

**Supplementary Table S2.** Statistical analyses of the transcript accumulation induced by *Trichoderma* isolates and/or *Fusarium culmorum* (Values highlighted in green are significant; Student's *T* realized after that normality and homoskedascity were tested; error level of 5 %; n = 3)

Gene	Leaves												Roots											
	Tahz01	Tahz02	Tahz03	Tat01	Tien01	Tfik01	Tahz01 + Fc	Tahz02 + Fc	Tahz03 + Fc	Tat01 + Fc	Tien01 + Fc	Tfik01 + Fc	Tahz01	Tahz02	Tahz03	Tat01	Tien01	Tfik01	Tahz01 + Fc	Tahz02 + Fc	Tahz03 + Fc	Tat01 + Fc	Tien01 + Fc	Tfik01 + Fc
ACO	0.057	0.22	0.23	0.057	0.081	0.32	0.053	0.036	0.019	0.8	0.82	0.025	0.85	0.09	0.049	0.064	0.16	0.098	0.61	0.96	0.27	0.034	0.034	0.96
ACS1	0.034	0.067	0.11	0.07	0.084	0.079	0.089	0.051	0.059	0.083	0.067	0.052	0.062	0.057	0.042	0.042	0.049	0.04	0.68	0.86	0.4	0.66	0.42	0.91
AOS1	0.027	0.029	0.57	0.07	0.9	0.77	0.08	0.025	0.15	0.14	0.15	0.22	0.07	0.042	0.07	0.075	0.027	0.051	0.58	0.24	0.43	0.098	0.81	0.41
AOS2	0.011	0.048	0.13	0.18	0.064	0.16	0.025	0.15	0.15	0.054	0.059	0.25	0.04	0.054	0.052	0.11	0.026	0.034	0.14	0.6	0.74	0.084	0.68	0.43
AQ01	0.11	0.07	0.05	0.034	0.2	0.065	0.64	0.37	0.27	0.082	0.083	0.37	0.027	0.054	0.041	0.059	0.025	0.042	0.97	0.079	0.47	0.26	0.78	0.61
CAD	0.035	0.025	0.048	0.22	0.048	0.038	0.036	0.054	0.78	0.55	0.069	0.034	0.18	0.053	0.13	0.035	0.015	0.011	0.061	0.06	0.71	0.26	0.89	0.57
CAT1	0.073	0.063	0.57	0.54	0.027	0.046	0.11	0.9	0.096	0.95	0.43	0.13	0.14	0.62	0.24	0.14	0.95	0.74	0.15	0.22	0.13	0.2	0.089	0.63
CCR3	0.028	0.0063	0.22	0.18	0.012	0.011	0.092	0.09	0.016	0.88	0.79	0.17	0.18	0.067	0.11	0.54	0.15	0.066	0.57	0.97	0.5	0.38	0.68	0.77
CHS	0.013	0.021	0.085	0.18	0.085	0.041	0.03	0.025	0.0048	0.03	0.25	0.014	0.11	0.46	0.51	0.72	0.04	0.46	0.24	0.24	0.36	0.36	0.74	0.24
CHTb	0.05	0.18	0.48	0.027	0.18	0.037	0.035	0.026	0.096	0.15	0.16	0.059	0.2	0.42	0.57	0.95	0.07	0.13	0.92	0.96	0.13	0.15	0.95	0.95
CHT2	0.71	0.07	0.29	0.025	0.095	0.054	0.028	0.13	0.061	0.82	0.82	0.92	0.48	0.18	0.3	0.17	0.53	0.035	0.045	0.054	0.044	0.48	0.035	0.035
COMT	0.088	0.07	0.29	0.23	0.11	0.13	0.048	0.0049	0.061	0.058	0.035	0.037	0.25	0.44	0.18	0.12	0.54	0.26	0.27	0.44	0.22	0.25	0.21	0.15
