

Figure S1. miR-222-3p and miR-221-3p expression according to PDAC stages. **(A)** The miR-222-3p and **(B)** miR-221-3p expression was analyzed by RT-qPCR assays in tissue and plasma samples of PDAC patients and control people that live in Mexico. The differences were determined using the Mann-Whitney test. NS: not significant, * p -value<0.05 and ** p -value<0.01.

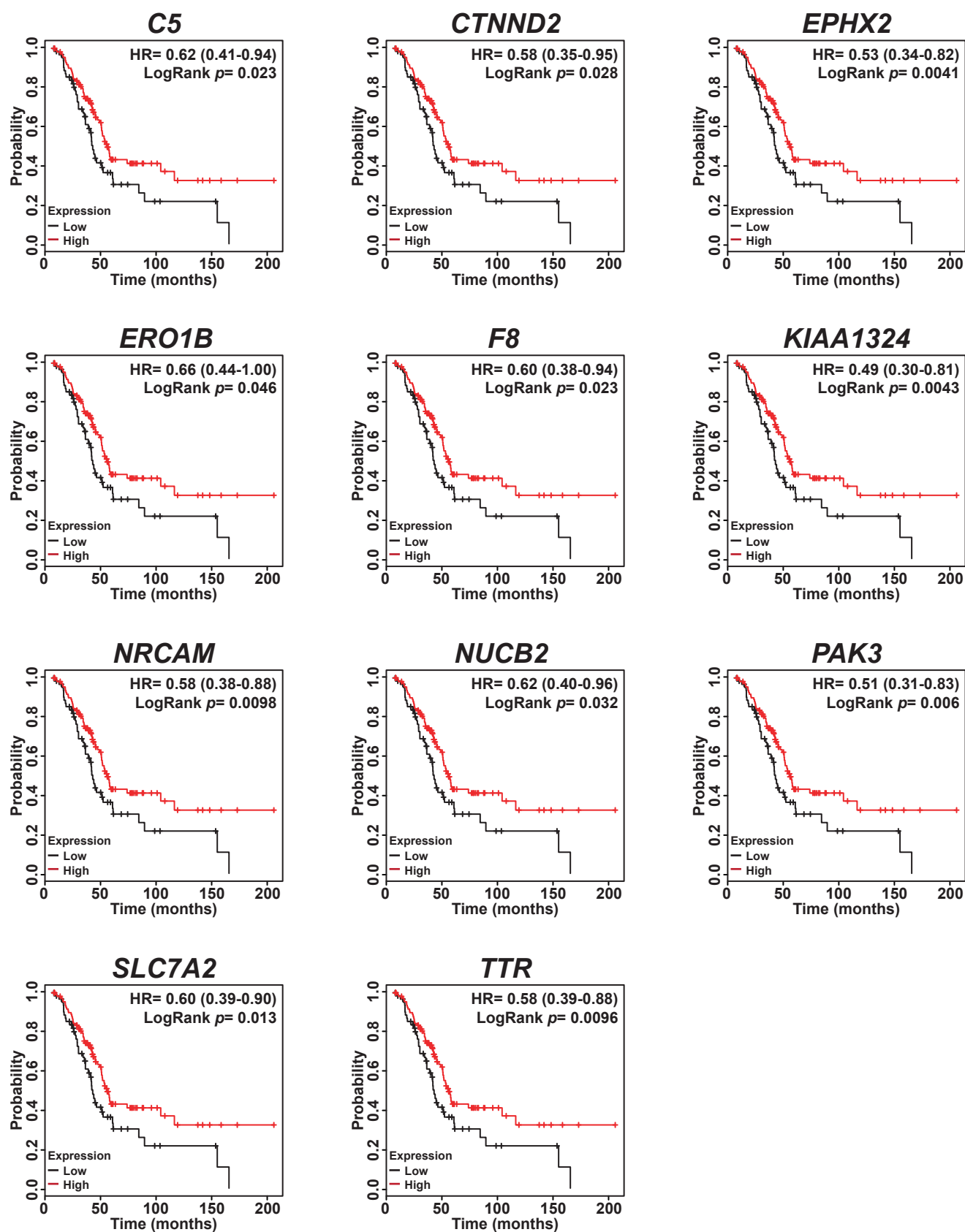


Figure S2. 47 mRNAs were identified as targets of 4 DEMiRNAs and their impact on the prognosis of PDAC. Kaplan-Meier curves of 11 mRNAs were identified as targets of 4 DEMiRNAs identified in this work.

Figure S3. Expression of 11 mRNAs in PDAC **(A)** The box plot was downloaded from the GEPIA tool. The gray and red boxes represent normal and cancer tissues, respectively. Tumor, T; Normal, N; and *, p -value<0.05, considered as statistically significant. PAAD pancreatic adenocarcinoma. **(B)** Immunohistochemistry of the four target mRNAs of 4 DE miRNAs found in this work. EPHX2: Normal: staining: high; intensity: strong; quantity: >75%. PDAC: staining: medium; intensity: moderate; quantity: <25%. ERO1B: Normal: staining: high; intensity: strong; quantity: >75%. PDAC: staining: not detected; intensity: weak; quantity: <25%. KIAA1324: Normal: staining: high; intensity: strong; quantity: >75%. PDAC: staining: low; intensity: moderate; quantity: <25%. NRCAM: Normal: staining: high; intensity: strong; quantity: >75%. PDAC: staining: low; intensity: weak; quantity: >75%.

Table S1. mRNAs target of four differentially expressed miRNAs identified in this study.

hsa-miR-222-3p	hsa-miR-345-5p	hsa-miR-100-5p	hsa-miR-221-3p
<i>A1CF</i>	<i>A1CF</i>	<i>ABCA5</i>	<i>A1CF</i>
<i>A4GNT</i>	<i>A4GNT</i>	<i>ABCC5</i>	<i>A4GNT</i>
<i>AADAC</i>	<i>AADAC</i>	<i>ABCF3</i>	<i>AADAC</i>
<i>AADACL2</i>	<i>AAGAB</i>	<i>ABCG2</i>	<i>AADACL2</i>
<i>AAGAB</i>	<i>AAK1</i>	<i>ABHD17A</i>	<i>AAGAB</i>
<i>AAK1</i>	<i>AAR2</i>	<i>ABHD2</i>	<i>AAK1</i>
<i>ABAT</i>	<i>AARD</i>	<i>ABLIM1</i>	<i>ABAT</i>
<i>ABCA1</i>	<i>AARS2</i>	<i>ABLIM2</i>	<i>ABCA1</i>
<i>ABCA3</i>	<i>AASDH</i>	<i>ACAA2</i>	<i>ABCA3</i>
<i>ABCA5</i>	<i>AASDHPPT</i>	<i>ACAD10</i>	<i>ABCA5</i>
<i>ABCA8</i>	<i>ABAT</i>	<i>ACAP2</i>	<i>ABCA8</i>
<i>ABCB11</i>	<i>ABCA1</i>	<i>ACKR3</i>	<i>ABCB11</i>
<i>ABCB5</i>	<i>ABCA10</i>	<i>ACO1</i>	<i>ABCB5</i>
<i>ABCC11</i>	<i>ABCA4</i>	<i>ACOT11</i>	<i>ABCC11</i>
<i>ABCC12</i>	<i>ABCA5</i>	<i>ACOT9</i>	<i>ABCC12</i>
<i>ABCC5</i>	<i>ABCA6</i>	<i>ACSBG1</i>	<i>ABCC5</i>
<i>ABCD2</i>	<i>ABCA8</i>	<i>ACSF3</i>	<i>ABCD2</i>
<i>ABCF1</i>	<i>ABCA9</i>	<i>ACSL3</i>	<i>ABCF1</i>
<i>ABCF3</i>	<i>ABCB10</i>	<i>ACTB</i>	<i>ABCF3</i>
<i>ABCG1</i>	<i>ABCB11</i>	<i>ACTR1B</i>	<i>ABCG2</i>
<i>ABCG2</i>	<i>ABCB5</i>	<i>ACVR2B</i>	<i>ABHD12</i>
<i>ABHD12</i>	<i>ABCB6</i>	<i>ADAM19</i>	<i>ABHD13</i>
<i>ABHD13</i>	<i>ABCB8</i>	<i>ADAMTS5</i>	<i>ABHD17A</i>
<i>ABHD17A</i>	<i>ABCB9</i>	<i>ADAP1</i>	<i>ABHD2</i>
<i>ABHD2</i>	<i>ABCC12</i>	<i>ADARB2</i>	<i>ABHD3</i>
<i>ABHD3</i>	<i>ABCC5</i>	<i>ADAT1</i>	<i>ABHD5</i>
<i>ABHD4</i>	<i>ABCC6</i>	<i>ADAT2</i>	<i>ABITRAM</i>
<i>ABHD5</i>	<i>ABCD2</i>	<i>ADAT3</i>	<i>ABL1</i>
<i>ABI3BP</i>	<i>ABCD3</i>	<i>ADCK1</i>	<i>ABL2</i>
<i>ABL1</i>	<i>ABCD4</i>	<i>ADCY1</i>	<i>ABLIM1</i>
<i>ABLIM1</i>	<i>ABCE1</i>	<i>ADGRE2</i>	<i>ABRACL</i>
<i>ABRAXAS2</i>	<i>ABCF1</i>	<i>ADH1B</i>	<i>ABTB2</i>
<i>ABTB2</i>	<i>ABCF2</i>	<i>AFAP1L1</i>	<i>ACAA2</i>
<i>ACAA2</i>	<i>ABCF3</i>	<i>AGAP1</i>	<i>ACAD10</i>
<i>ACACA</i>	<i>ABCG1</i>	<i>AGBL5</i>	<i>ACADL</i>
<i>ACAD10</i>	<i>ABCG2</i>	<i>AGFG2</i>	<i>ACADM</i>
<i>ACADL</i>	<i>ABHD10</i>	<i>AGO2</i>	<i>ACADSB</i>
<i>ACADM</i>	<i>ABHD13</i>	<i>AGO3</i>	<i>ACAP3</i>
<i>ACAP3</i>	<i>ABHD14A</i>	<i>AGPAT3</i>	<i>ACBD5</i>
<i>ACBD5</i>	<i>ABHD14A-ACY1</i>	<i>AGPAT4</i>	<i>ACBD7</i>
<i>ACBD7</i>	<i>ABHD15</i>	<i>AGTPBP1</i>	<i>ACCS</i>
<i>ACCS</i>	<i>ABHD17A</i>	<i>AHR</i>	<i>ACE</i>

ACE	ABHD17B	AIG1	ACER2
ACER2	ABHD17C	AIPL1	ACER3
ACER3	ABHD18	AK4	ACIN1
ACOD1	ABHD2	AKAP1	ACOD1
ACOT11	ABHD3	AKAP13	ACOT11
ACOT2	ABHD5	AKR7A2	ACOT2
ACOT9	ABHD6	AKT1	ACOT9
ACOX1	ABI1	ALDH3B2	ACOX1
ACP7	ABI3BP	ALDH9A1	ACOX3
ACSF2	ABITRAM	ALG13	ACSF2
ACSL3	ABL1	ALG14	ACSL3
ACSL6	ABL2	ALG3	ACSM5
ACSM5	ABLIM1	ALKBH2	ACSS1
ACSS1	ABLIM3	ALS2	ACSS3
ACSS3	ABRA	ALS2CL	ACTB
ACTB	ABRACL	AMER3	ACTC1
ACTC1	ABRAXAS1	AMMECR1	ACTG1
ACTG1	ABRAXAS2	AMN	ACTL7A
ACTL7A	ABT1	ANAPC1	ACTR1A
ACTR1A	ABTB2	ANAPC11	ACTR2
ACTR2	ACACB	ANGPT2	ACTR3
ACTR3	ACAD8	ANGPT4	ACTR3B
ACVR1B	ACADL	ANK3	ACVR1B
ACVR1C	ACADM	ANKLE1	ACVR1C
ACVR2A	ACADSB	ANKRD28	ACVR2A
ACVR2B	ACAN	ANKRD33B	ACVR2B
ADAD1	ACAP2	ANKRD49	ADAD1
ADAL	ACBD3	ANKRD52	ADAL
ADAM10	ACBD5	ANKRD63	ADAM10
ADAM11	ACBD7	ANKS6	ADAM11
ADAM12	ACER2	ANP32E	ADAM12
ADAM17	ACER3	ANTXR1	ADAM17
ADAM1A	ACHE	AOPEP	ADAM18
ADAM22	ACKR3	AP1AR	ADAM1A
ADAM23	ACKR4	AP1M1	ADAM22
ADAM28	ACO1	AP1S1	ADAM23
ADAM8	ACO2	AP3M1	ADAM28
ADAM9	ACOT11	AP5B1	ADAM8
ADAMTS1	ACOT13	APBA1	ADAM9
ADAMTS14	ACOT2	APBA3	ADAMTS1
ADAMTS17	ACOT4	APC2	ADAMTS14
ADAMTS5	ACOT9	APCDD1	ADAMTS16
ADAMTSL1	ACOX1	APEX1	ADAMTS17
ADARB2	ACP1	API5	ADAMTS2

ADAT1	ACPP	APOA1	ADAMTS5
ADCY1	ACRV1	APOBEC3D	ADAMTS6
ADCY2	ACSBG1	APOBEC3F	ADAMTSL1
ADCY9	ACSF3	APOC3	ADAP1
ADCYAP1	ACSL3	APOL2	ADARB2
ADCYAP1R1	ACSL4	AR	ADAT1
ADD1	ACSL6	ARFGEF1	ADCY1
ADD2	ACSM2A	ARHGEF7	ADCY2
ADD3	ACSM2B	ARID3A	ADCY9
ADGRL3	ACSM3	ARID3B	ADCYAP1
ADH1B	ACSM4	ARPP19	ADCYAP1R1
ADH5	ACSS3	ARRB1	ADD1
ADHFE1	ACTBL2	ARRDC4	ADD2
ADIPOR1	ACTC1	ARSD	ADD3
ADM2	ACTL6A	ART5	ADGRG3
ADNP2	ACTL7B	ASB7	ADGRL2
ADO	ACTN2	ATAT1	ADGRL3
ADRA2C	ACTR10	ATF7IP2	ADH1B
ADSL	ACTR2	ATIC	ADH5
AFDN	ACTR3	ATM	ADHFE1
AFF1	ACTR3C	ATP10B	ADI1
AFF2	ACTR6	ATP11A	ADIPOR1
AFF3	ACTR8	ATP11C	ADM2
AFF4	ACTRT1	ATP1A2	ADNP2
AFG1L	ACVR1	ATP1B3	ADO
AGAP1	ACVR1B	ATP2A2	ADSL
AGBL5	ACVR1C	ATP2B1	AFDN
AGFG1	ACVR2A	ATP2B3	AFF1
AGL	ACVR2B	ATP2B4	AFF2
AGPAT3	ACVRL1	ATP5F1A	AFF3
AGPAT4	ACY1	ATP5MG	AFG1L
AGPAT5	ACYP2	ATP5PB	AGAP1
AGPS	ADA2	ATP6AP1	AGBL2
AGTPBP1	ADAL	ATP6AP1L	AGBL5
AGTRAP	ADAM10	ATP6V1C2	AGFG1
ago-01	ADAM12	ATP7B	AGGF1
ago-02	ADAM17	AUTS2	AGL
ago-03	ADAM18	AVPR1B	AGO1
ago-04	ADAM2	AXIN1	AGO2
AHCTF1	ADAM22	B3GALNT2	AGO3
AHCY	ADAM23	B4GALNT1	AGO4
AHRR	ADAM28	B4GALNT3	AGPAT3
AHSA1	ADAM7	B4GALT7	AGPAT4
AIDA	ADAM9	BAG5	AGPAT5

AIRE	ADAMTS12	BAK1	AGPS
AJAP1	ADAMTS15	BAMBI	AGTPBP1
AK3	ADAMTS16	BAZ1B	AGTRAP
AK4	ADAMTS17	BAZ2A	AHCY
AK9	ADAMTS2	BAZ2B	AHRR
AKAP11	ADAMTS20	BBX	AIDA
AKAP13	ADAMTS4	BCAR1	AIRE
AKAP5	ADAMTS5	BCAS4	AJAP1
AKAP6	ADAMTS8	BCL10	AK2
AKAP9	ADAMTSL1	BCL7C	AK3
AKIRIN1	ADAMTSL3	BECN1	AK4
AKR1C1	ADARB2	BEND2	AK9
AKR7A2	ADAT1	BEND6	AKAP13
AKT2	ADAT2	BID	AKAP2
AKT3	ADAT3	BIRC5	AKAP5
AKTIP	ADCK2	BLOC1S2	AKAP6
ALDH16A1	ADCY1	BLOC1S4	AKAP8
ALDH1A1	ADCY10	BMF	AKAP9
ALDH1A2	ADCY5	BMP2	AKIRIN1
ALDH1B1	ADCY9	BMPR2	AKR1C1
ALDH1L2	ADCYAP1	BRCC3	AKR1C2
ALDH3A2	ADCYAP1R1	BRD4	AKR7A2
ALDH5A1	ADD1	BRF2	AKT2
ALG14	ADD2	BRIX1	AKT3
ALG3	ADGB	BSG	AKTIP
ALG6	ADGRA3	BTBD9	ALDH16A1
ALG8	ADGRB3	BTD	ALDH1A1
ALG9	ADGRE2	BTG3	ALDH1A2
ALKBH1	ADGRF1	C10orf71	ALDH1B1
ALPK3	ADGRF5	C11orf49	ALDH1L2
ALX4	ADGRG2	C12orf45	ALG14
AMACR	ADGRG3	C12orf66	ALG6
AMDHD2	ADGRG6	C14orf28	ALG8
AMER3	ADGRG7	C16orf54	ALG9
AMIGO1	ADGRL1	C19orf38	ALKBH1
AMIGO3	ADGRL2	C1orf109	ALKBH8
AMMECR1	ADGRL3	C1orf115	ALPK3
AMMECR1L	ADGRL4	C20orf194	ALX4
AMOT	ADH1B	C21orf91	AMACR
AMPD2	ADH5	C2CD4C	AMD1
AMPD3	ADH6	C2orf72	AMDHD2
AMPH	ADIPOR1	C3	AMER3
AMZ1	ADIPOR2	C3orf52	AMIGO1
ANAPC10	ADK	C3orf67	AMIGO3

ANAPC16	ADM2	C3orf80	AMMECR1
ANG	ADNP	C5orf22	AMMECR1L
ANGPTL2	ADNP2	C7orf26	AMOT
ANGPTL3	ADO	CACNA1C	AMPD2
ANGPTL8	ADORA1	CACNA1I	AMPH
ANK2	ADPGK	CACNG7	AMZ1
ANKDD1B	ADPRHL1	CACNG8	ANAPC10
ANKFY1	ADRA1A	CACTIN	ANAPC16
ANKHD1	ADRA2A	CALCOCO2	ANG
ANKIB1	ADRB1	CALM2	ANGPTL2
ANKMY1	ADSL	CAMK2N1	ANGPTL3
ANKRD10	ADSS	CAMKK2	ANGPTL4
ANKRD12	ADTRP	CAMTA1	ANGPTL8
ANKRD16	AEBP2	CAND2	ANK2
ANKRD17	AEN	CAPN13	ANKDD1B
ANKRD18A	AFAP1L1	CAPNS1	ANKFY1
ANKRD20A2	AFAP1L2	CAPZB	ANKHD1
ANKRD20A4	AFDN	CARD9	ANKIB1
ANKRD27	AFF1	CASC4	ANKMY1
ANKRD28	AFF2	CASK	ANKRD10
ANKRD33B	AFF4	CASZ1	ANKRD12
ANKRD34C	AFG1L	CATSPER1	ANKRD16
ANKRD36	AFG3L2	CBL	ANKRD17
ANKRD40	AFMID	CBX3	ANKRD18A
ANKRD44	AFTPH	CBX6	ANKRD20A2
ANKRD49	AGA	CBX7	ANKRD20A4
ANKRD50	AGAP1	CCBE1	ANKRD27
ANKRD52	AGAP4	CCDC113	ANKRD28
ANKRD54	AGAP5	CCDC115	ANKRD33B
ANKRD65	AGAP6	CCDC117	ANKRD34C
ANKS1B	AGAP9	CCDC124	ANKRD44
ANO1	AGBL5	CCDC134	ANKRD49
ANO10	AGFG1	CCDC59	ANKRD50
ANO3	AGFG2	CCDC77	ANKRD52
ANO7	AGK	CCN1	ANKRD54
ANOS1	AGL	CCNG1	ANKRD55
ANP32B	AGMAT	CCNYL1	ANKRD65
ANTXR2	AGMO	CCR1	ANKS1B
ANXA1	AGO1	CCR4	ANO1
ANXA11	AGO2	CCZ1B	ANO10
ANXA3	AGO3	CD14	ANO3
ANXA6	AGO4	CD274	ANO6
AP1AR	AGPAT4	CD93	ANO7
AP1B1	AGPAT5	CDC25A	ANOS1

AP1G1	AGPS	CDC42BPG	ANP32B
AP1M1	AGR3	CDC42EP3	ANTXR2
AP1S3	AGTPBP1	CDC42EP4	ANXA1
AP2A1	AGTR2	CDC73	ANXA11
AP3B2	AGXT	CDCA3	ANXA3
AP3M1	AGXT2	CDH6	ANXA6
AP5B1	AHCTF1	CDK19	AP1AR
AP5M1	AHCY	CDK5RAP2	AP1G1
AP5S1	AHCYL1	CDK6	AP1M1
APAF1	AHCYL2	CDS1	AP1S1
APBA1	AHDC1	CDS2	AP1S3
APCDD1L	AHI1	CDYL2	AP2A1
APEX2	AHNAK	CELF1	AP3B1
APLP2	AHR	CELSR1	AP3B2
APOBEC1	AHRR	CENPF	AP3M1
APOBEC3C	AIDA	CEP104	AP5B1
APOBEC3F	AIF1L	CEP170B	AP5M1
APOC3	AIG1	CEP85	AP5S1
APOL2	AIMP1	CEP85L	APAF1
APOL3	AIPL1	CERK	APBA1
APOL4	AJAP1	CFAP20	APCDD1
APOL6	AJUBA	CFAP44	APCDD1L
APOLD1	AK2	CGAS	APEX2
APOOL	AK3	CGN	APLP2
APP	AK4	CHAF1B	APOB
APPBP2	AK5	CHERP	APOBEC1
APPL1	AK6	CHID1	APOBEC3C
APTX	AK9	CHRM2	APOBEC3F
AQP12A	AKAIN1	CHRNA2	APOC3
AQP12B	AKAP10	CHST3	APOL2
AQP3	AKAP11	CHSY1	APOL3
AQP4	AKAP12	CIAO3	APOL4
AR	AKAP13	CKS1B	APOL6
ARAP2	AKAP17A	CLCN6	APOLD1
AREL1	AKAP2	CLCN7	APOOL
ARF1	AKAP5	CLDN11	APP
ARF4	AKAP6	CLDN12	APPBP2
ARF5	AKAP7	CLEC16A	APPL1
ARFGEF1	AKIRIN1	CLEC4C	APTX
ARFGEF3	AKIRIN2	CLIC5	AQP12A
ARFIP1	AKR1C1	CLIP2	AQP12B
ARHGAP11A	AKR1C2	CLK4	AQP3
ARHGAP12	AKR1D1	CLN8	AQP4
ARHGAP19	AKR7A2	CLPX	AQR

ARHGAP20	AKT2	CLU	AR
ARHGAP28	AKT3	CLYBL	ARAF
ARHGAP40	AKTIP	CMBL	ARAP2
ARHGAP42	ALCAM	CMTM6	AREL1
ARHGEF10	ALDH16A1	CNBP	ARF1
ARHGEF12	ALDH1A2	CNDP2	ARF3
ARHGEF17	ALDH1A3	CNTNAP5	ARF4
ARHGEF37	ALDH1L2	COG5	ARF5
ARHGEF38	ALDH3A2	COG6	ARF6
ARHGEF39	ALDH5A1	COL26A1	ARFGEF1
ARHGEF4	ALDH6A1	COL4A1	ARFGEF3
ARHGEF7	ALDH7A1	COMMMD2	ARFIP1
ARID1A	ALDH8A1	COMTD1	ARGLU1
ARID2	ALDH9A1	COPS7B	ARHGAP11A
ARIH2	ALG1	COQ2	ARHGAP12
ARL1	ALG10	CORO6	ARHGAP19
ARL10	ALG10B	COX10	ARHGAP20
ARL11	ALG13	COX5A	ARHGAP28
ARL13B	ALG14	CPEB2	ARHGAP31
ARL14EP	ALG5	CPNE5	ARHGAP40
ARL14EPL	ALG6	CPSF2	ARHGAP42
ARL17A	ALG8	CREBBP	ARHGAP5
ARL17B	ALG9	CREG2	ARHGEF10
ARL2BP	ALKAL2	CRIP1	ARHGEF12
ARL4A	ALKBH1	CRLS1	ARHGEF17
ARL4D	ALKBH8	CROCC	ARHGEF18
ARL5A	ALOX12	CRTC1	ARHGEF37
ARL6	ALOX15	CSNK1E	ARHGEF38
ARL6IP1	ALPG	CSTF2	ARHGEF39
ARL6IP5	ALPK2	CTC1	ARHGEF4
ARMC1	ALPK3	CTDSP2	ARHGEF7
ARMC10	ALPP	CTDSPL	ARID1A
ARMC3	ALS2	CTDSPL2	ARID2
ARMCX3	ALX1	CTU1	ARID3A
ARMH3	ALX4	CUEDC1	ARIH2
ARMT1	AMACR	CUL1	ARL1
ARNT	AMD1	CUL2	ARL10
ARNTL2	AMDHD1	CUL5	ARL11
ARPC2	AMER2	CUX1	ARL13B
ARPC4-TTLL3	AMER3	CXCL16	ARL14EP
ARPIN	AMFR	CXCR5	ARL14EPL
ARPP19	AMIGO2	CXorf56	ARL17A
ARRDC2	AMMECR1	CYHR1	ARL17B
ARRDC4	AMMECR1L	CYP1A2	ARL2BP

ARSA	AMN1	CYP20A1	ARL3
ARSB	AMOT	CYP26B1	ARL4A
ARSE	AMOTL2	CYP2W1	ARL4D
ARSG	AMPD3	CYTH1	ARL5A
ARSK	AMTN	CYYR1	ARL6
ASB1	AMZ1	DAPK3	ARL6IP1
ASB4	ANAPC1	DAZAP2	ARL6IP5
ASB5	ANAPC10	DBN1	ARMC1
ASB6	ANAPC7	DBNDD1	ARMC10
ASB7	ANGEL1	DBNL	ARMC3
ASB9	ANGEL2	DBT	ARMC6
ASCC3	ANGPT1	DCAF10	ARMC7
ASCL4	ANGPT2	DCAF5	ARMCX3
ASPA	ANGPT4	DCAF6	ARMH3
ASPH	ANGPTL1	DCBLD1	ARMT1
ASTN1	ANGPTL2	DCUN1D5	ARNT
ASTN2	ANGPTL3	DDAH1	ARNTL2
ASXL1	ANK1	DDIT4L	ARPC2
ASXL3	ANK3	DDRKG1	ARPC4-TTL3
ATAD2B	ANKEF1	DDX21	ARPIN
ATAT1	ANKFY1	DDX4	ARPP19
ATF2	ANKH	DDX49	ARRDC2
ATF3	ANKHD1	DEAF1	ARRDC3
ATF4	ANKIB1	DELE1	ARRDC4
ATF5	ANKMY1	DENR	ARSB
ATF6	ANKMY2	DESI2	ARSD
ATF7	ANKRA2	DFFB	ARSE
ATF7IP2	ANKRD11	DGCR2	ARSG
ATG12	ANKRD12	DHRS13	ARSK
ATG13	ANKRD13A	DHX33	ASAH2
ATG16L1	ANKRD13B	DHX40	ASB4
ATG2B	ANKRD13C	DIAPH2	ASB5
ATG3	ANKRD16	DIP2A	ASB6
ATG4A	ANKRD17	DIPK2B	ASB7
ATG7	ANKRD18A	DLG5	ASB9
ATIC	ANKRD18B	DLX3	ASCC3
ATL2	ANKRD20A2	DLX4	ASCL4
ATL3	ANKRD20A4	DMRT1	ASPA
ATM	ANKRD22	DNAJB4	ASPH
ATN1	ANKRD28	DNAJB6	ASTN1
ATOH8	ANKRD29	DNAJB7	ASTN2
ATP10D	ANKRD31	DNAJC11	ASXL2
ATP11A	ANKRD33B	DNAJC15	ASXL3
ATP11B	ANKRD34B	DNAJC28	ASZ1

ATP13A2	ANKRD34C	DNAJC5	ATAD2B
ATP1A1	ANKRD37	DNASE2	ATAT1
ATP1B2	ANKRD42	DNM3	ATF2
ATP1B4	ANKRD44	DNMT1	ATF3
ATP2A3	ANKRD45	DOCK8-AS1	ATF4
ATP2B3	ANKRD46	DOLK	ATF6
ATP2B4	ANKRD49	DOT1L	ATF7
ATP4A	ANKRD50	DPH7	ATF7IP2
ATP5MC1	ANKRD52	DPM3	ATG12
ATP5MC3	ANKRD6	DPY19L3	ATG16L1
ATP6AP1	ANKRD66	DPY19L4	ATG2B
ATP6V0A2	ANKS1B	DPYSL2	ATG3
ATP6V0D2	ANKS3	DRG1	ATG4A
ATP6V0E1	ANKS4B	DUSP1	ATG7
ATP6V1E1	ANKS6	DUSP4	ATIC
ATP6V1G2	ANO3	DUSP9	ATL2
ATP7A	ANO5	DUXA	ATL3
ATP7B	ANO6	DVL3	ATM
ATP8A1	ANO7	DYNC1LI2	ATOH8
ATP8B4	ANO8	DYRK1A	ATP10D
ATPAF2	ANOS1	DZIP1L	ATP11A
ATRNL	ANP32A	E2F2	ATP11B
ATRNL1	ANP32E	E2F7	ATP13A2
ATRX	ANTXR1	ECEL1	ATP1A1
ATXN1	ANTXR2	EDC3	ATP1B2
ATXN1L	ANXA11	EDEM1	ATP1B4
ATXN7L1	ANXA4	EDRF1	ATP2A2
ATXN7L3	ANXA5	EEF1A1	ATP2A3
ATXN7L3B	ANXA6	EEF2K	ATP2B3
AUTS2	AOC3	EFCAB13	ATP2B4
AVL9	AOPEP	EFCAB2	ATP4A
AXIN2	AOX1	EFNA1	ATP5MC1
AZI2	AP1AR	EFNB2	ATP5MC3
B3GALNT2	AP1G1	EGR2	ATP5PB
B3GALT5	AP1S1	EGR4	ATP6AP1
B3GAT2	AP1S2	EHD1	ATP6V0A2
B3GLCT	AP1S3	EIF2AK2	ATP6V0E1
B3GNT3	AP3B1	EIF2B5	ATP6V1E1
B3GNT4	AP3B2	EIF2S3	ATP6V1G2
B3GNT5	AP3M1	EIF5A	ATP7A
B3GNT7	AP3S2	EIF5AL1	ATP8A1
B4GALNT4	AP4E1	EIF5B	ATP8A2
B4GALT7	AP4S1	ELAC1	ATP8B4
BAALC	AP5B1	ELF4	ATPAF2

BAALC-AS2	AP5M1	ELF5	ATRN
BACE2	APAF1	ELOVL6	ATRX
BAG2	APBA1	ELP2	ATXN1
BAG3	APBB1IP	EML6	ATXN1L
BAG5	APBB2	ENTPD5	ATXN7
BAG6	APCDD1	ENTPD6	ATXN7L1
BAHD1	APEH	EPB41L1	ATXN7L3
BAIAP2	APH1B	EPC2	ATXN7L3B
BAMBI	API5	EPDR1	AUTS2
BARD1	APLF	EPHA7	AVL9
BAZ2B	APLP1	EPHX2	AXIN2
BBC3	APOA1	EPHX3	AZI2
BBS12	APOB	EPN2	AZIN1
BBS4	APOBEC3C	EPSTI1	B2M
BBS7	APOBEC3F	ERC1	B3GALNT1
BBX	APOBEC3G	ERGIC1	B3GALNT2
BCAT1	APOBEC4	ERI1	B3GALT5
BCHE	APOL3	ESF1	B3GAT2
BCL10	APOL4	ESR1	B3GLCT
BCL11A	APOL6	ETFDH	B3GNT3
BCL11B	APOLD1	ETV3	B3GNT4
BCL2L11	APOOL	EVI2B	B3GNT5
BCL2L13	APP	EWSR1	B3GNT7
BCL2L14	APPBP2	EXOC3	B4GALNT4
BCL2L15	APPL1	EXOC3-AS1	B4GALT2
BCL2L2	APPL2	EXOC4	B4GALT7
BCL2L2-PABPN1	APTIX	F11R	BAALC
BCL7B	AQP1	FAAP20	BAALC-AS2
BCL7C	AQP2	FABP2	BACE2
BCL9	AQP4	FAHD1	BACH1
BCLAF1	AQP7	FAIM2	BACH2
BDNF	AQP9	FAM102A	BAG2
BDP1	AQR	FAM110D	BAG3
BEAN1	AR	FAM111A	BAG5
BEGAIN	AREL1	FAM118A	BAHD1
BEND4	ARF1	FAM120AOS	BAIAP2
BEND6	ARF3	FAM126B	BAMBI
BEST3	ARF6	FAM155B	BARD1
BFSP2	ARFGAP1	FAM161A	BAZ1A
BHLHE40	ARFGAP3	FAM163A	BAZ2B
BICD1	ARFGEF1	FAM204A	BBC3
BICD2	ARFGEF2	FAM219A	BBS12
BICDL1	ARFGEF3	FAM221A	BBS4
BIVM	ARFIP1	FAM49A	BBS7

BLOC1S3	ARGLU1	FAM53A	BBX
BLOC1S4	ARHGAP1	FAM83B	BCAS2
BLOC1S5	ARHGAP11A	FANCC	BCAS3
BLVRA	ARHGAP12	FARP1	BCAT1
BMERB1	ARHGAP18	FARSB	BCHE
BMF	ARHGAP19	FASN	BCL10
BMI1	ARHGAP20	FBXL15	BCL11A
BMP10	ARHGAP24	FBXL18	BCL11B
BMP2K	ARHGAP28	FBXL20	BCL2L11
BMP3	ARHGAP29	FBXL4	BCL2L13
BMP6	ARHGAP30	FBXO41	BCL2L14
BMP8A	ARHGAP31	FBXW2	BCL2L15
BMP8B	ARHGAP32	FCN2	BCL2L2
BMPR1A	ARHGAP44	FCRL2	BCL2L2-PABPN1
BMPR2	ARHGAP5	FGF11	BCL6
BMT2	ARHGEF10	FGF17	BCL7B
BNC2	ARHGEF12	FGFBP1	BCL7C
BNIP2	ARHGEF26	FGFR3	BCL9
BNIP3	ARHGEF28	FIGN	BCLAF1
BNIP3L	ARHGEF3	FKBP5	BCLAF3
BOD1	ARHGEF38	FKRP	BDNF
BOLL	ARHGEF39	FLT1	BDP1
BORCS5	ARHGEF4	FLVCR2	BEAN1
BORCS6	ARHGEF7	FNBP1	BECN1
BORCS8	ARID1A	FOSL2	BEGAIN
BPNT1	ARID2	FOXA1	BEND4
BPTF	ARID3A	FOXH1	BEND6
BRAP	ARID3B	FOXL2NB	BEST3
BRCA1	ARID4B	FOXN2	BFSP2
BRD8	ARID5B	FOXO3	BHLHE40
BRF1	ARIH1	FOXP1	BHLHE41
BRINP3	ARIH2	FPGT-TNNI3K	BICD1
BRIX1	ARL1	FRA10AC1	BICD2
BRK1	ARL10	FRAT1	BICDL1
BRS3	ARL11	FRMD1	BLOC1S4
BRSK2	ARL13B	FRMD8	BLOC1S5
BRWD1	ARL14	FRRS1	BLVRA
BRWD3	ARL14EP	FSTL4	BMERB1
BSDC1	ARL14EPL	FUBP1	BMF
BSPRY	ARL17A	FUS	BMI1
BTAF1	ARL17B	FUT1	BMP10
BTBD7	ARL4A	FUT5	BMP2K
BTBD9	ARL4C	FUT7	BMP3
BTD	ARL5A	FXN	BMP6

<i>BTF3L4</i>	<i>ARL5B</i>	<i>FXR1</i>	<i>BMP8A</i>
<i>BTLA</i>	<i>ARL5C</i>	<i>FZD1</i>	<i>BMP8B</i>
<i>BTN3A1</i>	<i>ARL6</i>	<i>FZD2</i>	<i>BMPER</i>
<i>BTN3A2</i>	<i>ARL6IP1</i>	<i>FZD5</i>	<i>BMPR1A</i>
<i>BTN3A3</i>	<i>ARL6IP6</i>	<i>FZD7</i>	<i>BMPR2</i>
<i>BTNL8</i>	<i>ARMC1</i>	<i>FZD8</i>	<i>BMT2</i>
<i>BTNL9</i>	<i>ARMC10</i>	<i>G6PC2</i>	<i>BNC2</i>
<i>BTRC</i>	<i>ARMC12</i>	<i>G6PC3</i>	<i>BNIP2</i>
<i>BZW1</i>	<i>ARMC3</i>	<i>GABRA4</i>	<i>BNIP3</i>
<i>C10orf105</i>	<i>ARMC7</i>	<i>GABRP</i>	<i>BNIP3L</i>
<i>C10orf67</i>	<i>ARMC8</i>	<i>GAD2</i>	<i>BOD1</i>
<i>C11orf1</i>	<i>ARMCX2</i>	<i>GAGE1</i>	<i>BORCS5</i>
<i>C11orf54</i>	<i>ARMH4</i>	<i>GALNT11</i>	<i>BORCS6</i>
<i>C11orf74</i>	<i>ARMT1</i>	<i>GAS8</i>	<i>BORCS8</i>
<i>C11orf87</i>	<i>ARNT</i>	<i>GATA6</i>	<i>BPNT1</i>
<i>C11orf98</i>	<i>ARNT2</i>	<i>GATAD2B</i>	<i>BRAP</i>
<i>C12orf40</i>	<i>ARNTL</i>	<i>GBP4</i>	<i>BRCA1</i>
<i>C12orf49</i>	<i>ARNTL2</i>	<i>GBX2</i>	<i>BRD1</i>
<i>C12orf65</i>	<i>ARPC1A</i>	<i>GCSH</i>	<i>BRD8</i>
<i>C12orf74</i>	<i>ARPC2</i>	<i>GDE1</i>	<i>BRINP3</i>
<i>C14orf132</i>	<i>ARPC4-TTLL3</i>	<i>GDF11</i>	<i>BRIX1</i>
<i>C15orf61</i>	<i>ARPC5</i>	<i>GDF6</i>	<i>BRK1</i>
<i>C16orf54</i>	<i>ARPC5L</i>	<i>GDF7</i>	<i>BRMS1L</i>
<i>C16orf72</i>	<i>ARPIN</i>	<i>GFM1</i>	<i>BRS3</i>
<i>C16orf95</i>	<i>ARPIN-AP3S2</i>	<i>GFOD1</i>	<i>BRSK2</i>
<i>C17orf75</i>	<i>ARPP19</i>	<i>GHRHR</i>	<i>BRWD1</i>
<i>C18orf21</i>	<i>ARPP21</i>	<i>GID4</i>	<i>BRWD3</i>
<i>C18orf25</i>	<i>ARRB1</i>	<i>GIMAP6</i>	<i>BSDC1</i>
<i>C18orf54</i>	<i>ARRDC1-AS1</i>	<i>GIPC3</i>	<i>BSN</i>
<i>C19orf12</i>	<i>ARRDC2</i>	<i>GIPR</i>	<i>BSPRY</i>
<i>C1GALT1</i>	<i>ARRDC3</i>	<i>GLB1L</i>	<i>BTBD7</i>
<i>C1orf115</i>	<i>ARRDC4</i>	<i>GLG1</i>	<i>BTD</i>
<i>C1orf116</i>	<i>ARSA</i>	<i>GLIPR2</i>	<i>BTF3L4</i>
<i>C1orf198</i>	<i>ARSB</i>	<i>GMDS</i>	<i>BTLA</i>
<i>C1orf210</i>	<i>ARSD</i>	<i>GMEB2</i>	<i>BTN3A1</i>
<i>C1orf216</i>	<i>ARSE</i>	<i>GMPR</i>	<i>BTN3A2</i>
<i>C1orf226</i>	<i>ARSG</i>	<i>GMPS</i>	<i>BTN3A3</i>
<i>C1orf35</i>	<i>ARSJ</i>	<i>GNA13</i>	<i>BTNL8</i>
<i>C1orf43</i>	<i>ARSK</i>	<i>GNAO1</i>	<i>BTRC</i>
<i>C1orf52</i>	<i>ART3</i>	<i>GNB1L</i>	<i>BZW1</i>
<i>C1orf68</i>	<i>ART4</i>	<i>GNE</i>	<i>C10orf105</i>
<i>C1QTNF1-AS1</i>	<i>ASAH2</i>	<i>GNG4</i>	<i>C10orf67</i>
<i>C1QTNF3</i>	<i>ASAH2B</i>	<i>GNG5</i>	<i>C10orf82</i>
<i>C1RL</i>	<i>ASAP1</i>	<i>GNL3L</i>	<i>C11orf1</i>

