

Table S5. Organization of the mitogenome of *A. yunnanensis*.

Name	Location		Size(bp)	Intergenic nucleotides	Codon		Strand
	From	To			Start	Stop	
<i>trnI</i>	1	66	66				+
<i>trnQ</i>	64	131	68	-3			-
<i>trnM</i>	131	197	67	-1			+
<i>nad2</i>	198	1,157	960		ATG	TAG	+
<i>trnW</i>	1,157	1,218	62	-1			+
<i>trnC</i>	1,218	1,282	65	-1			-
<i>trnY</i>	1,283	1,346	64				-
<i>cox1</i>	1,345	2,878	1,534	-2	ATG	T	+
<i>trnL2</i>	2,879	2,944	66				+
<i>cox2</i>	2,945	3,617	673		ATT	T	+
<i>trnK</i>	3,618	3,687	70				+
<i>trnD</i>	3,688	3,750	63				+
<i>atp8</i>	3,751	3,903	153		ATA	TAA	+
<i>atp6</i>	3,897	4,547	651	-7	ATG	TAA	+
<i>cox3</i>	4,548	5,327	780		ATG	TAA	+
<i>trnG</i>	5,327	5,387	61	-1			+
<i>nad3</i>	5,388	5,741	354		ATA	TAA	+
<i>trnA</i>	5,740	5,802	63	-2			+
<i>trnR</i>	5,804	5,866	63	1			+
<i>trnN</i>	5,866	5,930	65	-1			+
<i>trnS1</i>	5,930	5,995	66	-1			+
<i>trnE</i>	5,995	6,057	63	-1			+
<i>trnF</i>	6,057	6,120	64	-1			-

Table S5. Cont.

<i>nad5</i>	6,121	7,786	1,666		TTG	T	-
<i>trnH</i>	7,787	7,847	61				-
<i>nad4</i>	7,850	9,154	1,305	2	ATG	TAA	-
<i>nad4L</i>	9,148	9,423	276	-7	ATG	TAA	-
<i>trnT</i>	9,426	9,486	61	2			+
<i>trnP</i>	9,487	9,549	63				-
<i>nad6</i>	9,552	10,037	486	2	ATA	TAA	+
<i>cytb</i>	10,030	11,163	1,134	-8	ATG	TAG	+
<i>trnS2</i>	11,162	11,225	64	-2			+
<i>nad1</i>	11,225	12,157	933	-1	ATT	TAA	-
<i>trnL1</i>	12,158	12,224	67				-
<i>rrnL</i>	12,225	13,386	1,162				-
<i>trnV</i>	13,387	13,449	63				-
<i>rrnS</i>	13,450	14,185	736				-
<i>CR</i>	14,186	14,755	570				+