CRK3	0.012	0.035	0.14	0.0069	0.037	0.052	0.51	0.22	0.15	0.18	0.24	0.039	0.39	0.037	0.05	0.06	0.052	0.025	0.22	0.88	0.64	0.19	0.71	0.26
DEF	0.05	0.18	0.085	0.05	0.026	0.034	0.68	0.63	0.16	0.069	0.069	0.5	0.025	0.086	0.024	0.025	0.4	0.024	0.12	0.15	0.16	0.66	0.7	0.15
DFR	0.28	0.012	0.037	0.06	0.54	0.15	0.013	0.25	0.23	0.82	0.12	0.31	0.044	0.048	0.06	0.058	0.054	0.084	0.53	0.77	0.81	0.069	0.29	0.37
ERF3	0.18	0.041	0.56	0.21	0.15	0.025	0.24	0.27	0.42	0.26	0.35	0.22	0.2	0.34	0.26	0.28	0.021	0.077	0.41	0.41	0.29	0.061	0.32	0.44
FIS1	0.03	0.029	0.58	0.06	0.055	0.97	0.03	0.12	0.068	0.089	0.19	0.42	0.33	0.44	0.25	0.2	0.13	0.18	0.096	0.058	0.069	0.22	0.054	0.083
FPL1	0.042	0.021	0.089	0.026	0.04	0.072	0.058	0.063	0.061	0.51	0.57	0.069	0.18	0.42	0.83	0.9	0.4	0.053	0.99	0.036	0.16	0.069	0.26	0.12
GLP	0.024	0.13	0.064	0.014	0.055	0.23	0.054	0.12	0.058	0.26	0.17	0.46	0.14	0.057	0.025	0.025	0.05	0.025	0.31	0.96	0.88	0.16	0.81	0.22
GLU	0.042	0.028	0.079	0.0071	0.23	0.05	0.014	0.11	0.03	0.083	0.083	0.13	0.062	0.086	0.13	0.033	0.035	0.11	0.47	0.47	0.99	0.2	0.41	0.8
GPX	0.015	0.11	0.035	0.036	0.013	0.021	0.078	0.11	0.13	0.91	0.73	0.24	0.13	0.085	0.1	0.18	0.23	0.075	0.061	0.28	0.11	0.054	0.15	0.099
GSL22	0.06	0.04	0.3	0.89	0.18	0.031	0.18	0.26	0.41	0.13	0.1	0.27	0.12	0.11	0.13	0.18	0.11	0.42	0.45	0.12	0.66	0.083	0.56	0.4
EndoGLU	0.096	0.016	0.22	0.042	0.11	0.062	0.03	0.068	0.043	0.63	0.82	0.035	0.1	0.095	0.45	0.31	0.035	0.049	0.07	0.082	0.29	0.088	0.8	0.48
ICS	0.041	0.14	0.028	0.1	0.053	0.035	0.09	0.15	0.37	0.82	0.37	0.41	0.037	0.016	0.061	0.13	0.18	0.0082	0.29	0.26	0.35	0.51	0.66	0.21
LOX	0.035	0.011	0.33	0.49	0.18	0.084	0.12	0.12	0.58	0.32	0.12	0.67	0.18	0.089	0.28	0.027	0.15	0.081	0.73	0.71	0.24	0.42	0.48	0.51
LRR_RLK	0.052	0.041	0.11	0.035	0.15	0.06	0.26	0.13	0.15	0.15	0.2	0.11	0.041	0.063	0.063	0.063	0.025	0.063	0.093	0.41	0.91	0.38	0.58	0.17
LTP	0.2	0.37	0.052	0.07	0.28	0.025	0.025	0.025	0.017	0.0067	0.015	0.012	0.13	0.1	0.63	0.046	0.072	0.049	0.037	0.11	0.5	0.15	0.86	0.63
MAPK3	0.038	0.031	0.067	0.047	0.2	0.025	0.087	0.88	0.22	0.061	0.056	0.22	0.086	0.23	0.29	0.17	0.22	0.14	0.48	0.37	0.078	0.097	0.55	0.4
NPR1	0.0028	0.025	0.044	0.098	0.039	0.012	0.096	0.21	0.26	0.035	0.027	0.073	0.22	0.18	0.46	0.063	0.25	0.052	0.95	0.48	0.17	0.82	0.17	0.37