C20orf194	ASB1	GNPTG	C11orf21
C21orf58	ASB14	GOLGA3	C11orf54
C21orf91	ASB15	GOLGA7B	C11orf74
C2CD2	ASB4	GOSR1	C11orf87
C2CD2L	ASB5	GP6	C11orf98
C2CD4A	ASB7	GPAT4	C12orf40
C2CD4C	ASB8	GPATCH2L	C12orf49
C2orf49	ASCC1	GPI	C12orf66
C2orf50	ASCC3	GPLD1	C12orf74
C2orf68	ASDURF	GPR12	C14orf132
C2orf72	ASF1B	GPR150	C15orf40
C2orf80	ASNA1	GPR151	C15orf61
C3	ASNSD1	GPR157	C16orf54
C3orf14	ASPA	GPR180	C16orf72
C3orf67	ASPH	GPR26	C16orf87
C3orf70	ASPHD2	GPR55	C16orf95
C4orf33	ASPN	GPR63	C17orf75
C4orf46	ASPSCR1	GPRC5A	C18orf21
C4orf54	ASRGL1	GPRC5B	C18orf54
C5AR2	ASTN1	GRAMD1B	C19orf12
C5orf15	ASTN2	GRAP2	C19orf47
C5orf22	ASXL1	GRB2	C1GALT1
C5orf24	ASXL2	GRHL1	C1GALT1C1
C5orf30	ASXL3	GRIK3	C1orf115
C5orf46	ATAD1	GRM6	C1orf116
C5orf51	ATAD2	GRWD1	C1orf198
C5orf63	ATAD2B	GTDC1	C1orf216
C6	ATAD5	GTF2F1	C1orf226
C6orf118	ATAT1	GTF2H1	C1orf35
C6orf120	ATCAY	GTF3C1	C1orf43
C6orf141	ATE1	GTF3C4	C1orf52
C6orf89	ATF2	GTPBP1	C1QTNF1-AS1
C8A	ATF5	GUCY1A1	C1QTNF3
C8orf31	ATF6	GZMM	C1RL
C8orf33	ATF7	H2AFV	C20orf194
C8orf34-AS1	ATF7IP	H2AFY	C21orf58
C8orf37	ATG10	H3F3A	C21orf91
C8orf44-SGK3	ATG12	HACD3	C2CD2
C9orf135	ATG13	HAS2	C2CD2L
C9orf153	ATG14	HBS1L	C2CD4A
C9orf47	ATG16L1	HCAR1	C2CD4C
C9orf64	ATG2B	HCAR3	C2orf49
C9orf72	ATG3	HDAC2	C2orf50
CA12	ATG5	HDAC3	C2orf68

CA13	ATG7	HDHD2	C2orf72
CA5B	ATIC	HDLBP	C2orf80
CA8	ATL1	HEATR3	C3
CABLES1	ATL2	HECTD1	C3orf67
CABP1	ATL3	HENMT1	C3orf70
CABYR	ATM	HES7	C4orf33
CACNA1C	ATMIN	HEXA	C4orf46
CACNB1	ATN1	HEXB	C4orf50
CACNB3	ATOH7	HEXIM2	C4orf54
CACNB4	ATOH8	HHAT	C5AR2
CACNG8	ATP10A	HHIPL1	C5orf15
CACUL1	ATP10B	HIF3A	C5orf22
CADM1	ATP10D	HIP1	C5orf24
CADM2	ATP11A	HIPK2	C5orf30
CALB1	ATP11B	HIST1H4C	C5orf46
CALB2	ATP11C	HIST2H2AA3	C5orf51
CALCOCO2	ATP1A2	HIST2H4B	C5orf63
CALCRL	ATP1B4	HIST4H4	C6
CALHM3	ATP2B1	HJURP	C6orf118
CALHM4	ATP2B3	HLA-DOA	C6orf120
CALHM5	ATP2B4	HLCS	C6orf141
CALM1	ATP2C1	HLTF	C6orf58
CALM3	ATP5F1A	HMGB1	C6orf89
CALN1	ATP5F1E	HMGB2	C8A
CALU	ATP5IF1	HMGNI	C8orf31
CAMK4	ATP5MC1	HNRNPF	C8orf33
CAMKK1	ATP5MC3	HOMEZ	C8orf34-AS1
CAMKK2	ATP5MG	HOXA1	C8orf37
CAMSAP2	ATP5MPL	HOXA13	C8orf44-SGK3
CAMTA1	ATP5PB	HOXA2	C9orf135
CAND1	ATP5PF	HOXC5	C9orf153
CANX	ATP6V0A2	HOXD13	C9orf47
CAP1	ATP6V0D1	HS1BP3	C9orf64
CAPN11	ATP6V0D2	HS3ST2	C9orf72
CAPN5	ATP6V0E1	HS3ST3B1	CA12
CAPN6	ATP6V0E2	HS6ST1	CA13
CAPN7	ATP6V1A	HSD17B13	CA8
CAPN8	ATP6V1C2	HSP90B1	CABLES1
CAPN9	ATP6V1E1	HSPA12B	CABP1
CAPRIN1	ATP6V1G1	HSPA14	CABYR
CAPRIN2	ATP7A	HSPA6	CACNA1C
CAPS2	ATP7B	HSPBP1	CACNB1
CAPZA2	ATP8A1	IARS	CACNB3
CARD8	ATP8A2	ICMT	CACNB4

CARF	ATP8B2	ICOSLG	CACNG8
CARM1	ATP8B4	ID1	CACUL1
CASC3	ATP9B	IDS	CADM1
CASC4	ATPAF2	IER5	CADM2
CASD1	ATR	IFFO2	CADM3
CASK	ATRNL	IFIT2	CALB1
CASKIN1	ATRNL1	IFIT3	CALB2
CASKIN2	ATRX	IFNAR1	CALCOCO2
CASP10	ATXN1	IFNE	CALCRL
CASP3	ATXN1L	IFT22	CALHM3
CASP9	ATXN7	IFT74	CALHM4
CASQ2	ATXN7L1	IGF1R	CALHM5
CASR	ATXN7L3B	IGF2	CALM1
CAST	AURKC	IGF2R	CALML4
CASTOR3	AUTS2	IGFN1	CALN1
CASZ1	AVL9	IKZF4	CALR
CAV2	AVP11	IL17D	CALU
CAVIN3	AVPR1A	IL17RA	CAMK2D
CAVIN4	AWAT1	IL22RA1	CAMK4
CBFB	AXL	IL3RA	CAMKK1
CBL	AZI2	IL6R	CAMKK2
CBLB	AZIN1	ILRUN	CAMSAP2
CBLL1	B3GALNT1	IMPDH1	CAMTA1
CBLN2	B3GALNT2	IMPG2	CAND1
CBR4	B3GALT1	INHBB	CANX
CBWD1	B3GALT2	INO80E	CAP1
CBWD2	B3GALT5	INPP4A	CAPN11
CBWD3	B3GALT6	INPP5E	CAPN5
CBWD5	B3GAT2	INSIG1	CAPN6
CBWD6	B3GLCT	INSM1	CAPN7
CBX2	B3GNT2	INTS6L	CAPN8
CBX5	B3GNT5	IP6K1	CAPN9
CBY1	B4GALT1	IPPK	CAPRIN1
CC2D1B	B4GALT5	IQCK	CAPRIN2
CCDC113	B4GALT6	IRAK3	CAPS2
CCDC114	B4GALT7	IREB2	CAPZA2
CCDC117	B9D1	IRF2BP2	CARD8
CCDC121	BAALC	IRF8	CARF
CCDC125	BAAT	ISL2	CARM1
CCDC126	BABAM2	ISY1-RAB43	CASC4
CCDC127	BACE1	ITGA3	CASD1
CCDC13	BACE2	ITGA4	CASK
CCDC141	BACH1	ITM2B	CASKIN1
CCDC148	BACH2	ITPK1	CASP10

CCDC150	BAG2	ITPRIP	CASP16P
CCDC155	BAG3	ITSN1	CASP3
CCDC171	BAG4	JAGN1	CASP9
CCDC173	BAG5	JDP2	CASQ2
CCDC185	BAHCC1	JMJD4	CASR
CCDC186	BAHD1	JPH1	CAST
CCDC198	BAIAP2	JPH3	CASTOR3
CCDC33	BAMBI	JPH4	CASZ1
CCDC36	BANF1	JPT2	CAV2
CCDC47	BARD1	KAAG1	CAVIN3
CCDC50	BATF2	KANK1	CAVIN4
CCDC71L	BAZ1B	KARS	CBFB
CCDC80	BAZ2A	KATNBL1	CBL
CCDC85C	BAZ2B	KBTBD11	CBLB
CCDC88A	BBOF1	KBTBD8	CBLL1
CCL22	BBS10	KCMF1	CBLN1
CCL28	BBS7	KCNA7	CBLN2
CCM2L	BBS9	KCNAB2	CBR4
CCN1	BBX	KCNG4	CBWD1
CCN2	BCAP29	KCNJ11	CBWD2
CCN3	BCAR3	KCNJ5	CBWD3
CCN4	BCAS4	KCNV1	CBWD5
CCNB1	BCAT1	KCTD10	CBWD6
CCNC	BCCIP	KCTD12	CBX2
CCND1	BCDIN3D	KCTD15	CBX5
CCND2	BCHE	KDEL2	CC2D1B
CCNG2	BCKDHB	KDM5A	CCDC113
CCNL2	BCL10	KDM6B	CCDC114
CCNT2	BCL11A	KIAA1191	CCDC117
CCNYL1	BCL11B	KIAA1257	CCDC121
CCP110	BCL2	KIAA1549	CCDC125
CCR1	BCL2L11	KIAA1614	CCDC126
CCR6	BCL2L13	KIF1A	CCDC127
CCR7	BCL2L15	KIF1B	CCDC13
CCS	BCL2L2	KIF3C	CCDC134
CCSER1	BCL6B	KLC1	CCDC141
CCSER2	BCL7A	KLF3	CCDC142
CCT4	BCL7C	KLF8	CCDC148
CCT5	BCLAF1	KLHL15	CCDC150
CCT6B	BCLAF3	KLHL36	CCDC155
CCT7	BCO2	KMO	CCDC160
CD164	BCOR	KMT2D	CCDC170
CD180	BCORL1	KPNA2	CCDC171
CD1C	BDH1	KREMEN1	CCDC173

CD226	BDH2	KRTAP10-1	CCDC185
CD28	BDNF	KRTAP4-9	CCDC186
CD2AP	BDP1	L2HGDH	CCDC198
CD2BP2	BEND2	LAMA5	CCDC25
CD300A	BEND3	LDHB	CCDC30
CD300E	BEND4	LEF1	CCDC33
CD36	BEND6	LEPR	CCDC36
CD38	BEST1	LEPROT	CCDC47
CD4	BEST3	LETM1	CCDC50
CD44	BET1	LGALS1	CCDC57
CD47	BET1L	LGR6	CCDC71
CD55	BHLHE22	LHFPL2	CCDC71L
CD68	BHLHE40	LHPP	CCDC80
CD79A	BHLHE41	LHX4	CCDC85C
CD83	BHMT	LIF	CCDC88A
CD84	BHMT2	LIN28B	CCDC93
CD93	BICC1	LINC01124	CCL22
CD99L2	BICD1	LINC02312	CCL28
CDAN1	BICD2	LIX1L	CCM2L
CDC27	BICRAL	LMBR1	CCN1
CDC34	BID	LMLN	CCN2
CDC37L1	BIRC2	LMO3	CCN3
CDC42BPA	BIRC3	LNPEP	CCN4
CDC42EP3	BIRC5	LOC100129215	CCNB1
CDC42EP4	BIVM	LOC105375614	CCNC
CDC42SE2	BLID	LONRF3	CCND1
CDC5L	BLMH	LPIN2	CCND2
CDC6	BLNK	LPP	CCNG2
CDC73	BLOC1S3	LRFN2	CCNJ
CDCA2	BLOC1S4	LRIG2	CCNL2
CDCA7L	BLOC1S5	LRP2	CCNT2
CDH1	BLOC1S6	LRP4	CCNY
CDH19	BLVRA	LRP8	CCNYL1
CDH2	BMERB1	LRPAP1	CCP110
CDH5	BMI1	LRRC20	CCR1
CDH6	BMP1	LRRC31	CCR6
CDHR2	BMP10	LRRC32	CCR7
CDK14	BMP2	LRRC41	CCSAP
CDK15	BMP2K	LRRC8B	CCSER1
CDK17	BMP3	LRRFIP1	CCSER2
CDK18	BMP5	LRRN1	CCT3
CDK19	BMP6	LTBR	CCT4
CDK2	BMP8A	LTO1	CCT5
CDK5R1	BMPER	LUC7L	CCT6B

CDK6	BMPR1A	LURAP1	CCT7
CDK8	BMPR1B	LYRM4	CD164
CDKL4	BMPR2	LYZ	CD180
CDKL5	BMS1	MAATS1	CD1C
CDKN1B	BMT2	MAFG	CD1D
CDKN1C	BNC1	MAK	CD226
CDKN2AIP	BNC2	MAP2K3	CD28
CDKN2B	BNIP2	MAP2K7	CD2AP
CDON	BNIP3	MAP4	CD2BP2
CDPF1	BNIP3L	MAP7D1	CD300A
CDR1	BOD1	MAP9	CD300E
CDR2L	BOD1L1	MAPK13	CD36
CDS1	BOD1L2	MAPK1IP1L	CD38
CDS2	BOLA3	MAPK6	CD4
CDV3	BOLL	MAPKBP1	CD44
CDY1	BORCS5	MAPRE2	CD47
CDY1B	BORCS7	MARC1	CD55
CDYL2	BORCS8	MARCH4	CD79A
CEACAM19	BPIFB2	MARF1	CD83
CEACAM21	BPTF	MASP1	CD84
CEBPD	BRAP	MASTL	CD93
CEBPG	BRCA1	MAU2	CD99L2
CELF1	BRCC3	MBD3	CDAN1
CELF4	BRD4	MBIP	CDC14B
CELF5	BRD7	MBNL1	CDC25C
CEMIP2	BRI3	MBNL3	CDC27
CENPA	BRI3BP	MBOAT2	CDC34
CENPC	BRINP3	MBTD1	CDC37L1
CENPF	BRIP1	MCC	CDC42BPA
CENPI	BRIX1	MCFD2	CDC42EP3
CENPJ	BRMS1L	MCTP2	CDC42EP4
CENPL	BROX	MDH2	CDC42SE2
CENPM	BRPF1	MEAK7	CDC5L
CENPN	BRPF3	MECP2	CDC6
CENPQ	BRWD1	MED12	CDCA2
CEP104	BRWD3	MED7	CDCA7L
CEP126	BSN	MEF2D	CDH1
CEP128	BTAF1	METTL22	CDH11
CEP162	BTBD1	METTL24	CDH18
CEP250	BTBD10	MFAP2	CDH19
CEP295	BTBD17	MFHAS1	CDH2
CEP350	BTBD19	MFNG	CDH23
CEP44	BTBD7	MFSD6	CDH6
CEP55	BTBD9	MGA	CDH7

CEP57	BTC	MGAT1	CDHR2
CEP57L1	BTD	MGMT	CDK1
CEP68	BTF3	MIEF2	CDK14
CEP70	BTF3L4	MINDY2	CDK15
CEP72	BTG1	MIP	CDK17
CEP78	BTK	MIS12	CDK19
CEP83	BTLA	MITD1	CDK2
CEP89	BTN1A1	MKLN1	CDK2AP1
CEP97	BTN3A1	MLKL	CDK5R1
CERCAM	BTNL8	MMP13	CDK6
CERS1	BTNL9	MOCS3	CDK8
CERS2	BTRC	MORF4L2	CDKL4
CERS5	BUB1	MPP3	CDKN1B
CETP	BUB3	MPPED1	CDKN1C
CFAP161	BVES	MRC2	CDKN2AIP
CFAP20	BYSL	MRE11	CDKN2B
CFAP298	BZW1	MRGBP	CDO1
CFAP299	C10orf105	MRGPRF	CDON
CFAP300	C10orf53	MRPS14	CDPF1
CFAP97	C10orf67	MRPS23	CDR2L
CFD	C10orf88	MRPS33	CDS1
CFHR3	C10orf90	MS4A15	CDS2
CFHR4	C11orf1	MSANTD1	CDV3
CFL2	C11orf49	MSANTD3	CDY1
CFLAR	C11orf54	MSX2	CDY1B
CGGBP1	C11orf58	MTA3	CDYL2
CGREF1	C11orf65	MT-CO2	CEACAM19
CHAF1B	C11orf68	MT-CYB	CEBPD
CHD1	C11orf72	MTF1	CEBPG
CHD2	C11orf74	MTG1	CELF1
CHD5	C11orf87	MTMR1	CELF4
CHD6	C11orf91	MTMR3	CEMIP2
CHD7	C11orf98	MTMR8	CENPA
CHD8	C12orf29	MTO1	CENPBD1
CHDH	C12orf4	MTOR	CENPC
CHERP	C12orf40	MXRA8	CENPF
CHGB	C12orf43	MYADM	CENPH
CHIC1	C12orf49	MYCBP	CENPI
CHKA	C12orf50	MYCBP2	CENPJ
CHMP3	C12orf60	MYO9B	CENPL
CHMP4B	C12orf65	MYOM2	CENPM
CHN1	C12orf66	MYOZ3	CENPN
CHORDC1	C12orf73	MYPN	CENPP
CHP1	C12orf74	MZF1	CENPQ

CHRA1	C12orf75	N4BP2	CENPT
CHRD1	C14orf119	N4BP3	CEP104
CHRM2	C14orf28	N6AMT1	CEP126
CHRM3	C14orf39	NAA30	CEP128
CHRNA5	C15orf40	NAIP	CEP162
CHRNA6	C15orf41	NARF	CEP295
CHRNE	C15orf48	NCMAP	CEP350
CHST11	C15orf61	NCOR1	CEP44
CHST3	C15orf65	NCOR2	CEP55
CHST7	C16orf46	NCS1	CEP57
CHSY1	C16orf70	NDC1	CEP57L1
CHSY3	C16orf72	NDE1	CEP68
CHTF8	C16orf87	NDRG1	CEP70
CHURC1	C17orf107	NDST1	CEP72
CHURC1-FNTB	C17orf75	NDUFA10	CEP78
CIAO2A	C18orf21	NDUFA2	CEP83
CIAPIN1	C18orf54	NDUFA7	CEP89
CILP	C18orf63	NDUFA9	CEP97
CIP2A	C19orf12	NDUFC2	CERCAM
CIPC	C19orf47	NDUFV3	CERS1
CISD1	C1D	NEBL	CERS2
CISD2	C1GALT1	NEFM	CERS5
CISH	C1GALT1C1	NEIL2	CETP
CIT	C1orf109	NEU1	CFAP161
CITED2	C1orf112	NEU3	CFAP20
CKAP2	C1orf116	NF1	CFAP298
CKAP5	C1orf122	NFATC4	CFAP299
CKS1B	C1orf131	NFE2L3	CFAP300
CLASP1	C1orf141	NFIA	CFAP44
CLASP2	C1orf162	NFIB	CFAP97
CLCC1	C1orf198	NFYA	CFD
CLCN3	C1orf21	NHLRC2	CFHR3
CLCN5	C1orf210	NHSL1	CFHR4
CLDN1	C1orf35	NIBAN1	CFL2
CLDN11	C1orf50	NIFK	CFLAR
CLDN12	C1orf52	NIP7	CGGBP1
CLDN16	C1QL3	NIPAL1	CGREF1
CLDN19	C1QTNF3	NIPAL2	CHAF1B
CLDN22	C1QTNF7	NIPAL3	CHCHD2
CLDN23	C1QTNF9	NIPBL	CHD1
CLDND1	C1RL	NIT1	CHD2
CLEC16A	C20orf144	NKAIN1	CHD5
CLEC17A	C20orf187	NKD1	CHD6
CLEC1A	C20orf194	NKRF	CHD7

CLEC4E	C20orf202	NKTR	CHD8
CLEC4F	C21orf58	NKX6-2	CHDH
CLEC4M	C21orf91	NLRP2	CHERP
CLEC5A	C22orf23	NLRP3	CHGB
CLGN	C22orf42	NME6	CHIC1
CLIC2	C2CD2	NOL4L	CHID1
CLIC4	C2CD2L	NOL9	CHKA
CLIC5	C2CD3	NOP2	CHML
CLINT1	C2CD4A	NOS1	CHMP3
CLIP4	C2CD6	NOTCH1	CHMP4B
CLMN	C2orf42	NOVA2	CHN1
CLN5	C2orf66	NOX4	CHORDC1
CLN8	C2orf68	NPC1	CHP1
CLNK	C2orf69	NPEPPS	CHP2
CLPB	C2orf72	NPHS1	CHRA1
CLSPN	C2orf73	NPR3	CHRD1
CLSTN1	C2orf80	NR1D2	CHRFAM7A
CLSTN2	C2orf88	NR6A1	CHRM2
CLU	C3	NRBP2	CHRM3
CLVS2	C3orf14	NRIP3	CHRNA4
CLYBL	C3orf38	NSF	CHRNA5
CMBL	C3orf67	NT5C1A	CHRNA6
CMC1	C3orf70	NT5DC3	CHRNE
CMIP	C3orf80	NTAN1	CHST10
CMSS1	C4orf19	NTN1	CHST11
CMTM3	C4orf3	NTPCR	CHST14
CMTM4	C4orf33	NTRK2	CHST3
CMTM5	C4orf36	NTRK3	CHST7
CMTM6	C4orf45	NTSR1	CHSY1
CMTM8	C4orf46	NUDCD2	CHSY3
CNBP	C4orf50	NUDT15	CHTF8
CNDP2	C4orf54	NUDT16	CHURC1
CNIH3	C5	NUDT16L1	CHURC1-FNTB
CNKSR3	C5AR1	NUDT19	CIAO2A
CNNM2	C5AR2	NUFIP2	CIAPIN1
CNNM3	C5orf24	NUGGC	CILP
CNNM4	C5orf30	NUP188	CINP
CNOT1	C5orf38	NUP62CL	CIP2A
CNOT2	C5orf46	NUTF2	CISD1
CNOT4	C5orf47	NXF1	CISD2
CNOT6	C5orf49	NXN	CIT
CNOT6L	C5orf51	NXPH3	CITED2
CNOT7	C5orf63	ODC1	CKAP5
CNP	C5orf64	ODF2L	CKS1B

CNPY3	C6orf118	ONECUT2	CLASP1
CNPY4	C6orf120	OPA3	CLASP2
CNR1	C6orf132	OPN3	CLCC1
CNR2	C6orf136	OPRM1	CLCN3
CNST	C6orf141	ORC2	CLCN5
CNTD1	C6orf223	ORC5	CLDN1
CNTF	C6orf58	ORC6	CLDN11
CNTLN	C6orf62	ORMDL1	CLDN12
CNTN1	C6orf89	ORMDL2	CLDN14
CNTN2	C7	OSBP2	CLDN16
CNTNAP5	C7orf25	OSBPL2	CLDN19
COA5	C7orf26	OSGEPL1	CLDN22
COA7	C8A	OSTF1	CLDND1
COBL	C8orf31	OTUD3	CLEC12B
COBLL1	C8orf33	OTULIN	CLEC16A
COG2	C8orf34-AS1	OTULINL	CLEC17A
COG5	C8orf37	OXA1L	CLEC1A
COG6	C8orf44-SGK3	OXCT1	CLEC4C
COIL	C8orf86	P2RX1	CLEC4E
COL20A1	C8orf88	P2RX5	CLEC4F
COL21A1	C9orf116	PABPN1	CLEC4M
COL26A1	C9orf152	PADI2	CLEC5A
COL27A1	C9orf153	PAFAH1B1	CLGN
COL28A1	C9orf40	PAFAH1B2	CLIC1
COL4A1	C9orf47	PAG1	CLIC2
COL4A3	C9orf64	PALM	CLIC5
COL4A4	C9orf72	PANK2	CLINT1
COL4A6	C9orf78	PANK3	CLMN
COL5A2	C9orf85	PAPLN	CLN8
COL6A5	CA1	PAPSS1	CLNK
COL9A2	CA10	PARP15	CLNS1A
COLEC11	CA12	PARVG	CLPB
COMMD2	CA13	PATE2	CLPTM1
COMMD3-BMI1	CA2	PATZ1	CLSPN
COMMD5	CA3	PAX2	CLSTN1
COMMD9	CA8	PAX7	CLSTN2
COMTD1	CAAP1	PBX1	CLTC
COPS2	CAB39	PCBP1	CLU
COPS7A	CAB39L	PCBP2	CLVS2
COPS8	CABCOCO1	PCDH1	CLYBL
COPZ1	CABP7	PCDH7	CMBL
COQ7	CABYR	PCID2	CMC1
CORIN	CACNA1I	PCSK7	CMIP
CORO1A	CACNA2D1	PCSK9	CMSS1

CORO1C	CACNA2D2	PCYT1A	CMTM3
CORO7	CACNB1	PDCD11	CMTM4
COX15	CACNB4	PDE2A	CMTM6
COX19	CACNG2	PDE9A	CMTM8
COX7A2L	CACNG4	PDF	CNBP
COX8C	CACNG7	PDIA6	CNDP2
CPD	CACNG8	PDK1	CNIH3
CPE	CACUL1	PDLIM2	CNIH4
CPEB3	CAD	PDLIM4	CNKSR3
CPEB4	CADM1	PDZD8	CNNM2
CPED1	CADM2	PER1	CNNM3
CPLX4	CALB1	PEX11A	CNNM4
CPM	CALCOCO2	PEX19	CNOT1
CPNE8	CALCR	PEX5L	CNOT2
CPPED1	CALCRL	PEX7	CNOT4
CPS1	CALHM4	PFKFB3	CNOT6
CPSF6	CALHM5	PFN2	CNOT6L
CPT1A	CALM1	PGAM5	CNOT7
CPT2	CALM3	PGAP3	CNP
CRABP2	CALML3	PGP	CNPY3
CRB1	CALML4	PGR	CNPY4
CRB2	CALN1	PHAX	CNR1
CRB3	CALR	PHC3	CNR2
CREB1	CALU	PHF24	CNRIP1
CREB5	CALY	PHLDA3	CNST
CREBL2	CAMK1D	PHOX2B	CNTD1
CREG2	CAMK2A	PHTF2	CNTF
CREM	CAMK2D	PI15	CNTLN
CRHBP	CAMK4	PI4K2A	CNTN1
CRHR1	CAMKK2	PIAS2	CNTN2
CRIPT	CAMKMT	PIAS4	CNTNAP5
CRISPLD2	CAMLG	PIDD1	COA5
CRKL	CAMSAP1	PIFO	COA7
CRPPA	CAMSAP2	PIGP	COBL
CRTAP	CAMTA1	PIK3IP1	COBLL1
CRTC1	CAND1	PIK3R3	COG2
CRTC3	CAND2	PIKFYVE	COG5
CRX	CAP1	PIMREG	COG6
CRY1	CAP2	PIP5KL1	COL12A1
CRYBG3	CAPN13	PITPNA	COL20A1
CRYZ	CAPN5	PITPNM2	COL21A1
CSAG1	CAPN6	PKNOX1	COL26A1
CSDC2	CAPN7	PLA2G5	COL27A1
CSDE1	CAPN8	PLAAT3	COL28A1

CSE1L	CAPNS2	PLAGL2	COL4A1
CSF1	CAPRN1	PLBD2	COL4A3
CSF2RA	CAPS2	PLEKHA7	COL4A4
CSF3	CAPSL	PLEKHB2	COL4A5
CSH2	CAPZA1	PLEKHG4B	COL4A6
CSKMT	CAPZA2	PLEKHH1	COL6A5
CSNK1A1	CAPZB	PLEKHM3	COL9A2
CSNK1A1L	CARD11	PLK1	COLEC11
CSNK1D	CARD16	PLPP7	COMMD2
CSNK1G1	CARD18	PLPPR4	COMMD3-BMI1
CSNK2A1	CARD8	PLXNA1	COMMD5
CSPP1	CARF	PMFBP1	COMMD9
CSRNP1	CARHSP1	PNLIPRP3	COMTD1
CSRNP3	CARMIL1	PNMA8A	COPS2
CST3	CARNMT1	PNO1	COPS8
CSTF2	CASC1	PNPLA3	COPZ1
CSTF2T	CASC4	PNRC1	COQ7
CSTF3	CASK	POLE	CORIN
CT45A5	CASP1	POLM	CORO1A
CTBP2	CASP10	POLR1A	CORO1C
CTBS	CASP2	POM121	CORO7
CTCF	CASP3	POTED	COX15
CTCFL	CASP4	POTEI	COX18
CTDSPL	CASP5	PPARGC1B	COX19
CTDSPL2	CASP7	PPFIA3	COX6B1
CTIF	CASP9	PPIF	COX7A2L
CTNNA2	CASQ2	PPIL6	COX8C
CTNNA3	CAST	PPM1H	CPA4
CTNNB1	CAT	PPP1CB	CPD
CTNNBIP1	CATSPER2	PPP1R3F	CPE
CTNNBL1	CAV1	PPP1R7	CPEB3
CTPS2	CAV2	PPP2R3B	CPEB4
CTSB	CAVIN2	PQLC1	CPED1
CTSC	CAVIN3	PRDM1	CPLANE2
CTSE	CAVIN4	PRDM2	CPM
CTTN	CBFA2T3	PRDM6	CPNE8
CTTNBP2NL	CBFB	PRDX1	CPPED1
CTU1	CBL	PRELID2	CPS1
CUEDC1	CBLB	PRELID3B	CPSF6
CUL3	CBLL1	PREX1	CPT1A
CUL5	CBLN1	PRKAB2	CPT2
CUX1	CBLN2	PRKDC	CRABP2
CUX2	CBLN4	PRMT8	CRB1
CWF19L1	CBR4	PROP1	CRB2

CWF19L2	CBS	PRORP	CREB1
CXADR	CBWD1	PROSER3	CREB5
CXCL11	CBWD2	PRPF3	CREBL2
CXCL12	CBWD3	PRPH2	CREBZF
CXCL14	CBWD5	PRR12	CREG2
CXCL17	CBWD6	PRRC2C	CRELD2
CXCR5	CBX1	PRSS23	CREM
CXorf21	CBX3	PRTG	CRHBP
CXorf38	CBX4	PRX	CRHR1
CXorf56	CBX5	PSMA2	CRIPT
CXXC4	CBX8	PSMA5	CRISP3
CYB561	CC2D1B	PSMD11	CRISPLD1
CYB561D1	CC2D2B	PSMG2	CRISPLD2
CYB5D1	CCAR1	PSMG4	CRKL
CYB5R1	CCBE1	PTCHD3	CRNKL1
CYB5R4	CCDC110	PTDSS1	CROT
CYBA	CCDC112	PTGES	CRP
CYBRD1	CCDC113	PTGR2	CRPPA
CYCS	CCDC117	PTK6	CRTAP
CYHR1	CCDC121	PTP4A1	CRTC1
CYP20A1	CCDC126	PTPN11	CRTC3
CYP24A1	CCDC127	PTPN14	CRX
CYP27C1	CCDC14	PTPN9	CRY1
CYP2A7	CCDC141	PTPRD	CRYBG3
CYP2B6	CCDC148	PTPRN2	CRYZ
CYP2C8	CCDC149	PURG	CSDE1
CYP2F1	CCDC152	PWP2	CSE1L
CYP3A5	CCDC169-SOHLH2	PYGO1	CSF1
CYP4F11	CCDC170	PYROXD1	CSF2RA
CYP4V2	CCDC171	QKI	CSF3
CYP4X1	CCDC173	QSER1	CSH2
CYP7A1	CCDC174	QSOX1	CSNK1A1
CYP7B1	CCDC175	RAB11FIP3	CSNK1A1L
CYSLTR2	CCDC177	RAB15	CSNK1G1
CYSTM1	CCDC181	RAB33B	CSNK2A1
CYTH3	CCDC186	RAB3B	CSPP1
CYTIP	CCDC191	RAB3IP	CSRNP1
DAAM1	CCDC198	RAB43	CSRNP3
DAAM2	CCDC24	RAB5B	CST3
DAB2IP	CCDC25	RAB5C	CSTF2T
DACT1	CCDC3	RAB6B	CSTF3
DAG1	CCDC30	RABL6	CT45A5
DAP	CCDC32	RAC1	CTBP2
DARS2	CCDC34	RAD23A	CTBS

<i>DAXX</i>	<i>CCDC40</i>	<i>RAD51C</i>	<i>CTCF</i>
<i>DAZAP1</i>	<i>CCDC43</i>	<i>RALGAPA2</i>	<i>CTCFL</i>
<i>DBN1</i>	<i>CCDC47</i>	<i>RANBP10</i>	<i>CTDSP1</i>
<i>DBNL</i>	<i>CCDC50</i>	<i>RAP1B</i>	<i>CTDSP2</i>
<i>DBT</i>	<i>CCDC57</i>	<i>RAP2B</i>	<i>CTDSPL</i>
<i>DCAF11</i>	<i>CCDC58</i>	<i>RAP2C</i>	<i>CTDSPL2</i>
<i>DCAF12</i>	<i>CCDC59</i>	<i>RAPH1</i>	<i>CTIF</i>
<i>DCAF5</i>	<i>CCDC6</i>	<i>RARS</i>	<i>CTNNA2</i>
<i>DCAF7</i>	<i>CCDC68</i>	<i>RASA2</i>	<i>CTNNA3</i>
<i>DCAKD</i>	<i>CCDC7</i>	<i>RASA3</i>	<i>CTNNB1</i>
<i>DCANP1</i>	<i>CCDC71L</i>	<i>RASGEF1A</i>	<i>CTNNBIP1</i>
<i>DCBLD2</i>	<i>CCDC74A</i>	<i>RASGRP3</i>	<i>CTNNBL1</i>
<i>DCDC1</i>	<i>CCDC74B</i>	<i>RASSF4</i>	<i>CTPS2</i>
<i>DCLK1</i>	<i>CCDC77</i>	<i>RASSF6</i>	<i>CTR9</i>
<i>DCLRE1A</i>	<i>CCDC80</i>	<i>RAVER2</i>	<i>CTSB</i>
<i>DCLRE1C</i>	<i>CCDC85A</i>	<i>RB1</i>	<i>CTSC</i>
<i>DCP2</i>	<i>CCDC85C</i>	<i>RBFA</i>	<i>CTSE</i>
<i>DCTN5</i>	<i>CCDC88A</i>	<i>RBFOX1</i>	<i>CTTN</i>
<i>DCTN6</i>	<i>CCDC88C</i>	<i>RBFOX2</i>	<i>CTU1</i>
<i>DCUN1D1</i>	<i>CCDC90B</i>	<i>RBM19</i>	<i>CUEDC1</i>
<i>DCUN1D3</i>	<i>CCDC91</i>	<i>RBM22</i>	<i>CUL3</i>
<i>DCUN1D4</i>	<i>CCDC93</i>	<i>RBM28</i>	<i>CUL5</i>
<i>DCUN1D5</i>	<i>CCDC96</i>	<i>RBM48</i>	<i>CUX1</i>
<i>DDA1</i>	<i>CCL1</i>	<i>RBM7</i>	<i>CUX2</i>
<i>DDB2</i>	<i>CCL22</i>	<i>RBMX2</i>	<i>CWF19L1</i>
<i>DDHD1</i>	<i>CCL28</i>	<i>RBSN</i>	<i>CWF19L2</i>
<i>DDHD2</i>	<i>CCL7</i>	<i>RCBTB1</i>	<i>CXADR</i>
<i>DDI2</i>	<i>CCL8</i>	<i>RCL1</i>	<i>CXCL11</i>
<i>DDIT4</i>	<i>CCN1</i>	<i>RCN2</i>	<i>CXCL12</i>
<i>DDR1</i>	<i>CCN2</i>	<i>RELB</i>	<i>CXCL14</i>
<i>DDRGK1</i>	<i>CCN3</i>	<i>REPS2</i>	<i>CXCL17</i>
<i>DDX17</i>	<i>CCN4</i>	<i>RFC2</i>	<i>CXCR5</i>
<i>DDX18</i>	<i>CCNB1</i>	<i>RFLNB</i>	<i>CXorf38</i>
<i>DDX19A</i>	<i>CCNC</i>	<i>RHBDL3</i>	<i>CXorf56</i>
<i>DDX19B</i>	<i>CCND1</i>	<i>RHEBL1</i>	<i>CXXC4</i>
<i>DDX20</i>	<i>CCND2</i>	<i>RHOH</i>	<i>CYB561</i>
<i>DDX21</i>	<i>CCNDBP1</i>	<i>RHPN2</i>	<i>CYB561D1</i>
<i>DDX3Y</i>	<i>CCNF</i>	<i>RIC1</i>	<i>CYB5D1</i>
<i>DDX4</i>	<i>CCNG1</i>	<i>RIMBP2</i>	<i>CYB5R1</i>
<i>DDX42</i>	<i>CCNG2</i>	<i>RIMS4</i>	<i>CYB5R4</i>
<i>DDX43</i>	<i>CCNH</i>	<i>RIOK2</i>	<i>CYBA</i>
<i>DDX46</i>	<i>CCNI</i>	<i>RLIM</i>	<i>CYBRD1</i>
<i>DDX55</i>	<i>CCNI2</i>	<i>RMND5A</i>	<i>CYCS</i>
<i>DDX6</i>	<i>CCNJ</i>	<i>RNASE7</i>	<i>CYHR1</i>

DECR1	CCNL2	RNF121	CYP1B1
DEDD	CCNO	RNF144B	CYP20A1
DEFB107A	CCNT1	RNF149	CYP24A1
DEFB107B	CCNT2	RNF165	CYP27C1
DEFB134	CCNY	RNF168	CYP2A7
DELE1	CCPG1	RNF19B	CYP2B6
DENND2A	CCR1	RNF212	CYP2C8
DENND3	CCR10	RNF213	CYP2F1
DENND5B	CCR5	RNF24	CYP3A5
DENND6B	CCR6	RNF40	CYP4F11
DENR	CCR7	RNMT	CYP4F12
DEPDC1	CCR9	RNPEPL1	CYP4V2
DEPTOR	CCRL2	RO60	CYP4X1
DERA	CCSAP	ROPN1	CYP51A1
DERL1	CCSER1	RORB	CYP7A1
DERL2	CCSER2	RORC	CYP7B1
DERL3	CCT4	RPL10	CYSLTR2
DFFA	CCT6B	RPL10A	CYSRT1
DGAT2L6	CCZ1	RPL14	CYTH3
DGCR2	CCZ1B	RPL15	CYTH4
DGCR6L	CD109	RPL19	DAAM1
DGCR8	CD163L1	RPL21	DAAM2
DGKB	CD164	RPL26	DAB2IP
DGKE	CD180	RPL28	DACT1
DGKG	CD1B	RPL31	DAOA
DGKH	CD1C	RPL36A	DBN1
DGKI	CD1D	RPL39L	DBNL
DHCR24	CD200R1	RPL5	DBT
DHDDS	CD226	RPL7	DCAF12
DHRS4	CD244	RPL7A	DCAF17
DHTKD1	CD248	RPL7L1	DCAF5
DHX15	CD274	RPL9	DCAF8L1
DHX35	CD276	RPLP1	DCAKD
DHX36	CD28	RPS15	DCANP1
DHX8	CD2AP	RPS15A	DCBLD2
DIAPH2	CD2BP2	RPS20	DCDC1
DICER1	CD300E	RPS21	DCK
DIDO1	CD302	RPS27	DCLK1
DIMT1	CD36	RPS6KA2	DCLRE1A
DIO2	CD38	RPS8	DCLRE1C
DIP2B	CD3D	RPTOR	DCP2
DIPK1A	CD3EAP	RPUUSD1	DCTN5
DIPK2B	CD3G	RRAGD	DCTN6
DIRAS1	CD44	RRM2	DCUN1D1

