

Table S2. Primers used in this study

Primer Name	Sequence (5'–3')	Comment
B79	TGTGGATGCTGGCGGAGGATA	Screening primer on <i>ACT1</i> promoter
B1026	GTAAACGACGGCCAGTGAGC	M13 forward (extended)
B1027	CAGGAAACAGCTATGACCATG	M13 reverse (extended)
B1454	AAGGTGTTCCCGACGACGAATCG	NSL2
B1455	AACTCCGTCGCGAGCCCCATCAAC	NSR2
B1886	TGGAAGAGATGGATGTGC	NSL-NEO
B1887	ATTGTCTGTTGTGCCAG	NSR-NEO
B679	CGCCCTTGCTCCTTCTTCTATG	<i>ACT1</i> qRT primer 1
B680	GACTCGTCGTATTCGCTCTTCG	<i>ACT1</i> qRT primer 2
J1	TGGTGGTGAGGGAAAAATG	<i>RAD51</i> (CNAG_00720) qRT primer 1
J2	GCACCTCTTACCATCAAG	<i>RAD51</i> (CNAG_00720) qRT primer 2
J1321	GCCACCAACGAGCAAATAG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) qRT primer 1
J1322	ATGCCAAGGAGGATTAGG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) qRT primer 2
J1323	CGGAAGACGCAGAAGGAAG	<i>KU80</i> (CNAG_03637) qRT primer 1
J1324	AGGTTCGGTCTTCGTGATG	<i>KU80</i> (CNAG_03637) qRT primer 2
J1207	TATCACATCCTGAGCCACG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) –5' screening primer for deletion
J1208	AGGGCCAAAGTGCTTTCTG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – left flanking primer 1 for deletion
J1209	TCACTGGCCGTCGTTTTACTTGCATGAGTCAACGGAC G	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – left flanking primer 2 for deletion
J1210	CATGGTCATAGCTGTTTCTGAAACCATACGGCAGCC ATC	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – right flanking primer 1 for deletion
J1211	GAATGGAGGTCGGGTGAAC	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – right flanking primer 2 for deletion
J1212	TTTCCTCTGGCTCCTGAAC	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – probe primer for Southern blot
J1348	GGTACCg <sub>ggccgc</sub> AGAAGTATGTCGCGGAATGG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation primer L1
J1349	CGTAAATGAGAAGCAGCTTGG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation primer R1
J1350	TGGTGGTGGTATGGACATTG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation seq 1
J1351	CAGTCGAAACAACCGAACC	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation seq 2
J1352	CAGGAGCCAGAGGAAAGAG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation primer L2
J1353	g <sub>cgccgc</sub> TCTCCGTTGGTTTATTCCTC	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation primer R2
J1354	GCCGACGAAGAGGACAAAG	<i>KU70</i> (CNAG_04220) – complementation seq 3
J1213	AACGGACATCCAAGCCTC	<i>KU80</i> (CNAG_03637) –5' screening primer for deletion
J1214	AGCCTCGCCAAAGAGTATG	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – left flanking primer 1 for deletion
J1215	TCACTGGCCGTCGTTTTACCGCCAACATTCAATGAG C	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – left flanking primer 2 for deletion
J1216	CATGGTCATAGCTGTTTCTGTTGCCGAAGACGAACG CAC	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – right flanking primer 1 for deletion
J1217	TCGTATCCAAGGGCGGTAG	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – right flanking primer 2 for deletion
J1218	AATGCCCTTACGAGTGTC	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – probe primer for Southern blot
J1342	CATATG <sub>ggccgc</sub> TGGAAGGCTTCGTACAGG	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – complementation primer L1
J1343	CATATGAATGATGCTGTTT	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – complementation primer R1
J1344	ATGATAGGGTACGAGTGC	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – complementation primer seq1
J1345	GGGATGATCTCGGCTGAAG	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – complementation primer L2
J1346	g <sub>cgccgc</sub> AGAAAGTACCTTGGCTGCTC	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – complementation primer R2
J1347	TCCCCATCACTGACCACC	<i>KU80</i> (CNAG_03637) – complementation primer seq2
J1271	g <sub>cgccgc</sub> GCAGCTTGGAGCAGAGTAC	<i>RAD51</i> (CNAG_00720)- complementation primer L1
J1272	AGCGTAATCTGGAACATCGTATGGGTACATTGTTCTT GCGAGGTGTTG	<i>RAD51</i> (CNAG_00720)- complementation primer R1
J1273	TACCCATACGATGTTCAGATTACGCTTCGCGAGAGC AGGAGCATGAC	<i>RAD51</i> (CNAG_00720)- complementation primer L2
J1274	GGTACCATTACATGCTAG	<i>RAD51</i> (CNAG_00720)- complementation primer R2
J1275	GGTACCTATGGGATTACGA	<i>RAD51</i> (CNAG_00720)- complementation primer L3
J1276	GGTACCTATGGGATTACGA	<i>RAD51</i> (CNAG_00720)- complementation primer R3
J1567	AGAGCATCGGATAGGCGTG	<i>URA5</i> (CNAG_03196) amplification primer L1
J1568	CCAGCCCTATTTCACAGAC	<i>URA5</i> (CNAG_03196) amplification primer R1
J1149	TGCACGTCACGCATCATC	<i>URA5</i> (CNAG_03196) sequencing primer 1
J1150	CCATTAGGTCCAGGTGCTC	<i>URA5</i> (CNAG_03196) sequencing primer 2
J1623	TGCCATACCATCTCCATACG	<i>URA3</i> (CNAG_04961) amplification primer L1

J1624	GTCACGTTGAATGGCAGC	<i>URA3</i> (CNAG_04961) amplification primer R1
J1625	TGATTGACGACGGACGGAC	<i>URA3</i> (CNAG_04961) sequencing primer 1
J1626	CAATTGGTGGCGGAGGAG	<i>URA3</i> (CNAG_04961) sequencing primer 2