OKO	0.012	0.046	0.028	0.063	0.2	0.093	0.049	0.29	0.13	0.22	0.19	0.13	0.085	0.054	0.085	0.048	0.035	0.044	0.56	0.74	0.98	0.15	0.68	0.82
PAL	0.07	0.06	0.079	0.13	0.63	0.23	0.063	0.058	0.016	0.12	0.063	0.023	0.18	0.029	0.025	0.035	0.44	0.037	0.035	0.032	0.031	0.46	0.27	0.03
PIE	0.38	0.28	0.1	0.44	0.04	0.22	0.061	0.067	0.069	0.17	0.15	0.4	0.2	0.048	0.031	0.04	0.21	0.031	0.2	0.51	0.39	0.62	0.84	0.82
PLC	0.35	0.038	0.11	0.53	0.057	0.3	0.43	0.092	0.43	0.1	0.58	0.14	0.085	0.042	0.041	0.041	0.038	0.013	0.13	0.11	0.67	0.22	0.65	0.082
POXa	0.01	0.027	0.036	0.063	0.011	0.0069	0.016	0.083	0.11	0.53	0.2	0.073	0.067	0.049	0.1	0.37	0.14	0.056	0.096	0.48	0.26	0.035	0.22	0.096
POXb	0.0063	0.052	0.079	0.43	0.34	0.038	0.22	0.13	0.08	0.56	0.52	0.68	0.05	0.049	0.062	0.1	0.34	0.11	0.27	0.75	0.37	0.045	0.15	0.57
PPO	0.025	0.046	0.036	0.098	0.058	0.027	0.0092	0.22	0.27	0.21	0.098	0.054	0.29	0.47	0.72	0.47	0.42	0.43	0.098	0.11	0.089	0.21	0.32	0.12
PRLa	0.038	0.07	0.55	0.97	0.76	0.59	0.15	0.92	0.34	0.84	0.89	0.66	0.018	0.22	0.23	0.11	0.026	0.073	0.5	0.52	0.22	0.15	0.29	0.81
PR1b	0.052	0.038	0.2	0.0063	0.22	0.52	0.014	0.088	0.061	0.096	0.059	0.051	0.035	0.025	0.029	0.026	0.15	0.079	0.22	0.25	0.086	0.83	0.21	0.21
psgGST	0.063	0.15	0.1	0.065	0.3	0.79	0.034	0.15	0.031	0.069	0.016	0.06	0.69	0.75	0.81	0.95	0.53	0.4	0.1	0.23	0.97	0.26	0.91	0.2
RboHd	0.53	0.37	0.14	0.041	0.14	0.26	0.19	0.2	0.21	0.054	0.036	0.043	0.17	0.2	0.2	0.16	0.4	0.056	0.11	0.12	0.53	0.92	0.58	0.69
RboHf	0.13	0.045	0.084	0.065	0.078	0.042	0.11	0.37	0.12	0.094	0.088	0.096	0.058	0.04	0.045	0.05	0.26	0.085	0.44	0.61	0.12	0.13	0.92	0.69
RLCK	0.012	0.013	0.2	0.018	0.012	0.013	0.054	0.11	0.016	0.044	0.033	0.081	0.57	0.17	0.15	0.19	0.48	0.2	0.47	0.2	0.12	0.7	0.98	0.27
SOD	0.11	0.025	0.53	0.43	0.64	0.035	0.79	0.24	0.96	0.11	0.11	0.083	0.14	0.042	0.38	0.21	0.69	0.81	0.054	0.11	0.82	0.18	0.86	0.093
WAK2	0.026	0.0075	0.022	0.011	0.025	0.11	0.95	0.2	0.23	0.26	0.27	0.11	0.17	0.042	0.048	0.11	0.66	0.095	0.81	0.91	0.8	0.69	0.49	0.86
WAK6	0.13	0.29	0.39	0.041	0.04	0.94	0.4	0.1	0.45	0.15	0.3	0.069	0.37	0.23	0.084	0.66	0.97	0.66	0.048	0.11	0.5	0.017	0.13	0.12