<i>DIRAS2</i>	<i>CD46</i>	<i>RRN3</i>	<i>DCUN1D3</i>
<i>DIRAS3</i>	<i>CD47</i>	<i>RSL24D1</i>	<i>DCUN1D4</i>
<i>DIS3</i>	<i>CD53</i>	<i>RTL6</i>	<i>DCUN1D5</i>
<i>DIS3L2</i>	<i>CD55</i>	<i>RTL9</i>	<i>DDA1</i>
<i>DISP2</i>	<i>CD5L</i>	<i>RUNX1T1</i>	<i>DDAH1</i>
<i>DKK2</i>	<i>CD83</i>	<i>RUNX3</i>	<i>DDB2</i>
<i>DLD</i>	<i>CD84</i>	<i>RYR2</i>	<i>DDHD1</i>
<i>DLEU7</i>	<i>CD86</i>	<i>S100A10</i>	<i>DDHD2</i>
<i>DLG2</i>	<i>CD93</i>	<i>SAE1</i>	<i>DDI2</i>
<i>DLG3</i>	<i>CD96</i>	<i>SALL4</i>	<i>DDIT4</i>
<i>DLGAP1</i>	<i>CD99L2</i>	<i>SAMD14</i>	<i>DDR1</i>
<i>DLGAP3</i>	<i>CDADC1</i>	<i>SAP30BP</i>	<i>DDRGK1</i>
<i>DLST</i>	<i>CDC14A</i>	<i>SAP30L</i>	<i>DDX17</i>
<i>DLX1</i>	<i>CDC14B</i>	<i>SASH3</i>	<i>DDX18</i>
<i>DLX3</i>	<i>CDC23</i>	<i>SAT1</i>	<i>DDX19A</i>
<i>DMBX1</i>	<i>CDC25A</i>	<i>SATB1</i>	<i>DDX19B</i>
<i>DMPK</i>	<i>CDC25B</i>	<i>SCAMP2</i>	<i>DDX20</i>
<i>DMRT2</i>	<i>CDC27</i>	<i>SCD5</i>	<i>DDX21</i>
<i>DMRT3</i>	<i>CDC37</i>	<i>SCN2B</i>	<i>DDX3Y</i>
<i>DMRTA1</i>	<i>CDC37L1</i>	<i>SCNN1A</i>	<i>DDX42</i>
<i>DMWD</i>	<i>CDC42BPA</i>	<i>SCNN1G</i>	<i>DDX43</i>
<i>DMXL1</i>	<i>CDC42BPB</i>	<i>SCO1</i>	<i>DDX46</i>
<i>DNAAF1</i>	<i>CDC42EP3</i>	<i>SDHAF2</i>	<i>DDX55</i>
<i>DNAAF2</i>	<i>CDC42EP4</i>	<i>SEBOX</i>	<i>DDX6</i>
<i>DNAH14</i>	<i>CDC42SE2</i>	<i>SEMA4G</i>	<i>DECR1</i>
<i>DNAJA2</i>	<i>CDC5L</i>	<i>SEMA6A</i>	<i>DEFB107A</i>
<i>DNAJB12</i>	<i>CDC6</i>	<i>SEPSECS</i>	<i>DEFB107B</i>
<i>DNAJB14</i>	<i>CDC7</i>	<i>SEPTIN10</i>	<i>DEFB134</i>
<i>DNAJB4</i>	<i>CDC73</i>	<i>SERBP1</i>	<i>DELE1</i>
<i>DNAJB6</i>	<i>CDCA2</i>	<i>SERPINB5</i>	<i>DENND2A</i>
<i>DNAJC10</i>	<i>CDCA5</i>	<i>SERPINE1</i>	<i>DENND3</i>
<i>DNAJC16</i>	<i>CDCA7</i>	<i>SET</i>	<i>DENND5B</i>
<i>DNAJC18</i>	<i>CDCP1</i>	<i>SETX</i>	<i>DENND6B</i>
<i>DNAJC19</i>	<i>CDH1</i>	<i>SF3B3</i>	<i>DENR</i>
<i>DNAJC22</i>	<i>CDH10</i>	<i>SFT2D2</i>	<i>DEPDC1</i>
<i>DNAJC24</i>	<i>CDH11</i>	<i>SGCB</i>	<i>DEPTOR</i>
<i>DNAJC30</i>	<i>CDH12</i>	<i>SGCD</i>	<i>DERL1</i>
<i>DNAJC5</i>	<i>CDH13</i>	<i>SGPL1</i>	<i>DERL2</i>
<i>DNAJC6</i>	<i>CDH17</i>	<i>SGSM2</i>	<i>DERL3</i>
<i>DNAL1</i>	<i>CDH18</i>	<i>SGTB</i>	<i>DESI2</i>
<i>DNM3</i>	<i>CDH19</i>	<i>SH3BP2</i>	<i>DGAT2L6</i>
<i>DNMT3A</i>	<i>CDH2</i>	<i>SH3BP4</i>	<i>DGCR2</i>
<i>DNMT3B</i>	<i>CDH23</i>	<i>SH3D19</i>	<i>DGCR8</i>
<i>DNTT</i>	<i>CDH24</i>	<i>SH3RF2</i>	<i>DGKB</i>

DNTTIP2	CDH26	SH3RF3	DGKE
DOCK10	CDH6	SHC1	DGKH
DOCK5	CDH7	SHH	DGKI
DOCK7	CDH8	SHLD1	DGLUCY
DOK3	CDHR1	SHOX	DHCR24
DOK6	CDK1	SIAE	DHDDS
DONSON	CDK12	SIK2	DHODH
DOT1L	CDK13	SIRT7	DHRS4
DPEP2	CDK14	SKI	DHTKD1
DPF2	CDK15	SKIDA1	DHX15
DPH2	CDK17	SLC12A2	DHX35
DPH6	CDK2	SLC14A1	DHX36
DPM1	CDK5	SLC17A4	DIAPH2
DPP10	CDK5R1	SLC17A8	DICER1
DPP6	CDK5R2	SLC18A1	DIDO1
DPP8	CDK5RAP2	SLC19A1	DIMT1
DPPA3	CDK6	SLC19A3	DIO2
DPY19L1	CDKL1	SLC24A4	DIP2B
DPY19L3	CDKL2	SLC25A38	DIPK1A
DPY19L4	CDKL3	SLC26A1	DIPK2B
DPYSL2	CDKN1A	SLC26A7	DIRAS1
DPYSL3	CDKN1B	SLC27A4	DIRAS2
DPYSL4	CDKN2AIP	SLC29A1	DIRAS3
DPYSL5	CDKN2AIPNL	SLC35F1	DIS3
DR1	CDKN2B	SLC35F2	DIS3L2
DRAXIN	CDKN3	SLC38A7	DISC1
DRD1	CDON	SLC39A1	DISP2
DSCAM	CDPF1	SLC39A14	DKK2
DSCC1	CDR1	SLC3A1	DLD
DSG1	CDS2	SLC43A3	DLEU7
DSG2	CDT1	SLC44A1	DLG2
DSG3	CDV3	SLC44A2	DLG3
DST	CDX2	SLC4A4	DLGAP1
DSTN	CDX4	SLC6A11	DLGAP3
DTD2	CDY1	SLC6A7	DLST
DTNA	CDY1B	SLC7A6OS	DLX1
DTWD2	CDYL	SLC8A2	DLX3
DTX3	CDYL2	SLC9A7	DMAC2
DTX3L	CEACAM1	SLCO3A1	DMBX1
DUSP18	CEACAM5	SLCO5A1	DMPK
DUSP19	CEACAM6	SLFN12L	DMRT2
DUSP22	CEACAM7	SLITRK3	DMRT3
DUSP3	CEACAM8	SLX4IP	DMRTA1
DUSP6	CEBPG	SMAD7	DNAAF1

DVL2	CEBPZOS	SMARCA5	DNAAF2
DYNC1I1	CELF1	SMARCD1	DNAH14
DYNC1I2	CELF2	SMC1A	DNAJA2
DYNC1LI2	CELF3	SMC4	DNAJB12
DYNLL2	CELF5	SMCHD1	DNAJB14
DYRK1A	CEMIP	SMG1	DNAJB2
DYRK2	CEMIP2	SMIM19	DNAJB4
DYRK3	CENPA	SMPD3	DNAJB6
DZANK1	CENPB	SMPDL3B	DNAJC10
E2F2	CENPC	SMURF2	DNAJC16
E2F3	CENPE	SNORC	DNAJC18
E2F7	CENPF	SNRNP27	DNAJC19
EAH1	CENPH	SNRPE	DNAJC22
EBF3	CENPI	SNX22	DNAJC24
EBPL	CENPL	SNX4	DNAJC27
ECD	CENPN	SNX8	DNAJC3
ECPAS	CENPO	SNX9	DNAJC30
ECT2	CENPP	SOBP	DNAJC5
EDA	CENPS-CORT	SOGA1	DNAJC6
EDEM1	CENPU	SORL1	DNAL1
EDEM3	CENPW	SOX1	DNASE1L1
EDNRA	CEP104	SP140L	DNM3
EDNRB	CEP120	SP6	DNMT3A
EEF1AKMT2	CEP126	SP7	DNMT3B
EEF1AKMT4-ECE2	CEP128	SP8	DNTT
EEF1AKNMT	CEP135	SPAG6	DNTTIP2
EEF2	CEP162	SPATA17	DOCK10
EEFSEC	CEP164	SPATA2L	DOCK7
EFCAB1	CEP170	SPECC1	DOK3
EFCAB11	CEP350	SPEN	DOK6
EFCAB14	CEP41	SPG7	DOK7
EFCAB2	CEP44	SPIB	DONSON
EFHC2	CEP55	SPOCK2	DOT1L
EFNA1	CEP57	SPOUT1	DPEP2
EFNA2	CEP57L1	SPRY3	DPF2
EFNB2	CEP63	SPSB1	DPH2
EFR3A	CEP68	SPTBN2	DPH3
EFR3B	CEP72	SRARP	DPH6
EGF	CEP76	SRCAP	DPM1
EGFLAM	CEP78	SRD5A1	DPP10
EGFR	CEP83	SRD5A3	DPP6
EHD1	CEP85L	SREK1IP1	DPP8
EHD3	CEP89	SRF	DPPA3
EHD4	CEP97	SRFBP1	DPY19L1

<i>EHF</i>	<i>CEPT1</i>	<i>SRI</i>	<i>DPY19L3</i>
<i>EHMT1</i>	<i>CERK</i>	<i>SRMS</i>	<i>DPY19L4</i>
<i>EID1</i>	<i>CERKL</i>	<i>SRPX2</i>	<i>DPYD</i>
<i>EIF1</i>	<i>CERS2</i>	<i>SRSF3</i>	<i>DPYSL2</i>
<i>EIF1AD</i>	<i>CERS3</i>	<i>SSR3</i>	<i>DPYSL3</i>
<i>EIF1AX</i>	<i>CERS5</i>	<i>SSR4P1</i>	<i>DPYSL4</i>
<i>EIF1B</i>	<i>CERS6</i>	<i>SSTR1</i>	<i>DPYSL5</i>
<i>EIF2AK1</i>	<i>CETN3</i>	<i>SSX3</i>	<i>DR1</i>
<i>EIF2AK2</i>	<i>CFAP161</i>	<i>ST14</i>	<i>DRAM1</i>
<i>EIF2AK3</i>	<i>CFAP20</i>	<i>ST5</i>	<i>DRAXIN</i>
<i>EIF2B2</i>	<i>CFAP298</i>	<i>ST6GAL2</i>	<i>DRD1</i>
<i>EIF2S1</i>	<i>CFAP300</i>	<i>ST6GALNAC4</i>	<i>DSCAM</i>
<i>EIF2S3</i>	<i>CFAP43</i>	<i>STARD3NL</i>	<i>DSCC1</i>
<i>EIF2S3B</i>	<i>CFAP44</i>	<i>STAT5B</i>	<i>DSG2</i>
<i>EIF3B</i>	<i>CFAP45</i>	<i>STK17B</i>	<i>DSG3</i>
<i>EIF3I</i>	<i>CFAP47</i>	<i>STK24</i>	<i>DST</i>
<i>EIF3J</i>	<i>CFAP61</i>	<i>STK25</i>	<i>DSTN</i>
<i>EIF3M</i>	<i>CFAP65</i>	<i>STK35</i>	<i>DTD2</i>
<i>EIF4E</i>	<i>CFAP97</i>	<i>STMN3</i>	<i>DTL</i>
<i>EIF4E2</i>	<i>CFD</i>	<i>STMP1</i>	<i>DTNA</i>
<i>EIF4E3</i>	<i>CFH</i>	<i>STRADA</i>	<i>DTWD2</i>
<i>EIF4EBP2</i>	<i>CFHR1</i>	<i>STXBP6</i>	<i>DTX3</i>
<i>EIF5</i>	<i>CFHR3</i>	<i>SUGT1</i>	<i>DTX3L</i>
<i>EIF5A2</i>	<i>CFHR4</i>	<i>SULF1</i>	<i>DUSP1</i>
<i>EIF5B</i>	<i>CFL2</i>	<i>SULT4A1</i>	<i>DUSP18</i>
<i>EIPR1</i>	<i>CFLAR</i>	<i>SUPT16H</i>	<i>DUSP19</i>
<i>ELAVL1</i>	<i>CGGBP1</i>	<i>SUSD1</i>	<i>DUSP22</i>
<i>ELAVL2</i>	<i>CGN</i>	<i>SUV39H2</i>	<i>DUSP3</i>
<i>ELAVL3</i>	<i>CGNL1</i>	<i>SV2B</i>	<i>DUSP6</i>
<i>ELAVL4</i>	<i>CGRRF1</i>	<i>SV2C</i>	<i>DVL2</i>
<i>ELF3</i>	<i>CHAC2</i>	<i>SYMPK</i>	<i>DYNC1H1</i>
<i>ELF4</i>	<i>CHAF1B</i>	<i>SYNCRIP</i>	<i>DYNC1I1</i>
<i>ELK1</i>	<i>CHAMP1</i>	<i>SYNPO2</i>	<i>DYNC1I2</i>
<i>ELK4</i>	<i>CHCHD3</i>	<i>SYP</i>	<i>DYNC1LI2</i>
<i>ELL2</i>	<i>CHCHD4</i>	<i>SYT7</i>	<i>DYNLL2</i>
<i>ELL3</i>	<i>CHD1</i>	<i>SZRD1</i>	<i>DYRK1A</i>
<i>ELMOD2</i>	<i>CHD1L</i>	<i>TADA2B</i>	<i>DYRK2</i>
<i>ELMOD3</i>	<i>CHD2</i>	<i>TAOK1</i>	<i>DYRK3</i>
<i>ELOB</i>	<i>CHD5</i>	<i>TAPBP</i>	<i>DZANK1</i>
<i>ELOC</i>	<i>CHD6</i>	<i>TARDBP</i>	<i>E2F2</i>
<i>ELOVL6</i>	<i>CHD7</i>	<i>TASOR</i>	<i>E2F3</i>
<i>ELP2</i>	<i>CHD9</i>	<i>TBC1D16</i>	<i>E2F7</i>
<i>ELP4</i>	<i>CHDH</i>	<i>TBKBP1</i>	<i>EBF1</i>
<i>EMB</i>	<i>CHEK1</i>	<i>TBRG1</i>	<i>EBF3</i>

EMC2	CHERP	TCAF2	EBNA1BP2
EMC3	CHIC1	TCEA3	EBPL
EMC7	CHIC2	TCF19	ECD
EMC8	CHKA	TCOF1	ECHDC3
EML4	CHL1	TCP1	ECPAS
EML5	CHM	TCTEX1D1	ECT2
EML6	CHML	TECPR2	EDA
EMP1	CHMP1B	TENM1	EDEM1
EMX2	CHMP2B	TENT4A	EDEM3
EN1	CHMP3	TENT5C	EDNRA
ENAH	CHMP5	TERF2IP	EDNRB
ENC1	CHN1	TEX264	EED
ENDOD1	CHN2	TFAM	EEF1A1
ENGASE	CHODL	TFCP2L1	EEF1AKMT2
ENO1	CHORDC1	TGFBR2	EEF1AKMT4-ECE2
ENOSF1	CHPT1	THAP2	EEF1AKNMT
ENOX1	CHRA1	THAP6	EEFSEC
ENPEP	CHRD1	THRA	EFCAB1
ENPP5	CHRM2	THRAP3	EFCAB11
ENPP6	CHRM3	THY1	EFCAB14
ENSA	CHRNA3	TIFA	EFCAB2
ENTPD1	CHRNA4	TIGD6	EFHC2
ENTPD3	CHRNA5	TIGIT	EFNA1
ENTPD4	CHRNA9	TIMM10B	EFNA2
ENTPD7	CHRNE	TIMM8A	EFNB2
EOGT	CHST10	TLCD5	EFR3A
EPB41L1	CHST11	TLE3	EFR3B
EPB41L2	CHST12	TLK2	EGF
EPB41L4B	CHST14	TM9SF3	EGFLAM
EPB41L5	CHST2	TMC2	EGFR
EPC2	CHST3	TMED4	EHD3
EPHA4	CHST6	TMED7	EHD4
EPHA5	CHST7	TMEM106B	EHF
EPHA7	CHST9	TMEM11	EHMT1
EPHA8	CHSY1	TMEM120B	EID1
EPHX2	CHSY3	TMEM134	EID2
EPM2AIP1	CHUK	TMEM135	EIF1
EPN1	CHURC1	TMEM161B	EIF1AD
EPOR	CHURC1-FNTB	TMEM184A	EIF1AX
EPPIN	CIAO1	TMEM185B	EIF1B
EPS15	CIAO2A	TMEM186	EIF2AK1
EPSTI1	CIDEB	TMEM200B	EIF2AK2
ERAL1	CILP	TMEM200C	EIF2AK3
ERBB2	CIPC	TMEM231	EIF2B2

ERBB3	CIRBP	TMEM236	EIF2S3
ERBB4	CISD1	TMEM255B	EIF2S3B
ERC1	CISD2	TMEM30A	EIF3A
ERCC2	CIT	TMEM87B	EIF3H
ERCC4	CITED2	TMPRSS13	EIF3J
ERCC6	CKAP2	TMPRSS9	EIF4E
ERCC6L	CKAP4	TNFAIP2	EIF4E3
ERFE	CKS1B	TNFAIP8	EIF4EBP2
ERG	CLASP2	TNFAIP8L1	EIF4G3
ERI1	CLCA4	TNFAIP8L3	EIF5
ERICH3	CLCC1	TNFRSF13C	EIF5A2
ERLIN1	CLCN3	TOGARAM2	EIF5B
ERMAP	CLCN5	TOM1L2	EIPR1
ERMN	CLCN6	TOMM40	ELAVL1
ERMP1	CLDN1	TOR1A	ELAVL2
ERV3-1	CLDN11	TOR2A	ELAVL3
ERVMER34-1	CLDN12	TP73	ELAVL4
ESCO1	CLDN16	TPO	ELF3
ESCO2	CLDN18	TPPP	ELF4
ESF1	CLDN19	TRAF1	ELK1
ESR1	CLDN22	TRAF3	ELK4
ESRP1	CLDN23	TRAK1	ELL2
ESS2	CLDN8	TRAM2	ELL3
ESYT1	CLEC12A	TRAPPC9	ELMOD2
ESYT3	CLEC12B	TRIB1	ELMOD3
ETFBKMT	CLEC16A	TRIB2	ELOC
ETNK1	CLEC18A	TRIM2	ELOVL6
ETS1	CLEC1A	TRIM38	ELP4
ETV1	CLEC1B	TRIM41	EMB
ETV3	CLEC2D	TRIM44	EMC2
ETV5	CLEC4C	TRIM54	EMC3
EVI5	CLEC4D	TRIM7	EMC4
EVPLL	CLEC4E	TRIM71	EMC8
EVX1	CLEC5A	TRMO	EML4
EVX2	CLEC7A	TRMT10C	EML5
EXO5	CLEC9A	TSC22D1	EML6
EXOC2	CLGN	TSHZ3	EMP1
EXOC6B	CLIC1	TSPAN11	EMX2
EXOC8	CLIC2	TSPAN14	EN1
EXOSC1	CLIC4	TSPAN17	ENAH
EXOSC10	CLIC5	TSPYL2	ENC1
EXOSC2	CLIC6	TSPYL4	ENDOD1
EXOSC3	CLINT1	TSPYL5	ENGASE
EXOSC6	CLIP3	TTC1	ENOSF1

EXTL3	CLIP4	TTC22	ENOX1
EYA3	CLK4	TTC30A	ENPEP
EZH1	CLLU1OS	TTC37	ENPP5
EZR	CLMN	TTC38	ENPP6
F10	CLMP	TTC39A	ENSA
F7	CLN8	TTC39B	ENTPD1
FAAH	CLNK	TTLL7	ENTPD3
FAAP20	CLNS1A	TTYH3	ENTPD4
FABP2	CLOCK	TUBGCP3	ENTPD5
FADS1	CLPB	TULP4	ENTPD6
FAF1	CLPTM1L	TUSC3	ENTPD7
FAF2	CLPX	TXLNA	ENY2
FAHD1	CLRN1	TYW5	EOGT
FAIM2	CLSPN	UBA2	EPB41L1
FAM102A	CLSTN2	UBB	EPB41L4B
FAM102B	CLSTN3	UBE2E3	EPB41L5
FAM104B	CLTC	UBE2I	EPC2
FAM110B	CLUAP1	UBE3B	EPHA4
FAM114A1	CLUL1	UBE4A	EPHA5
FAM114A2	CLVS2	UBN2	EPHA7
FAM117B	CLYBL	UBQLN1	EPHA8
FAM118A	CMBL	UBXN10	EPHX2
FAM120A	CMC1	UBXN2B	EPM2A
FAM122A	CMKLR1	UCKL1	EPM2AIP1
FAM122C	CMPK1	UGCG	EPN1
FAM126B	CMPK2	UGGT1	EPOR
FAM131B	CMSS1	UHRF1BP1	EPS15
FAM135A	CMTM4	UHRF1BP1L	EPSTI1
FAM135B	CMTM6	UMODL1	ERAL1
FAM13A	CMTR1	UNC45B	ERBB2
FAM151B	CMTR2	UNC50	ERBB3
FAM155B	CNBP	UPK3BL1	ERBB4
FAM160B1	CNDP2	UQCC2	ERC1
FAM161A	CNEP1R1	UQCR10	ERCC4
FAM162A	CNGB1	UQCRFS1	ERCC6
FAM163A	CNGB3	URB1-AS1	ERFE
FAM167A	CNIH4	URM1	ERG
FAM168A	CNKSR2	USP1	ERI1
FAM168B	CNKSR3	USP15	ERICH3
FAM172A	CNN1	USP3	ERMAP
FAM181B	CNNM1	USP35	ERMN
FAM185A	CNNM2	USP4	ERMP1
FAM193A	CNNM3	USP51	ERV3-1
FAM199X	CNNM4	UST	ERVMER34-1

FAM204A	CNOT1	UTP4	ESCO1
FAM214A	CNOT10	VAPA	ESCO2
FAM216A	CNOT2	VAPB	ESF1
FAM217B	CNOT4	VASN	ESR1
FAM219A	CNOT6	VAX1	ESRP1
FAM219B	CNOT6L	VCP	ESS2
FAM222B	CNOT7	VENTX	ESYT1
FAM227A	CNOT8	VHL	ESYT3
FAM229B	CNOT9	VLDLR	ETFBKMT
FAM241A	CNP	VNN1	ETNK1
FAM3B	CNPPD1	VPS45	ETS1
FAM53B	CNPY1	VSIG4	ETV1
FAM53C	CNR1	VSTM5	ETV3
FAM71C	CNR2	VWA1	ETV5
FAM81A	CNST	WARS	ETV6
FAM83A	CNTD1	WBP11	EVI5
FAM83F	CNTF	WDR20	EVL
FAM83G	CNTFR	WDR4	EVPLL
FAM89A	CNTLN	WDR55	EVX1
FAM8A1	CNTN1	WFIKKN2	EXO5
FAM91A1	CNTN2	WHAMM	EXOC2
FAM98A	CNTN3	WNT2B	EXOC6B
FAN1	CNTN5	WNT4	EXOC8
FANCA	CNTN6	WNT5B	EXOSC2
FANCB	CNTNAP3	WNT7B	EXOSC3
FANCD2	CNTNAP5	WSB1	EXOSC6
FANCE	COA1	WTIP	EXTL3
FANCF	COA4	WWC3	EYS
FANCM	COA5	WWP2	EZH1
FAR2	COA7	XIRP1	F13A1
FARP1	COBL	XKR4	F2R
FASLG	COBLL1	XKR7	F2RL2
FASN	COCH	XRCC5	F7
FASTKD2	COG1	XRCC6	FAAH
FAT1	COG5	XXYLT1	FAAP20
FAT2	COG6	YBX3	FABP2
FAXDC2	COIL	YIPF5	FADS1
FBLN1	COL11A1	YIPF6	FAF1
FBLN7	COL12A1	YPEL1	FAF2
FBN1	COL14A1	YTHDC1	FAHD1
FBN2	COL1A1	YWHAE	FAHD2A
FBXL16	COL1A2	ZADH2	FAIM2
FBXL18	COL20A1	ZBED1	FAM102A
FBXL20	COL21A1	ZBTB26	FAM104A

FBXL3	COL22A1	ZBTB4	FAM104B
FBXL4	COL23A1	ZBTB43	FAM110B
FBXO21	COL25A1	ZBTB7A	FAM114A2
FBXO22	COL26A1	ZBTB7B	FAM117B
FBXO27	COL28A1	ZBTB8A	FAM118A
FBXO28	COL3A1	ZC3H10	FAM120A
FBXO3	COL4A1	ZC3HAV1	FAM120AOS
FBXO30	COL4A3	ZCCHC12	FAM120C
FBXO31	COL4A4	ZCCHC4	FAM122A
FBXO32	COL5A2	ZDHHC18	FAM122C
FBXO33	COL5A3	ZFAND2A	FAM126B
FBXO41	COL6A3	ZFAT	FAM135A
FBXO42	COL6A5	ZFP37	FAM135B
FBXO47	COL7A1	ZFX	FAM13A
FBXO8	COL8A1	ZFYVE19	FAM151B
FBXO9	COL9A1	ZNF101	FAM155B
FBXW2	COL9A2	ZNF106	FAM160B1
FBXW8	COL9A3	ZNF124	FAM161A
FCAR	COLEC10	ZNF132	FAM162A
FCF1	COLEC11	ZNF146	FAM163A
FCGR2A	COMMD10	ZNF155	FAM163B
FCGR2B	COMMD2	ZNF169	FAM167A
FCGR3A	COMMD3-BMI1	ZNF19	FAM168A
FCHO2	COMMD8	ZNF197	FAM168B
FCHSD1	COPA	ZNF215	FAM172A
FCN2	COPS2	ZNF280D	FAM177A1
FCSK	COPS3	ZNF284	FAM181B
FECH	COPS4	ZNF317	FAM185A
FEM1A	COPS7B	ZNF346	FAM193A
FEM1B	COPS8	ZNF396	FAM199X
FEM1C	COQ10A	ZNF417	FAM204A
FER	COQ10B	ZNF430	FAM214A
FERMT1	COQ7	ZNF483	FAM216A
FERMT3	CORIN	ZNF496	FAM217B
FEZ2	CORO1C	ZNF510	FAM219A
FFAR2	CORO2A	ZNF511	FAM219B
FFAR3	CORT	ZNF548	FAM222B
FGA	COTL1	ZNF554	FAM227A
FGD4	COX10	ZNF576	FAM229B
FGD6	COX11	ZNF587B	FAM234B
FGF10	COX15	ZNF607	FAM241A
FGF12	COX16	ZNF609	FAM3B
FGF14	COX18	ZNF618	FAM53B
FGF19	COX19	ZNF652	FAM76A

FGF2	COX20	ZNF701	FAM81A
FGF5	COX6B1	ZNF704	FAM83A
FGF9	COX6C	ZNF738	FAM83F
FGFR1OP	COX7A2L	ZNF75A	FAM89A
FGFR1OP2	COX7C	ZNF778	FAM8A1
FGR	COX8C	ZNF784	FAM91A1
FHL5	CPA3	ZNF792	FAM98A
FICD	CPA4	ZNF793	FAN1
FIGN	CPD	ZNF831	FANCA
FIGNL1	CPE	ZNF845	FANCB
FILIP1	CPEB4	ZNF99	FANCD2
FIZ1	CPED1	ZNRF2	FANCF
FKBP14	CPLX1	ZYG11A	FANCM
FKBP4	CPLX2	ZZEF1	FAR2
FKBP5	CPLX3		FARP1
FKBP7	CPLX4		FARSA
FKBP9	CPM		FASLG
FKTN	CPN1		FASTKD2
FLNA	CPN2		FAT2
FLRT2	CPNE8		FAXC
FLRT3	CPPED1		FAXDC2
FLT1	CPQ		FBLN1
FLYWCH2	CPS1		FBLN7
FMN1	CPSF2		FBN1
FMNL1	CPSF3		FBN2
FMR1	CPSF6		FBN3
FN1	CPT1A		FBXL15
FN3KRP	CR1		FBXL16
FNBP1	CR2		FBXL18
FNBP1L	CRB1		FBXL20
FNDC10	CRBN		FBXL3
FNDC3A	CREB1		FBXL4
FNDC3B	CREB3		FBXO22
FNDC9	CREB3L2		FBXO27
FNIP1	CREB3L4		FBXO28
FNIP2	CREB5		FBXO3
FNTA	CREBL2		FBXO30
FNTB	CREBRF		FBXO31
FOS	CREG1		FBXO32
FOSL2	CREG2		FBXO33
FOXA1	CRELD1		FBXO41
FOXF1	CREM		FBXO42
FOXJ1	CRH		FBXO45
FOXL1	CRIM1		FBXO47

<i>FOXL2NB</i>	<i>CRIP3</i>	<i>FBXO8</i>
<i>FOXN1</i>	<i>CRIPT</i>	<i>FBXO9</i>
<i>FOXN2</i>	<i>CRISP1</i>	<i>FBXW11</i>
<i>FOXO1</i>	<i>CRISP2</i>	<i>FBXW8</i>
<i>FOXO3</i>	<i>CRISP3</i>	<i>FCAR</i>
<i>FOXO4</i>	<i>CRISPLD2</i>	<i>FCF1</i>
<i>FOXP1</i>	<i>CRK</i>	<i>FCGR2A</i>
<i>FOXP2</i>	<i>CRKL</i>	<i>FCGR2B</i>
<i>FOXRED1</i>	<i>CRLF3</i>	<i>FCGR3A</i>
<i>FPGS</i>	<i>CRLS1</i>	<i>FCHO2</i>
<i>FPGT</i>	<i>CRMP1</i>	<i>FCHSD1</i>
<i>FPR3</i>	<i>CRNKL1</i>	<i>FCN2</i>
<i>FRA10AC1</i>	<i>CROT</i>	<i>FCRL3</i>
<i>FRAT1</i>	<i>CRP</i>	<i>FCSK</i>
<i>FRAT2</i>	<i>CRPPA</i>	<i>FECH</i>
<i>FREM2</i>	<i>CRTAM</i>	<i>FEM1B</i>
<i>FRK</i>	<i>CRTAP</i>	<i>FEM1C</i>
<i>FRMD4B</i>	<i>CRTC1</i>	<i>FER</i>
<i>FRMD5</i>	<i>CRTC3</i>	<i>FERMT1</i>
<i>FRMD6</i>	<i>CRX</i>	<i>FERMT3</i>
<i>FRMPD4</i>	<i>CRY1</i>	<i>FEZ1</i>
<i>FRRS1</i>	<i>CRYBG1</i>	<i>FEZ2</i>
<i>FRRS1L</i>	<i>CRYBG3</i>	<i>FFAR2</i>
<i>FRS2</i>	<i>CSAD</i>	<i>FFAR3</i>
<i>FRYL</i>	<i>CSDE1</i>	<i>FGA</i>
<i>FSCB</i>	<i>CSE1L</i>	<i>FGD4</i>
<i>FSD2</i>	<i>CSF1R</i>	<i>FGD6</i>
<i>FSHB</i>	<i>CSGALNACT1</i>	<i>FGF10</i>
<i>FSTL4</i>	<i>CSGALNACT2</i>	<i>FGF12</i>
<i>FSTL5</i>	<i>CSH2</i>	<i>FGF14</i>
<i>FTO</i>	<i>CSN1S1</i>	<i>FGF19</i>
<i>FUBP1</i>	<i>CSN2</i>	<i>FGF2</i>
<i>FUCA2</i>	<i>CSNK1A1</i>	<i>FGF5</i>
<i>FUNDC2</i>	<i>CSNK1A1L</i>	<i>FGF9</i>
<i>FUS</i>	<i>CSNK1G1</i>	<i>FGFR1OP</i>
<i>FUT1</i>	<i>CSNK1G3</i>	<i>FGFR1OP2</i>
<i>FUT10</i>	<i>CSNK2A1</i>	<i>FGL1</i>
<i>FUT11</i>	<i>CSPP1</i>	<i>FGL2</i>
<i>FUT2</i>	<i>CSRNP1</i>	<i>FGR</i>
<i>FUT4</i>	<i>CSRNP2</i>	<i>FHL5</i>
<i>FUT8</i>	<i>CSRNP3</i>	<i>FIBIN</i>
<i>FUT9</i>	<i>CST3</i>	<i>FICD</i>
<i>FXN</i>	<i>CSTB</i>	<i>FIGN</i>
<i>FXR1</i>	<i>CSTF1</i>	<i>FIGNL1</i>

<i>FXYD5</i>	<i>CSTF2</i>	<i>FILIP1</i>
<i>FYTTD1</i>	<i>CSTF2T</i>	<i>FIZ1</i>
<i>FZD1</i>	<i>CSTF3</i>	<i>FKBP14</i>
<i>FZD3</i>	<i>CT45A5</i>	<i>FKBP5</i>
<i>FZD4</i>	<i>CT83</i>	<i>FKBP7</i>
<i>FZD5</i>	<i>CTAGE1</i>	<i>FKBP9</i>
<i>FZD8</i>	<i>CTAGE8</i>	<i>FKTN</i>
<i>FZR1</i>	<i>CTAGE9</i>	<i>FLI1</i>
<i>G2E3</i>	<i>CTBP2</i>	<i>FLNA</i>
<i>G3BP1</i>	<i>CTBS</i>	<i>FLRT1</i>
<i>G3BP2</i>	<i>CTC1</i>	<i>FLRT2</i>
<i>G6PC</i>	<i>CTCF</i>	<i>FLRT3</i>
<i>GAB1</i>	<i>CTCFL</i>	<i>FLT1</i>
<i>GAB2</i>	<i>CTDP1</i>	<i>FLYWCH2</i>
<i>GAB3</i>	<i>CTDSPL</i>	<i>FMN1</i>
<i>GABBR2</i>	<i>CTDSPL2</i>	<i>FMNL1</i>
<i>GABPA</i>	<i>CTH</i>	<i>FMR1</i>
<i>GABRA1</i>	<i>CTHRC1</i>	<i>FN1</i>
<i>GABRA3</i>	<i>CTLA4</i>	<i>FN3KRP</i>
<i>GABRB1</i>	<i>CTNNA2</i>	<i>FNBP1</i>
<i>GABRB3</i>	<i>CTNNA3</i>	<i>FNBP1L</i>
<i>GABRG1</i>	<i>CTNNB1</i>	<i>FNBP4</i>
<i>GABRG3</i>	<i>CTNNBIP1</i>	<i>FNDC10</i>
<i>GABRR1</i>	<i>CTNNBL1</i>	<i>FNDC3A</i>
<i>GABRR2</i>	<i>CTNND2</i>	<i>FNDC3B</i>
<i>GAD2</i>	<i>CTNS</i>	<i>FNDC9</i>
<i>GAGE1</i>	<i>CTPS2</i>	<i>FNIP1</i>
<i>GALC</i>	<i>CTSB</i>	<i>FNIP2</i>
<i>GALNS</i>	<i>CTSC</i>	<i>FNTA</i>
<i>GALNT10</i>	<i>CTSH</i>	<i>FNTB</i>
<i>GALNT15</i>	<i>CTSL</i>	<i>FOS</i>
<i>GALNT17</i>	<i>CTSO</i>	<i>FOSL2</i>
<i>GALNT18</i>	<i>CTSS</i>	<i>FOXA1</i>
<i>GALNT2</i>	<i>CTSV</i>	<i>FOXA2</i>
<i>GALNT3</i>	<i>CTTN</i>	<i>FOXF1</i>
<i>GALNT7</i>	<i>CTTNBP2</i>	<i>FOXJ1</i>
<i>GALR1</i>	<i>CTTNBP2NL</i>	<i>FOXL1</i>
<i>GANAB</i>	<i>CTU1</i>	<i>FOXL2NB</i>
<i>GAPVD1</i>	<i>CTXN2</i>	<i>FOXN1</i>
<i>GAR1</i>	<i>CTXN3</i>	<i>FOXN2</i>
<i>GAS1</i>	<i>CUBN</i>	<i>FOXO1</i>
<i>GAS2</i>	<i>CUEDC2</i>	<i>FOXO3</i>
<i>GAS2L3</i>	<i>CUL1</i>	<i>FOXO4</i>
<i>GAS5</i>	<i>CUL3</i>	<i>FOXP1</i>

<i>GAS7</i>	<i>CUL5</i>	<i>FOXP2</i>
<i>GAS8</i>	<i>CUX1</i>	<i>FOXRED1</i>
<i>GASK1B</i>	<i>CWC22</i>	<i>FOXRED2</i>
<i>GATA1</i>	<i>CWF19L2</i>	<i>FPGT</i>
<i>GATA4</i>	<i>CX3CR1</i>	<i>FPR1</i>
<i>GATA5</i>	<i>CXADR</i>	<i>FPR3</i>
<i>GATA6</i>	<i>CXCL1</i>	<i>FRA10AC1</i>
<i>GATAD1</i>	<i>CXCL11</i>	<i>FRAT1</i>
<i>GATAD2A</i>	<i>CXCL12</i>	<i>FRAT2</i>
<i>GATD3A</i>	<i>CXCL13</i>	<i>FREM2</i>
<i>GBA</i>	<i>CXCL14</i>	<i>FRG2</i>
<i>GBE1</i>	<i>CXCL2</i>	<i>FRG2C</i>
<i>GBGT1</i>	<i>CXCL3</i>	<i>FRK</i>
<i>GBP2</i>	<i>CXCL5</i>	<i>FRMD3</i>
<i>GBP4</i>	<i>CXCL8</i>	<i>FRMD4B</i>
<i>GBX2</i>	<i>CXCL9</i>	<i>FRMD6</i>
<i>GCC1</i>	<i>CXCR2</i>	<i>FRMPD4</i>
<i>GCG</i>	<i>CXCR4</i>	<i>FRRS1</i>
<i>GCLC</i>	<i>CXorf21</i>	<i>FRRS1L</i>
<i>GCLM</i>	<i>CXorf38</i>	<i>FRS2</i>
<i>GCN1</i>	<i>CXorf56</i>	<i>FRYL</i>
<i>GCNT1</i>	<i>CXXC4</i>	<i>FSCB</i>
<i>GCNT2</i>	<i>CXXC5</i>	<i>FSCN1</i>
<i>GCSAML</i>	<i>CYB561A3</i>	<i>FSD2</i>
<i>GDA</i>	<i>CYB561D1</i>	<i>FSHB</i>
<i>GDAP1</i>	<i>CYB5D2</i>	<i>FSTL4</i>
<i>GDAP2</i>	<i>CYB5R2</i>	<i>FSTL5</i>
<i>GDF9</i>	<i>CYB5R4</i>	<i>FTO</i>
<i>GDI1</i>	<i>CYBB</i>	<i>FUBP1</i>
<i>GDI2</i>	<i>CYBRD1</i>	<i>FUCA2</i>
<i>GDNF</i>	<i>CYCS</i>	<i>FUNDC2</i>
<i>GDPD1</i>	<i>CYP11B1</i>	<i>FUS</i>
<i>GDPGP1</i>	<i>CYP19A1</i>	<i>FUT1</i>
<i>GEM</i>	<i>CYP1A1</i>	<i>FUT10</i>
<i>GEMIN2</i>	<i>CYP1A2</i>	<i>FUT11</i>
<i>GEMIN6</i>	<i>CYP20A1</i>	<i>FUT2</i>
<i>GFAP</i>	<i>CYP24A1</i>	<i>FUT4</i>
<i>GFER</i>	<i>CYP27B1</i>	<i>FUT8</i>
<i>GFM1</i>	<i>CYP27C1</i>	<i>FUT9</i>
<i>GFOD1</i>	<i>CYP2A7</i>	<i>FXN</i>
<i>GFPT1</i>	<i>CYP2C19</i>	<i>FXR1</i>
<i>GFPT2</i>	<i>CYP2C8</i>	<i>FXYP5</i>
<i>GFRA1</i>	<i>CYP39A1</i>	<i>FYTTD1</i>
<i>GFRA2</i>	<i>CYP3A5</i>	<i>FZD1</i>

