

**Table S7.** Organization of the mitogenome of *T. longivalvulatus*.

Name	Location		Size(bp)	Intergenic nucleotides	Codon		Strand
	From	To			Start	Stop	
<i>trnI</i>	1	62	62				+
<i>trnQ</i>	60	128	69	-3			-
<i>trnM</i>	156	221	66	27			+
<i>nad2</i>	222	1,190	969		ATT	TAA	+
<i>trnW</i>	1,181	1,241	61	-10			+
<i>trnC</i>	1,242	1,301	60				-
<i>trnY</i>	1,303	1,364	62	1			-
<i>cox1</i>	1,363	2,896	1,534	-2	ATG	T	+
<i>trnL2</i>	2,897	2,962	66				+
<i>cox2</i>	2,963	3,641	679		ATA	T	+
<i>trnK</i>	3,642	3,712	71				+
<i>trnD</i>	3,713	3,774	62				+
<i>atp8</i>	3,775	3,927	153		ATA	TAA	+
<i>atp6</i>	3,921	4,568	648	-7	ATG	TAA	+
<i>cox3</i>	4,569	5,346	778		ATG	T	+
<i>trnG</i>	5,347	5,407	61				+
<i>nad3</i>	5,411	5,761	351	3	ATT	TAA	+
<i>trnA</i>	5,760	5,822	63	-2			+
<i>trnR</i>	5,826	5,885	60	3			+
<i>trnN</i>	5,885	5,949	65	-1			+
<i>trnS1</i>	5,949	6,012	64	-1			+
<i>trnE</i>	6,012	6,074	63	-1			+
<i>trnF</i>	6,075	6,136	62				-

**Table S7. Cont.**

<i>nad5</i>	6,137	7,802	1,666		TTG	T	-
<i>trnH</i>	7,803	7,864	62				-
<i>nad4</i>	7,867	9,171	1,305	2	ATG	TAA	-
<i>nad4L</i>	9,165	9,440	276	-7	ATG	TAA	-
<i>trnT</i>	9,443	9,503	61	2			+
<i>trnP</i>	9,504	9,565	62				-
<i>nad6</i>	9,568	10,053	486	2	ATA	TAA	+
<i>cytb</i>	10,046	11,182	1,137	-8	ATG	TAA	+
<i>trnS2</i>	11,184	11,247	64	1			+
<i>nad1</i>	11,247	12,179	933	-1	ATT	TAA	-
<i>trnL1</i>	12,180	12,244	65				-
<i>rrnL</i>	12,272	13,426	1,154				-
<i>trnV</i>	13,427	13,488	62				-
<i>rrnS</i>	13,491	14,226	736	2			-
CR	14,227	15,325	1,099				+