

Table S4. Organization of the mitogenome of *A. lineatus*.

Name	Location		Size(bp)	Intergenic nucleotides	Codon		Strand
	From	To			Start	Stop	
<i>trnI</i>	1	66	66				+
<i>trnQ</i>	64	131	68	-3			-
<i>trnM</i>	131	196	66	-1			+
<i>nad2</i>	197	1,156	960		ATG	TAG	+
<i>trnW</i>	1,156	1,219	64	-1			+
<i>trnC</i>	1,219	1,282	64	-1			-
<i>trnY</i>	1,283	1,346	64				-
<i>coxI</i>	1,345	2,878	1,534	-2	ATG	T	+
<i>tRNA-Leu2</i>	2,879	2,944	66				+
<i>cox2</i>	2,945	3,620	676		ATA	T	+
<i>trnK</i>	3,618	3,687	70	-3			+
<i>trnD</i>	3,688	3,751	64				+
<i>atp8</i>	3,752	3,904	153		ATA	TAA	+
<i>atp6</i>	3,898	4,548	651	-7	ATG	TAA	+
<i>cox3</i>	4,549	5,328	780		ATG	TAA	+
<i>trnG</i>	5,329	5,388	60				+
<i>nad3</i>	5,392	5,742	351	3	ATA	TAA	+
<i>trnA</i>	5,741	5,803	63	-2			+
<i>trnR</i>	5,805	5,866	62	1			+
<i>trnN</i>	5,867	5,929	63				+
<i>tRNA-Ser1</i>	5,929	5,994	66	-1			+
<i>trnE</i>	5,994	6,058	65	-1			+
<i>trnF</i>	6,058	6,120	63	-1			-

Table S4. Cont.

<i>nad5</i>	6,121	7,783	1,663		ATT	T	-
<i>trnH</i>	7,787	7,847	61	3			-
<i>nad4</i>	7,850	9,160	1,311	2	ATG	TAA	-
<i>nad4L</i>	9,154	9,429	276	-7	ATG	TAA	-
<i>trnT</i>	9,432	9,493	62	2			+
<i>trnP</i>	9,494	9,556	63				-
<i>nad6</i>	9,559	10,044	486	2	ATA	TAA	+
<i>cytb</i>	10,037	11,170	1,134	-8	ATG	TAG	+
<i>trnS2</i>	11,169	11,232	64	-2			+
<i>nad1</i>	11,232	12,167	936	-1	ATA	TAA	-
<i>trnL1</i>	12,165	12,230	66	-3			-
<i>rrnL</i>	12,231	13,392	1,162				-
<i>trnV</i>	13,393	13,455	63				-
<i>rrnS</i>	13,455	14,278	824	-1			-
<i>CR</i>	14,279	16,218	1,940				+