GFRA4	CYP3A7	FZD3
GGA1	CYP4V2	FZD4
GGA2	CYP4X1	FZD5
GGCT	CYP51A1	FZD8
GGCX	CYP7A1	FZR1
GHITM	CYP7B1	G2E3
GHR	CYP8B1	G3BP1
GHRH	CYSLTR1	G3BP2
GID4	CYSLTR2	G6PC
GID8	CYTIP	GAB1
GIGYF1	DAAM1	GAB2
GIMAP4	DACH2	GAB3
GINM1	DACT2	GABBR1
GINS2	DACT3	GABBR2
GIPC2	DAP	GABPA
GIT1	DAPP1	GABRA1
GJA1	DARS	GABRA3
GJB2	DAW1	GABRA4
GJB6	DAZ1	GABRB1
GJC1	DAZ3	GABRG1
GJC3	DAZ4	GABRG3
GK	DAZAP2	GABRR1
GK5	DAZL	GABRR2
GLA	DBF4	GAD2
GLDN	DBF4B	GAGE1
GLG1	DBH	GALC
GLI2	DBNL	GALNS
GLI3	DBR1	GALNT10
GLIPR1L2	DBT	GALNT15
GLIS3	DBX2	GALNT17
GLMN	DCAF10	GALNT18
GLO1	DCAF11	GALNT2
GLOD4	DCAF12L1	GALNT3
GLP2R	DCAF13	GALNT6
GLRA2	DCAF16	GALNT7
GLRX2	DCAF17	GALR1
GLRX5	DCAF4L1	GAPVD1
GLS	DCAF5	GAR1
GLT8D2	DCAF8L1	GAS1
GLUD2	DCAKD	GAS2
GLUL	DCBLD1	GAS8
GLYAT	DCBLD2	GASK1B
GLYCTK	DCC	GATA1
GM2A	DCDC1	GATA4

GMD5	DCHS2	GATA5
GMEB1	DCK	GATA6
GMFB	DCLK1	GATAD1
GMNC	DCLK2	GATAD2A
GMNN	DCLK3	GATAD2B
GMPR	DCN	GATC
GNA13	DGP2	GATD3A
GNAI2	DCPS	GBA
GNAI3	DCT	GBE1
GNAL	DCTN3	GBGT1
GNAO1	DCTN4	GBP1
GNAQ	DCTN5	GBP2
GNAT1	DCTN6	GBP4
GNB1	DCUN1D1	GBP6
GNB3	DCUN1D3	GBX2
GNB4	DCUN1D4	GCC1
GNB5	DCUN1D5	GCG
GNG11	DDB2	GCLC
GNG12	DDHD1	GCLM
GNG2	DDI1	GCN1
GNG7	DDI2	GCNT1
GNL1	DDIT4L	GCNT2
GNL3L	DDN	GCSAML
GNPAT	DDO	GDA
GOLGA1	DDR1	GDAP1
GOLGA3	DDR2	GDAP2
GOLGA4	DDX17	GDF9
GOLGA7	DDX18	GDI2
GOLGA7B	DDX19A	GDPD1
GOLGA8H	DDX19B	GDPGP1
GOLGA8K	DDX20	GEM
GOLGA8M	DDX21	GEMIN2
GOLGA8O	DDX3Y	GEMIN6
GOLGA8R	DDX4	GFAP
GOLM1	DDX46	GFER
GOLPH3L	DDX5	GFM1
GOLT1B	DDX50	GFOD1
GON4L	DDX55	GFPT1
GON7	DDX60L	GFPT2
GOPC	DECR1	GFRA1
GORASP1	DEDD2	GFRA2
GOSR1	DEF8	GFRA4
GP5	DEFB107A	GGA1
GPAM	DEFB107B	GGA2

GPATCH2	DEFB119	GGCT
GPATCH2L	DEFB125	GGCX
GPATCH8	DEGS1	GHITM
GPBP1	DELE1	GHR
GPC6	DENND1A	GHRH
GPCPD1	DENND1B	GHSR
GPD1	DENND2C	GID4
GPD2	DENND2D	GID8
GPFR1	DENND4B	GIGYF1
GPI	DENND5B	GIMAP4
GPKOW	DENND6A	GINM1
GPM6A	DENR	GINS2
GPM6B	DEPDC1	GIPC2
GPN2	DEPDC1B	GIT1
GPNMB	DEPTOR	GJA1
GPR107	DERA	GJA3
GPR12	DERL1	GJB2
GPR135	DERL2	GJB4
GPR137B	DESI2	GJB6
GPR143	DET1	GJC1
GPR15	DEXI	GJC3
GPR151	DFFA	GK
GPR160	DFFB	GK5
GPR17	DGAT2	GLA
GPR173	DGCR2	GLDN
GPR176	DGKB	GLG1
GPR180	DGKE	GLI2
GPR22	DGKH	GLI3
GPR25	DGKI	GLIPR1
GPR26	DGKQ	GLIPR1L2
GPR27	DGKZ	GLIS3
GPR34	DGLUCY	GLMN
GPR37	DHCR24	GLOD4
GPR39	DHDDS	GLP2R
GPR42	DHFR	GLRA2
GPR63	DHFR2	GLRX2
GPR68	DHODH	GLRX5
GPR85	DHRS12	GLS
GPRACR	DHRS2	GLT8D2
GPRC5A	DHRSX	GLUD2
GPRC5B	DHTKD1	GLUL
GPRIN2	DHX15	GLYAT
GPRIN3	DHX29	GLYCTK
GPSM2	DHX30	GLYR1

GPT2	DHX33	GM2A
GPX6	DHX35	GMDS
GRAMD4	DHX36	GMEB1
GRAP2	DHX37	GMFB
GRB10	DHX40	GMNC
GREB1	DIABLO	GMNN
GREM2	DIAPH2	GMPR
GRHL1	DICER1	GMPS
GRHPR	DIDO1	GNA13
GRIA2	DIMT1	GNA14
GRIA4	DIO1	GNAI2
GRID1	DIO2	GNAI3
GRIK3	DIO3	GNAL
GRIN2A	DIP2B	GNAO1
GRIN2B	DIP2C	GNAQ
GRIN3A	DIPK2A	GNAS
GRK3	DIPK2B	GNAT1
GRK5	DIRAS2	GNB1
GRM1	DIRAS3	GNB1L
GRM2	DIS3	GNB3
GRM4	DIS3L2	GNB4
GRPEL1	DISC1	GNB5
GRSF1	DIXDC1	GNG11
GSDMD	DKC1	GNG12
GSE1	DKK1	GNG2
GSK3B	DKK2	GNG7
GSPT1	DKK3	GNGT2
GSTK1	DLC1	GNL1
GSTM2	DLD	GNL3L
GSTO2	DLEU7	GNPAT
GTDC1	DLG1	GNPNAT1
GTF2A1	DLG2	GOLGA1
GTF2A2	DLG3	GOLGA3
GTF2B	DLG5	GOLGA4
GTF2E1	DLGAP1	GOLGA7
GTF2H2C	DLGAP3	GOLGA7B
GTF2H5	DLK1	GOLGA8B
GTF3C4	DLL4	GOLGA8H
GTF3C5	DLX2	GOLGA8K
GTF3C6	DLX5	GOLGA8M
GTPBP1	DMAC1	GOLGA8O
GTPBP10	DMAC2L	GOLGA8R
GTPBP8	DMC1	GOLM1
GUCY1A2	DMD	GOLPH3L

GUF1	DMGDH	GON4L
GVQW3	DMKN	GON7
GXYLT1	DMP1	GOPC
GXYLT2	DMRT2	GORASP1
GYPE	DMRTA1	GOSR1
GYS2	DMRTB1	GPAM
GZF1	DMXL1	GPATCH2
H1F0	DMXL2	GPATCH2L
H1FX	DNAAF1	GPATCH4
H2AFV	DNAAF2	GPATCH8
H3F3B	DNAAF5	GPBP1
HAAO	DNAH12	GPC6
HABP2	DNAH14	GPCPD1
HACD3	DNAH3	GPD1
HACD4	DNAH5	GPD2
HAP1	DNAH8	GPFR1
HARS	DNAJA2	GPI
HAS2	DNAJA3	GPKOW
HAS3	DNAJB12	GPM6A
HAUS3	DNAJB13	GPM6B
HAUS8	DNAJB14	GPNMB
HAVCR2	DNAJB4	GPR107
HBEGF	DNAJB5	GPR12
HBS1L	DNAJB6	GPR132
HCAR1	DNAJB7	GPR135
HCFC1	DNAJB9	GPR137B
HCFC2	DNAJC10	GPR143
HCN1	DNAJC12	GPR15
HCN3	DNAJC15	GPR151
HCN4	DNAJC16	GPR160
HDAC11	DNAJC18	GPR161
HDAC4	DNAJC19	GPR17
HDAC6	DNAJC21	GPR173
HDAC8	DNAJC22	GPR174
HDAC9	DNAJC24	GPR176
HDGF	DNAJC25	GPR180
HDGFL1	DNAJC25-GNG10	GPR22
HDHD2	DNAJC27	GPR25
HDLBP	DNAJC28	GPR26
HDX	DNAJC3	GPR27
HEBP2	DNAL1	GPR34
HECTD2	DNALI1	GPR37
HECW1	DNHD1	GPR37L1
HEG1	DNM1L	GPR42

HELZ	DNM3	GPR63
HEMK1	DNMT3A	GPR65
HEPACAM	DNMT3B	GPR68
HERC2	DNTTIP2	GPR78
HERC4	DOCK1	GPR85
HES1	DOCK10	GPRACR
HES4	DOCK3	GPRC5A
HES6	DOCK4	GPRC5B
HES7	DOCK5	GPRIN2
HEXIM1	DOCK7	GPRIN3
HEYL	DOCK8	GPSM2
HHAT	DOCK9	GPT2
HHIP	DOK3	GPX3
HHIPL1	DOK6	GPX6
HIBCH	DONSON	GRAMD1B
HIF1A	DOP1A	GRAMD4
HIF1AN	DOP1B	GRAP2
HIGD1A	DOT1L	GRAPL
HIKESHI	DPF2	GRB10
HILPDA	DPH3	GREB1
HIP1	DPH5	GREM2
HIPK1	DPH6	GRHL1
HIPK2	DPH7	GRHL3
HIPK3	DPM1	GRHPR
HIST1H1C	DPP10	GRIA2
HIST1H2AG	DPP4	GRIA4
HIST1H2BD	DPP6	GRID1
HIST1H3H	DPP8	GRID2
HIST2H4B	DPPA3	GRIK3
HK2	DPPA4	GRIN2A
HLA-DPB1	DPY19L1	GRIN2B
HLTF	DPY19L2	GRIN3A
HMBOX1	DPY19L3	GRK3
HMG20A	DPY19L4	GRK5
HMGA1	DPYD	GRM1
HMGB2	DPYSL2	GRM2
HMGB3	DPYSL5	GRM4
HMGCLL1	DR1	GRPEL1
HMGCR	DRAM1	GRSF1
HMGN4	DRAXIN	GSDMD
HMGXB4	DRC3	GSE1
HNF1A	DRD1	GSG1
HNF4A	DRG1	GSK3B
HNF4G	DRICH1	GSPT1

<i>HNMT</i>	<i>DSC1</i>	<i>GSR</i>
<i>HNRNPA0</i>	<i>DSC2</i>	<i>GSTK1</i>
<i>HNRNPA3</i>	<i>DSC3</i>	<i>GSTM2</i>
<i>HNRNPD</i>	<i>DSCC1</i>	<i>GSTO2</i>
<i>HNRNPH1</i>	<i>DSE</i>	<i>GTDC1</i>
<i>HNRNPH3</i>	<i>DSEL</i>	<i>GTF2A1</i>
<i>HNRNPR</i>	<i>DSG2</i>	<i>GTF2A2</i>
<i>HNRNPU</i>	<i>DSG3</i>	<i>GTF2B</i>
<i>HOGA1</i>	<i>DSG4</i>	<i>GTF2E1</i>
<i>HOMER1</i>	<i>DSN1</i>	<i>GTF2F1</i>
<i>HOMEZ</i>	<i>DST</i>	<i>GTF2F2</i>
<i>HOOK1</i>	<i>DSTN</i>	<i>GTF2H2C</i>
<i>HOOK3</i>	<i>DTD2</i>	<i>GTF2H5</i>
<i>HOXA13</i>	<i>DTHD1</i>	<i>GTF3C4</i>
<i>HOXA7</i>	<i>DTL</i>	<i>GTF3C6</i>
<i>HOXA9</i>	<i>DTNA</i>	<i>GTPBP1</i>
<i>HOXB13</i>	<i>DTNBP1</i>	<i>GTPBP10</i>
<i>HOXB5</i>	<i>DTWD1</i>	<i>GTPBP8</i>
<i>HOXB7</i>	<i>DTWD2</i>	<i>GUCY1A2</i>
<i>HOXB9</i>	<i>DTX3L</i>	<i>GUF1</i>
<i>HOXC10</i>	<i>DTX4</i>	<i>GVQW3</i>
<i>HOXC13</i>	<i>DUOX1</i>	<i>GXYLT1</i>
<i>HOXC5</i>	<i>DUOXA1</i>	<i>GXYLT2</i>
<i>HOXD1</i>	<i>DUS1L</i>	<i>GYPE</i>
<i>HOXD10</i>	<i>DUS4L</i>	<i>GZF1</i>
<i>HOXD12</i>	<i>DUSP1</i>	<i>H1F0</i>
<i>HOXD4</i>	<i>DUSP12</i>	<i>H1FX</i>
<i>HOXD8</i>	<i>DUSP16</i>	<i>H2AFV</i>
<i>HOXD9</i>	<i>DUSP18</i>	<i>H2AFY</i>
<i>HP1BP3</i>	<i>DUSP19</i>	<i>H3F3B</i>
<i>HPCAL4</i>	<i>DUSP2</i>	<i>HAAO</i>
<i>HPGD</i>	<i>DUSP28</i>	<i>HABP2</i>
<i>HPSE</i>	<i>DUSP4</i>	<i>HACD2</i>
<i>HPX</i>	<i>DUSP5</i>	<i>HACD3</i>
<i>HRH1</i>	<i>DUSP6</i>	<i>HACD4</i>
<i>HRK</i>	<i>DUSP7</i>	<i>HAP1</i>
<i>HRNR</i>	<i>DUT</i>	<i>HAPLN1</i>
<i>HS1BP3</i>	<i>DUXA</i>	<i>HARS</i>
<i>HS2ST1</i>	<i>DVL3</i>	<i>HAS2</i>
<i>HS3ST1</i>	<i>DYDC1</i>	<i>HAS3</i>
<i>HS3ST3B1</i>	<i>DYNC1I1</i>	<i>HAUS3</i>
<i>HS3ST5</i>	<i>DYNC1I2</i>	<i>HAUS8</i>
<i>HS6ST1</i>	<i>DYNLL1</i>	<i>HAVCR1</i>
<i>HS6ST2</i>	<i>DYNLL2</i>	<i>HBEGF</i>

<i>HS6ST3</i>	<i>DYNLT1</i>	<i>HBS1L</i>
<i>HSD17B12</i>	<i>DYNLT3</i>	<i>HCAR1</i>
<i>HSD17B13</i>	<i>DYRK1A</i>	<i>HCFC2</i>
<i>HSF5</i>	<i>DYRK2</i>	<i>HCN1</i>
<i>HSP90AA1</i>	<i>DYRK3</i>	<i>HCN3</i>
<i>HSPA13</i>	<i>DYSF</i>	<i>HCN4</i>
<i>HSPA14</i>	<i>DZIP1L</i>	<i>HDAC11</i>
<i>HSPB3</i>	<i>DZIP3</i>	<i>HDAC4</i>
<i>HSPBAP1</i>	<i>E2F1</i>	<i>HDAC6</i>
<i>HSPE1-MOB4</i>	<i>E2F2</i>	<i>HDAC8</i>
<i>HTR7</i>	<i>E2F3</i>	<i>HDGF</i>
<i>HTT</i>	<i>E2F5</i>	<i>HDGFL1</i>
<i>HUNK</i>	<i>E2F7</i>	<i>HDHD2</i>
<i>HUS1</i>	<i>EBF2</i>	<i>HDLBP</i>
<i>HYPK</i>	<i>EBAG9</i>	<i>HDX</i>
<i>IARS</i>	<i>EBF1</i>	<i>HEATR1</i>
<i>IBA57</i>	<i>EBF2</i>	<i>HEBP2</i>
<i>IBSP</i>	<i>EBF3</i>	<i>HECTD1</i>
<i>ICAM1</i>	<i>EBF4</i>	<i>HECTD2</i>
<i>ICE2</i>	<i>EBNA1BP2</i>	<i>HECW1</i>
<i>ICK</i>	<i>EBPL</i>	<i>HECW2</i>
<i>ICMT</i>	<i>ECD</i>	<i>HEG1</i>
<i>IER3IP1</i>	<i>ECE1</i>	<i>HEMK1</i>
<i>IFI44L</i>	<i>ECHDC2</i>	<i>HEPACAM</i>
<i>IFIT1</i>	<i>ECHDC3</i>	<i>HERC2</i>
<i>IFIT1B</i>	<i>ECI2</i>	<i>HERC4</i>
<i>IFIT2</i>	<i>ECM2</i>	<i>HES4</i>
<i>IFIT5</i>	<i>ECPAS</i>	<i>HES6</i>
<i>IFNAR2</i>	<i>ECRG4</i>	<i>HES7</i>
<i>IFNE</i>	<i>ECT2</i>	<i>HEXIM1</i>
<i>IFNGR1</i>	<i>EDA</i>	<i>HEYL</i>
<i>IFNLR1</i>	<i>EDA2R</i>	<i>HGFAC</i>
<i>IFRD1</i>	<i>EDC3</i>	<i>HGH1</i>
<i>IFT20</i>	<i>EDEM1</i>	<i>HHAT</i>
<i>IFT22</i>	<i>EDEM3</i>	<i>HHIP</i>
<i>IFT81</i>	<i>EDF1</i>	<i>HHIPL1</i>
<i>IGDCC3</i>	<i>EDIL3</i>	<i>HIBCH</i>
<i>IGDCC4</i>	<i>EDN1</i>	<i>HIC2</i>
<i>IGF1</i>	<i>EDN3</i>	<i>HIF1A</i>
<i>IGF2BP1</i>	<i>EDNRA</i>	<i>HIF1AN</i>
<i>IGF2BP2</i>	<i>EDNRB</i>	<i>HIGD1A</i>
<i>IGFBP4</i>	<i>EDRF1</i>	<i>HIKESHI</i>
<i>IGFBPL1</i>	<i>EEA1</i>	<i>HINT3</i>
<i>IGHMBP2</i>	<i>EEF1AKMT2</i>	<i>HIP1</i>

IGLON5	EEF1D	HIPK1
IGSF11	EEF1E1	HIPK2
IGSF3	EEF2K	HIPK3
IKZF1	EEF2KMT	HIST1H1C
IKZF4	EEPD1	HIST1H2AC
IKZF5	EFCAB1	HIST1H2AE
IL12RB1	EFCAB10	HIST1H2AG
IL12RB2	EFCAB11	HIST1H2BD
IL13	EFCAB12	HIST1H3D
IL13RA1	EFCAB14	HIST1H3H
IL17D	EFCAB2	HIST2H2AC
IL17RB	EFCAB7	HIST2H3D
IL17REL	EFEMP1	HIVEP1
IL18BP	EFHC1	HK2
IL1RAP	EFHC2	HLA-DOA
IL1RAPL1	EFNA2	HLA-DPB1
IL1RL1	EFNA4	HLTF
IL2RG	EFNA5	HLX
IL36RN	EFR3A	HMBOX1
IL5RA	EFR3B	HMG20A
IL6R	EGF	HMGB2
ILDR2	EGFR	HMGB3
ILK	EGLN1	HMGCLL1
IMMP2L	EGLN3	HMGCR
IMPA2	EGR1	HMGCS2
IMPACT	EGR2	HMGN4
IMPAD1	EGR3	HMGXB4
IMPG2	EHD1	HMOX1
INA	EHD3	HNF1A
INAVA	EHF	HNF4A
INCENP	EHHADH	HNF4G
ING2	EHMT1	HNMT
ING3	EI24	HNRNPA0
INIP	EID2	HNRNPA3
INKA2	EID2B	HNRNPD
INMT	EIF1AX	HNRNPH3
INO80D	EIF1AY	HNRNPR
INPP4A	EIF2A	HNRNPU
INPP4B	EIF2AK1	HNRNPUL2
INPP5A	EIF2AK2	HOGA1
INSC	EIF2B1	HOMER1
INSIG1	EIF2B2	HOMER1
INSIG2	EIF2B3	HOMER1
INSM1	EIF2S1	HOOK1
		HOOK3

<i>INSYN2B</i>	<i>EIF2S3</i>	<i>HOXA10</i>
<i>INTS2</i>	<i>EIF2S3B</i>	<i>HOXA13</i>
<i>INTU</i>	<i>EIF3A</i>	<i>HOXA7</i>
<i>IP6K1</i>	<i>EIF3H</i>	<i>HOXA9</i>
<i>IPMK</i>	<i>EIF3J</i>	<i>HOXB13</i>
<i>IPO11-LRRC70</i>	<i>EIF3M</i>	<i>HOXB2</i>
<i>IPO13</i>	<i>EIF4A1</i>	<i>HOXB5</i>
<i>IPO5</i>	<i>EIF4A3</i>	<i>HOXB7</i>
<i>IPO7</i>	<i>EIF4E</i>	<i>HOXB9</i>
<i>IPO9</i>	<i>EIF4E2</i>	<i>HOXC10</i>
<i>IPP</i>	<i>EIF4E3</i>	<i>HOXC5</i>
<i>IQCC</i>	<i>EIF4EBP1</i>	<i>HOXC8</i>
<i>IQCH</i>	<i>EIF4EBP2</i>	<i>HOXD1</i>
<i>IQCJ</i>	<i>EIF5</i>	<i>HOXD10</i>
<i>IQGAP1</i>	<i>EIF5A2</i>	<i>HOXD12</i>
<i>IQGAP2</i>	<i>EIF5AL1</i>	<i>HOXD13</i>
<i>IQSEC3</i>	<i>EIF5B</i>	<i>HOXD4</i>
<i>IRAK1</i>	<i>ELAC1</i>	<i>HOXD8</i>
<i>IRF2</i>	<i>ELAC2</i>	<i>HP1BP3</i>
<i>IRF2BP2</i>	<i>ELAVL1</i>	<i>HPCAL4</i>
<i>IRF4</i>	<i>ELAVL4</i>	<i>HPGD</i>
<i>IRF6</i>	<i>ELF2</i>	<i>HPS5</i>
<i>IRGQ</i>	<i>ELF4</i>	<i>HPSE</i>
<i>IRS1</i>	<i>ELK1</i>	<i>HPSE2</i>
<i>IRS4</i>	<i>ELK3</i>	<i>HPX</i>
<i>IRX5</i>	<i>ELK4</i>	<i>HRH1</i>
<i>ISCA1</i>	<i>ELL</i>	<i>HRK</i>
<i>ISG20L2</i>	<i>ELL2</i>	<i>HRNR</i>
<i>ISL1</i>	<i>ELMO2</i>	<i>HS1BP3</i>
<i>ISM2</i>	<i>ELMOD1</i>	<i>HS2ST1</i>
<i>IST1</i>	<i>ELMOD2</i>	<i>HS3ST1</i>
<i>ISY1</i>	<i>ELOC</i>	<i>HS3ST3B1</i>
<i>ISY1-RAB43</i>	<i>ELOVL2</i>	<i>HS3ST5</i>
<i>ITGA1</i>	<i>ELOVL3</i>	<i>HS6ST1</i>
<i>ITGA10</i>	<i>ELOVL4</i>	<i>HS6ST2</i>
<i>ITGA11</i>	<i>ELOVL5</i>	<i>HS6ST3</i>
<i>ITGA2</i>	<i>ELOVL6</i>	<i>HSD17B12</i>
<i>ITGA3</i>	<i>ELOVL7</i>	<i>HSD17B13</i>
<i>ITGA9</i>	<i>ELP1</i>	<i>HSF5</i>
<i>ITGB1BP1</i>	<i>ELP2</i>	<i>HSP90AA1</i>
<i>ITGB3</i>	<i>ELP3</i>	<i>HSPA13</i>
<i>ITGB3BP</i>	<i>ELP4</i>	<i>HSPA14</i>
<i>ITGB8</i>	<i>ELP6</i>	<i>HSPA1B</i>
<i>ITPA</i>	<i>EMB</i>	<i>HSPB3</i>

<i>ITPKB</i>	<i>EMC1</i>	<i>HSPE1-MOB4</i>
<i>ITPR1</i>	<i>EMC2</i>	<i>HSPH1</i>
<i>ITPR2</i>	<i>EMC7</i>	<i>HTR5A</i>
<i>ITPRIPL2</i>	<i>EMCN</i>	<i>HTR5A-AS1</i>
<i>ITSN1</i>	<i>EML1</i>	<i>HTR6</i>
<i>IWS1</i>	<i>EML4</i>	<i>HTR7</i>
<i>IYD</i>	<i>EML5</i>	<i>HTT</i>
<i>JADE2</i>	<i>EML6</i>	<i>HUNK</i>
<i>JAK3</i>	<i>EMP1</i>	<i>HUS1</i>
<i>JAKMIP2</i>	<i>EMP2</i>	<i>IBA57</i>
<i>JAKMIP3</i>	<i>EN1</i>	<i>IBSP</i>
<i>JAM2</i>	<i>EN2</i>	<i>ICA1L</i>
<i>JAM3</i>	<i>ENAH</i>	<i>ICAM1</i>
<i>JCAD</i>	<i>ENAM</i>	<i>ICE2</i>
<i>JHY</i>	<i>ENC1</i>	<i>ICK</i>
<i>JMY</i>	<i>ENDOD1</i>	<i>ICMT</i>
<i>JPH2</i>	<i>ENDOV</i>	<i>IDE</i>
<i>JPH3</i>	<i>ENGASE</i>	<i>IDS</i>
<i>JPT2</i>	<i>ENKUR</i>	<i>IER3IP1</i>
<i>JTB</i>	<i>ENOPH1</i>	<i>IFI44L</i>
<i>KANSL1</i>	<i>ENOSF1</i>	<i>IFIT1</i>
<i>KARS</i>	<i>ENOX2</i>	<i>IFIT1B</i>
<i>KAT14</i>	<i>ENPEP</i>	<i>IFIT2</i>
<i>KAT6B</i>	<i>ENPP4</i>	<i>IFIT5</i>
<i>KATNBL1</i>	<i>ENPP5</i>	<i>IFNAR2</i>
<i>KAZALD1</i>	<i>ENPP6</i>	<i>IFNE</i>
<i>KAZN</i>	<i>ENSA</i>	<i>IFNGR1</i>
<i>KBTD11</i>	<i>ENTHD1</i>	<i>IFNLRL1</i>
<i>KBTD12</i>	<i>ENTPD1</i>	<i>IFRD1</i>
<i>KBTD13</i>	<i>ENTPD3</i>	<i>IFT20</i>
<i>KBTD3</i>	<i>ENTPD4</i>	<i>IFT22</i>
<i>KBTD6</i>	<i>ENTPD5</i>	<i>IFT74</i>
<i>KBTD7</i>	<i>ENTPD7</i>	<i>IGDCC3</i>
<i>KCMF1</i>	<i>ENTR1</i>	<i>IGDCC4</i>
<i>KCNA1</i>	<i>ENY2</i>	<i>IGF1</i>
<i>KCNA5</i>	<i>EOGT</i>	<i>IGF2BP1</i>
<i>KCNA6</i>	<i>EOMES</i>	<i>IGF2BP2</i>
<i>KCNA7</i>	<i>EPAS1</i>	<i>IGFBP4</i>
<i>KCNB1</i>	<i>EPB41L1</i>	<i>IGFBP5</i>
<i>KCNC1</i>	<i>EPB41L2</i>	<i>IGFBPL1</i>
<i>KCNC2</i>	<i>EPB41L3</i>	<i>IGHMBP2</i>
<i>KCND3</i>	<i>EPB41L4B</i>	<i>IGLON5</i>
<i>KCNE1</i>	<i>EPB41L5</i>	<i>IGSF11</i>
<i>KCNE3</i>	<i>EPC2</i>	<i>IGSF3</i>

KCNF1	EPGN	IKBIP
KCNG3	EPHA10	IKZF1
KCNG4	EPHA3	IKZF4
KCNH1	EPHA4	IKZF5
KCNH8	EPHA5	IL12RB1
KCNJ1	EPHA6	IL12RB2
KCNJ11	EPHA7	IL13
KCNJ5	EPHX2	IL13RA1
KCNJ6	EPM2A	IL17D
KCNK1	EPM2AIP1	IL17RA
KCNK10	EPN2	IL17RB
KCNK12	EPN3	IL17REL
KCNK2	EPPIN	IL18BP
KCNK5	EPSTI1	IL1RAP
KCNMA1	EPYC	IL1RAPL1
KCNMB3	ERAP1	IL1RL1
KCNMB4	ERAP2	IL27RA
KCNN3	ERBB3	IL2RG
KCNQ3	ERBB4	IL36G
KCNS1	ERBIN	IL36RN
KCNS2	ERC1	IL5RA
KCNT2	ERC2	IL6R
KCNV2	ERCC1	IL6ST
KCTD10	ERCC4	IL7R
KCTD12	ERCC6	ILDR2
KCTD16	ERCC6L	IMMP2L
KCTD2	ERCC6L2	IMPA2
KCTD20	EREG	IMPACT
KCTD21	ERFE	IMPAD1
KCTD6	ERG28	IMPDH1
KCTD7	ERGIC1	IMPG2
KDELR1	ERI1	INA
KDELR2	ERICH3	INAVA
KDM2A	ERICH4	INCENP
KDM4E	ERLEC1	INF2
KDM5A	ERLIN2	ING3
KDM5B	ERMAP	INIP
KDM6A	ERMN	INKA2
KDM7A	ERMP1	INMT
KDR	ERN1	INO80D
KERA	ERO1A	INPP4A
KHDRBS2	ERO1B	INPP4B
KIAA0040	ERP27	INPP5A
KIAA0232	ERP29	INSC

KIAA0319	ERP44	INSIG1
KIAA0408	ERVMER34-1	INSIG2
KIAA0513	ERVV-1	INSM1
KIAA0586	ERVW-1	INSM2
KIAA0825	ESCO2	INSR
KIAA0895	ESF1	INSYN2A
KIAA1143	ESM1	INSYN2B
KIAA1147	ESR1	INTS2
KIAA1210	ESRP1	INTS6
KIAA1211	ESRRG	INTU
KIAA1324	ESYT3	IP6K1
KIAA1522	ETFA	IPMK
KIAA1549	ETFBKMT	IPO11-LRRC70
KIAA1549L	ETFDH	IPO13
KIAA1586	ETNK1	IPO5
KIAA1614	ETNPPL	IPO7
KIAA1755	ETV1	IPO9
KIAA1841	ETV3	IPPK
KIF13B	ETV5	IQCC
KIF14	ETV6	IQCE
KIF15	ETV7	IQCH
KIF16B	EVA1A	IQCJ
KIF18B	EVI2B	IQGAP1
KIF1B	EVI5	IQGAP2
KIF1BP	EVX2	IQSEC3
KIF1C	EXD2	IRAK1
KIF20A	EXOC2	IRF1
KIF21B	EXOC3	IRF2
KIF27	EXOC3-AS1	IRF2BP2
KIF3B	EXOC3L4	IRF4
KIF4A	EXOC4	IRF6
KIF5A	EXOC6	IRGQ
KIF5C	EXOC6B	IRS1
KIF6	EXOSC1	IRS4
KIN	EXOSC3	IRX5
KIR3DL1	EXOSC6	ISCA1
KIR3DL2	EXPH5	ISCA2
KIT	EXT1	ISCU
KITLG	EXT2	ISG20
KLC1	EXTL2	ISG20L2
KLF10	EXTL3	ISL1
KLF12	EYA1	ISM2
KLF13	EYA3	IST1
KLF3	EYA4	ISY1

<i>KLF7</i>	<i>EZH1</i>	<i>ISY1-RAB43</i>
<i>KLF8</i>	<i>F11</i>	<i>ITGA1</i>
<i>KLF9</i>	<i>F11R</i>	<i>ITGA10</i>
<i>KLHDC10</i>	<i>F13A1</i>	<i>ITGA11</i>
<i>KLHDC3</i>	<i>F13B</i>	<i>ITGA2</i>
<i>KLHDC7A</i>	<i>F2R</i>	<i>ITGA3</i>
<i>KLHL1</i>	<i>F2RL1</i>	<i>ITGA4</i>
<i>KLHL11</i>	<i>F2RL2</i>	<i>ITGA9</i>
<i>KLHL14</i>	<i>F3</i>	<i>ITGB3</i>
<i>KLHL18</i>	<i>F5</i>	<i>ITGB3BP</i>
<i>KLHL2</i>	<i>F7</i>	<i>ITGB8</i>
<i>KLHL21</i>	<i>F8</i>	<i>ITIH5</i>
<i>KLHL23</i>	<i>F8A2</i>	<i>ITPA</i>
<i>KLHL24</i>	<i>F9</i>	<i>ITPR1</i>
<i>KLHL28</i>	<i>FAAP20</i>	<i>ITPR2</i>
<i>KLHL3</i>	<i>FABP1</i>	<i>ITPRIPL2</i>
<i>KLHL31</i>	<i>FABP2</i>	<i>ITSN1</i>
<i>KLHL36</i>	<i>FABP4</i>	<i>IWS1</i>
<i>KLHL38</i>	<i>FABP5</i>	<i>IYD</i>
<i>KLHL4</i>	<i>FADS1</i>	<i>JAK3</i>
<i>KLHL42</i>	<i>FAF1</i>	<i>JAKMIP2</i>
<i>KLHL5</i>	<i>FAF2</i>	<i>JAKMIP3</i>
<i>KLHL6</i>	<i>FAH</i>	<i>JAM2</i>
<i>KLHL7</i>	<i>FAHD1</i>	<i>JAM3</i>
<i>KLHL8</i>	<i>FAIM2</i>	<i>JCAD</i>
<i>KLK2</i>	<i>FAM102A</i>	<i>JMJD4</i>
<i>KLRB1</i>	<i>FAM102B</i>	<i>JMY</i>
<i>KLRC3</i>	<i>FAM104A</i>	<i>JPH2</i>
<i>KLRC4</i>	<i>FAM104B</i>	<i>JPH3</i>
<i>KMT2A</i>	<i>FAM107A</i>	<i>KALRN</i>
<i>KMT2C</i>	<i>FAM107B</i>	<i>KANSL1</i>
<i>KMT2D</i>	<i>FAM110B</i>	<i>KANSL3</i>
<i>KMT5B</i>	<i>FAM110C</i>	<i>KARS</i>
<i>KNSTRN</i>	<i>FAM110D</i>	<i>KAT14</i>
<i>KPNA1</i>	<i>FAM111A</i>	<i>KAT6B</i>
<i>KPNA2</i>	<i>FAM111B</i>	<i>KATNBL1</i>
<i>KPNA3</i>	<i>FAM114A1</i>	<i>KAZALD1</i>
<i>KPNA4</i>	<i>FAM114A2</i>	<i>KAZN</i>
<i>KPNA5</i>	<i>FAM117B</i>	<i>KBTBD11</i>
<i>KPNA6</i>	<i>FAM118A</i>	<i>KBTBD12</i>
<i>KPNB1</i>	<i>FAM120A</i>	<i>KBTBD13</i>
<i>KRIT1</i>	<i>FAM120B</i>	<i>KBTBD2</i>
<i>KRT222</i>	<i>FAM120C</i>	<i>KBTBD6</i>
<i>KRT23</i>	<i>FAM122B</i>	<i>KBTBD7</i>

KRT31	FAM122C	KCMF1
KRT35	FAM124A	KCNA1
KRT77	FAM124B	KCNA5
KRT78	FAM126A	KCNA6
KRT81	FAM126B	KCNA7
KRT86	FAM131B	KCNB1
KRTAP4-4	FAM133B	KCNC1
KRTAP4-5	FAM135A	KCND3
KRTAP4-7	FAM135B	KCNE1
KRTAP4-9	FAM13A	KCNE2
KRTAP5-8	FAM13B	KCNE3
KRTAP8-1	FAM149B1	KCNG3
KRTCAP2	FAM151B	KCNG4
KSR1	FAM153A	KCNH1
KSR2	FAM155A	KCNH8
KYNU	FAM155B	KCNIP1
L2HGDH	FAM160A2	KCNJ1
L3MBTL1	FAM160B1	KCNJ11
LACC1	FAM160B2	KCNJ15
LAMA4	FAM161A	KCNJ5
LAMB3	FAM162A	KCNJ6
LAMP3	FAM162B	KCNK1
LAMTOR3	FAM163A	KCNK10
LANCL3	FAM167A	KCNK12
LARGE1	FAM168A	KCNK2
LARP1	FAM168B	KCNK5
LARP4	FAM169A	KCNMA1
LATS1	FAM170B	KCNMB2
LAYN	FAM171B	KCNMB3
LBH	FAM172A	KCNMB4
LBHD1	FAM174B	KCNN3
LBP	FAM177A1	KCNQ3
LBR	FAM180A	KCNS1
LCA5	FAM184B	KCNS2
LCK	FAM186A	KCNT2
LCLAT1	FAM189B	KCNV2
LCOR	FAM199X	KCTD10
LDB3	FAM200A	KCTD12
LDHA	FAM204A	KCTD16
LDHAL6B	FAM20A	KCTD2
LDHC	FAM20B	KCTD20
LDLR	FAM210B	KCTD21
LDLRAD2	FAM216B	KCTD6
LDLRAD4	FAM217A	KCTD7

<i>LDLRAP1</i>	<i>FAM217B</i>	<i>KDELR1</i>
<i>LEP</i>	<i>FAM221B</i>	<i>KDELR2</i>
<i>LEPROT</i>	<i>FAM227A</i>	<i>KDM2A</i>
<i>LETM1</i>	<i>FAM229B</i>	<i>KDM4E</i>
<i>LETMD1</i>	<i>FAM241A</i>	<i>KDM5A</i>
<i>LFNG</i>	<i>FAM3C</i>	<i>KDM5B</i>
<i>LGALS3BP</i>	<i>FAM47E</i>	<i>KDM6A</i>
<i>LGALSL</i>	<i>FAM49A</i>	<i>KDM7A</i>
<i>LGI2</i>	<i>FAM49B</i>	<i>KDR</i>
<i>LGI3</i>	<i>FAM53A</i>	<i>KERA</i>
<i>LGMN</i>	<i>FAM53C</i>	<i>KHDRBS2</i>
<i>LHCGR</i>	<i>FAM72A</i>	<i>KHSRP</i>
<i>LHFPL2</i>	<i>FAM72B</i>	<i>KIAA0040</i>
<i>LHFPL4</i>	<i>FAM72C</i>	<i>KIAA0087</i>
<i>LHPP</i>	<i>FAM72D</i>	<i>KIAA0232</i>
<i>LHX4</i>	<i>FAM76A</i>	<i>KIAA0319</i>
<i>LHX8</i>	<i>FAM76B</i>	<i>KIAA0408</i>
<i>LHX9</i>	<i>FAM81A</i>	<i>KIAA0513</i>
<i>LIFR</i>	<i>FAM83A</i>	<i>KIAA0586</i>
<i>LILRB4</i>	<i>FAM83B</i>	<i>KIAA0825</i>
<i>LIMCH1</i>	<i>FAM83E</i>	<i>KIAA0895</i>
<i>LIMS1</i>	<i>FAM83F</i>	<i>KIAA1143</i>
<i>LIMS2</i>	<i>FAM86B1</i>	<i>KIAA1147</i>
<i>LIN28A</i>	<i>FAM86C1</i>	<i>KIAA1210</i>
<i>LIN54</i>	<i>FAM89A</i>	<i>KIAA1211</i>
<i>LINC00346</i>	<i>FAM8A1</i>	<i>KIAA1324</i>
<i>LINC01546</i>	<i>FAM91A1</i>	<i>KIAA1324L</i>
<i>LINC01559</i>	<i>FAM92A</i>	<i>KIAA1522</i>
<i>LINS1</i>	<i>FAM98A</i>	<i>KIAA1549</i>
<i>LIPC</i>	<i>FAM98B</i>	<i>KIAA1549L</i>
<i>LIPG</i>	<i>FAM9A</i>	<i>KIAA1586</i>
<i>LIPT2</i>	<i>FAM9C</i>	<i>KIAA1755</i>
<i>LITAF</i>	<i>FAN1</i>	<i>KIAA1841</i>
<i>LIX1</i>	<i>FANCA</i>	<i>KIAA1958</i>
<i>LLPH</i>	<i>FANCB</i>	<i>KIF13B</i>
<i>LMAN2L</i>	<i>FANCC</i>	<i>KIF14</i>
<i>LMBR1</i>	<i>FANCG</i>	<i>KIF15</i>
<i>LMBRD2</i>	<i>FANCI</i>	<i>KIF16B</i>
<i>LMO3</i>	<i>FANCM</i>	<i>KIF18B</i>
<i>LMO4</i>	<i>FAR1</i>	<i>KIF1A</i>
<i>LMOD1</i>	<i>FAR2</i>	<i>KIF1B</i>
<i>LMTK2</i>	<i>FARP1</i>	<i>KIF1C</i>
<i>LMX1A</i>	<i>FARSB</i>	<i>KIF20A</i>
<i>LMX1B</i>	<i>FAS</i>	<i>KIF21A</i>

