

Table S3 PCR primers for detection of tetracycline and macrolide resistance genes.

Primer	Targeted gene	Sequences (5'-3')	Annealing temperature (°C)	Amplicon size (bp)
tetA-FW	tetA	GCGCGATCTGGTTCACTCG	61	164
tetA-RV		AGTCGACAGYRGCGCCGGC		
tetB-FW	tetB	TACGTGAATTATTGCTTCGG	59	206
tetB-RV		ATACAGCATCCAAAGCGCAC		
tetC-FW	tetC	GCGGGATATCGTCCATTCCG	68	207
tetC-RV		GCGTAGAGGATCCACAGGACG		
tetD-FW	tetD	GGAATATCTCCCGGAAGCGG	68	187
tetD-RV		CACATTGGACAGTGCCAGCAG		
tetE-FW	tetE	GTTATTACGGGAGTTGTTGG	61	199
tetE-RV		AATACAACACCCACACTACGC		
tetG-FW	tetG	GCAGAGCAGGTCGCTGG	65	134
tetG-RV		CCYGCAAGAGAACGCCAGAAG		
tetH-FW	tetH	CAGTAAAATTCACTGGCAC	61	185
tetH-RV		ATCCAAAGTGTGGTTGAGAAT		
tetJ-FW	tetJ	CGAAAACAGACTGCCAAC	61	184
tetJ-RV		TCCATAATGAGGTGGGGC		
tetK-FW	tetK	TCGATAGGAACAGCAGTA	55	169
tetK-RV		CAGCAGATCCTACTCCTT		
tetL-FW	tetL	TCGTTAGCGTGCTGTCATT	55	267
tetL-RV		GTATCCCACCAATGTAGCCG		
tetV-FW	tetV	GCCTACGGTTTCATCCTGGC	65	351
tetV-RV		CGAGACCACCTTCGACAGCG		
tetY-FW	tetY	ATTGTACCGGCAGAGCAAAC	68	181
tetY-RV		GGCGCTGCCGCCCCATTATGC		
tetZ-FW	tetZ	CCTTCTGACCAGGTCGG	61	204
tetZ-RV		ACCCACAGCGTGTCCGTC		
tetA(P)-FW	tetA(P)	CTTGGATTGCGGAAGAACAG	55	676
tetA(P)-RV		ATATGCCCATTTAACACACGC		
tet30-FW	tet30	CATCTTGGTCGAGGTGACTGG	68	210
tet30-RV		ACGAGCACCCAGCCGAGC		
tet31-FW	tet31	CAATCACGCCAAAAGAA	53	564
tet31-RV		TGTGCCATCCCAGTTGT		
tet33-FW	tet33	ATGCGGTTCCGCTGAA	54	784
tet33-RV		GGAAAATGCGTCAGTGACAA		
tet35-FW	tet35	ATGCGCAAGACCGTCCCTAC	54	
tet35-RV		CACACACTAGTAACGGTCGA		
tet38-FW	tet38	ATGAATGTTGAATATTCTAA	42	106
tet38-RV		TGGCTACAGAAATCAAT		
tet39-FW	tet39	CTCCTCTCTATTGTGGCTA	47	701
tet39-RV		CACTAATACCTCTGGACATCA		
tet40-FW	tet40	CGGAGGAAGAGGACAAACCC	56	446
tet40-RV		TAAGCCGCTGCCGATAAGAC		
tet41-FW	tet41	AATGCGATCAATTCCGCCG	55	166
tet41-RV		CGGCGAACAGCAGATTAAACG		
tet42-FW	tet42	TCTCGAGGATCACGAACCC	55	128
tet42-RV		ACTGGGACTCGATACACCCA		
tet45-FW	tet45	GCTGAGGCCATCCACTCATTT	63	107
tet45-RV		TTTCCTCTTGAGCGTTATGC		
tetAB(46)-FW	tetAB(46)	GCTTCTGGACCTTGACGGA	55	580

<i>tetAB(46)-RV</i>		GTTCCCTGACTCATGGCCACA		
<i>tet47-FW</i>	<i>tet47</i>	GCGTTGGCGTGGGTTAAC	55	627
<i>tet47-RV</i>		GACCCCTGTGGCATTGGTTA		
<i>tcr3-FW</i>	<i>tcr3</i>	CGCTCAGTCGACAAGACCT	54	399
<i>tcr3-RV</i>		GTCTCCATCGAGTCGCCAT		
<i>otrB-FW</i>	<i>otrB</i>	CCGACATCTACGGCGCAAGC	55	947
<i>otrB-RV</i>		GGTGATGACGGTCTGGGACAG		
<i>otrC-FW</i>	<i>otrC</i>	ATGAAGTCCGCCGAATGNA	55	1860
<i>otrC-RV</i>		TCAGGTCTTCTGCGGAACCT		
<i>tetQ-FW</i>	<i>tetQ</i>	AGAATCTGCTGTTGCCAGTG	56	169
<i>tetQ-RV</i>		CGGAGTGTCAATGATATTGCA		
<i>tetT-FW</i>	<i>tetT</i>	AAGGTTTATTATATAAAAGTG	46	169
<i>tetT-RV</i>		AGGTGTATCTATGATATTAC		
<i>tetB(P)-FW</i>	<i>tetB(P)</i>	AAAACATTATTATATTATAGTG	46	169
<i>tetB(P)-RV</i>		TGGAGTATCAATAATATTCAC		
<i>tet32-FW</i>	<i>tet32</i>	GAACCAGATGCTGCTCTT	57	620
<i>tet32-RV</i>		CATAGCCACGCCACATGAT		
<i>tet36-FW</i>	<i>tet36</i>	TTTCTGGCAGAGGTAGAACG	57	250
<i>tet36-RV</i>		TTAACCTCTGCCTTCAACG		
<i>tet44-FW</i>	<i>tet44</i>	AAAATAATCAACATTGGTATTCTTGCTCA	56	1927
<i>tet44-RV</i>		TAGTAACCTAACATTCTTTTATTAAACA TATGGCG		
<i>otrA-FW</i>	<i>otrA</i>	GAACACGTACTGACCGAGAAG	55	778
<i>otrA-RV</i>		CAGAAGTAGTTGTGCGTCCG		
<i>tetX-FW</i>	<i>tetX</i>	GAAAGAGACAACGACCGAGAG	56.5	131
<i>tetX-RV</i>		ACACCCATTGGTAAGGCTAAG		
<i>tet34-FW</i>	<i>tet34</i>	ATACGGGGATGCAAACCTCA	53	729
<i>tet34-RV</i>		ACGAGTGANCTCTGATGTCTCTT		
<i>tet37-FW</i>	<i>tet37</i>	ATGGTTCGCTATTACTCTAAC	45	177
<i>tet37-RV</i>		ATCAGTCTCATATTCGACA		
<i>tetU-FW</i>	<i>tetU</i>	ATGCAGCTAACGACGTGGC	54	317
<i>tetU-RV</i>		TTATTCCGGTATCACTCTCTGTC		
<i>erm(B)-F</i>	<i>erm(B)</i>	TGGTATCCAATGCGTAATG	62	745
<i>erm(B)-R</i>		CTGTGGTATGGCGGGTAAGT		
<i>mef(A/E)-F</i>	<i>mef(A/E)</i>	CAATATGGCAGGGCAAG	62	317
<i>mef(A/E)-R</i>		AAGCTGTTCCAATGCTACGG		
<i>msr(D)-F</i>	<i>msr(D)</i>	TTGGACGAAGTAACCTCG	50	370
<i>msr(D)-R</i>		GCTTGGCTCTTACGTT		