG(T/C)CGA
TTATGTGCCCATCATATCCCCATCTGTTAATAACTTCAACACATCAGCTCATCGGTTAGAAC
TGAGGACGTAACATCCTCGTCTTTTTTATCATTTGCAATTGCATTGTTACCGGCACATCAGC
TCATCGGTTGTTCACTGATCCGAAATTATTATATACTGTACTACTTTTTTAAATGTCGGCAA
GGAAATAGTCATCTGAATTATTTTATGGTTCAGAACT

DiploTSNP.448

GGTTTCTCTATAGTGCGGAGGGGTTTTGGATGGTTGCTCGACCTCATGAAATGCCGATCTGG
AGGTTGATCTGGTTCTCGAGTTTGGCTGGATATGTGTCAGATCTACTTCGGAGAGTTTTCCA
AAATGTCAAAGTGTCACTTCCTTTTCATTTCTGGATAGCTACACTGCATCCTCTTGTCTCCAT
CTCTCTCATTTTTTCGGTTTTTTTCGT(A/C)GAGGTTTGAGGCTTTCATCAGGAACATCTTTGCTT
ATCATTCTTGCAATAATTTAGCATGACGATTCTGCATGATTGGACTTCCTTTCAACTACCTCG
GCTGTTTTTGGAGCTTTTGCCTCCTCTAATTTTTATAGTTCCAGAAGGAACATGACTGATGT
TTTACTTTGCATTTTTTCTATTTTCTGAAGCTGTAGTCATTTATGAATGTTTTTCTCGAGTGAAG
GGACCGATGTTGAGTGCTTAAACCTCTTCA