LNP1	FASLG	KIF21B
LNPEP	FASTKD1	KIF24
LNPk	FASTKD2	KIF27
LNx1	FAT1	KIF3B
LNx2	FAT4	KIF5A
LOC100129215	FAXC	KIF5C
LOC100996419	FBH1	KIF6
LOC105371730	FBLIM1	KIFC2
LOC107983990	FBLN2	KIN
LOC388242	FBLN7	KIR3DL1
LOC400464	FBN1	KIR3DL2
LOC401589	FBN2	KIT
LOC613038	FBXL14	KLC1
LOC644656	FBXL18	KLF10
LOC730098	FBXL20	KLF11
LOC730338	FBXL22	KLF12
LONP2	FBXL3	KLF13
LONRF2	FBXL4	KLF3
LONRF3	FBXL5	KLF7
LOXL3	FBXL6	KLF8
LPAR1	FBXL7	KLF9
LPAR3	FBXO11	KLHDC10
LPAR5	FBXO16	KLHDC3
LPCAT1	FBXO17	KLHDC7A
LPCAT2	FBXO22	KLHDC8A
LPGAT1	FBXO28	KLHL1
LPP	FBXO3	KLHL11
LRATD1	FBXO30	KLHL14
LRATD2	FBXO31	KLHL18
LRCH2	FBXO32	KLHL2
LRFN2	FBXO33	KLHL21
LRIF1	FBXO34	KLHL23
LRIG3	FBXO40	KLHL24
LRP10	FBXO42	KLHL28
LRP6	FBXO43	KLHL3
LRRC14	FBXO44	KLHL30
LRRC14B	FBXO45	KLHL31
LRRC15	FBXO47	KLHL36
LRRC19	FBXO48	KLHL38
LRRC2	FBXO5	KLHL4
LRRC20	FBXO9	KLHL5
LRRC28	FBXW11	KLHL6
LRRC3	FBXW2	KLHL7
LRRC34	FBXW7	KLHL8

LRRC58	FBXW8	KLK2
LRRC7	FCAR	KLK3
LRRC75A	FCER1A	KLRB1
LRRC8C	FCF1	KLRC3
LRRCC1	FCGR1A	KLRC4
LRRN1	FCGR1B	KLRG2
LRRTM2	FCGR2B	KMT2A
LRSAM1	FCGR3A	KMT2C
LSAMP	FCGR3B	KMT5B
LSG1	FCHO2	KNSTRN
LSM10	FCN2	KPNA1
LSM14A	FCRL1	KPNA2
LSM6	FCRL3	KPNA3
LSM8	FCRL4	KPNA4
LTBP2	FCRL5	KPNA5
LTF	FCRL6	KPNA6
LTO1	FCRLB	KREMEN1
LUC7L	FDX1	KRIT1
LUC7L2	FDXACB1	KRT222
LUC7L3	FECH	KRT23
LUZP2	FEM1A	KRT31
LY6E	FEM1B	KRT35
LY75	FEM1C	KRT77
LY9	FER	KRT78
LYN	FERMT1	KRT81
LYPD6	FERMT2	KRT86
LYPLA1	FERMT3	KRTAP4-4
LYRM2	FEZ1	KRTAP4-5
LYRM4	FGA	KRTAP5-8
LYRM7	FGB	KRTAP8-1
LYRM9	FGD1	KRTCAP2
LYSMD1	FGD2	KSR1
LYSMD2	FGD4	KSR2
LZTFL1	FGD6	KYNU
LZTS1	FGF1	L1TD1
M1AP	FGF10	L2HGDH
M6PR	FGF12	L3MBTL1
MAB21L1	FGF13	LACC1
MACF1	FGF14	LAD1
MAD2L1	FGF16	LAIR1
MAGEB10	FGF18	LAMA4
MAGEL2	FGF19	LAMB3
MAGI1	FGF2	LAMC1
MAGI2	FGF5	LAMP3

MAGOHB	FGF9	LAMTOR3
MAK16	FGFBP1	LAMTOR5
MALSU1	FGFBP2	LANCL3
MAML1	FGFBP3	LARGE1
MAML3	FGFR1OP	LARP1
MAMLD1	FGFR1OP2	LARP4
MAN1A1	FGG	LARS2
MAN1C1	FGL2	LATS1
MAN2A1	FHDC1	LATS2
MAN2B2	FHL1	LAYN
MANEAL	FHL2	LBH
MANSC1	FHL3	LBHD1
MAP1B	FHL5	LBP
MAP1LC3B	FIBIN	LBR
MAP2K4	FIG4	LCA5
MAP2K6	FIGN	LCK
MAP3K10	FIGNL1	LCLAT1
MAP3K13	FILIP1	LCOR
MAP3K20	FILIP1L	LDB3
MAP3K3	FIP1L1	LDHA
MAP3K4	FITM2	LDHAL6B
MAP3K7	FJX1	LDHB
MAP3K8	FKBP14	LDLR
MAP3K9	FKBP1B	LDLRAD1
MAP4K2	FKBP4	LDLRAD2
MAP4K4	FKBP5	LDLRAD4
MAP4K5	FKBP7	LDLRAP1
MAP6	FKBP9	LEPROT
MAP7	FKRP	LETM1
MAP7D2	FKTN	LETMD1
MAP9	FLCN	LFNG
MAPK1	FLG	LGALSL
MAPK10	FLG2	LGI2
MAPK13	FLJ22447	LGI3
MAPK14	FLRT1	LGMN
MAPK11P1L	FLRT2	LGR4
MAPK8	FLRT3	LGSN
MAPK9	FLT1	LGTN
MAPKAP1	FLT3	LHCGR
MAPKAPK5	FLVCR1	LHFPL2
MAPRE1	FLYWCH2	LHPP
MAPRE2	FMC1	LHX4
MAPT	FMN1	LHX8
MARCH2	FMN2	LHX9

MARCH3	FMNL2	LIF
MARCH5	FMNL3	LIFR
MARCH6	FMO3	LILRB4
MARCH7	FMOD	LIMCH1
MARCH8	FMR1	LIMS1
MARF1	FN1	LIMS2
MARK1	FN3KRP	LIN28A
MARK4	FNBP1	LIN54
MARS	FNBP1L	LIN7A
MARS2	FNDC3A	LINC00346
MARVELD1	FNDC3B	LINC00908
MASTL	FNDC4	LINC01460
MAT1A	FNIP1	LINC01546
MAT2A	FNIP2	LINC01559
MAU2	FNTB	LINC01664
MAVS	FOPNL	LINC01973
MAZ	FOSL2	LINC02312
MBD2	FOXA1	LINS1
MBD5	FOXA2	LIPC
MBD6	FOXA3	LIPG
MBLAC2	FOXB1	LIPT2
MBNL1	FOXC1	LITAF
MBNL3	FOXD3	LIX1
MBP	FOXD4	LLPH
MCC	FOXD4L1	LMAN2L
MCCC2	FOXD4L3	LMBR1
MCF2L	FOXE1	LMBRD2
MCF2L2	FOXE3	LMO3
MCFD2	FOXF2	LMO4
MCHR2	FOXJ2	LMO7
MCL1	FO XK1	LMOD1
MCM10	FO XK2	LMTK2
MCM3	FOXL1	LMX1A
MCM3AP	FOXN2	LMX1B
MCM7	FOXN3	LNP1
MCM8	FOXO1	LNPEP
MCMBP	FOXO3	LNPK
MCMD C2	FOXP1	LN X1
MCOLN2	FOXP2	LN X2
MCOLN3	FOXR2	LOC100129215
MCTP1	FPGT	LOC100996419
MCTP2	FPGT-TNNI3K	LOC105371730
MCTS1	FPR1	LOC107983990
MCU	FPR2	LOC400464

MCUR1	FRA10AC1	LOC401589
MDH2	FRAS1	LOC644656
MDM1	FRAT1	LOC730098
MDM2	FRAT2	LOC730338
MDM4	FREM2	LONP2
MDN1	FRG2	LONRF2
MEA1	FRG2C	LONRF3
MECP2	FRK	LOXL3
MED1	FRMD3	LPAR1
MED12L	FRMD4B	LPAR3
MED13L	FRMD5	LPAR5
MED17	FRMD6	LPCAT1
MED21	FRMD7	LPCAT2
MED28	FRMPD4	LPGAT1
MED29	FRRS1	LPP
MED7	FRRS1L	LRAT
MED8	FRS2	LRATD1
MED9	FRYL	LRATD2
MEF2C	FRZB	LRCH1
MEF2D	FSBP	LRCH2
MEGF9	FSCB	LRFN2
MEI4	FSCN1	LRIF1
MEIS1	FSD1L	LRIG3
MELK	FSD2	LRP10
MELTF	FSHB	LRP12
MEMO1	FSHR	LRP5L
MEOX1	FST	LRP6
MESD	FSTL1	LRRC14
MESP1	FSTL4	LRRC14B
MEST	FSTL5	LRRC15
METAP1	FTCDNL1	LRRC19
METTL14	FTO	LRRC2
METTL15	FTSJ3	LRRC20
METTL16	FUBP1	LRRC28
METTL21A	FUBP3	LRRC3
METTL22	FUCA1	LRRC34
METTL24	FUNDC2	LRRC40
METTL2A	FURIN	LRRC57
METTL8	FUS	LRRC58
MEX3A	FUT11	LRRC7
MEX3B	FUT4	LRRC75A
MFAP3L	FUT5	LRRC8B
MFN1	FUT6	LRRC8C
MFN2	FUT8	LRRC8D

MFSD13A	FUT9	LRRCC1
MFSD14C	FXN	LRRN1
MFSD4A	FXR1	LRRTM2
MFSD6	FXYD5	LRSAM1
MFSD9	FYB1	LSAMP
MGA	FYB2	LSG1
MGAT2	FYCO1	LSM10
MGAT4B	FYN	LSM14A
MGAT5	FYTTD1	LSM6
MGMT	FZD1	LSM8
MGP	FZD2	LSMEM1
MGST3	FZD3	LTBP2
MIA3	FZD4	LTF
MIB1	FZD5	LTO1
MICA	FZD6	LUC7L
MICAL3	FZD7	LUC7L3
MICOS10	FZD8	LUZP2
MIDN	FZR1	LY6D
MIEF1	G2E3	LY6E
MIEF2	G3BP1	LY6K
MIER1	G3BP2	LY75
MIER3	G6PC	LY9
MIGA1	G6PC2	LYN
MIGA2	GAB1	LYPD6
MINAR1	GAB2	LYPLA1
MINDY2	GAB3	LYPLA2
MINK1	GABARAPL1	LYRM2
MIP	GABBR2	LYRM4
MIPOL1	GABPA	LYRM7
MIR2052HG	GABPB1	LYRM9
MIS12	GABPB2	LYSMD1
MITF	GABRA1	LYSMD2
MKI67	GABRA3	LYVE1
MKKS	GABRA4	LZTFL1
MKLN1	GABRA5	LZTS1
MKNK1	GABRB1	M1AP
MLEC	GABRB3	M6PR
MLIP	GABRE	MAB21L1
MLLT10	GABRG1	MACROD2
MLX	GABRP	MAD2L1
MLXIP	GABRR1	MAGEB10
MMD2	GABRR2	MAGEB2
MME	GAD1	MAGEL2
MMP1	GAD2	MAGI1

MMP13	GADL1	MAGI2
MMP14	GAGE1	MAGI3
MMP16	GALK2	MAGOHB
MMP19	GALNS	MAK16
MMP24	GALNT1	MALSU1
MNT	GALNT10	MAML1
MOAP1	GALNT13	MAML3
MOB1A	GALNT15	MAMLD1
MOB1B	GALNT17	MAN1C1
MOB3B	GALNT3	MAN2A1
MOB4	GALNT4	MAN2B2
MOBP	GALNT5	MANEAL
MOCS2	GALNT6	MAP1B
MOCS3	GALNT7	MAP1LC3B
MON1B	GALNT8	MAP2K4
MON2	GALNTL6	MAP2K6
MORC2	GALR1	MAP3K10
MORC3	GALR2	MAP3K13
MORF4L1	GANC	MAP3K2
MORF4L2	GAP43	MAP3K20
MORN4	GAPT	MAP3K3
MOSMO	GAPVD1	MAP3K7
MOXD1	GAR1	MAP3K8
MPC2	GAREM1	MAP3K9
MPHOSPH8	GARNL3	MAP4K2
MPI	GART	MAP4K4
MPP5	GAS1	MAP4K5
MPPE1	GAS2	MAP6
MPPED1	GAS2L3	MAP7
MPRIP	GAS7	MAP9
MPV17L	GASK1A	MAPK1
MPZL1	GASK1B	MAPK10
MPZL2	GATA3	MAPK13
MPZL3	GATA6	MAPK14
MRAP	GATAD1	MAPK1IP1L
MRAP2	GATAD2B	MAPK8
MRAS	GATC	MAPK8IP1
MRE11	GATD3A	MAPK9
MRGBP	GATM	MAPKAP1
MRGPRF	GBE1	MAPRE1
MRGPRX2	GBP1	MAPRE2
MRI1	GBP2	MAPT
MRM3	GBP3	MARCH3
MRO	GBP4	MARCH5

MROH1	GBP6	MARCH6
MROH6	GBP7	MARCH7
MROH8	GBX2	MARCH8
MRPL15	GCA	MARF1
MRPL17	GCC1	MARK1
MRPL19	GCC2	MARK4
MRPL22	GCFC2	MARS2
MRPL3	GCH1	MARVELD1
MRPL30	GCLM	MASTL
MRPL33	GCM2	MAT1A
MRPL50	GCNT1	MAT2A
MRPL57	GCNT2	MAU2
MRPS14	GCNT3	MAVS
MRPS24	GCOM1	MBD1
MRPS25	GCSAML	MBD2
MRPS30	GCSH	MBD5
MRPS35	GDA	MBD6
MRPS7	GDAP1	MBLAC2
MRRF	GDAP2	MBNL1
MRS2	GDE1	MBNL2
MRTFA	GDF11	MBNL3
MRTO4	GDF6	MBOAT7
MS4A15	GDF7	MBP
MSANTD2	GDI1	MC2R
MSANTD3	GDI2	MCC
MSANTD4	GNDF	MCCC2
MSH3	GDPD1	MCEMP1
MSH6	GDPD4	MCF2L
MSI2	GDPGP1	MCF2L2
MSL1	GEMIN2	MCFD2
MSL2	GEMIN4	MCHR2
MSL3	GEMIN7	MCM10
MSN	GEMIN8	MCM3AP
MSRB3	GEN1	MCM8
MSTN	GFI1	MCMBP
MT1A	GFM1	MCMDC2
MT1F	GFM2	MCOLN2
MTA2	GFOD1	MCOLN3
MTDH	GFPT1	MCPH1
MTERF1	GFRA1	MCTP1
MTERF2	GFRA2	MCTP2
MTERF4	GGA2	MCTS1
MTF1	GGCX	MCU
MTFR1	GHITM	MCUR1

<i>MTFR2</i>	<i>GHR</i>	<i>MDFIC</i>
<i>MTHFD2</i>	<i>GHRL</i>	<i>MDM1</i>
<i>MTHFS</i>	<i>GHSR</i>	<i>MDM2</i>
<i>MTMR1</i>	<i>GID8</i>	<i>MDM4</i>
<i>MTMR10</i>	<i>GIMAP1</i>	<i>MDN1</i>
<i>MTMR2</i>	<i>GIMAP4</i>	<i>MECP2</i>
<i>MTMR3</i>	<i>GIMAP5</i>	<i>MED1</i>
<i>MTMR6</i>	<i>GIMAP8</i>	<i>MED11</i>
<i>MTMR8</i>	<i>GIN1</i>	<i>MED12L</i>
<i>MTMR9</i>	<i>GINM1</i>	<i>MED13L</i>
<i>MTR</i>	<i>GINS1</i>	<i>MED17</i>
<i>MTRNR2L3</i>	<i>GINS2</i>	<i>MED20</i>
<i>MTRNR2L4</i>	<i>GINS3</i>	<i>MED21</i>
<i>MTRNR2L5</i>	<i>GINS4</i>	<i>MED23</i>
<i>MTRNR2L6</i>	<i>GIPC2</i>	<i>MED28</i>
<i>MTURN</i>	<i>GIPC3</i>	<i>MED29</i>
<i>MTX3</i>	<i>GIPR</i>	<i>MED7</i>
<i>MUC15</i>	<i>GIT2</i>	<i>MED8</i>
<i>MUC21</i>	<i>GJA3</i>	<i>MED9</i>
<i>MUCL3</i>	<i>GJB2</i>	<i>MEDAG</i>
<i>MUSK</i>	<i>GJB4</i>	<i>MEF2A</i>
<i>MXD1</i>	<i>GJB6</i>	<i>MEF2C</i>
<i>MXD3</i>	<i>GJB7</i>	<i>MEF2D</i>
<i>MXD4</i>	<i>GJC1</i>	<i>MEGF8</i>
<i>MXI1</i>	<i>GJE1</i>	<i>MEGF9</i>
<i>MYB</i>	<i>GK</i>	<i>MEI4</i>
<i>MYBL1</i>	<i>GK2</i>	<i>MEIS1</i>
<i>MYC</i>	<i>GK5</i>	<i>MELK</i>
<i>MYCL</i>	<i>GKN1</i>	<i>MELTF</i>
<i>MYCT1</i>	<i>GLA</i>	<i>MEMO1</i>
<i>MYEF2</i>	<i>GLB1</i>	<i>MEOX2</i>
<i>MYH9</i>	<i>GLCCI1</i>	<i>MEPE</i>
<i>MYL2</i>	<i>GLDC</i>	<i>MESD</i>
<i>MYLIP</i>	<i>GLDN</i>	<i>MESP1</i>
<i>MYLK3</i>	<i>GLG1</i>	<i>MEST</i>
<i>MYNN</i>	<i>GLI3</i>	<i>METAP1</i>
<i>MYO10</i>	<i>GLIPR1</i>	<i>METAP2</i>
<i>MYO16</i>	<i>GLIPR1L2</i>	<i>METTL14</i>
<i>MYO1F</i>	<i>GLIPR2</i>	<i>METTL15</i>
<i>MYO5A</i>	<i>GLIS3</i>	<i>METTL16</i>
<i>MYO6</i>	<i>GLMN</i>	<i>METTL21A</i>
<i>MYOD1</i>	<i>GLO1</i>	<i>METTL22</i>
<i>MYOG</i>	<i>GLOD4</i>	<i>METTL24</i>
<i>MYOM2</i>	<i>GLP2R</i>	<i>METTL2A</i>

MYORG	GLRA2	METTL8
MYOZ2	GLRA3	MEX3A
MYT1	GLRB	MEX3B
MYT1L	GLRX	MFAP3L
N4BP1	GLRX2	MFN1
N4BP3	GLS	MFN2
N6AMT1	GLTP	MFSD14C
NAA15	GLUD1	MFSD2A
NAA25	GLUD2	MFSD4A
NAA30	GLUL	MFSD6
NAA35	GLYAT	MFSD9
NAA38	GLYATL2	MGA
NAA50	GLYATL3	MGAT5
NAA60	GLYR1	MGME1
NAAA	GM2A	MGMT
NAALADL2	GMCL1	MGP
NABP1	GMEB1	MGST3
NABP2	GMEB2	MIA3
NADK	GMFB	MICA
NAF1	GMNC	MICAL3
NAGS	GMPR	MICOS10
NANOS1	GMPS	MIDN
NANOS2	GNA11	MIEF1
NANP	GNA12	MIEN1
NAP1L1	GNA13	MIER1
NAP1L2	GNAI3	MIER3
NAP1L3	GNAL	MIGA2
NAP1L4	GNAO1	MINAR1
NAP1L5	GNAQ	MINDY2
NAPA	GNAS	MIPOL1
NAPEPLD	GNAT1	MIR2052HG
NAPG	GNB1	MIS12
NARS	GNB4	MITF
NAT1	GNE	MKI67
NAT8	GNG10	MKKS
NBEA	GNG12	MKLN1
NBEAL1	GNG2	MKNK1
NBEAL2	GNG4	MKRN3
NBN	GNG5	MLEC
NBPF3	GNG7	MLH3
NCALD	GNGT2	MLIP
NCAPD2	GNL1	MLLT10
NCAPD3	GNL3	MLLT3
NCAPG	GNL3L	MLX

NCAPH	GNPAT	MLXIP
NCAPH2	GNPDA1	MMD2
NCBP1	GNPDA2	MME
NCF1	GNPTAB	MMP1
NCK1	GNPTG	MMP14
NCK2	GNRH1	MMP16
NCKAP1	GNRHR	MMP19
NCKAP5	GOLGA1	MMP2
NCKAP5L	GOLGA3	MMP24
NCKIPSD	GOLGA6A	MNT
NCOA7	GOLGA6B	MOAP1
NCOR1	GOLGA6C	MOB1A
NCR3LG1	GOLGA6D	MOB1B
NCS1	GOLGA6L4	MOB3B
NDC1	GOLGA7	MOB3C
NDE1	GOLGA7B	MOB4
NDEL1	GOLGA8B	MOBP
NDFIP1	GOLGA8F	MOCS2
NDNF	GOLGA8H	MOCS3
NDOR1	GOLGA8K	MON1B
NDST3	GOLGA8M	MON2
NDUFA1	GOLGA8N	MORC2
NDUFA5	GOLGA8O	MORC3
NDUFA7	GOLGA8R	MORF4L1
NDUFAF6	GOLGB1	MORF4L2
NDUFB3	GOLIM4	MORN4
NDUFB5	GOLM1	MOSMO
NDUFC1	GOLPH3L	MOXD1
NDUFC2	GOLT1B	MPC2
NDUFV3	GON7	MPI
NEBL	GOPC	MPP5
NECAB1	GORAB	MPPED1
NECAB3	GORASP1	MPPED2
NECAP2	GORASP2	MPRIP
NECTIN1	GOSR1	MPV17L
NECTIN3	GOT2	MPZL1
NEFH	GP1BA	MPZL2
NEGR1	GP5	MPZL3
NEK2	GPAM	MRAP
NEK4	GPANK1	MRAP2
NEK7	GPAT4	MRAS
NEK8	GPATCH1	MRE11
NEK9	GPATCH11	MRGBP
NENF	GPATCH2	MRGPRF

NEPRO	GPATCH2L	MRGPRX2
NET1	GPBP1	MRI1
NETO1	GPBP1L1	MRM3
NETO2	GPC1	MRO
NEU3	GPC4	MRPL15
NEURL1	GPC5	MRPL17
NEURL1B	GPC6	MRPL19
NEUROD2	GPCPD1	MRPL22
NEUROG2	GPD1L	MRPL3
NEXMIF	GPD2	MRPL30
NFAT5	GPHN	MRPL33
NFATC2	GPKOW	MRPL43
NFATC3	GPLD1	MRPL44
NFATC4	GPM6A	MRPL50
NFIB	GPM6B	MRPL57
NFIC	GPNMB	MRPS14
NFKBID	GPR1	MRPS18B
NFS1	GPR107	MRPS18C
NFYB	GPR12	MRPS23
NFYC	GPR135	MRPS24
NGB	GPR137B	MRPS25
NGRN	GPR137C	MRPS27
NHLRC2	GPR141	MRPS30
NHLRC3	GPR15	MRPS35
NHS	GPR150	MRPS7
NHSL1	GPR151	MRRF
NIBAN1	GPR155	MRS2
NIFK	GPR156	MRTFA
NINJ1	GPR157	MRTO4
NIPA1	GPR158	MSANTD2
NIPA2	GPR160	MSANTD3
NIPAL2	GPR161	MSANTD4
NIPAL4	GPR17	MSH2
NIPBL	GPR173	MSH3
NISCH	GPR174	MSH6
NIT1	GPR176	MSI2
NIT2	GPR18	MSL1
NKAIN1	GPR180	MSL2
NKAIN3	GPR183	MSL3
NKAP	GPR22	MSN
NKAPD1	GPR26	MSRB3
NKAPL	GPR34	MSTN
NKD1	GPR37	MT1A
NKIRAS2	GPR39	MT1F

NKRF	GPR45	MTDH
NKTR	GPR50	MTERF1
NKX2-1	GPR62	MTERF2
NKX2-4	GPR63	MTERF4
NKX3-2	GPR65	MTF1
NLE1	GPR75	MTF2
NLGN4X	GPR78	MTFR1
NLK	GPR82	MTFR2
NLN	GPR85	MTHFD2
NLRP1	GPR88	MTHFS
NLRP3	GPR89A	MTM1
NLRP9	GPR89B	MTMR1
NME6	GPRASP1	MTMR10
NMNAT1	GPRASP2	MTMR2
NMNAT2	GPRC5A	MTMR3
NMT2	GPRC5B	MTMR6
NNT	GPRIN2	MTMR7
NOA1	GPRIN3	MTMR8
NOCT	GPSM2	MTMR9
NOL12	GPT2	MTO1
NOL4	GPX8	MTR
NOL9	GRAMD1A	MTRNR2L3
NOLC1	GRAMD2A	MTRNR2L4
NOM1	GRAMD2B	MTRNR2L5
NOMO1	GRAP2	MTRNR2L6
NOMO3	GRB14	MTSS2
NOP9	GREB1	MTTP
NOS1	GREM1	MTURN
NOS1AP	GREM2	MTUS1
NOTCH2	GRHL3	MTX3
NOTCH3	GRHPR	MUC15
NOVA1	GRIA1	MUC21
NOVA2	GRIA2	MUCL3
NOX1	GRIA4	MUSK
NOX4	GRID2	MVK
NPAP1	GRIK2	MXD1
NPAS4	GRIK3	MXD3
NPBWR1	GRIK4	MXD4
NPC1	GRIN2A	MXI1
NPC2	GRIN2B	MYB
NPFFR1	GRIN3A	MYBL1
NPHP3	GRIP1	MYBPC1
NPL	GRK1	MYCBP
NPLOC4	GRK3	MYCL

NPNT	GRK5	MYCT1
NPR2	GRK7	MYEF2
NPR3	GRM1	MYH9
NPTX1	GRM4	MYLIP
NPTXR	GRM6	MYLK3
NR0B1	GRPEL1	MYNN
NR1D2	GRPEL2	MYO10
NR1I2	GRPR	MYO16
NR2C1	GRSF1	MYO1A
NR2C2	GRTF1	MYO1F
NR2C2AP	GRWD1	MYO5A
NR2E1	GSC2	MYO6
NR2F6	GSDMA	MYO7A
NR3C1	GSDMC	MYO9B
NR5A2	GSE1	MYOCD
NR6A1	GSG1	MYOD1
NRARP	GSK3B	MYOG
NRF1	GSKIP	MYOM2
NRG1	GSPT1	MYORG
NRG3	GSPT2	MYOZ2
NRG4	GSR	MYT1
NRK	GSTK1	MYT1L
NRP1	GSTO1	N4BP1
NRP2	GSTO2	N4BP2L2
NRXN1	GTDC1	N4BP3
NRXN3	GTF2A1	N6AMT1
NSD2	GTF2A2	NAA15
NSL1	GTF2B	NAA25
NSMCE3	GTF2E1	NAA30
NSMCE4A	GTF2E2	NAA35
NSMF	GTF2F1	NAA38
NSUN4	GTF2H2C	NAA50
NSUN5	GTF2H3	NAA60
NSUN7	GTF2H5	NAAA
NT5C1A	GTF3C3	NABP1
NT5C2	GTF3C4	NABP2
NT5DC1	GTF3C6	NADK
NT5M	GTPBP1	NAF1
NTF3	GTPBP10	NAGS
NTM	GTPBP4	NAIP
NTPCR	GTPBP8	NAMPT
NTRK2	GUCA1A	NANOS1
NTSR1	GUCA1C	NANOS2
NUAK1	GUCY1A1	NANP

NUDCD2	GUCY1A2	NAP1L1
NUDCD3	GUCY1B1	NAP1L2
NUDT13	GUCY2C	NAP1L3
NUDT16	GUF1	NAP1L4
NUDT21	GULP1	NAP1L5
NUDT3	GVQW3	NAPA
NUF2	GXYLT1	NAPEPLD
NUFIP1	GXYLT2	NAPG
NUFIP2	GYG1	NARS
NUMBL	GYG2	NAT1
NUP155	GYPA	NAT10
NUP160	GYPE	NAT8
NUP205	GYS1	NBEA
NUP35	GYS2	NBEAL1
NUP43	GZF1	NBEAL2
NUP58	H1FOO	NBN
NUP88	H2AFJ	NBPF3
NUP93	H2AFV	NCALD
NUS1	H2BFM	NCAPD3
NUTF2	H3F3B	NCAPG
NUTM2D	H6PD	NCAPH
NUTM2E	HAAO	NCAPH2
NUTM2G	HACD2	NCF1
NWD1	HACD3	NCK1
NWD2	HACD4	NCK2
NXN	HACE1	NCKAP1
NXPH1	HADHB	NCKAP5
NXT2	HAL	NCKIPSD
NYAP2	HAND2	NCL
OAS2	HAO1	NCOA7
OAS3	HAPLN1	NCOR1
OAZ2	HARBI1	NCR3LG1
OCIAD2	HAS2	NCS1
OCRL	HAUS2	NDE1
ODAPH	HAUS3	NDEL1
ODC1	HAUS5	NDFIP1
ODF2L	HAUS6	NDNF
OGDH	HAUS8	NDOR1
OGFOD1	HAVCR1	NDST3
OGFOD3	HAVCR2	NDUFA1
OGFRL1	HBEGF	NDUFA5
OIP5	HBP1	NDUFA7
OLA1	HBS1L	NDUFAF6
OLFM1	HCAR1	NDUFB3

OLFM4	HCAR2	NDUFB5
OLIG2	HCAR3	NDUFC1
ONECUT1	HCCS	NDUFC2
ONECUT2	HCFC2	NDUFS1
OPA3	HCLS1	NDUFV3
OPALIN	HCN1	NEBL
OPCML	HDAC11	NECAB1
OPHN1	HDAC2	NECAB3
OPN1MW2	HDAC4	NECAP2
OPRK1	HDAC5	NECTIN1
OPRM1	HDAC8	NECTIN3
OR10H5	HDAC9	NEFH
OR1L8	HDGF	NEGR1
OR2A4	HDGFL3	NEIL2
OR2B11	HDHD2	NEK10
OR51E1	HDHD5	NEK2
ORAI2	HDX	NEK7
ORAI3	HEATR1	NEK8
ORM1	HEATR3	NEK9
ORMDL2	HEATR5B	NEMP1
ORMDL3	HEATR6	NENF
OS9	HEBP2	NEPRO
OSBP2	HECA	NET1
OSBPL10	HECTD1	NETO1
OSBPL2	HECTD2	NETO2
OSBPL3	HECW1	NEU3
OSBPL6	HECW2	NEURL1
OSBPL7	HEG1	NEURL1B
OSBPL8	HELB	NEURL4
OSGIN2	HELLS	NEUROD2
OSMR	HELQ	NEUROD4
OSTM1	HELZ	NEUROG2
OTUB2	HEMK1	NEXMIF
OTUD4	HENMT1	NFAT5
OTULINL	HEPACAM	NFATC2
OTX2	HEPH	NFATC3
OXA1L	HEPHL1	NFATC4
OXCT1	HERC2	NFIB
OXNAD1	HERC3	NFIC
OXR1	HERC4	NFKBID
OXSRI	HERPUD2	NFS1
OXTR	HES2	NFX1
P2RX4	HEXIM1	NFYA
P2RY1	HEXIM2	NFYB

<i>P2RY12</i>	<i>HEY2</i>	<i>NFYC</i>
<i>P2RY2</i>	<i>HEYL</i>	<i>NGB</i>
<i>P4HA2</i>	<i>HFE</i>	<i>NGRN</i>
<i>PABPC3</i>	<i>HFM1</i>	<i>NHLRC2</i>
<i>PABPN1</i>	<i>HGF</i>	<i>NHLRC3</i>
<i>PACRGL</i>	<i>HGFAC</i>	<i>NHLRC4</i>
<i>PACS1</i>	<i>HGS</i>	<i>NHS</i>
<i>PACS2</i>	<i>HGSNAT</i>	<i>NHSL1</i>
<i>PADI1</i>	<i>HHEX</i>	<i>NIBAN1</i>
<i>PADI2</i>	<i>HHIP</i>	<i>NIBAN3</i>
<i>PAF1</i>	<i>HHIPL1</i>	<i>NIFK</i>
<i>PAFAH1B2</i>	<i>HIBADH</i>	<i>NIN</i>
<i>PAG1</i>	<i>HIF1A</i>	<i>NINJ1</i>
<i>PAGR1</i>	<i>HIF3A</i>	<i>NIPA1</i>
<i>PAH</i>	<i>HIGD1A</i>	<i>NIPA2</i>
<i>PAICS</i>	<i>HIKESHI</i>	<i>NIPAL2</i>
<i>PAIP1</i>	<i>HINT1</i>	<i>NIPAL4</i>
<i>PAIP2</i>	<i>HINT3</i>	<i>NIPBL</i>
<i>PAIP2B</i>	<i>HIP1</i>	<i>NISCH</i>
<i>PAK1</i>	<i>HIPK1</i>	<i>NIT1</i>
<i>PAK1IP1</i>	<i>HIPK2</i>	<i>NIT2</i>
<i>PAK2</i>	<i>HIPK3</i>	<i>NKAIN1</i>
<i>PAK3</i>	<i>HIPK4</i>	<i>NKAIN3</i>
<i>PALLD</i>	<i>HIST1H2AE</i>	<i>NKAP</i>
<i>PAN2</i>	<i>HIST1H2AG</i>	<i>NKAPL</i>
<i>PANK1</i>	<i>HIST1H2AH</i>	<i>NKD1</i>
<i>PANK3</i>	<i>HIST1H2BD</i>	<i>NKIRAS1</i>
<i>PANK4</i>	<i>HIST1H2BG</i>	<i>NKRF</i>
<i>PAOX</i>	<i>HIST1H4C</i>	<i>NKTR</i>
<i>PAPLN</i>	<i>HIST2H2BE</i>	<i>NKX2-1</i>
<i>PAPOLA</i>	<i>HIVEP3</i>	<i>NKX2-4</i>
<i>PAPOLG</i>	<i>HJURP</i>	<i>NKX3-2</i>
<i>PAPSS1</i>	<i>HJV</i>	<i>NLE1</i>
<i>PAQR3</i>	<i>HK2</i>	<i>NLGN4X</i>
<i>PARD3B</i>	<i>HLA-DOA</i>	<i>NLK</i>
<i>PARD6G-AS1</i>	<i>HLA-DOB</i>	<i>NLN</i>
<i>PARK7</i>	<i>HLA-DPA1</i>	<i>NLRP1</i>
<i>PARL</i>	<i>HLA-DPB1</i>	<i>NLRP3</i>
<i>PARP14</i>	<i>HLA-DQA1</i>	<i>NLRP9</i>
<i>PARP15</i>	<i>HLA-DQA2</i>	<i>NME2</i>
<i>PARP4</i>	<i>HLA-DRB1</i>	<i>NME6</i>
<i>PARP9</i>	<i>HLA-DRB5</i>	<i>NMNAT1</i>
<i>PARVA</i>	<i>HLA-E</i>	<i>NMNAT2</i>
<i>PARVB</i>	<i>HLF</i>	<i>NMT2</i>

<i>PARVG</i>	<i>HLTF</i>	<i>NNT</i>
<i>PATL1</i>	<i>HM13</i>	<i>NOCT</i>
<i>PATZ1</i>	<i>HMBOX1</i>	<i>NOD1</i>
<i>PAWR</i>	<i>HMG20A</i>	<i>NOL11</i>
<i>PAX1</i>	<i>HMGA2</i>	<i>NOL12</i>
<i>PAX3</i>	<i>HMGB1</i>	<i>NOL3</i>
<i>PAX5</i>	<i>HMGB3</i>	<i>NOL4L</i>
<i>PAX7</i>	<i>HMGCLL1</i>	<i>NOL9</i>
<i>PAX8</i>	<i>HMGCR</i>	<i>NOM1</i>
<i>PAXBP1</i>	<i>HMGCS1</i>	<i>NOMO1</i>
<i>PBRM1</i>	<i>HMGN1</i>	<i>NOMO3</i>
<i>PBX1</i>	<i>HMGN2</i>	<i>NOP58</i>
<i>PBX2</i>	<i>HMGN4</i>	<i>NOP9</i>
<i>PBX3</i>	<i>HMGN5</i>	<i>NOS1</i>
<i>PBXIP1</i>	<i>HMGXB4</i>	<i>NOS1AP</i>
<i>PCARE</i>	<i>HMMR</i>	<i>NOTCH2</i>
<i>PCBP2</i>	<i>HMSD</i>	<i>NOTCH3</i>
<i>PCDH10</i>	<i>HMX3</i>	<i>NOVA1</i>
<i>PCDH11X</i>	<i>HNF4A</i>	<i>NOX1</i>
<i>PCDH15</i>	<i>HNMT</i>	<i>NOX4</i>
<i>PCDH19</i>	<i>HNRNPA0</i>	<i>NPAP1</i>
<i>PCDH20</i>	<i>HNRNPA1</i>	<i>NPAS4</i>
<i>PCDH7</i>	<i>HNRNPA2B1</i>	<i>NPBWR1</i>
<i>PCDH9</i>	<i>HNRNPA3</i>	<i>NPC2</i>
<i>PCDHA1</i>	<i>HNRNPC</i>	<i>NPFFR1</i>
<i>PCDHA10</i>	<i>HNRNPD</i>	<i>NPL</i>
<i>PCDHA11</i>	<i>HNRNPDL</i>	<i>NPLOC4</i>
<i>PCDHA12</i>	<i>HNRNPF</i>	<i>NPM1</i>
<i>PCDHA13</i>	<i>HNRNPK</i>	<i>NPNT</i>
<i>PCDHA2</i>	<i>HNRNPL</i>	<i>NPPC</i>
<i>PCDHA3</i>	<i>HNRNPLL</i>	<i>NPR2</i>
<i>PCDHA4</i>	<i>HNRNPR</i>	<i>NPR3</i>
<i>PCDHA5</i>	<i>HNRNPU</i>	<i>NPTX1</i>
<i>PCDHA6</i>	<i>HNRNPUL1</i>	<i>NPTXR</i>
<i>PCDHA7</i>	<i>HNRNPUL2</i>	<i>NQO1</i>
<i>PCDHA8</i>	<i>HOMER1</i>	<i>NR0B1</i>
<i>PCDHA9</i>	<i>HOMEZ</i>	<i>NR1D2</i>
<i>PCDHAC1</i>	<i>HOOK1</i>	<i>NR1I2</i>
<i>PCDHAC2</i>	<i>HOOK3</i>	<i>NR2C1</i>
<i>PCDHGA1</i>	<i>HOPX</i>	<i>NR2C2</i>
<i>PCDHGA10</i>	<i>HOXA1</i>	<i>NR2C2AP</i>
<i>PCDHGA11</i>	<i>HOXA13</i>	<i>NR2E1</i>
<i>PCDHGA12</i>	<i>HOXA2</i>	<i>NR2F6</i>
<i>PCDHGA2</i>	<i>HOXB2</i>	<i>NR3C1</i>

<i>PCDHGA3</i>	<i>HOXB3</i>	<i>NR4A2</i>
<i>PCDHGA4</i>	<i>HOXC10</i>	<i>NR5A2</i>
<i>PCDHGA5</i>	<i>HOXC11</i>	<i>NR6A1</i>
<i>PCDHGA6</i>	<i>HOXC4</i>	<i>NRARP</i>
<i>PCDHGA7</i>	<i>HOXC6</i>	<i>NRF1</i>
<i>PCDHGA8</i>	<i>HOXC8</i>	<i>NRG1</i>
<i>PCDHGA9</i>	<i>HOXD1</i>	<i>NRG2</i>
<i>PCDHGB1</i>	<i>HOXD11</i>	<i>NRG3</i>
<i>PCDHGB2</i>	<i>HOXD12</i>	<i>NRG4</i>
<i>PCDHGB3</i>	<i>HOXD3</i>	<i>NRK</i>
<i>PCDHGB4</i>	<i>HOXD4</i>	<i>NRP1</i>
<i>PCDHGB6</i>	<i>HOXD8</i>	<i>NRXN1</i>
<i>PCDHGB7</i>	<i>HOXD9</i>	<i>NRXN3</i>
<i>PCDHGC3</i>	<i>HP1BP3</i>	<i>NSD2</i>
<i>PCDHGC4</i>	<i>HPCA</i>	<i>NSL1</i>
<i>PCDHGC5</i>	<i>HPCAL4</i>	<i>NSMCE3</i>
<i>PCGF3</i>	<i>HPDL</i>	<i>NSMCE4A</i>
<i>PCLAF</i>	<i>HPF1</i>	<i>NSUN4</i>
<i>PCNT</i>	<i>HPGD</i>	<i>NSUN5</i>
<i>PCNX1</i>	<i>HPR</i>	<i>NSUN7</i>
<i>PCSK1</i>	<i>HPRT1</i>	<i>NT5C1A</i>
<i>PCSK9</i>	<i>HPS3</i>	<i>NT5DC1</i>
<i>PCYOX1</i>	<i>HPS4</i>	<i>NT5DC2</i>
<i>PCYT1A</i>	<i>HPS5</i>	<i>NT5M</i>
<i>PCYT1B</i>	<i>HPSE</i>	<i>NTF3</i>
<i>PCYT2</i>	<i>HPX</i>	<i>NTM</i>
<i>PDAP1</i>	<i>HRH4</i>	<i>NTPCR</i>
<i>PDCD10</i>	<i>HRK</i>	<i>NTRK2</i>
<i>PDCD2</i>	<i>HRNR</i>	<i>NTSR1</i>
<i>PDCD6IP</i>	<i>HS2ST1</i>	<i>NUAK1</i>
<i>PDCD7</i>	<i>HS3ST1</i>	<i>NUBPL</i>
<i>PDCL</i>	<i>HS3ST3A1</i>	<i>NUCKS1</i>
<i>PDE10A</i>	<i>HS3ST3B1</i>	<i>NUDCD2</i>
<i>PDE11A</i>	<i>HS6ST2</i>	<i>NUDCD3</i>
<i>PDE1C</i>	<i>HS6ST3</i>	<i>NUDT16</i>
<i>PDE3A</i>	<i>HSBP1</i>	<i>NUDT21</i>
<i>PDE4A</i>	<i>HSD11B1</i>	<i>NUDT3</i>
<i>PDE4B</i>	<i>HSD17B11</i>	<i>NUF2</i>
<i>PDE4D</i>	<i>HSD17B12</i>	<i>NUFIP1</i>
<i>PDE4DIP</i>	<i>HSD17B13</i>	<i>NUFIP2</i>
<i>PDE5A</i>	<i>HSD17B6</i>	<i>NUP155</i>
<i>PDE6B</i>	<i>HSDL1</i>	<i>NUP160</i>
<i>PDE7A</i>	<i>HSDL2</i>	<i>NUP205</i>
<i>PDE7B</i>	<i>HSF5</i>	<i>NUP210</i>

<i>PDGFA</i>	<i>HSFY2</i>	<i>NUP35</i>
<i>PDGFD</i>	<i>HSP90B1</i>	<i>NUP43</i>
<i>PDGFRB</i>	<i>HSPA12A</i>	<i>NUP58</i>
<i>PDHA1</i>	<i>HSPA13</i>	<i>NUP62CL</i>
<i>PDIA6</i>	<i>HSPA14</i>	<i>NUP88</i>
<i>PDIK1L</i>	<i>HSPA1B</i>	<i>NUP93</i>
<i>PDK1</i>	<i>HSPA1L</i>	<i>NUS1</i>
<i>PDLIM2</i>	<i>HSPA4</i>	<i>NUTF2</i>
<i>PDLIM5</i>	<i>HSPA4L</i>	<i>NUTM2A</i>
<i>PDP1</i>	<i>HSPA5</i>	<i>NUTM2D</i>
<i>PDP2</i>	<i>HSPA6</i>	<i>NUTM2E</i>
<i>PDPK1</i>	<i>HSPB3</i>	<i>NUTM2G</i>
<i>PDS5A</i>	<i>HSPB7</i>	<i>NWD1</i>
<i>PDS5B</i>	<i>HSPB8</i>	<i>NWD2</i>
<i>PDSS2</i>	<i>HSPBAP1</i>	<i>NXF1</i>
<i>PDXDC1</i>	<i>HSPD1</i>	<i>NXN</i>
<i>PEBP1</i>	<i>HSPE1-MOB4</i>	<i>NXPH1</i>
<i>PEG10</i>	<i>HTATIP2</i>	<i>NXT2</i>
<i>PELI1</i>	<i>HTR1D</i>	<i>NYAP1</i>
<i>PELI2</i>	<i>HTR1E</i>	<i>NYAP2</i>
<i>PER1</i>	<i>HTR1F</i>	<i>OAS2</i>
<i>PER2</i>	<i>HTR2A</i>	<i>OAS3</i>
<i>PERP</i>	<i>HTR2B</i>	<i>OCA2</i>
<i>PES1</i>	<i>HTR2C</i>	<i>OCIAD2</i>
<i>PEX1</i>	<i>HTR3B</i>	<i>OCRL</i>
<i>PEX11A</i>	<i>HTR3E</i>	<i>ODAPH</i>
<i>PEX11B</i>	<i>HTR5A</i>	<i>ODC1</i>
<i>PEX13</i>	<i>HTR5A-AS1</i>	<i>ODF2L</i>
<i>PEX2</i>	<i>HTRA1</i>	<i>OGDH</i>
<i>PEX26</i>	<i>HTT</i>	<i>OGFOD1</i>
<i>PEX3</i>	<i>HUNK</i>	<i>OGFOD3</i>
<i>PEX5L</i>	<i>HUS1</i>	<i>OGFRL1</i>
<i>PFDN2</i>	<i>HUWE1</i>	<i>OIP5</i>
<i>PFDN6</i>	<i>HVCN1</i>	<i>OIT3</i>
<i>PFKFB2</i>	<i>HYAL4</i>	<i>OLA1</i>
<i>PFKFB4</i>	<i>HYKK</i>	<i>OLFM1</i>
<i>PFN1</i>	<i>HYLS1</i>	<i>OLFM4</i>
<i>PFN2</i>	<i>IAH1</i>	<i>OLIG2</i>
<i>PGAM1</i>	<i>IAPP</i>	<i>ONECUT1</i>
<i>PGAM4</i>	<i>IARS2</i>	<i>ONECUT2</i>
<i>PGAP1</i>	<i>IBSP</i>	<i>OPA3</i>
<i>PGBD1</i>	<i>IBTK</i>	<i>OPALIN</i>
<i>PGBD3</i>	<i>ICA1L</i>	<i>OPCML</i>
<i>PGBD4</i>	<i>ICAM1</i>	<i>OPHN1</i>

<i>PGGHG</i>	<i>ICE1</i>	<i>OPN1MW2</i>
<i>PGGT1B</i>	<i>ICE2</i>	<i>OPRK1</i>
<i>PGLYRP1</i>	<i>ICK</i>	<i>OPRM1</i>
<i>PGLYRP4</i>	<i>ICMT</i>	<i>OR10H5</i>
<i>PGM2</i>	<i>ICOS</i>	<i>OR13C3</i>
<i>PGM2L1</i>	<i>ICOSLG</i>	<i>OR1L8</i>
<i>PGPEP1</i>	<i>ID3</i>	<i>OR2A4</i>
<i>PGPEP1L</i>	<i>ID4</i>	<i>OR2B11</i>
<i>PGR</i>	<i>IDE</i>	<i>OR51E1</i>
<i>PHACTR2</i>	<i>IDH1</i>	<i>OR7A5</i>
<i>PHACTR4</i>	<i>IDH3A</i>	<i>OR8J1</i>
<i>PHAX</i>	<i>IDI1</i>	<i>ORAI2</i>
<i>PHC1</i>	<i>IDI2</i>	<i>ORAI3</i>
<i>PHC2</i>	<i>IDS</i>	<i>ORM1</i>
<i>PHC3</i>	<i>IER3IP1</i>	<i>ORMDL2</i>
<i>PHETA2</i>	<i>IER5</i>	<i>ORMDL3</i>
<i>PHEX</i>	<i>IER5L</i>	<i>OSBP2</i>
<i>PHF12</i>	<i>IFI44L</i>	<i>OSBPL10</i>
<i>PHF19</i>	<i>IFIT1</i>	<i>OSBPL2</i>
<i>PHF20</i>	<i>IFIT3</i>	<i>OSBPL3</i>
<i>PHF8</i>	<i>IFIT5</i>	<i>OSBPL6</i>
<i>PHIP</i>	<i>IFNA1</i>	<i>OSBPL7</i>
<i>PHKA2</i>	<i>IFNA10</i>	<i>OSBPL8</i>
<i>PHKG2</i>	<i>IFNA14</i>	<i>OSGIN2</i>
<i>PHLDB2</i>	<i>IFNA16</i>	<i>OSMR</i>
<i>PHRF1</i>	<i>IFNA17</i>	<i>OSTM1</i>
<i>PHYHIP</i>	<i>IFNA2</i>	<i>OTOGL</i>
<i>PI15</i>	<i>IFNA21</i>	<i>OTUB2</i>
<i>PI16</i>	<i>IFNA4</i>	<i>OTUD3</i>
<i>PI4K2A</i>	<i>IFNA6</i>	<i>OTUD4</i>
<i>PID1</i>	<i>IFNA7</i>	<i>OTUD6B</i>
<i>PIGF</i>	<i>IFNAR1</i>	<i>OTULINL</i>
<i>PIGH</i>	<i>IFNG</i>	<i>OXA1L</i>
<i>PIGK</i>	<i>IFNGR1</i>	<i>OXCT1</i>
<i>PIGL</i>	<i>IFNK</i>	<i>OXNAD1</i>
<i>PIGO</i>	<i>IFRD1</i>	<i>OXR1</i>
<i>PIGP</i>	<i>IFT122</i>	<i>OXSR1</i>
<i>PIGQ</i>	<i>IFT22</i>	<i>OXTR</i>
<i>PIGT</i>	<i>IFT57</i>	<i>P2RX4</i>
<i>PIH1D3</i>	<i>IFT74</i>	<i>P2RY1</i>
<i>PIK3AP1</i>	<i>IFT80</i>	<i>P2RY12</i>
<i>PIK3C2A</i>	<i>IFT81</i>	<i>P2RY14</i>
<i>PIK3C2B</i>	<i>IFT88</i>	<i>P2RY2</i>
<i>PIK3CA</i>	<i>IGDCC3</i>	<i>P4HA2</i>

<i>PIK3CG</i>	<i>IGDCC4</i>	<i>PABPC1</i>
<i>PIK3R1</i>	<i>IGF1</i>	<i>PABPC3</i>
<i>PIN4</i>	<i>IGF1R</i>	<i>PABPN1</i>
<i>PIP4P1</i>	<i>IGF2BP1</i>	<i>PACRGL</i>
<i>PIP4P2</i>	<i>IGF2BP3</i>	<i>PACS1</i>
<i>PIP5K1A</i>	<i>IGF2R</i>	<i>PACS2</i>
<i>PIRT</i>	<i>IGFBP4</i>	<i>PADI1</i>
<i>PITPNA</i>	<i>IGFBP5</i>	<i>PADI2</i>
<i>PITPNB</i>	<i>IGSF10</i>	<i>PAF1</i>
<i>PITPNC1</i>	<i>IGSF11</i>	<i>PAFAH1B2</i>
<i>PITPNM2</i>	<i>IGSF3</i>	<i>PAG1</i>
<i>PIWIL1</i>	<i>IGSF6</i>	<i>PAGR1</i>
<i>PIWIL2</i>	<i>IKBIP</i>	<i>PAH</i>
<i>PKDCC</i>	<i>IKZF1</i>	<i>PAICS</i>
<i>PKDREJ</i>	<i>IKZF3</i>	<i>PAIP1</i>
<i>PKHD1</i>	<i>IKZF5</i>	<i>PAIP2</i>
<i>PKHD1L1</i>	<i>IL10RA</i>	<i>PAIP2B</i>
<i>PKIA</i>	<i>IL11</i>	<i>PAK1</i>
<i>PKLR</i>	<i>IL12RB2</i>	<i>PAK1IP1</i>
<i>PKM</i>	<i>IL15RA</i>	<i>PAK2</i>
<i>PKNOX2</i>	<i>IL16</i>	<i>PAK3</i>
<i>PKP1</i>	<i>IL17A</i>	<i>PALB2</i>
<i>PKP2</i>	<i>IL17RA</i>	<i>PALLD</i>
<i>PKP4</i>	<i>IL17RB</i>	<i>PALM2-AKAP2</i>
<i>PLA2G12A</i>	<i>IL17RD</i>	<i>PANK1</i>
<i>PLA2G2C</i>	<i>IL17REL</i>	<i>PANK3</i>
<i>PLA2G4D</i>	<i>IL18R1</i>	<i>PANK4</i>
<i>PLA2G7</i>	<i>IL1A</i>	<i>PAOX</i>
<i>PLAAT3</i>	<i>IL1F10</i>	<i>PAPLN</i>
<i>PLAAT5</i>	<i>IL1R1</i>	<i>PAPOLA</i>
<i>PLAC8</i>	<i>IL1RAP</i>	<i>PAPOLG</i>
<i>PLAG1</i>	<i>IL1RAPL1</i>	<i>PAPPA2</i>
<i>PLAGL1</i>	<i>IL1RL1</i>	<i>PAPSS1</i>
<i>PLAUR</i>	<i>IL1RN</i>	<i>PAPSS2</i>
<i>PLCB1</i>	<i>IL22RA1</i>	<i>PAQR3</i>
<i>PLCB2</i>	<i>IL22RA2</i>	<i>PARD3</i>
<i>PLCE1</i>	<i>IL24</i>	<i>PARD3B</i>
<i>PLCG1</i>	<i>IL2RB</i>	<i>PARD6G-AS1</i>
<i>PLCH2</i>	<i>IL3</i>	<i>PARL</i>
<i>PLCL1</i>	<i>IL31RA</i>	<i>PARP14</i>
<i>PLCXD1</i>	<i>IL33</i>	<i>PARP15</i>
<i>PLCXD3</i>	<i>IL3RA</i>	<i>PARP4</i>
<i>PLD5</i>	<i>IL5</i>	<i>PARP9</i>
<i>PLEKHA3</i>	<i>IL5RA</i>	<i>PARVA</i>

<i>PLEKHA5</i>	<i>IL6</i>	<i>PARVB</i>
<i>PLEKHA6</i>	<i>IL6ST</i>	<i>PARVG</i>
<i>PLEKHA8</i>	<i>IL7</i>	<i>PATE2</i>
<i>PLEKHB1</i>	<i>ILDR2</i>	<i>PATL1</i>
<i>PLEKHB2</i>	<i>ILF2</i>	<i>PATZ1</i>
<i>PLEKHF1</i>	<i>ILF3</i>	<i>PAWR</i>
<i>PLEKHG4B</i>	<i>ILVBL</i>	<i>PAX1</i>
<i>PLEKHH2</i>	<i>IMMP2L</i>	<i>PAX3</i>
<i>PLEKHM1</i>	<i>IMP4</i>	<i>PAX5</i>
<i>PLEKHM2</i>	<i>IMPA1</i>	<i>PAX6</i>
<i>PLEKHM3</i>	<i>IMPA2</i>	<i>PAX7</i>
<i>PLEKHO1</i>	<i>IMPACT</i>	<i>PAX8</i>
<i>PLIN3</i>	<i>IMPAD1</i>	<i>PAXBP1</i>
<i>PLPP3</i>	<i>IMPG1</i>	<i>PBRM1</i>
<i>PLPP4</i>	<i>IMPG2</i>	<i>PBX1</i>
<i>PLPPR1</i>	<i>INA</i>	<i>PBX3</i>
<i>PLRG1</i>	<i>INCENP</i>	<i>PBXIP1</i>
<i>PLS1</i>	<i>INF2</i>	<i>PCARE</i>
<i>PLSCR1</i>	<i>ING1</i>	<i>PCDH10</i>
<i>PLSCR4</i>	<i>ING2</i>	<i>PCDH11X</i>
<i>PLXDC1</i>	<i>ING3</i>	<i>PCDH15</i>
<i>PLXDC2</i>	<i>ING4</i>	<i>PCDH19</i>
<i>PLXNA2</i>	<i>INHBA</i>	<i>PCDH20</i>
<i>PLXNA3</i>	<i>INHBB</i>	<i>PCDH7</i>
<i>PLXNB2</i>	<i>INIP</i>	<i>PCDH9</i>
<i>PLXNC1</i>	<i>INKA2</i>	<i>PCDHA1</i>
<i>PLXND1</i>	<i>INMT</i>	<i>PCDHA10</i>
<i>PM20D2</i>	<i>INO80D</i>	<i>PCDHA11</i>
<i>PMEPA1</i>	<i>INPP1</i>	<i>PCDHA12</i>
<i>PML</i>	<i>INPP4A</i>	<i>PCDHA13</i>
<i>PNKD</i>	<i>INPP4B</i>	<i>PCDHA2</i>
<i>PNMA8B</i>	<i>INSC</i>	<i>PCDHA3</i>
<i>PNN</i>	<i>INSIG1</i>	<i>PCDHA4</i>
<i>PNO1</i>	<i>INSIG2</i>	<i>PCDHA5</i>
<i>PNP</i>	<i>INSL5</i>	<i>PCDHA6</i>
<i>PNPLA3</i>	<i>INSM1</i>	<i>PCDHA7</i>
<i>PNPLA4</i>	<i>INSM2</i>	<i>PCDHA8</i>
<i>PNPLA8</i>	<i>INSR</i>	<i>PCDHA9</i>
<i>PNRC2</i>	<i>INSYN2A</i>	<i>PCDHAC1</i>
<i>POC1A</i>	<i>INSYN2B</i>	<i>PCDHAC2</i>
<i>POC1B</i>	<i>INTS12</i>	<i>PCDHB5</i>
<i>POC5</i>	<i>INTS13</i>	<i>PCDHGA1</i>
<i>POF1B</i>	<i>INTS14</i>	<i>PCDHGA10</i>
<i>POFUT1</i>	<i>INTS2</i>	<i>PCDHGA11</i>

POGZ	INTS3	PCDHGA12
POLA2	INTS6	PCDHGA2
POLD2	INTS7	PCDHGA3
POLD4	INTS8	PCDHGA4
POLDIP3	INTU	PCDHGA5
POLE	INVS	PCDHGA6
POLH	IP6K1	PCDHGA7
POLR1A	IPCEF1	PCDHGA8
POLR1D	IPMK	PCDHGA9
POLR1E	IPO11-LRRC70	PCDHGB1
POLR2G	IPO5	PCDHGB2
POLR2H	IPO7	PCDHGB3
POLR3E	IPO8	PCDHGB4
POLR3F	IPO9	PCDHGB6
POLR3H	IPP	PCDHGB7
POM121	IPPK	PCDHGC3
POMGNT1	IQCB1	PCDHGC4
POMGNT2	IQCE	PCDHGC5
POMT2	IQCG	PCF11
POP1	IQCH	PCGF3
POP4	IQCJ	PCLAF
POPDC2	IQGAP1	PCNX1
POT1	IQGAP3	PCSK1
POU2F1	IQSEC2	PCSK7
POU3F2	IRAK1BP1	PCSK9
POU3F3	IRAK2	PCYOX1
POU4F2	IRAK3	PCYT1B
PPAN-P2RY11	IRAK4	PCYT2
PPARGC1A	IREB2	PDAP1
PPARGC1B	IRF1	PDCD10
PPCDC	IRF2BP2	PDCD2
PPDPF	IRF2BPL	PDCD6IP
PPDPFL	IRF4	PDCD7
PPFIA1	IRF8	PDCL
PPFIBP1	IRGQ	PDE10A
PPFIBP2	IRS1	PDE11A
PPIA	IRS2	PDE1C
PPIAL4D	IRS4	PDE3A
PPIAL4G	IRX1	PDE4A
PPIE	IRX4	PDE4B
PPIG	ISCA1	PDE4D
PPIL1	ISCA2	PDE4DIP
PPIL2	ISG20L2	PDE5A
PPIL6	ISL1	PDE6B

<i>PPIP5K2</i>	<i>ISL2</i>	<i>PDE7A</i>
<i>PPM1B</i>	<i>ISLR2</i>	<i>PDE7B</i>
<i>PPM1E</i>	<i>ISM1</i>	<i>PDF</i>
<i>PPM1F</i>	<i>IST1</i>	<i>PDGFA</i>
<i>PPM1H</i>	<i>ISY1-RAB43</i>	<i>PDGFD</i>
<i>PPM1L</i>	<i>ITCH</i>	<i>PDGFRB</i>
<i>PPME1</i>	<i>ITGA1</i>	<i>PDHA1</i>
<i>PPP1R12A</i>	<i>ITGA11</i>	<i>PDIA6</i>
<i>PPP1R12B</i>	<i>ITGA2</i>	<i>PDIK1L</i>
<i>PPP1R13B</i>	<i>ITGA4</i>	<i>PDK1</i>
<i>PPP1R14C</i>	<i>ITGA8</i>	<i>PDLIM2</i>
<i>PPP1R15A</i>	<i>ITGA9</i>	<i>PDLIM5</i>
<i>PPP1R15B</i>	<i>ITGAL</i>	<i>PDP1</i>
<i>PPP1R1A</i>	<i>ITGAV</i>	<i>PDP2</i>
<i>PPP1R26</i>	<i>ITGB1BP1</i>	<i>PDPK1</i>
<i>PPP1R3D</i>	<i>ITGB3BP</i>	<i>PDPR</i>
<i>PPP1R3G</i>	<i>ITGB6</i>	<i>PDS5A</i>
<i>PPP1R7</i>	<i>ITGB8</i>	<i>PDS5B</i>
<i>PPP1R8</i>	<i>ITGBL1</i>	<i>PDXDC1</i>
<i>PPP1R9A</i>	<i>ITIH2</i>	<i>PDZD2</i>
<i>PPP2R1A</i>	<i>ITK</i>	<i>PEG10</i>
<i>PPP2R1B</i>	<i>ITM2B</i>	<i>PELI1</i>
<i>PPP2R2A</i>	<i>ITPA</i>	<i>PELI2</i>
<i>PPP2R5E</i>	<i>ITPK1</i>	<i>PELO</i>
<i>PPP3CB</i>	<i>ITPKB</i>	<i>PER1</i>
<i>PPP3CC</i>	<i>ITPR1</i>	<i>PER2</i>
<i>PPP3R1</i>	<i>ITPR2</i>	<i>PERP</i>
<i>PPP3R2</i>	<i>ITPRID1</i>	<i>PES1</i>
<i>PPP4R2</i>	<i>ITPRIP</i>	<i>PEX1</i>
<i>PPP5C</i>	<i>ITPRIPL2</i>	<i>PEX11A</i>
<i>PPP5D1</i>	<i>ITSN1</i>	<i>PEX11B</i>
<i>PPP6C</i>	<i>IVNS1ABP</i>	<i>PEX13</i>
<i>PPRC1</i>	<i>IWS1</i>	<i>PEX19</i>
<i>PPTC7</i>	<i>IYD</i>	<i>PEX2</i>
<i>PQLC1</i>	<i>JADE1</i>	<i>PEX26</i>
<i>PQLC2L</i>	<i>JADE2</i>	<i>PEX3</i>
<i>PQLC3</i>	<i>JAGN1</i>	<i>PEX5L</i>
<i>PRAC1</i>	<i>JAK1</i>	<i>PFAS</i>
<i>PRC1</i>	<i>JAK2</i>	<i>PFDN2</i>
<i>PRDM1</i>	<i>JAKMIP1</i>	<i>PFDN6</i>
<i>PRDM10</i>	<i>JAKMIP2</i>	<i>PFKFB2</i>
<i>PRDM16</i>	<i>JAKMIP3</i>	<i>PFKFB3</i>
<i>PRDM2</i>	<i>JAM2</i>	<i>PFKFB4</i>
<i>PRDM5</i>	<i>JAM3</i>	<i>PFN2</i>

<i>PRDM6</i>	<i>JAML</i>	<i>PGAM1</i>
<i>PRDM7</i>	<i>JARID2</i>	<i>PGAM4</i>
<i>PRDM9</i>	<i>JAZF1</i>	<i>PGAP1</i>
<i>PRDX4</i>	<i>JCAD</i>	<i>PGAP3</i>
<i>PRDX6</i>	<i>JDP2</i>	<i>PGBD1</i>
<i>PRELID2</i>	<i>JHY</i>	<i>PGBD3</i>
<i>PRELID3B</i>	<i>JMJD6</i>	<i>PGBD4</i>
<i>PRELP</i>	<i>JMY</i>	<i>PGGHG</i>
<i>PREX2</i>	<i>JOSD1</i>	<i>PGGT1B</i>
<i>PRICKLE2</i>	<i>JPH1</i>	<i>PGK1</i>
<i>PRICKLE4</i>	<i>JPH4</i>	<i>PGLYRP1</i>
<i>PRKAA2</i>	<i>JTB</i>	<i>PGLYRP4</i>
<i>PRKAB2</i>	<i>JUN</i>	<i>PGM2</i>
<i>PRKACB</i>	<i>KALRN</i>	<i>PGM2L1</i>
<i>PRKAR1A</i>	<i>KANK2</i>	<i>PGM3</i>
<i>PRKAR2A</i>	<i>KANK3</i>	<i>PGPEP1</i>
<i>PRKCB</i>	<i>KANSL3</i>	<i>PGPEP1L</i>
<i>PRKCH</i>	<i>KARS</i>	<i>PGR</i>
<i>PRKCQ</i>	<i>KAT14</i>	<i>PHACTR2</i>
<i>PRKD1</i>	<i>KAT2B</i>	<i>PHACTR4</i>
<i>PRKG1</i>	<i>KAT6A</i>	<i>PHAX</i>
<i>PRKN</i>	<i>KAT6B</i>	<i>PHC1</i>
<i>PRKRA</i>	<i>KAT7</i>	<i>PHC2</i>
<i>PRKX</i>	<i>KAT8</i>	<i>PHC3</i>
<i>PRMT2</i>	<i>KATNAL1</i>	<i>PHETA2</i>
<i>PRMT3</i>	<i>KATNAL2</i>	<i>PHEX</i>
<i>PRMT6</i>	<i>KATNBL1</i>	<i>PHF12</i>
<i>PRMT9</i>	<i>KAZALD1</i>	<i>PHF13</i>
<i>PROB1</i>	<i>KBTBD11</i>	<i>PHF19</i>
<i>PROM1</i>	<i>KBTBD12</i>	<i>PHF20</i>
<i>PROM2</i>	<i>KBTBD3</i>	<i>PHF21A</i>
<i>PROSER3</i>	<i>KBTBD6</i>	<i>PHF7</i>
<i>PROX1</i>	<i>KBTBD7</i>	<i>PHF8</i>
<i>PRPF38A</i>	<i>KCMF1</i>	<i>PHIP</i>
<i>PRPF39</i>	<i>KCNA1</i>	<i>PHKA2</i>
<i>PRPF4B</i>	<i>KCNA2</i>	<i>PHKG2</i>
<i>PRPS1</i>	<i>KCNA3</i>	<i>PHLDB2</i>
<i>PRPS1L1</i>	<i>KCNAB1</i>	<i>PHTF2</i>
<i>PRR14L</i>	<i>KCNB1</i>	<i>PHYHIP</i>
<i>PRR15</i>	<i>KCNC1</i>	<i>PI15</i>
<i>PRR29</i>	<i>KCNC2</i>	<i>PI16</i>
<i>PRR3</i>	<i>KCND2</i>	<i>PI4K2A</i>
<i>PRR5L</i>	<i>KCNE1</i>	<i>PIGF</i>
<i>PRRC1</i>	<i>KCNE2</i>	<i>PIGK</i>

<i>PRRC2A</i>	<i>KCNE4</i>	<i>PIGL</i>
<i>PRRG1</i>	<i>KCNG3</i>	<i>PIGO</i>
<i>PRRG4</i>	<i>KCNG4</i>	<i>PIGP</i>
<i>PRRT1</i>	<i>KCNH1</i>	<i>PIGT</i>
<i>PRRX1</i>	<i>KCNH5</i>	<i>PIK3C2B</i>
<i>PRSS12</i>	<i>KCNH6</i>	<i>PIK3CA</i>
<i>PRSS23</i>	<i>KCNH8</i>	<i>PIK3CG</i>
<i>PRSS36</i>	<i>KCNIP2</i>	<i>PIK3R1</i>
<i>PRSS37</i>	<i>KCNIP3</i>	<i>PIK3R3</i>
<i>PRSS8</i>	<i>KCNIP4</i>	<i>PIMREG</i>
<i>PRTG</i>	<i>KCNJ1</i>	<i>PIN1</i>
<i>PRUNE1</i>	<i>KCNJ13</i>	<i>PIN4</i>
<i>PRXL2A</i>	<i>KCNJ15</i>	<i>PIP4P1</i>
<i>PSAP</i>	<i>KCNJ2</i>	<i>PIP4P2</i>
<i>PSD2</i>	<i>KCNJ3</i>	<i>PIRT</i>
<i>PSD3</i>	<i>KCNJ5</i>	<i>PITHD1</i>
<i>PSD4</i>	<i>KCNJ6</i>	<i>PITPNA</i>
<i>PSEN1</i>	<i>KCNJ8</i>	<i>PITPNB</i>
<i>PSIP1</i>	<i>KCNJ9</i>	<i>PITPNC1</i>
<i>PSMA4</i>	<i>KCNK1</i>	<i>PITPNM1</i>
<i>PSMB1</i>	<i>KCNK10</i>	<i>PITPNM2</i>
<i>PSMB11</i>	<i>KCNK12</i>	<i>PIWIL1</i>
<i>PSMB5</i>	<i>KCNK13</i>	<i>PKD2</i>
<i>PSMB7</i>	<i>KCNK15</i>	<i>PKDCC</i>
<i>PSMC4</i>	<i>KCNK5</i>	<i>PKDREJ</i>
<i>PSMD11</i>	<i>KCNK6</i>	<i>PKHD1</i>
<i>PSME3</i>	<i>KCNK9</i>	<i>PKHD1L1</i>
<i>PSMF1</i>	<i>KCNMA1</i>	<i>PKIA</i>
<i>PSPH</i>	<i>KCNMB1</i>	<i>PKLR</i>
<i>PTAFR</i>	<i>KCNMB2</i>	<i>PKM</i>
<i>PTAR1</i>	<i>KCNMB3</i>	<i>PKNOX1</i>
<i>PTBP2</i>	<i>KCNMB4</i>	<i>PKNOX2</i>
<i>PTBP3</i>	<i>KCNN2</i>	<i>PKP1</i>
<i>PTCD2</i>	<i>KCNN3</i>	<i>PKP4</i>
<i>PTCD3</i>	<i>KCNQ3</i>	<i>PLA2G12A</i>
<i>PTCHD1</i>	<i>KCNQ5</i>	<i>PLA2G2C</i>
<i>PTCHD4</i>	<i>KCNS2</i>	<i>PLA2G4A</i>
<i>PTDSS1</i>	<i>KCNT2</i>	<i>PLA2G4D</i>
<i>PTDSS2</i>	<i>KCNV1</i>	<i>PLA2G7</i>
<i>PTEN</i>	<i>KCTD10</i>	<i>PLA2R1</i>
<i>PTGER2</i>	<i>KCTD12</i>	<i>PLAAT3</i>
<i>PTGFR</i>	<i>KCTD14</i>	<i>PLAAT5</i>
<i>PTGIS</i>	<i>KCTD15</i>	<i>PLAC8</i>
<i>PTGS1</i>	<i>KCTD16</i>	<i>PLAG1</i>

<i>PTH2R</i>	<i>KCTD3</i>	<i>PLAUR</i>
<i>PTHLH</i>	<i>KCTD7</i>	<i>PLCB1</i>
<i>PTK2</i>	<i>KCTD8</i>	<i>PLCE1</i>
<i>PTPA</i>	<i>KCTD9</i>	<i>PLCG1</i>
<i>PTPMT1</i>	<i>KDELRL1</i>	<i>PLCH2</i>
<i>PTPN1</i>	<i>KDELRL3</i>	<i>PLCL1</i>
<i>PTPN11</i>	<i>KDF1</i>	<i>PLCXD1</i>
<i>PTPN14</i>	<i>KDM2A</i>	<i>PLCXD3</i>
<i>PTPN18</i>	<i>KDM2B</i>	<i>PLD5</i>
<i>PTPN3</i>	<i>KDM3B</i>	<i>PLEKHA3</i>
<i>PTPN4</i>	<i>KDM4C</i>	<i>PLEKHA5</i>
<i>PTPRJ</i>	<i>KDM5A</i>	<i>PLEKHA6</i>
<i>PTPRK</i>	<i>KDM5B</i>	<i>PLEKHA8</i>
<i>PTPRM</i>	<i>KDM5C</i>	<i>PLEKHB1</i>
<i>PTPRN</i>	<i>KDM5D</i>	<i>PLEKHB2</i>
<i>PTPRO</i>	<i>KDM6A</i>	<i>PLEKHF1</i>
<i>PTPRR</i>	<i>KDM7A</i>	<i>PLEKHG4B</i>
<i>PTPRT</i>	<i>KERA</i>	<i>PLEKHH2</i>
<i>PTPRZ1</i>	<i>KHDC4</i>	<i>PLEKHM2</i>
<i>PTRH2</i>	<i>KHDRBS1</i>	<i>PLEKHM3</i>
<i>PUM3</i>	<i>KIAA0040</i>	<i>PLEKHO1</i>
<i>PURA</i>	<i>KIAA0087</i>	<i>PLEKHS1</i>
<i>PURB</i>	<i>KIAA0232</i>	<i>PLIN3</i>
<i>PURG</i>	<i>KIAA0319</i>	<i>PLOD2</i>
<i>PUS7</i>	<i>KIAA0355</i>	<i>PLP2</i>
<i>PVR</i>	<i>KIAA0408</i>	<i>PLPP3</i>
<i>PWP1</i>	<i>KIAA0513</i>	<i>PLPP4</i>
<i>PWP2</i>	<i>KIAA0586</i>	<i>PLPPR1</i>
<i>PWWP2A</i>	<i>KIAA0753</i>	<i>PLRG1</i>
<i>PXDN</i>	<i>KIAA0825</i>	<i>PLS1</i>
<i>PXK</i>	<i>KIAA0895</i>	<i>PLSCR1</i>
<i>PXMP4</i>	<i>KIAA0930</i>	<i>PLSCR4</i>
<i>PXN</i>	<i>KIAA1143</i>	<i>PLXDC1</i>
<i>PXYLP1</i>	<i>KIAA1147</i>	<i>PLXDC2</i>
<i>PYCR1</i>	<i>KIAA1211</i>	<i>PLXNA2</i>
<i>PYGB</i>	<i>KIAA1217</i>	<i>PLXNA3</i>
<i>PYGO1</i>	<i>KIAA1257</i>	<i>PLXNB2</i>
<i>PYROXD1</i>	<i>KIAA1324</i>	<i>PLXNC1</i>
<i>QKI</i>	<i>KIAA1324L</i>	<i>PLXND1</i>
<i>QPR1</i>	<i>KIAA1328</i>	<i>PM20D2</i>
<i>QSER1</i>	<i>KIAA1549</i>	<i>PMEPA1</i>
<i>QSOX1</i>	<i>KIAA1549L</i>	<i>PML</i>
<i>QSOX2</i>	<i>KIAA1586</i>	<i>PMPCA</i>
<i>R3HCC1</i>	<i>KIAA1614</i>	<i>PNISR</i>

<i>RAB11B</i>	<i>KIAA1841</i>	<i>PNKD</i>
<i>RAB11FIP1</i>	<i>KIAA1958</i>	<i>PNN</i>
<i>RAB11FIP2</i>	<i>KIAA2026</i>	<i>PNO1</i>
<i>RAB11FIP5</i>	<i>KIDINS220</i>	<i>PNP</i>
<i>RAB14</i>	<i>KIF11</i>	<i>PNPLA1</i>
<i>RAB15</i>	<i>KIF13A</i>	<i>PNPLA3</i>
<i>RAB18</i>	<i>KIF14</i>	<i>PNPLA4</i>
<i>RAB1A</i>	<i>KIF16B</i>	<i>PNPLA8</i>
<i>RAB1B</i>	<i>KIF18A</i>	<i>PNRC2</i>
<i>RAB22A</i>	<i>KIF1A</i>	<i>POC1A</i>
<i>RAB23</i>	<i>KIF1B</i>	<i>POF1B</i>
<i>RAB27A</i>	<i>KIF1BP</i>	<i>POFUT1</i>
<i>RAB27B</i>	<i>KIF1C</i>	<i>POFUT2</i>
<i>RAB30</i>	<i>KIF21A</i>	<i>POGLUT3</i>
<i>RAB31</i>	<i>KIF23</i>	<i>POGZ</i>
<i>RAB32</i>	<i>KIF27</i>	<i>POLA2</i>
<i>RAB33B</i>	<i>KIF2A</i>	<i>POLD3</i>
<i>RAB36</i>	<i>KIF3A</i>	<i>POLDIP3</i>
<i>RAB38</i>	<i>KIF3B</i>	<i>POLG</i>
<i>RAB39B</i>	<i>KIF3C</i>	<i>POLH</i>
<i>RAB3A</i>	<i>KIF4A</i>	<i>POLQ</i>
<i>RAB3B</i>	<i>KIF4B</i>	<i>POLR1A</i>
<i>RAB3C</i>	<i>KIF5A</i>	<i>POLR1D</i>
<i>RAB3D</i>	<i>KIF5B</i>	<i>POLR1E</i>
<i>RAB3GAP1</i>	<i>KIF5C</i>	<i>POLR2G</i>
<i>RAB3GAP2</i>	<i>KIFAP3</i>	<i>POLR2H</i>
<i>RAB40B</i>	<i>KIN</i>	<i>POLR3E</i>
<i>RAB42</i>	<i>KIR2DL1</i>	<i>POLR3F</i>
<i>RAB43</i>	<i>KIR2DL3</i>	<i>POLR3H</i>
<i>RAB4A</i>	<i>KIR2DL4</i>	<i>POM121</i>
<i>RAB5B</i>	<i>KIR3DL1</i>	<i>POMGNT2</i>
<i>RAB7A</i>	<i>KIR3DL2</i>	<i>POMP</i>
<i>RAB9B</i>	<i>KIR3DL3</i>	<i>POMT2</i>
<i>RABGAP1</i>	<i>KIRREL2</i>	<i>POP1</i>
<i>RABIF</i>	<i>KIT</i>	<i>POP4</i>
<i>RABL2B</i>	<i>KL</i>	<i>POPDC2</i>
<i>RABL6</i>	<i>KLC1</i>	<i>POT1</i>
<i>RAD1</i>	<i>KLC4</i>	<i>POU2F1</i>
<i>RAD23B</i>	<i>KLF10</i>	<i>POU3F2</i>
<i>RAD50</i>	<i>KLF12</i>	<i>POU3F3</i>
<i>RAD51</i>	<i>KLF13</i>	<i>POU4F2</i>
<i>RAD51C</i>	<i>KLF15</i>	<i>PP7080</i>
<i>RAD52</i>	<i>KLF17</i>	<i>PPAN-P2RY11</i>
<i>RAD54L</i>	<i>KLF2</i>	<i>PPARGC1A</i>

<i>RAD9B</i>	<i>KLF3</i>	<i>PPARGC1B</i>
<i>RADX</i>	<i>KLF5</i>	<i>PPDPFL</i>
<i>RAG1</i>	<i>KLF6</i>	<i>PPFIBP1</i>
<i>RAI14</i>	<i>KLF7</i>	<i>PPFIBP2</i>
<i>RALA</i>	<i>KLF8</i>	<i>PPIA</i>
<i>RALGAPA1</i>	<i>KLF9</i>	<i>PPIAL4D</i>
<i>RALGPS1</i>	<i>KLHDC1</i>	<i>PPIAL4G</i>
<i>RALY</i>	<i>KLHDC10</i>	<i>PPIE</i>
<i>RAN</i>	<i>KLHDC8A</i>	<i>PPIG</i>
<i>RANBP10</i>	<i>KLHDC9</i>	<i>PPIL1</i>
<i>RANBP17</i>	<i>KLHL1</i>	<i>PPIL6</i>
<i>RANBP2</i>	<i>KLHL11</i>	<i>PPIP5K2</i>
<i>RANBP3L</i>	<i>KLHL14</i>	<i>PPM1A</i>
<i>RANBP6</i>	<i>KLHL15</i>	<i>PPM1B</i>
<i>RANGAP1</i>	<i>KLHL18</i>	<i>PPM1E</i>
<i>RAP1A</i>	<i>KLHL20</i>	<i>PPM1F</i>
<i>RAP1B</i>	<i>KLHL21</i>	<i>PPM1H</i>
<i>RAP1GAP2</i>	<i>KLHL23</i>	<i>PPM1L</i>
<i>RAP2A</i>	<i>KLHL24</i>	<i>PPME1</i>
<i>RAP2B</i>	<i>KLHL28</i>	<i>PPP1R12A</i>
<i>RAPGEF1</i>	<i>KLHL3</i>	<i>PPP1R12B</i>
<i>RAPGEF2</i>	<i>KLHL30</i>	<i>PPP1R13B</i>
<i>RAPGEF3</i>	<i>KLHL31</i>	<i>PPP1R14C</i>
<i>RAPGEF5</i>	<i>KLHL36</i>	<i>PPP1R15A</i>
<i>RAPGEF6</i>	<i>KLHL38</i>	<i>PPP1R15B</i>
<i>RAPH1</i>	<i>KLHL4</i>	<i>PPP1R1A</i>
<i>RASA2</i>	<i>KLHL41</i>	<i>PPP1R26</i>
<i>RASA4</i>	<i>KLHL42</i>	<i>PPP1R3D</i>
<i>RASA4B</i>	<i>KLHL5</i>	<i>PPP1R3G</i>
<i>RASEF</i>	<i>KLHL6</i>	<i>PPP1R7</i>
<i>RASGRF2</i>	<i>KLHL7</i>	<i>PPP1R8</i>
<i>RASGRP1</i>	<i>KLHL8</i>	<i>PPP1R9A</i>
<i>RASSF1</i>	<i>KLHL9</i>	<i>PPP2R1A</i>
<i>RASSF2</i>	<i>KLK13</i>	<i>PPP2R1B</i>
<i>RASSF3</i>	<i>KLK3</i>	<i>PPP2R2A</i>
<i>RASSF6</i>	<i>KLLN</i>	<i>PPP2R2B</i>
<i>RASSF8</i>	<i>KLRB1</i>	<i>PPP2R5C</i>
<i>RASSF9</i>	<i>KLRC1</i>	<i>PPP2R5D</i>
<i>RB1</i>	<i>KLRC2</i>	<i>PPP2R5E</i>
<i>RBAK</i>	<i>KLRC3</i>	<i>PPP3CB</i>
<i>RBBP7</i>	<i>KLRC4</i>	<i>PPP3CC</i>
<i>RBCK1</i>	<i>KLRD1</i>	<i>PPP3R1</i>
<i>RBFOX1</i>	<i>KLRG1</i>	<i>PPP3R2</i>
<i>RBFOX2</i>	<i>KLRG2</i>	<i>PPP4R2</i>

<i>RBM10</i>	<i>KLRK1</i>	<i>PPP5C</i>
<i>RBM14</i>	<i>KMO</i>	<i>PPP5D1</i>
<i>RBM14-RBM4</i>	<i>KMT2A</i>	<i>PPP6C</i>
<i>RBM15B</i>	<i>KMT2C</i>	<i>PPTC7</i>
<i>RBM18</i>	<i>KMT5B</i>	<i>PPWD1</i>
<i>RBM24</i>	<i>KNG1</i>	<i>PQLC1</i>
<i>RBM27</i>	<i>KNL1</i>	<i>PQLC2L</i>
<i>RBM28</i>	<i>KNSTRN</i>	<i>PQLC3</i>
<i>RBM4</i>	<i>KNTC1</i>	<i>PRAC1</i>
<i>RBM45</i>	<i>KPNA1</i>	<i>PRC1</i>
<i>RBM48</i>	<i>KPNA3</i>	<i>PRDM1</i>
<i>RBM4B</i>	<i>KPNA4</i>	<i>PRDM10</i>
<i>RBM5</i>	<i>KPNA5</i>	<i>PRDM16</i>
<i>RBM7</i>	<i>KPNA6</i>	<i>PRDM2</i>
<i>RBMS1</i>	<i>KPNB1</i>	<i>PRDM5</i>
<i>RBMS2</i>	<i>KRAS</i>	<i>PRDM6</i>
<i>RBMX2</i>	<i>KRBOX4</i>	<i>PRDM7</i>
<i>RBMXL1</i>	<i>KREMEN1</i>	<i>PRDM9</i>
<i>RBP2</i>	<i>KRIT1</i>	<i>PRDX2</i>
<i>BPMS</i>	<i>KRR1</i>	<i>PRDX6</i>
<i>BPMS2</i>	<i>KRT1</i>	<i>PRELID2</i>
<i>RBSN</i>	<i>KRT10</i>	<i>PRELID3B</i>
<i>RBX1</i>	<i>KRT15</i>	<i>PREX2</i>
<i>RCAN3</i>	<i>KRT19</i>	<i>PRICKLE2</i>
<i>RCC2</i>	<i>KRT2</i>	<i>PRKAA2</i>
<i>RCCD1</i>	<i>KRT20</i>	<i>PRKAB2</i>
<i>RCL1</i>	<i>KRT222</i>	<i>PRKACB</i>
<i>RCN2</i>	<i>KRT24</i>	<i>PRKAG2</i>
<i>RCOR1</i>	<i>KRT26</i>	<i>PRKAR1A</i>
<i>RCSD1</i>	<i>KRT3</i>	<i>PRKAR2A</i>
<i>RCVRN</i>	<i>KRT35</i>	<i>PRKAR2B</i>
<i>RD3</i>	<i>KRT6A</i>	<i>PRKCA</i>
<i>RD3L</i>	<i>KRT6C</i>	<i>PRKCB</i>
<i>RDH13</i>	<i>KRT77</i>	<i>PRKCH</i>
<i>RDX</i>	<i>KRT82</i>	<i>PRKCQ</i>
<i>RECK</i>	<i>KRT85</i>	<i>PRKD1</i>
<i>RECQL5</i>	<i>KRTAP1-1</i>	<i>PRKG1</i>
<i>REL</i>	<i>KRTAP13-2</i>	<i>PRKN</i>
<i>RELN</i>	<i>KRTAP1-5</i>	<i>PRKRA</i>
<i>RELT</i>	<i>KRTAP17-1</i>	<i>PRKX</i>
<i>RER1</i>	<i>KRTAP19-3</i>	<i>PRMT2</i>
<i>RERG</i>	<i>KRTAP24-1</i>	<i>PRMT3</i>
<i>RESF1</i>	<i>KRTAP3-1</i>	<i>PRMT6</i>
<i>RETREG1</i>	<i>KRTAP4-11</i>	<i>PRMT9</i>

RETREG2	KRTAP4-7	PROB1
RETREG3	KRTAP4-9	PROM2
REV1	KRTAP5-6	PROSER3
REXO5	KSR1	PROX1
RFC1	KSR2	PRPF38A
RFC2	KXD1	PRPF38B
RFESD	KYAT1	PRPF39
RFK	KYAT3	PRPF4B
RFLNB	KYNU	PRPS1
RFPL4B	L1TD1	PRPS1L1
RFX2	L2HGDH	PRR14L
RFX3	L3MBTL4	PRR15
RFX4	LACC1	PRR15L
RFX5	LACTB2-AS1	PRR29
RGL1	LALBA	PRR3
RGL3	LAMA1	PRR5L
RGMB	LAMA2	PRRC1
RGP1	LAMA4	PRRG1
RGS10	LAMB4	PRRG4
RGS12	LAMC1	PRRT1
RGS18	LAMC2	PRRX1
RGS20	LAMC3	PRSS12
RGS4	LAMP2	PRSS23
RGS5	LAMP3	PRSS36
RGS6	LAMTOR3	PRSS37
RGS7	LANCL2	PRSS8
RGS9BP	LANCL3	PRTG
RHBDD1	LAPTM4A	PRUNE1
RHBDL3	LAPTM5	PRUNE2
RHEB	LARP1B	PRXL2A
RHOA	LARP4	PSAP
RHOBTB3	LARP6	PSD3
RHOC	LARP7	PSD4
RHOT1	LARS	PSEN1
RHOT2	LARS2	PSG1
RHOU	LASP1	PSG4
RIBC1	LAT2	PSG8
RIC1	LATS1	PSIP1
RIC8B	LATS2	PSMA4
RICTOR	LAX1	PSMB1
RILPL1	LAYN	PSMB11
RIMBP2	LBH	PSMB5
RIMKLA	LBHD1	PSMB7
RIMS2	LBR	PSMC4

<i>RIMS3</i>	<i>LBX1</i>	<i>PSMD11</i>
<i>RIMS4</i>	<i>LCA5</i>	<i>PSMD4</i>
<i>RIPOR3</i>	<i>LCE1A</i>	<i>PSME3</i>
<i>RIPPLY1</i>	<i>LCE1F</i>	<i>PSMF1</i>
<i>RIPPLY3</i>	<i>LCLAT1</i>	<i>PSPH</i>
<i>RIT1</i>	<i>LCOR</i>	<i>PTAFR</i>
<i>RIT2</i>	<i>LCORL</i>	<i>PTAR1</i>
<i>RITA1</i>	<i>LCP2</i>	<i>PTBP2</i>
<i>RLIM</i>	<i>LDAH</i>	<i>PTBP3</i>
<i>RLN3</i>	<i>LDB1</i>	<i>PTCD2</i>
<i>RMI2</i>	<i>LDB3</i>	<i>PTCD3</i>
<i>RMND5A</i>	<i>LDHA</i>	<i>PTCH1</i>
<i>RNASE4</i>	<i>LDLR</i>	<i>PTCHD1</i>
<i>RNASEH2B</i>	<i>LDLRAD1</i>	<i>PTCHD4</i>
<i>RNF10</i>	<i>LDLRAD2</i>	<i>PTDSS1</i>
<i>RNF103-CHMP3</i>	<i>LDLRAD3</i>	<i>PTEN</i>
<i>RNF11</i>	<i>LDLRAD4</i>	<i>PTGER2</i>
<i>RNF130</i>	<i>LDLRAP1</i>	<i>PTGFR</i>
<i>RNF135</i>	<i>LEF1</i>	<i>PTGS1</i>
<i>RNF141</i>	<i>LEKR1</i>	<i>PTH2R</i>
<i>RNF144A</i>	<i>LEMD3</i>	<i>PTHLH</i>
<i>RNF144B</i>	<i>LEP</i>	<i>PTK2</i>
<i>RNF149</i>	<i>LEPR</i>	<i>PTPA</i>
<i>RNF150</i>	<i>LEPROT</i>	<i>PTPMT1</i>
<i>RNF152</i>	<i>LEPROTL1</i>	<i>PTPN1</i>
<i>RNF165</i>	<i>LETM1</i>	<i>PTPN11</i>
<i>RNF168</i>	<i>LETM2</i>	<i>PTPN18</i>
<i>RNF169</i>	<i>LETMD1</i>	<i>PTPN3</i>
<i>RNF180</i>	<i>LGALS1</i>	<i>PTPN4</i>
<i>RNF187</i>	<i>LGI2</i>	<i>PTPRF</i>
<i>RNF19B</i>	<i>LGR4</i>	<i>PTPRJ</i>
<i>RNF2</i>	<i>LGR5</i>	<i>PTPRK</i>
<i>RNF20</i>	<i>LGSN</i>	<i>PTPRM</i>
<i>RNF212B</i>	<i>LHCGR</i>	<i>PTPRN</i>
<i>RNF213</i>	<i>LHPP</i>	<i>PTPRO</i>
<i>RNF215</i>	<i>LHX4</i>	<i>PTPRR</i>
<i>RNF217</i>	<i>LHX6</i>	<i>PTPRT</i>
<i>RNF24</i>	<i>LHX8</i>	<i>PTPRZ1</i>
<i>RNF32</i>	<i>LHX9</i>	<i>PTRH2</i>
<i>RNF4</i>	<i>LIFR</i>	<i>PUM3</i>
<i>RNF41</i>	<i>LIG3</i>	<i>PURA</i>
<i>RNF43</i>	<i>LILRA1</i>	<i>PURB</i>
<i>RNF44</i>	<i>LILRA6</i>	<i>PURG</i>
<i>RNF7</i>	<i>LILRB4</i>	<i>PUS7</i>

<i>RNFT2</i>	<i>LIMCH1</i>	<i>PVR</i>
<i>RNGTT</i>	<i>LIMD1</i>	<i>PWP1</i>
<i>RNLS</i>	<i>LIN28A</i>	<i>PWP2</i>
<i>RNMT</i>	<i>LIN28B</i>	<i>PWWP2A</i>
<i>RNPEPL1</i>	<i>LIN52</i>	<i>PXDN</i>
<i>RNPS1</i>	<i>LIN54</i>	<i>PXK</i>
<i>RO60</i>	<i>LIN7A</i>	<i>PXMP4</i>
<i>ROBO2</i>	<i>LIN7C</i>	<i>PXN</i>
<i>ROMO1</i>	<i>LIN9</i>	<i>PXYLP1</i>
<i>ROPN1</i>	<i>LINC00239</i>	<i>PYCR1</i>
<i>RORA</i>	<i>LINC00346</i>	<i>PYGB</i>
<i>RORB</i>	<i>LINC00598</i>	<i>PYGO1</i>
<i>ROS1</i>	<i>LINC01124</i>	<i>PYROXD1</i>
<i>RPA3</i>	<i>LINC01148</i>	<i>QKI</i>
<i>RPAP2</i>	<i>LINC01164</i>	<i>QPRT</i>
<i>RPAP3</i>	<i>LINC01465</i>	<i>QSER1</i>
<i>RPE</i>	<i>LINC01554</i>	<i>QSOX1</i>
<i>RPH3A</i>	<i>LINC01555</i>	<i>QSOX2</i>
<i>RPL10</i>	<i>LINC01559</i>	<i>R3HCC1</i>
<i>RPL10A</i>	<i>LINC01590</i>	<i>RAB11A</i>
<i>RPL12</i>	<i>LINC01619</i>	<i>RAB11B</i>
<i>RPL13</i>	<i>LINC01664</i>	<i>RAB11FIP2</i>
<i>RPL15</i>	<i>LINC01909</i>	<i>RAB11FIP3</i>
<i>RPL17-C18orf32</i>	<i>LINC02089</i>	<i>RAB11FIP5</i>
<i>RPL24</i>	<i>LINC02166</i>	<i>RAB14</i>
<i>RPL27A</i>	<i>LINC02312</i>	<i>RAB15</i>
<i>RPL28</i>	<i>LINC02453</i>	<i>RAB17</i>
<i>RPL31</i>	<i>LINGO2</i>	<i>RAB18</i>
<i>RPL37</i>	<i>LINGO4</i>	<i>RAB1A</i>
<i>RPL37A</i>	<i>LIPA</i>	<i>RAB1B</i>
<i>RPL3L</i>	<i>LIPC</i>	<i>RAB22A</i>
<i>RPL7L1</i>	<i>LIPG</i>	<i>RAB23</i>
<i>RPL8</i>	<i>LIPH</i>	<i>RAB27A</i>
<i>RPP14</i>	<i>LIPN</i>	<i>RAB27B</i>
<i>RPP40</i>	<i>LIPT2</i>	<i>RAB30</i>
<i>RPRD1B</i>	<i>LITAF</i>	<i>RAB31</i>
<i>RPRD2</i>	<i>LIX1</i>	<i>RAB32</i>
<i>RPS14</i>	<i>LL22NC03-63E9.3</i>	<i>RAB33B</i>
<i>RPS15A</i>	<i>LLPH</i>	<i>RAB36</i>
<i>RPS17</i>	<i>LMAN1</i>	<i>RAB37</i>
<i>RPS2</i>	<i>LMAN2L</i>	<i>RAB38</i>
<i>RPS20</i>	<i>LMBR1</i>	<i>RAB39B</i>
<i>RPS23</i>	<i>LMBRD2</i>	<i>RAB3A</i>
<i>RPS3</i>	<i>LMCD1</i>	<i>RAB3B</i>

RPS6KA1	MLLN	RAB3C
RPS6KA6	LMNB2	RAB3D
RPS6KB1	LMNTD1	RAB3GAP1
RPTOR	LMO2	RAB3GAP2
RPUSD2	LMO3	RAB40B
RRAGC	LMO4	RAB42
RREB1	LMO7	RAB43
RRM2B	LMOD1	RAB4A
RRP12	LMOD2	RAB5A
RRP36	LMTK2	RAB5B
RRP7A	LMX1A	RAB5C
RRP8	LNP1	RAB6B
RS1	LNPEP	RAB7A
RSBN1	LNPK	RAB9B
RSBN1L	LNX1	RABGAP1
RSC1A1	LNX2	RABIF
RSF1	LOC100131496	RABL2B
RSKR	LOC100288208	RACGAP1
RSL1D1	LOC100996385	RAD1
RSPH3	LOC100996419	RAD18
RSPO2	LOC105375614	RAD23B
RSRC2	LOC107983990	RAD50
RTCB	LOC107986898	RAD51
RTF1	LOC400464	RAD51AP1
RTKN2	LOC401589	RAD51B
RTL4	LOC644656	RAD51C
RTL6	LOC730098	RAD52
RTL8B	LOC730338	RAD54L
RTN1	LOH12CR2	RAD9B
RTN3	LONP2	RADX
RUBCN	LONRF1	RAG1
RUBCNL	LONRF2	RAI14
RUFY2	LONRF3	RALA
RUNDC1	LOX	RALGAPA1
RUNDC3A	LPAR3	RALGPS1
RUNX1T1	LPAR4	RALY
RUNX2	LPCAT1	RAN
RWDD1	LPCAT2	RANBP10
RWDD2A	LPCAT3	RANBP17
RWDD2B	LPGAT1	RANBP2
RXRB	LPIN1	RANBP3L
RYSR2	LPIN2	RANBP6
S100A16	LPO	RANGAP1
S100B	LPP	RAP1A

<i>S100PBP</i>	<i>LPXN</i>	<i>RAP1B</i>
<i>S1PR1</i>	<i>LRAT</i>	<i>RAP2A</i>
<i>S1PR3</i>	<i>LRATD1</i>	<i>RAP2B</i>
<i>SACM1L</i>	<i>LRATD2</i>	<i>RAPGEF1</i>
<i>SAFB</i>	<i>LRCH1</i>	<i>RAPGEF2</i>
<i>SAFB2</i>	<i>LRCH2</i>	<i>RAPGEF3</i>
<i>SALL4</i>	<i>LRCH3</i>	<i>RAPGEF5</i>
<i>SAMD1</i>	<i>LRGUK</i>	<i>RAPGEF6</i>
<i>SAMD10</i>	<i>LRIF1</i>	<i>RAPH1</i>
<i>SAMD12</i>	<i>LRIG1</i>	<i>RASA2</i>
<i>SAMD4A</i>	<i>LRIG2</i>	<i>RASA4</i>
<i>SAMD5</i>	<i>LRIG3</i>	<i>RASA4B</i>
<i>SAMD8</i>	<i>LRP10</i>	<i>RASEF</i>
<i>SAMHD1</i>	<i>LRP11</i>	<i>RASGRF1</i>
<i>SAP130</i>	<i>LRP12</i>	<i>RASGRF2</i>
<i>SAP30</i>	<i>LRP1B</i>	<i>RASGRP1</i>
<i>SAP30L</i>	<i>LRP5L</i>	<i>RASSF1</i>
<i>SAPCD2</i>	<i>LRP6</i>	<i>RASSF2</i>
<i>SAR1A</i>	<i>LRP8</i>	<i>RASSF3</i>
<i>SAR1B</i>	<i>LRPAP1</i>	<i>RASSF6</i>
<i>SARAF</i>	<i>LRPPRC</i>	<i>RASSF8</i>
<i>SARDH</i>	<i>LRR1</i>	<i>RASSF9</i>
<i>SARS</i>	<i>LRRC1</i>	<i>RB1</i>
<i>SART1</i>	<i>LRRC14B</i>	<i>RBAK</i>
<i>SATB1</i>	<i>LRRC15</i>	<i>RBBP7</i>
<i>SAXO2</i>	<i>LRRC18</i>	<i>RBCK1</i>
<i>SBF1</i>	<i>LRRC19</i>	<i>RBFA</i>
<i>SBK1</i>	<i>LRRC2</i>	<i>RBFOX1</i>
<i>SC5D</i>	<i>LRRC28</i>	<i>RBFOX2</i>
<i>SCAF8</i>	<i>LRRC3</i>	<i>RBM14-RBM4</i>
<i>SCAI</i>	<i>LRRC31</i>	<i>RBM18</i>
<i>SCARB2</i>	<i>LRRC32</i>	<i>RBM24</i>
<i>SCD</i>	<i>LRRC34</i>	<i>RBM27</i>
<i>SCD5</i>	<i>LRRC37A3</i>	<i>RBM28</i>
<i>SCG3</i>	<i>LRRC3B</i>	<i>RBM33</i>
<i>SCG5</i>	<i>LRRC3C</i>	<i>RBM39</i>
<i>SCHIP1</i>	<i>LRRC40</i>	<i>RBM4</i>
<i>SCLT1</i>	<i>LRRC49</i>	<i>RBM45</i>
<i>SCN11A</i>	<i>LRRC4C</i>	<i>RBM48</i>
<i>SCN1A</i>	<i>LRRC57</i>	<i>RBM4B</i>
<i>SCN8A</i>	<i>LRRC58</i>	<i>RBM5</i>
<i>SCNN1A</i>	<i>LRRC59</i>	<i>RBM6</i>
<i>SCO1</i>	<i>LRRC7</i>	<i>RBM7</i>
<i>SCRN1</i>	<i>LRRC73</i>	<i>RBMS1</i>

SCRN3	LRRC75A	RBMS2
SCUBE3	LRRC8B	RBMX2
SDAD1	LRRC8C	RBMXL1
SDC1	LRRCC1	RBP2
SDC2	LRRFIP1	RBPM5
SDCBP	LRRK2	RBPM52
SDHA	LRRN1	RBSN
SDHAF1	LRRN3	RBX1
SDHAF2	LRRTM1	RCAN3
SDK1	LRRTM2	RCBTB2
SEC16B	LRRTM3	RCC2
SEC22C	LRRTM4	RCCD1
SEC23IP	LRTOMT	RCL1
SEC24A	LSAMP	RCN2
SEC24B	LSG1	RCOR1
SEC24C	LSM10	RCSD1
SEC31B	LSM11	RCVRN
SEC62	LSM14A	RD3
SEC63	LSM2	RD3L
SECISBP2	LSM3	RDH13
SECISBP2L	LSM5	RDX
SEH1L	LSM6	RECK
SELENOF	LSM8	RECQL5
SELENOI	LTA	REEP3
SELENOS	LTB4R	REL
SELENOT	LTBP2	RELN
SELENOV	LTBR	RELT
SELP	LTV1	RER1
SEM1	LUC7L3	RERG
SEMA3A	LUM	RESF1
SEMA3C	LURAP1	RETREG1
SEMA4B	LURAP1L	RETREG2
SEMA4C	LUZP1	RETREG3
SEMA4F	LUZP2	REV1
SEMA4G	LUZP6	REXO5
SEMA5A	LVRN	RFC2
SEMA6A	LXN	RFESD
SEMA6D	LY6D	RFK
SENP2	LY6G5B	RFLNB
SENP7	LY6K	RFPL4B
SEPHS1	LY75	RFX2
SEPTIN11	LY75-CD302	RFX3
SEPTIN14	LYN	RFX4
SEPTIN2	LYPD6	RFX5

SEPTIN7	LYPLA1	RGL1
SEPTIN8	LYPLAL1	RGL3
SERAC1	LYRM2	RGMB
SERBP1	LYRM4	RGP1
SERHL2	LYRM7	RGS10
SERINC1	LYSMD3	RGS12
SERINC3	LYVE1	RGS13
SERPINB2	LZIC	RGS18
SERPINB5	LZTFL1	RGS20
SERPINB9	LZTS1	RGS4
SERPIND1	M1AP	RGS5
SERPINH1	M6PR	RGS6
SERTAD2	MAATS1	RGS7
SERTAD4	MAB21L3	RGS9BP
SERTM1	MACC1	RHBDD1
SESN2	MACF1	RHBDL3
SESN3	MACO1	RHEB
SESTD1	MACROD2	RHOA
SETD1A	MAD2L1	RHOBTB3
SETD1B	MADD	RHOC
SETD5	MAF	RHOH
SETD7	MAFB	RHOT1
SETD9	MAFF	RHOT2
SF3A1	MAFG	RHOU
SF3A3	MAFK	RIBC1
SF3B3	MAG	RIC1
SF3B4	MAGEA11	RIC8B
SF3B6	MAGEB10	RICTOR
SFPQ	MAGEB18	RILPL1
SFRP1	MAGEC2	RIMBP2
SFRP2	MAGEL2	RIMKLA
SFT2D2	MAGI1	RIMKLB
SFT2D3	MAGI2	RIMS2
SFXN1	MAGI3	RIMS3
SFXN2	MAGOHB	RIMS4
SFXN5	MAK	RIN2
SGCD	MAK16	RIPOR3
SGCG	MALSU1	RIPPLY1
SGO1	MALT1	RIPPLY3
SGPL1	MAML1	RIT1
SGTB	MAML2	RIT2
SH2B3	MAML3	RLIM
SH2D1B	MAMLD1	RLN3
SH2D4A	MAN1A1	RMI2

<i>SH3BGRL</i>	<i>MAN1A2</i>	<i>RMND5A</i>
<i>SH3BGRL2</i>	<i>MAN2A1</i>	<i>RNASE4</i>
<i>SH3BP2</i>	<i>MANBA</i>	<i>RNASEH2B</i>
<i>SH3BP4</i>	<i>MANBAL</i>	<i>RNF10</i>
<i>SH3D19</i>	<i>MANEA</i>	<i>RNF103-CHMP3</i>
<i>SH3GLB1</i>	<i>MANSC1</i>	<i>RNF11</i>
<i>SH3KBP1</i>	<i>MAOA</i>	<i>RNF130</i>
<i>SH3PXD2B</i>	<i>MAP10</i>	<i>RNF135</i>
<i>SH3RF2</i>	<i>MAP1B</i>	<i>RNF141</i>
<i>SH3RF3</i>	<i>MAP2</i>	<i>RNF144A</i>
<i>SHB</i>	<i>MAP2K1</i>	<i>RNF144B</i>
<i>SHC3</i>	<i>MAP2K4</i>	<i>RNF149</i>
<i>SHCBP1</i>	<i>MAP2K6</i>	<i>RNF150</i>
<i>SHE</i>	<i>MAP3K1</i>	<i>RNF152</i>
<i>SHISA2</i>	<i>MAP3K13</i>	<i>RNF157</i>
<i>SHISA6</i>	<i>MAP3K19</i>	<i>RNF165</i>
<i>SHISA7</i>	<i>MAP3K20</i>	<i>RNF168</i>
<i>SHISA9</i>	<i>MAP3K21</i>	<i>RNF169</i>
<i>SHISAL1</i>	<i>MAP3K5</i>	<i>RNF180</i>
<i>SHLD2</i>	<i>MAP3K7</i>	<i>RNF182</i>
<i>SHMT1</i>	<i>MAP3K7CL</i>	<i>RNF185</i>
<i>SHOC2</i>	<i>MAP3K8</i>	<i>RNF187</i>
<i>SHPRH</i>	<i>MAP3K9</i>	<i>RNF19B</i>
<i>SHQ1</i>	<i>MAP4K3</i>	<i>RNF2</i>
<i>SHROOM1</i>	<i>MAP6</i>	<i>RNF20</i>
<i>SHROOM2</i>	<i>MAP6D1</i>	<i>RNF207</i>
<i>SHROOM3</i>	<i>MAP7</i>	<i>RNF212</i>
<i>SHROOM4</i>	<i>MAP9</i>	<i>RNF212B</i>
<i>SHTN1</i>	<i>MAPK1</i>	<i>RNF213</i>
<i>SI</i>	<i>MAPK10</i>	<i>RNF215</i>
<i>SIAE</i>	<i>MAPK13</i>	<i>RNF217</i>
<i>SIAH3</i>	<i>MAPK14</i>	<i>RNF24</i>
<i>SIGIRR</i>	<i>MAPK1IP1L</i>	<i>RNF32</i>
<i>SIGLEC1</i>	<i>MAPK6</i>	<i>RNF4</i>
<i>SIGLEC11</i>	<i>MAPK8</i>	<i>RNF41</i>
<i>SIGLEC14</i>	<i>MAPK9</i>	<i>RNF43</i>
<i>SIGLEC6</i>	<i>MAPKAP1</i>	<i>RNF44</i>
<i>SIGLEC9</i>	<i>MAPKAPK3</i>	<i>RNF6</i>
<i>SIKE1</i>	<i>MAPKAPK5</i>	<i>RNF7</i>
<i>SIM1</i>	<i>MAPRE1</i>	<i>RNFT2</i>
<i>SIM2</i>	<i>MAPRE2</i>	<i>RNGTT</i>
<i>SIN3B</i>	<i>MAPT</i>	<i>RNLS</i>
<i>SIPA1</i>	<i>MARC1</i>	<i>RNMT</i>
<i>SIRPA</i>	<i>MARCH1</i>	<i>RNPEPL1</i>

<i>SIRPB2</i>	<i>MARCH3</i>	<i>RNPS1</i>
<i>SIRT1</i>	<i>MARCH4</i>	<i>RO60</i>
<i>SIX1</i>	<i>MARCH6</i>	<i>ROBO2</i>
<i>SIX6</i>	<i>MARCH7</i>	<i>ROCK1</i>
<i>SKA2</i>	<i>MARCH8</i>	<i>ROMO1</i>
<i>SKA3</i>	<i>MARCH9</i>	<i>ROPN1</i>
<i>SKAP2</i>	<i>MARF1</i>	<i>RORA</i>
<i>SKIL</i>	<i>MARK4</i>	<i>RORB</i>
<i>SKIV2L</i>	<i>MARS2</i>	<i>ROS1</i>
<i>SKP1</i>	<i>MASP1</i>	<i>RPA4</i>
<i>SLAIN2</i>	<i>MASP2</i>	<i>RPAP2</i>
<i>SLAMF1</i>	<i>MAST3</i>	<i>RPAP3</i>
<i>SLAMF6</i>	<i>MASTL</i>	<i>RPE</i>
<i>SLAMF7</i>	<i>MAT2B</i>	<i>RPH3A</i>
<i>SLAMF8</i>	<i>MATN1</i>	<i>RPL10</i>
<i>SLBP</i>	<i>MATN2</i>	<i>RPL10A</i>
<i>SLC10A2</i>	<i>MAVS</i>	<i>RPL12</i>
<i>SLC10A7</i>	<i>MB21D2</i>	<i>RPL13</i>
<i>SLC13A1</i>	<i>MBD1</i>	<i>RPL13A</i>
<i>SLC14A1</i>	<i>MBD2</i>	<i>RPL14</i>
<i>SLC15A2</i>	<i>MBD5</i>	<i>RPL15</i>
<i>SLC16A6</i>	<i>MBD6</i>	<i>RPL17-C18orf32</i>
<i>SLC16A7</i>	<i>MBL2</i>	<i>RPL21</i>
<i>SLC17A2</i>	<i>MBLAC2</i>	<i>RPL24</i>
<i>SLC17A4</i>	<i>MBNL1</i>	<i>RPL27A</i>
<i>SLC17A6</i>	<i>MBNL2</i>	<i>RPL28</i>
<i>SLC17A8</i>	<i>MBNL3</i>	<i>RPL31</i>
<i>SLC18A1</i>	<i>MBOAT2</i>	<i>RPL37</i>
<i>SLC19A1</i>	<i>MBOAT7</i>	<i>RPL37A</i>
<i>SLC19A3</i>	<i>MBP</i>	<i>RPL3L</i>
<i>SLC1A1</i>	<i>MBTD1</i>	<i>RPL7</i>
<i>SLC1A2</i>	<i>MBTPS1</i>	<i>RPL8</i>
<i>SLC22A10</i>	<i>MBTPS2</i>	<i>RPLP0</i>
<i>SLC22A11</i>	<i>MC2R</i>	<i>RPP14</i>
<i>SLC22A15</i>	<i>MCAT</i>	<i>RPP40</i>
<i>SLC22A9</i>	<i>MCC</i>	<i>RPRD1B</i>
<i>SLC24A1</i>	<i>MCCC1</i>	<i>RPRD2</i>
<i>SLC24A2</i>	<i>MCCC2</i>	<i>RPS14</i>
<i>SLC24A3</i>	<i>MCEMP1</i>	<i>RPS15A</i>
<i>SLC24A4</i>	<i>MCF2</i>	<i>RPS20</i>
<i>SLC25A1</i>	<i>MCF2L2</i>	<i>RPS23</i>
<i>SLC25A10</i>	<i>MCFD2</i>	<i>RPS24</i>
<i>SLC25A11</i>	<i>MCHR2</i>	<i>RPS29</i>
<i>SLC25A12</i>	<i>MCL1</i>	<i>RPS3</i>

SLC25A13	MCM10	RPS6KA1
SLC25A15	MCM3AP	RPS6KA6
SLC25A16	MCM5	RPS6KB1
SLC25A21	MCM8	RPS7
SLC25A21-AS1	MCM9	RPTOR
SLC25A24	MCMBP	RPUSD2
SLC25A26	MCMD2C2	RRAGC
SLC25A34	MCOLN2	RRB1
SLC25A36	MCPH1	RRM2B
SLC25A37	MCTP1	RRN3
SLC25A39	MCTP2	RRP12
SLC25A43	MCTS1	RRP15
SLC25A44	MCU	RRP36
SLC25A45	MCUB	RRP8
SLC25A46	MCUR1	RS1
SLC25A51	MDFIC	RSBN1
SLC26A2	MDH2	RSBN1L
SLC27A4	MDM1	RSC1A1
SLC28A1	MDM4	RSF1
SLC29A1	MDN1	RSKR
SLC2A10	ME1	RSL1D1
SLC2A13	ME2	RSPH3
SLC2A3	MEAF6	RSPH9
SLC2A4	MECOM	RSP02
SLC2A5	MECP2	RSP03
SLC30A1	MED1	RSRC2
SLC30A4	MED10	RTCA
SLC30A5	MED12L	RTF1
SLC30A6	MED13	RTKN2
SLC30A7	MED13L	RTL4
SLC30A8	MED14	RTL6
SLC31A1	MED17	RTL8B
SLC34A1	MED18	RTN1
SLC34A2	MED21	RTN3
SLC35A2	MED28	RUBCN
SLC35A4	MED4	RUBCNL
SLC35B4	MED6	RUFY2
SLC35D2	MED7	RUNDC1
SLC35E1	MED9	RUNDC3A
SLC35E4	MEF2A	RUNDC3B
SLC35F1	MEF2C	RUNX1
SLC35F5	MEFV	RUNX1T1
SLC35F6	MEGF10	RUNX2
SLC36A1	MEGF6	RWDD1

SLC36A3	MEGF8	RWDD2A
SLC36A4	MEGF9	RWDD2B
SLC37A4	MEI4	RXFP3
SLC38A1	MEIOC	RYR2
SLC38A7	MEIS1	S100A16
SLC38A9	MEIS2	S100B
SLC39A10	MELK	S100PBP
SLC39A13	MEMO1	S1PR1
SLC39A14	MEP1A	S1PR3
SLC39A2	MEPCE	SACM1L
SLC39A6	MERTK	SAFB
SLC39A7	MESD	SAFB2
SLC39A8	MESP1	SALL1
SLC39A9	MEST	SALL4
SLC3A1	MET	SAMD1
SLC40A1	METAP1	SAMD10
SLC41A1	METAP2	SAMD12
SLC44A1	METTL4	SAMD4A
SLC44A5	METTL15	SAMD5
SLC45A3	METTL16	SAMD8
SLC47A1	METTL21A	SAMHD1
SLC4A4	METTL22	SAP130
SLC4A7	METTL24	SAP30
SLC4A8	METTL2A	SAP30L
SLC5A12	METTL4	SAPCD2
SLC5A3	METTL6	SAR1A
SLC5A7	METTL8	SAR1B
SLC6A1	MEX3A	SARAF
SLC6A11	MEX3B	SARDH
SLC6A15	MFAP3L	SARS
SLC6A17	MFAP5	SATB1
SLC6A19	MFF	SAXO2
SLC6A2	MFHAS1	SBF1
SLC6A3	MFN1	SBK1
SLC6A8	MFSD11	SC5D
SLC6A9	MFSD13A	SCAF8
SLC7A11	MFSD14B	SCAI
SLC7A14	MFSD14C	SCARB2
SLC7A2	MFSD2A	SCD
SLC7A6	MFSD2B	SCD5
SLC7A6OS	MFSD4A	SCG3
SLC7A9	MFSD4B	SCHIP1
SLC8A1	MFSD6	SCIN
SLC9A3R2	MFSD9	SCLT1

<i>SLC9B2</i>	<i>MGA</i>	<i>SCN11A</i>
<i>SLCO1A2</i>	<i>MGAM</i>	<i>SCN1A</i>
<i>SLCO1C1</i>	<i>MGARP</i>	<i>SCN8A</i>
<i>SLCO3A1</i>	<i>MGAT1</i>	<i>SCN9A</i>
<i>SLCO5A1</i>	<i>MGAT2</i>	<i>SCO1</i>
<i>SLF1</i>	<i>MGAT3</i>	<i>SCRN1</i>
<i>SLF2</i>	<i>MGAT4A</i>	<i>SCRN3</i>
<i>SLFN11</i>	<i>MGC15885</i>	<i>SCUBE3</i>
<i>SLFN12L</i>	<i>MGME1</i>	<i>SDAD1</i>
<i>SLFN5</i>	<i>MGP</i>	<i>SDC1</i>
<i>SLFNL1</i>	<i>MGRN1</i>	<i>SDC2</i>
<i>SLIT1</i>	<i>MGST1</i>	<i>SDCBP</i>
<i>SLIT2</i>	<i>MGST3</i>	<i>SDE2</i>
<i>SLITRK5</i>	<i>MIA2</i>	<i>SDHAF1</i>
<i>SLK</i>	<i>MIA3</i>	<i>SDHAF2</i>
<i>SLTM</i>	<i>MIB1</i>	<i>SDK1</i>
<i>SLX4IP</i>	<i>MICA</i>	<i>SDR16C5</i>
<i>SMAD2</i>	<i>MICALCL</i>	<i>SEC16B</i>
<i>SMAD5</i>	<i>MICALL1</i>	<i>SEC22C</i>
<i>SMAD7</i>	<i>MICOS10</i>	<i>SEC23IP</i>
<i>SMAP1</i>	<i>MICU2</i>	<i>SEC24A</i>
<i>SMARCA1</i>	<i>MICU3</i>	<i>SEC24B</i>
<i>SMARCA2</i>	<i>MID1</i>	<i>SEC24C</i>
<i>SMARCA4</i>	<i>MID2</i>	<i>SEC31B</i>
<i>SMARCA5</i>	<i>MIDN</i>	<i>SEC62</i>
<i>SMARCD1</i>	<i>MIEF1</i>	<i>SEC63</i>
<i>SMARCE1</i>	<i>MIEF2</i>	<i>SECISBP2</i>
<i>SMC1A</i>	<i>MIER1</i>	<i>SECISBP2L</i>
<i>SMC2</i>	<i>MIER3</i>	<i>SEH1L</i>
<i>SMC3</i>	<i>MIGA1</i>	<i>SELENOF</i>
<i>SMC6</i>	<i>MINAR1</i>	<i>SELENOI</i>
<i>SMG7</i>	<i>MINAR2</i>	<i>SELENOS</i>
<i>SMG9</i>	<i>MINDY2</i>	<i>SELENOT</i>
<i>SMIM10</i>	<i>MINK1</i>	<i>SELENOV</i>
<i>SMIM11A</i>	<i>MINPP1</i>	<i>SELP</i>
<i>SMIM12</i>	<i>MIOS</i>	<i>SEM1</i>
<i>SMIM13</i>	<i>MIPEP</i>	<i>SEMA3A</i>
<i>SMIM15</i>	<i>MIPOL1</i>	<i>SEMA3C</i>
<i>SMIM17</i>	<i>MIR2052HG</i>	<i>SEMA3D</i>
<i>SMIM21</i>	<i>MIR6501</i>	<i>SEMA4B</i>
<i>SMIM30</i>	<i>MIS12</i>	<i>SEMA4C</i>
<i>SMLR1</i>	<i>MIS18BP1</i>	<i>SEMA4F</i>
<i>SMNDC1</i>	<i>MITF</i>	<i>SEMA4G</i>
<i>SMOC1</i>	<i>MKI67</i>	<i>SEMA5A</i>

SMOX	MKKS	SEMA6A
SMPD3	MKLN1	SEMA6D
SMTNL2	MKRN1	SENP2
SMUG1	MKRN2	SENP7
SMURF1	MKX	SEPHS1
SMYD2	MLANA	SEPTIN14
SNAP23	MLEC	SEPTIN2
SNAP25	MLH1	SEPTIN6
SNAP29	MLH3	SEPTIN7
SNAP47	MLIP	SEPTIN8
SNAPC1	MLLT10	SERAC1
SNCB	MLLT3	SERBP1
SND1	MLXIP	SERHL2
SNF8	MMAB	SERINC1
SNN	MMADHC	SERINC3
SNPH	MMD	SERINC4
SNRNP200	MMGT1	SERPINB2
SNRNP40	MMP1	SERPINB5
SNRNP48	MMP10	SERPINB9
SNRPD1	MMP13	SERPIND1
SNRPD3	MMP16	SERPING1
SNTB2	MMP17	SERPINH1
SNX1	MMP19	SERTAD2
SNX11	MMP20	SERTAD4
SNX13	MMP24	SERTM1
SNX19	MMP27	SESN2
SNX2	MMP8	SESN3
SNX21	MMRN2	SESTD1
SNX24	MMS22L	SETD1A
SNX27	MMUT	SETD4
SNX29	MN1	SETD5
SNX30	MNAT1	SETD7
SNX32	MNDA	SETD9
SNX33	MNS1	SETMAR
SNX4	MOB1A	SEZ6L
SOBP	MOB1B	SF1
SOC51	MOB3A	SF3A1
SOC53	MOB3B	SF3A3
SOC54	MOB4	SF3B1
SOC55	MOCOS	SF3B3
SOD2	MOCS2	SF3B4
SON	MOCS3	SF3B6
SORCS3	MOGS	SFPQ
SORD	MON1B	SFRP1

SORL1	MON2	SFRP2
SORT1	MORC1	SFT2D2
SOS2	MORC2	SFT2D3
SOSTDC1	MORC4	SFXN1
SOWAHC	MORF4L1	SFXN2
SOX1	MORF4L2	SFXN5
SOX10	MOSMO	SGCD
SOX11	MOSPD1	SGCE
SOX3	MOSPD2	SGO1
SOX4	MOXD1	SGPL1
SOX5	MPC1	SGTA
SP1	MPC2	SGTB
SP100	MPDZ	SH2D1B
SP3	MPEG1	SH2D4A
SP4	MPHOSPH8	SH3BGRL
SP8	MPI	SH3BGRL2
SPA17	MPIG6B	SH3BP2
SPAG6	MPL	SH3BP4
SPAG9	MPLKIP	SH3D19
SPARC	MPND	SH3D21
SPART	MPP1	SH3GLB1
SPATA17	MPP3	SH3KBP1
SPATA2	MPP4	SH3PXD2B
SPATA5	MPP5	SH3RF2
SPATS2	MPP6	SH3RF3
SPATS2L	MPP7	SHB
SPCS1	MPPED1	SHC3
SPCS2	MPPED2	SHCBP1
SPECC1	MPRIP	SHE
SPEF2	MPV17L	SHH
SPIB	MPZL1	SHISA6
SPIC	MPZL2	SHISA7
SPICE1	MPZL3	SHISA9
SPIDR	MRAP2	SHISAL1
SPIN3	MRAS	SHLD2
SPIN4	MRE11	SHMT1
SPINT1	MREG	SHOC2
SPNS1	MRGBP	SHPRH
SPOCK1	MRGPRF	SHQ1
SPOCK2	MRI1	SHROOM1
SPOCK3	MRM3	SHROOM2
SPOUT1	MRO	SHROOM3
SPPL2A	MROH1	SHROOM4
SPPL3	MROH9	SHTN1

<i>SPRED1</i>	<i>MRPL1</i>	<i>SI</i>
<i>SPRED2</i>	<i>MRPL10</i>	<i>SIAE</i>
<i>SPRY1</i>	<i>MRPL11</i>	<i>SIAH3</i>
<i>SPRY4</i>	<i>MRPL12</i>	<i>SIGIRR</i>
<i>SPRYD4</i>	<i>MRPL13</i>	<i>SIGLEC1</i>
<i>SPTBN1</i>	<i>MRPL17</i>	<i>SIGLEC11</i>
<i>SPTBN2</i>	<i>MRPL18</i>	<i>SIGLEC14</i>
<i>SPTSSA</i>	<i>MRPL19</i>	<i>SIGLEC6</i>
<i>SQSTM1</i>	<i>MRPL22</i>	<i>SIGLEC9</i>
<i>SRD5A1</i>	<i>MRPL3</i>	<i>SIKE1</i>
<i>SRD5A3</i>	<i>MRPL30</i>	<i>SIM1</i>
<i>SREBF2</i>	<i>MRPL34</i>	<i>SIM2</i>
<i>SREK1</i>	<i>MRPL35</i>	<i>SIN3A</i>
<i>SREK1IP1</i>	<i>MRPL36</i>	<i>SIN3B</i>
<i>SRFBP1</i>	<i>MRPL38</i>	<i>SIPA1</i>
<i>SRGAP1</i>	<i>MRPL42</i>	<i>SIRPA</i>
<i>SRI</i>	<i>MRPL43</i>	<i>SIRT1</i>
<i>SRPK2</i>	<i>MRPL44</i>	<i>SIX1</i>
<i>SRPRA</i>	<i>MRPL46</i>	<i>SIX4</i>
<i>SRPRB</i>	<i>MRPL50</i>	<i>SIX6</i>
<i>SRPX2</i>	<i>MRPL51</i>	<i>SKA3</i>
<i>SRR</i>	<i>MRPS10</i>	<i>SKAP2</i>
<i>SRRM2</i>	<i>MRPS14</i>	<i>SKI</i>
<i>SRRM4</i>	<i>MRPS16</i>	<i>SKP1</i>
<i>SRRT</i>	<i>MRPS17</i>	<i>SLAIN2</i>
<i>SRSF1</i>	<i>MRPS18C</i>	<i>SLAMF1</i>
<i>SRSF10</i>	<i>MRPS23</i>	<i>SLAMF6</i>
<i>SRSF11</i>	<i>MRPS25</i>	<i>SLAMF7</i>
<i>SRSF2</i>	<i>MRPS30</i>	<i>SLAMF8</i>
<i>SRSF3</i>	<i>MRPS31</i>	<i>SLBP</i>
<i>SRSF7</i>	<i>MRPS35</i>	<i>SLC10A2</i>
<i>SS18</i>	<i>MRPS36</i>	<i>SLC10A7</i>
<i>SSBP2</i>	<i>MRPS5</i>	<i>SLC13A1</i>
<i>SSBP3</i>	<i>MRRF</i>	<i>SLC14A1</i>
<i>SSC4D</i>	<i>MRS2</i>	<i>SLC15A2</i>
<i>SSH2</i>	<i>MRTFA</i>	<i>SLC16A6</i>
<i>SSPN</i>	<i>MRTO4</i>	<i>SLC16A7</i>
<i>SSR1</i>	<i>MS4A15</i>	<i>SLC17A2</i>
<i>SSR3</i>	<i>MS4A2</i>	<i>SLC17A4</i>
<i>SSR4P1</i>	<i>MS4A3</i>	<i>SLC17A6</i>
<i>SSRP1</i>	<i>MS4A4A</i>	<i>SLC17A8</i>
<i>SSX2</i>	<i>MS4A6A</i>	<i>SLC18A1</i>
<i>SSX2IP</i>	<i>MS4A7</i>	<i>SLC19A1</i>
<i>SSX3</i>	<i>MSANTD2</i>	<i>SLC19A3</i>

ST13	MSANTD3	SLC1A1
ST3GAL6	MSANTD4	SLC1A2
ST5	MSC	SLC1A5
ST6GAL1	MSH2	SLC22A11
ST6GAL2	MSH3	SLC22A15
ST6GALNAC3	MSH4	SLC22A9
ST6GALNAC5	MSH6	SLC23A2
ST7L	MSI2	SLC24A1
ST8SIA1	MSL1	SLC24A2
ST8SIA3	MSL2	SLC24A4
ST8SIA4	MSL3	SLC24A5
STAC	MSMO1	SLC25A1
STAM	MSN	SLC25A10
STAMBP	MSR1	SLC25A11
STAMBPL1	MSRB2	SLC25A12
STARD4	MSRB3	SLC25A13
STARD5	MSTN	SLC25A16
STARD8	MSX2	SLC25A21
STAT2	MT1A	SLC25A21-AS1
STAT3	MT1F	SLC25A24
STAT5A	MTA3	SLC25A26
STAT5B	MTBP	SLC25A30
STAU2	MTCH2	SLC25A34
STC1	MTDH	SLC25A36
STIL	MTERF1	SLC25A37
STIM1	MTERF2	SLC25A39
STIM2	MTF2	SLC25A4
STK10	MTFMT	SLC25A43
STK17B	MTFR1	SLC25A44
STK24	MTFR1L	SLC25A45
STK25	MTG1	SLC25A46
STK32A	MTHFD1L	SLC26A2
STK33	MTHFD2	SLC26A7
STK35	MTHFD2L	SLC27A4
STK38L	MTHFS	SLC28A1
STK4	MTM1	SLC29A1
STMN1	MTMR1	SLC2A10
STMP1	MTMR10	SLC2A13
STN1	MTMR14	SLC2A3
STOML1	MTMR2	SLC2A4
STOX2	MTMR3	SLC2A5
STPG1	MTMR6	SLC30A1
STPG4	MTMR7	SLC30A4
STRAP	MTMR8	SLC30A6

STRN	MTMR9	SLC30A7
STS	MTO1	SLC30A8
STUM	MTPAP	SLC31A1
STX12	MTPN	SLC34A1
STX17	MTR	SLC34A2
STX1B	MTREX	SLC35A4
STX4	MTRF1L	SLC35A5
STX6	MTRNR2L1	SLC35B4
STX7	MTRNR2L4	SLC35D1
STXBP4	MTRR	SLC35D2
STYX	MTSS1	SLC35E1
STYXL1	MTTP	SLC35E4
SUB1	MTURN	SLC35F1
SUCNR1	MTUS1	SLC35F5
SUGT1	MTX3	SLC35F6
SULT1B1	MUC15	SLC36A1
SULT1C2	MUC7	SLC36A3
SULT4A1	MUCL1	SLC37A4
SUMO2	MUCL3	SLC38A1
SUN2	MUSK	SLC38A7
SUPT7L	MVP	SLC38A9
SURF6	MXD1	SLC39A1
SUSD1	MXD3	SLC39A10
SUSD4	MXD4	SLC39A13
SUSD5	MXI1	SLC39A14
SUV39H2	MXRA7	SLC39A2
SV2A	MYADM	SLC39A3
SV2B	MYB	SLC39A6
SV2C	MYBL1	SLC39A7
SVIP	MYBPC1	SLC39A8
SWAP70	MYCBP	SLC39A9
SWT1	MYCBP2	SLC3A1
SYAP1	MYCT1	SLC40A1
SYBU	MYD88	SLC41A1
SYCE2	MYEF2	SLC44A1
SYDE2	MYF5	SLC44A5
SYK	MYH10	SLC45A3
SYNC	MYH9	SLC45A4
SYNCRIP	MYL12A	SLC47A1
SYNDIG1L	MYLIP	SLC4A4
SYNE4	MYLK3	SLC4A7
SYNGR1	MYNN	SLC4A8
SYNGR3	MYO16	SLC5A12
SYNJ2	MYO1A	SLC5A3

<i>SYNJ2BP</i>	<i>MYO1B</i>	<i>SLC5A7</i>
<i>SYNPO</i>	<i>MYO3A</i>	<i>SLC6A1</i>
<i>SYNPO2</i>	<i>MYO5A</i>	<i>SLC6A11</i>
<i>SYNPO2L</i>	<i>MYO5B</i>	<i>SLC6A15</i>
<i>SYNPR</i>	<i>MYO5C</i>	<i>SLC6A17</i>
<i>SYS1</i>	<i>MYO6</i>	<i>SLC6A19</i>
<i>SYT1</i>	<i>MYO9A</i>	<i>SLC6A3</i>
<i>SYT10</i>	<i>MYOC</i>	<i>SLC6A8</i>
<i>SYT11</i>	<i>MYOCD</i>	<i>SLC6A9</i>
<i>SYT7</i>	<i>MYOF</i>	<i>SLC7A11</i>
<i>SZRD1</i>	<i>MYOM2</i>	<i>SLC7A14</i>
<i>SZT2</i>	<i>MYORG</i>	<i>SLC7A2</i>
<i>TAB1</i>	<i>MYOZ2</i>	<i>SLC7A6</i>
<i>TAB3</i>	<i>MYOZ3</i>	<i>SLC7A6OS</i>
<i>TACR1</i>	<i>MYPN</i>	<i>SLC7A9</i>
<i>TADA2B</i>	<i>MYPOP</i>	<i>SLC8A1</i>
<i>TAF11</i>	<i>MYRIP</i>	<i>SLC9A2</i>
<i>TAF12</i>	<i>MYSM1</i>	<i>SLC9A3R2</i>
<i>TAF13</i>	<i>MYT1</i>	<i>SLC9A7</i>
<i>TAF1A</i>	<i>MYT1L</i>	<i>SLC9B2</i>
<i>TAF1D</i>	<i>MYZAP</i>	<i>SLCO1A2</i>
<i>TAF3</i>	<i>MZT1</i>	<i>SLCO1C1</i>
<i>TAF4B</i>	<i>N4BP2</i>	<i>SLCO2B1</i>
<i>TAF5L</i>	<i>N4BP2L1</i>	<i>SLCO3A1</i>
<i>TAF7L</i>	<i>N4BP2L2</i>	<i>SLCO5A1</i>
<i>TAF9B</i>	<i>N4BP3</i>	<i>SLF1</i>
<i>TAFA1</i>	<i>N6AMT1</i>	<i>SLF2</i>
<i>TAFA2</i>	<i>NAA11</i>	<i>SLFN12L</i>
<i>TAL1</i>	<i>NAA15</i>	<i>SLFN5</i>
<i>TANC2</i>	<i>NAA16</i>	<i>SLFNL1</i>
<i>TANGO6</i>	<i>NAA25</i>	<i>SLIT1</i>
<i>TAOK1</i>	<i>NAA30</i>	<i>SLIT2</i>
<i>TAPBP</i>	<i>NAA35</i>	<i>SLITRK5</i>
<i>TARDBP</i>	<i>NAA40</i>	<i>SLK</i>
<i>TARS2</i>	<i>NAA50</i>	<i>SLMAP</i>
<i>TARSL2</i>	<i>NAAA</i>	<i>SLTM</i>
<i>TASOR</i>	<i>NAALAD2</i>	<i>SLX4IP</i>
<i>TATDN2</i>	<i>NAALADL2</i>	<i>SMAD2</i>
<i>TBC1D12</i>	<i>NAB1</i>	<i>SMAD5</i>
<i>TBC1D19</i>	<i>NABP1</i>	<i>SMAD7</i>
<i>TBC1D20</i>	<i>NACC1</i>	<i>SMAP1</i>
<i>TBC1D22B</i>	<i>NADK</i>	<i>SMARCA1</i>
<i>TBC1D24</i>	<i>NADK2</i>	<i>SMARCA2</i>
<i>TBC1D26</i>	<i>NAF1</i>	<i>SMARCA5</i>

TBC1D30	NAGA	SMARCAD1
TBC1D4	NAGPA	SMARCD1
TBC1D8B	NAIP	SMC1A
TBCEL	NALCN	SMC2
TBL1X	NAMPT	SMC3
TBL1XR1	NANOG	SMCHD1
TBPL2	NANOGNB	SMCR8
TBR1	NANOS1	SMG1
TBX1	NAP1L1	SMG7
TBX15	NAP1L2	SMG9
TBX18	NAP1L4	SMIM12
TBX20	NAP1L5	SMIM13
TBX3	NAP1L6	SMIM15
TBXT	NAPB	SMIM17
TCEA1	NAPEPLD	SMIM19
TCEAL1	NAPG	SMIM21
TCERG1	NARS	SMIM30
TCF12	NARS2	SMLR1
TCF23	NAT1	SMNDC1
TCF3	NAT10	SMOC1
TCF4	NBEA	SMOX
TCF7L2	NBEAL1	SMPD3
TCFL5	NBN	SMTNL2
TCHP	NBPF1	SMUG1
TCIRG1	NBPF3	SMURF1
TCL1A	NBPF4	SMYD2
TCOF1	NBR1	SNAP23
TCP10	NCALD	SNAP25
TCTA	NCAM1	SNAP29
TCTE1	NCAM2	SNAP47
TCTN2	NCAN	SNAPC1
TDG	NCAPD3	SNCB
TDRD1	NCAPG	SND1
TDRD7	NCAPG2	SNF8
TDRKH	NCAPH	SNN
TDRP	NCBP1	SNPH
TEC	NCBP2	SNRNP200
TECPR2	NCEH1	SNRNP48
TECRL	NCK1	SNRPD1
TEDC1	NCKAP1	SNRPD3
TEK	NCKAP1L	SNTB2
TELO2	NCKAP5	SNX1
TENM2	NCKIPSD	SNX11
TENM3	NCL	SNX13

TENM4	NCMAP	SNX19
TENT4A	NCOA1	SNX2
TENT5C	NCOA2	SNX24
TEP1	NCOA4	SNX27
TERF2	NCOA5	SNX29
TERF2IP	NCOA7	SNX30
TESMIN	NCOR1	SNX32
TET2	NCR3LG1	SNX33
TET3	NCS1	SNX4
TEX10	NDC1	SOAT1
TEX13B	NDEL1	SOBP
TEX19	NDFIP1	SOCS1
TEX2	NDN	SOCS3
TEX22	NDNF	SOCS4
TFAP2A	NDP	SOCS5
TFAP2B	NDRG1	SOCS6
TFB1M	NDRG3	SOD2
TFCP2	NDST3	SOGA1
TFCP2L1	NDST4	SORCS3
TFEC	NDUFA10	SORD
TFG	NDUFA4L2	SORL1
TFR2	NDUFA5	SORT1
TFRC	NDUFA8	SOS2
TGFA	NDUFA9	SOSTDC1
TGFB2	NDUFAF4	SOWAHC
TGFBR1	NDUFAF5	SOX1
TGFBR2	NDUFAF7	SOX10
TGFBR3	NDUFB4	SOX11
TGFBRAP1	NDUFB5	SOX3
TGIF1	NDUFB9	SOX4
TGIF2LX	NDUFC1	SP1
TGIF2LY	NDUFC2	SP100
TGOLN2	NDUFS1	SP140L
TGS1	NDUFV3	SP3
THAP1	NEB	SP4
THAP2	NEBL	SP6
THAP5	NECAB1	SPA17
THAP6	NECAB3	SPAG5
THAP8	NECAP1	SPAG6
THBD	NECTIN3	SPAG9
THBS1	NEDD1	SPARC
THBS2	NEDD4	SPART
THBS4	NEDD9	SPATA17
THEM4	NEFM	SPATA2

THEMIS2	NEGR1	SPATA33
THG1L	NEIL3	SPATA5
THOP1	NEK10	SPATS2
THRAP3	NEK11	SPATS2L
THRB	NEK2	SPCS1
THSD7A	NEK3	SPCS2
THSD7B	NEK4	SPCS3
THUMPD1	NEK5	SPDL1
TIAM1	NEK7	SPECC1
TIFA	NEK9	SPEF2
TIFAB	NELL1	SPEN
TIGAR	NEMF	SPHAR
TIGD2	NEMP1	SPIB
TIGD5	NEMP2	SPIC
TIGIT	NENF	SPICE1
TIMD4	NEO1	SPIDR
TIMELESS	NEPRO	SPIN3
TIMM22	NET1	SPIN4
TIMM50	NETO1	SPINT1
TIMP3	NETO2	SPNS1
TIMP4	NEU3	SPOCK1
TIPARP	NEUROD1	SPOCK2
TIPRL	NEUROD4	SPOCK3
TIRAP	NEUROD6	SPOUT1
TK1	NEUROG2	SPPL2A
TK2	NEUROG3	SPPL3
TLCD2	NEXMIF	SPRED1
TLCD4	NF1	SPRED2
TLE3	NFAM1	SPRY1
TLK2	NFASC	SPRY3
TLL1	NFAT5	SPRY4
TLL2	NFATC1	SPRYD3
TLN1	NFATC2	SPRYD4
TLN2	NFATC4	SPTB
TLNRD1	NFE2L3	SPTBN1
TLR10	NFIA	SPTBN2
TLR2	NFIB	SPTBN5
TLR8	NFIL3	SPTLC3
TM2D2	NFKB2	SPTSSA
TM2D3	NFKBIA	SQSTM1
TMBIM1	NFKBIZ	SRC
TMBIM6	NFRKB	SRD5A3
TMC6	NFS1	SREBF2
TMC7	NFXL1	SREK1

TMCC1	NFYA	SREK1IP1
TMCC3	NFYC	SRFBP1
TMCO1	NGDN	SRGAP1
TMCO4	NGRN	SRGAP3
TMED3	NHLH1	SRGN
TMED5	NHLRC2	SRI
TMED7	NHLRC3	SRP68
TMEM106B	NHS	SRPK2
TMEM11	NIBAN1	SRPRA
TMEM120B	NID1	SRPX2
TMEM127	NIF3L1	SRR
TMEM129	NIFK	SRRD
TMEM132B	NIN	SRSF1
TMEM132C	NINL	SRSF10
TMEM139	NIPA1	SRSF11
TMEM140	NIPA2	SRSF2
TMEM141	NIPAL1	SRSF3
TMEM151A	NIPAL2	SRSF7
TMEM151B	NIPAL3	SRXN1
TMEM154	NIPAL4	SSBP2
TMEM158	NIPBL	SSBP3
TMEM164	NIPSNAP2	SSC4D
TMEM165	NIPSNAP3A	SSH2
TMEM167A	NIPSNAP3B	SSH3
TMEM167B	NIT1	SSPN
TMEM168	NKAIN1	SSR1
TMEM169	NKAIN2	SSR3
TMEM170A	NKAP	SSR4P1
TMEM170B	NKD1	SSRP1
TMEM178B	NKIRAS1	SSX2
TMEM18	NKIRAS2	SSX2IP
TMEM182	NKRF	SSX3
TMEM185B	NKTR	ST13
TMEM186	NKX2-1	ST3GAL6
TMEM19	NKX2-2	ST5
TMEM198	NKX2-4	ST6GAL1
TMEM200B	NKX3-1	ST6GAL2
TMEM201	NKX3-2	ST6GALNAC3
TMEM207	NKX6-2	ST6GALNAC5
TMEM209	NLE1	ST7L
TMEM211	NLGN1	ST8SIA1
TMEM212	NLGN4X	ST8SIA3
TMEM214	NLK	ST8SIA4
TMEM220	NLN	STAC

TMEM230	NLRP6	STAG2
TMEM231	NLRP9	STAM
TMEM233	NMD3	STAM2
TMEM235	NME6	STAMBP
TMEM236	NMNAT1	STAMBPL1
TMEM237	NMNAT2	STARD3NL
TMEM241	NMT2	STARD4
TMEM245	NNT	STARD5
TMEM246	NOA1	STARD8
TMEM248	NOC3L	STAT1
TMEM25	NOCT	STAT2
TMEM251	NOD2	STAT3
TMEM253	NOL10	STAT5A
TMEM258	NOL11	STAT5B
TMEM26	NOL12	STAT6
TMEM263	NOL4	STAU2
TMEM268	NOL4L	STC1
TMEM33	NOL7	STIL
TMEM39A	NOL8	STIM1
TMEM40	NOLC1	STIM2
TMEM41A	NOM1	STK10
TMEM43	NOP53	STK17B
TMEM52B	NOP9	STK24
TMEM53	NOS1	STK25
TMEM62	NOS3	STK32A
TMEM63C	NOTCH2	STK33
TMEM64	NOTCH3	STK35
TMEM65	NOTO	STK38L
TMEM74B	NOVA1	STK4
TMEM86A	NOVA2	STMN1
TMEM87A	NOX4	STMP1
TMEM87B	NPAP1	STN1
TMEM92	NPAS3	STOML1
TMEM9B	NPAS4	STOX2
TMLHE	NPAT	STPG1
TMOD2	NPC1	STPG4
TMOD3	NPEPPS	STRAP
TMPO	NPFFR1	STRN
TMPPE	NPHP1	STS
TMPRSS11B	NPHP3	STUM
TMPRSS4	NPL	STX12
TMSB15A	NPLOC4	STX17
TMSB15B	NPM1	STX1B
TMTC1	NPPC	STX3

TMTC2	NPR3	STX6
TMUB1	NPRL2	STX7
TNF	NPTXR	STXBP4
TNFAIP2	NPY	STXBP5L
TNFAIP3	NPY1R	STYX
TNFAIP8	NPY2R	STYXL1
TNFAIP8L1	NPY4R	SUB1
TNFRSF10A	NPY5R	SUCLG2
TNFRSF10C	NQO2	SUCNR1
TNFRSF11B	NR0B1	SUGT1
TNFRSF13C	NR1D2	SULT1B1
TNFRSF14	NR1H4	SULT1C2
TNFRSF19	NR2C1	SULT1E1
TNFRSF1B	NR2C2	SULT4A1
TNFRSF8	NR2F2	SUN2
TNFSF10	NR4A2	SUPT20H
TNFSF12-TNFSF13	NR5A2	SUPT3H
TNFSF13	NR6A1	SUPT7L
TNFSF13B	NRAS	SURF6
TNFSF15	NRBP2	SUSD1
TNFSF4	NRCAM	SUSD5
TNIK	NREP	SUV39H2
TNIP1	NRF1	SV2A
TNKS	NRG1	SV2B
TNKS2	NRG2	SV2C
TNN	NRG3	SVIP
TNNI1	NRG4	SWAP70
TNPO1	NRK	SWT1
TNR	NRL	SYAP1
TNRC6A	NRN1	SYBU
TNRC6B	NRP1	SYCE2
TNRC6C	NRP2	SYDE2
TNS3	NRXN1	SYK
TNS4	NRXN3	SYNC
TOGARAM2	NSD1	SYNCRIP
TOLLIP	NSD2	SYNGR1
TOM1	NSD3	SYNGR3
TOM1L1	NSDHL	SYNJ2
TOMM20	NSF	SYNJ2BP
TOMM34	NSL1	SYNPO
TOMM7	NSMAF	SYNPO2
TOP3A	NSMCE2	SYNPO2L
TOPBP1	NSRP1	SYNPR
TOR1AIP1	NSUN2	SYS1

TOR1AIP2	NSUN3	SYT1
TOX	NSUN4	SYT10
TOX3	NSUN5	SYT11
TP53	NSUN7	SYT13
TP53BP2	NT5C1A	SYT7
TP53INP1	NT5C1B	SYTL4
TP53INP2	NT5C1B-RDH14	SZRD1
TP63	NT5C2	SZT2
TPD52	NT5DC1	TAB3
TPD52L1	NT5DC3	TACO1
TPGS2	NT5DC4	TACR1
TPH1	NTM	TADA2B
TPK1	NTN4	TAF10
TPM3	NTN5	TAF11
TPPP3	NTNG1	TAF12
TPRA1	NTNG2	TAF13
TPRG1	NTPCR	TAF1A
TPRG1L	NTRK2	TAF1D
TPT1	NTRK3	TAF3
TRA2B	NUAK1	TAF4
TRABD2A	NUBPL	TAF4B
TRABD2B	NUCB1	TAF5L
TRAF2	NUCB2	TAF7L
TRAF3IP1	NUCKS1	TAF8
TRAF3IP2	NUDCD1	TAF9B
TRAF4	NUDCD2	TAF1A
TRAF5	NUDCD3	TAF1B
TRAF6	NUDT11	TAF1C
TRAK1	NUDT12	TAF1D
TRAM1	NUDT15	TAF3
TRAM2	NUDT16	TAF4
TRAP1	NUDT19	TAF4B
TRAPPC10	NUDT21	TAF5L
TRAPPC6B	NUDT3	TAF7L
TRAPPC9	NUDT4	TAF8
TRARG1	NUDT5	TAF9B
TRAT1	NUDT9	TAF1A
TRDMT1	NUF2	TAF1B
TREML2	NUFIP1	TAF1C
TRIM14	NUFIP2	TAF1D
TRIM2	NUGGC	TAF3
TRIM24	NUMBL	TAF4
TRIM28	NUP133	TAF4B
TRIM35	NUP160	TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A
		TAF1B
		TAF1C
		TAF1D
		TAF3
		TAF4
		TAF4B
		TAF5L
		TAF7L
		TAF8
		TAF9B
		TAF1A

TRIM36	NUP205	TBC1D24
TRIM4	NUP214	TBC1D26
TRIM44	NUP35	TBC1D30
TRIM47	NUP37	TBC1D4
TRIM5	NUP42	TBC1D8B
TRIM58	NUP43	TBC1D9
TRIM62	NUP50	TBCA
TRIM64B	NUP58	TBCEL
TRIM71	NUP62	TBK1
TRIM72	NUP62CL	TBL1X
TRIM74	NUP88	TBL1XR1
TRIM9	NUP93	TBPL2
TRIP13	NUP98	TBR1
TRIP4	NUS1	TBX15
TRIQQ	NUTF2	TBX18
TRMO	NUTM2D	TBX20
TRMT10B	NVL	TBX3
TRMT2A	NWD1	TBXT
TRMT5	NWD2	TCEA1
TRMT6	NXF1	TCEAL1
TRMT9B	NXNL2	TCEAL8
TRNP1	NXPH1	TCF12
TROAP	NXPH2	TCF21
TRPA1	NXPH3	TCF23
TRPC1	NXT2	TCF24
TRPC3	NYAP1	TCF3
TRPC4	NYNRIN	TCF4
TRPC4AP	OARD1	TCF7L2
TRPC5	OAS1	TCFL5
TRPM3	OAS2	TCHP
TRPS1	OAS3	TCL1A
TRPV2	OASL	TCP10
TRUB1	OAT	TCTA
TSC1	OCIAD1	TCTE1
TSC22D2	OCIAD2	TCTN2
TSC22D3	OCLN	TDG
TSEN2	OCRL	TDRD1
TSEN54	ODAPH	TDRD10
TSFM	ODF2	TDRD9
TSHZ2	ODF2L	TDRKH
TSKU	ODF4	TDRP
TSNARE1	OGA	TEC
TSPAN12	OGFOD1	TECPR1
TSPAN13	OGFOD3	TECPR2

TSPAN14	OGFRL1	TECRL
TSPAN15	OIP5	TECTB
TSPAN17	OIT3	TEDC1
TSPAN2	OLA1	TEK
TSPAN3	OLFM1	TEKT1
TSPAN5	OLFM2	TELO2
TSPAN7	OLFM3	TENM1
TSPYL1	OLFM4	TENM2
TSPYL5	OLFML2A	TENM4
TSSK1B	OLFML3	TENT4A
TSTD2	OLIG2	TEPP
TTBK2	OLIG3	TERF2
TTC13	OLR1	TERF2IP
TTC14	OMA1	TESMIN
TTC28	OMD	TET2
TTC30B	OMG	TET3
TTC31	OMP	TEX19
TTC37	ONECUT1	TEX2
TTC39A	ONECUT2	TEX22
TTC39B	ONECUT3	TEX261
TTC39C	OPA3	TFAP2A
TTC4	OPALIN	TFB1M
TTC7A	OPCML	TFCP2
TTC8	OPHN1	TFCP2L1
TTC9	OPN1MW2	TFEC
TTF2	OPN1SW	TFG
TTI2	OPN3	TFR2
TTL	OPN4	TFRC
TTLL11	OPRK1	TGFA
TTLL12	OPRM1	TGFB2
TTLL4	OR1L8	TGFBR1
TTLL7	OR2A4	TGFBR2
TTPAL	OR2H1	TGFBR3
TTR	OR2L13	TGFBRAP1
TUB	OR52I2	TGIF1
TUBA1A	OR6C4	TGIF2LX
TUBB6	OR7A17	TGIF2LY
TUBGCP3	OR7A5	TGOLN2
TULP4	OR7D2	TGS1
TVP23A	OR9Q1	THAP1
TWF1	ORC2	THAP2
TWISTNB	ORC4	THAP6
TWNK	ORC5	THAP8
TXK	ORMDL1	THBD

TXLNA	OSBP	THBS1
TXLNB	OSBP2	THBS2
TXLNG	OSBPL10	THEM4
TXN	OSBPL11	THEMIS2
TXNDC12	OSBPL1A	THG1L
TXNDC16	OSBPL2	THOC5
TXNRD2	OSBPL3	THRB
TYR	OSBPL6	THSD7A
TYRP1	OSBPL7	THSD7B
TYW3	OSBPL8	THUMPD1
UBA1	OSCP1	TIAM1
UBA2	OSER1	TICAM1
UBA6	OSGIN2	TIFA
UBAC1	OSMR	TIFAB
UBASH3B	OSTC	TIGAR
UBD	OSTF1	TIGD2
UBE2D1	OSTM1	TIGD5
UBE2D3	OTOGL	TIGD6
UBE2E1	OTOR	TIGD7
UBE2E2	OTUB1	TIGIT
UBE2E3	OTUD1	TIMD4
UBE2G2	OTUD3	TIMELESS
UBE2I	OTUD4	TIMM22
UBE2J1	OTUD6B	TIMMDC1
UBE2J2	OTUD7A	TIMP3
UBE2K	OTULIN	TIMP4
UBE2N	OTULINL	TIPARP
UBE2O	OVCH1-AS1	TIPRL
UBE2QL1	OVOL1	TIRAP
UBE2T	OXA1L	TK1
UBE2V2	OXGR1	TK2
UBE2W	OXNAD1	TKFC
UBE3B	OXR1	TLCD2
UBE4A	OXSR1	TLCD3A
UBE4B	OXTR	TLCD4
UBIAD1	P2RX1	TLE3
UBN2	P2RX5	TLE4
UBOX5	P2RX7	TLK2
UBP1	P2RY1	TLL1
UBR5	P2RY10	TLL2
UBR7	P2RY12	TLN1
UBTD2	P2RY13	TLN2
UBXN10	P2RY14	TLNRD1
UBXN2A	P2RY2	TLR2

UBXN2B	P2RY8	TLR6
UBXN7	P3H2	TLR8
UCHL5	P4HA2	TM2D2
UCMA	P4HB	TM2D3
UCP2	PA2G4	TM4SF18
UCP3	PABPC1	TM9SF2
UEVLD	PABPC1L2A	TM9SF3
UFL1	PABPC1L2B	TMA16
UGCG	PABPC3	TMBIM1
UGT2B15	PABPC4L	TMBIM6
UGT3A1	PABPC5	TMC2
UGT8	PACC1	TMC5
UHMK1	PACRGL	TMC6
UHRF1BP1L	PACS1	TMC7
UHRF2	PACS2	TMCC1
ULK2	PACSN2	TMCC3
ULK3	PADI2	TMCO1
UMPS	PAFAH1B1	TMCO4
UNC119B	PAFAH1B2	TMCO5A
UNC13A	PAG1	TMED3
UNC13B	PAH	TMED5
UNC5B	PAICS	TMED7
UNC5C	PAIP1	TMED9
UNC5D	PAIP2B	TMEM104
UNC79	PAK1	TMEM106B
UNKL	PAK1IP1	TMEM120B
UPF1	PAK2	TMEM121B
UPF3B	PAK3	TMEM127
UPP2	PALLD	TMEM129
UQCC3	PALM2-AKAP2	TMEM132B
UQCR10	PALMD	TMEM132C
UQCR11	PAM	TMEM135
UQCRB	PANK1	TMEM139
UQCRES1	PANK2	TMEM140
URB1	PANK3	TMEM141
URGCP-MRPS24	PANK4	TMEM151A
URI1	PANX1	TMEM151B
UROD	PAOX	TMEM154
UROS	PAPLN	TMEM158
USB1	PAPOLA	TMEM164
USF2	PAPOLB	TMEM165
USF3	PAPOLG	TMEM167A
USP12	PAPPA	TMEM167B
USP13	PAPPA2	TMEM168

USP14	PAPSS2	TMEM169
USP15	PAQR3	TMEM170A
USP18	PAQR5	TMEM170B
USP21	PAQR7	TMEM178B
USP22	PAQR8	TMEM18
USP3	PAQR9	TMEM182
USP30	PARD3B	TMEM183A
USP31	PARD6B	TMEM184C
USP32	PARD6G	TMEM185B
USP35	PARD6G-AS1	TMEM186
USP36	PARK7	TMEM19
USP39	PARL	TMEM196
USP4	PARN	TMEM198
USP40	PARP1	TMEM199
USP46	PARP11	TMEM200C
USP47	PARP15	TMEM201
USP48	PARP16	TMEM207
USP49	PARP3	TMEM209
USP5	PARP4	TMEM211
USP51	PARP9	TMEM212
USP53	PARPBP	TMEM214
USP54	PARVA	TMEM215
USP6	PASK	TMEM220
USP6NL	PATE1	TMEM229A
USP9X	PATE2	TMEM229B
USP9Y	PATJ	TMEM230
UST	PATL1	TMEM231
UTP14C	PATZ1	TMEM233
UTP15	PAWR	TMEM235
UTP25	PAX1	TMEM236
UTP6	PAX3	TMEM237
UTS2B	PAX6	TMEM241
UTY	PAXBP1	TMEM245
VAMP3	PBK	TMEM246
VAMP4	PBOV1	TMEM248
VAMP8	PBRM1	TMEM25
VANGL1	PBX1	TMEM251
VANGL2	PBX3	TMEM253
VAPA	PCBP1	TMEM258
VAPB	PCCB	TMEM26
VASH1	PCDH10	TMEM263
VASH2	PCDH11X	TMEM33
VAT1L	PCDH11Y	TMEM39A
VAV2	PCDH12	TMEM41A

VAV3	PCDH15	TMEM43
VAX1	PCDH17	TMEM44
VCAM1	PCDH18	TMEM52B
VCAN	PCDH19	TMEM53
VCL	PCDH20	TMEM62
VCP	PCDH7	TMEM63C
VCPIP1	PCDH8	TMEM64
VDAC3	PCDH9	TMEM65
VEZF1	PCDHA9	TMEM74B
VEZT	PCDHAC1	TMEM86A
VGLL3	PCDHB10	TMEM87A
VGLL4	PCDHB11	TMEM87B
VHL	PCDHB12	TMEM92
VHLL	PCDHB15	TMEM9B
VKORC1L1	PCDHB17P	TMLHE
VLDLR	PCDHB3	TMOD2
VMA21	PCDHB4	TMOD3
VMAC	PCDHB5	TMPO
VN1R1	PCDHB7	TMPPE
VPS13A	PCDHGA1	TMPRSS4
VPS13C	PCDHGA10	TMSB15B
VPS26C	PCDHGA11	TMTC1
VPS36	PCDHGA12	TMTC2
VPS37A	PCDHGA2	TMTC3
VPS50	PCDHGA3	TMX4
VPS52	PCDHGA4	TNF
VPS53	PCDHGA5	TNFAIP1
VPS54	PCDHGA6	TNFAIP2
VPS9D1	PCDHGA7	TNFAIP8
VSIR	PCDHGA8	TNFAIP8L1
VSTM4	PCDHGA9	TNFRSF10C
VSTM5	PCDHGB1	TNFRSF11B
VSX1	PCDHGB2	TNFRSF13C
VTI1	PCDHGB3	TNFRSF14
VTI1A	PCDHGB4	TNFRSF19
VTI1B	PCDHGB6	TNFRSF1B
VTN	PCDHGB7	TNFRSF8
VWA1	PCDHGC3	TNFSF10
VWA3B	PCDHGC4	TNFSF12-TNFSF13
VWC2	PCDHGC5	TNFSF13
VWC2L	PCF11	TNFSF13B
VWDE	PCGF3	TNFSF14
WAC	PCGF5	TNFSF15
WARS2	PCGF6	TNFSF4

WASF2	PCID2	TNFSF8
WASF3	PCLO	TNIK
WASL	PCMTD2	TNIP1
WBP1L	PCNA	TNKS
WDCP	PCNP	TNKS2
WDFY2	PCNX1	TNN
WDPCP	PCNX2	TNNI1
WDR12	PCSK1	TNPO1
WDR20	PCSK2	TNR
WDR33	PCSK5	TNRC6A
WDR35	PCSK7	TNRC6B
WDR4	PCSK9	TNRC6C
WDR41	PCTP	TNS3
WDR47	PCYOX1	TNS4
WDR48	PCYT1B	TOB2
WDR55	PCYT2	TOGARAM2
WDR59	PDAP1	TOLLIP
WDR6	PDCD10	TOM1L1
WDR61	PDCD2	TOMM20
WDR7	PDCD4	TOMM34
WDR70	PDCD6	TOMM7
WDR75	PDCD6IP	TOMM70
WDR77	PDCD7	TOPBP1
WDR82	PDCL	TOR1AIP1
WDR88	PDE10A	TOR1AIP2
WDR97	PDE11A	TOR1B
WDTC1	PDE12	TOX
WEE1	PDE1A	TOX3
WFDC1	PDE1C	TP53BP2
WFDC13	PDE3A	TP53INP1
WFS1	PDE3B	TP53INP2
WIF1	PDE4B	TP63
WIPF1	PDE4D	TPCN2
WIPF2	PDE4DIP	TPD52
WIPI2	PDE5A	TPD52L1
WLS	PDE6A	TPD52L2
WNK3	PDE6D	TPGS2
WNT1	PDE6H	TPH1
WNT10B	PDE7A	TPK1
WNT2	PDE7B	TPM1
WNT2B	PDE8B	TPM3
WNT7A	PDE9A	TPPP3
WNT8B	PDF	TPRA1
WNT9B	PDGFC	TPRG1

WRN	PDGFD	TPRG1L
WSB1	PDGFRA	TPT1
WSB2	PDHA1	TRA2B
WSCD1	PDHB	TRABD2A
WT1	PDHX	TRABD2B
WWC2	PDIK1L	TRAF2
WWC3	PDK1	TRAF3IP1
WWP2	PDK4	TRAF3IP2
WWTR1	PDLIM3	TRAF4
XBP1	PDLIM5	TRAF5
XCR1	PDLIM7	TRAF6
XIAP	PDP1	TRAK1
XIRP2	PDP2	TRAM1
XK	PDPK1	TRAM2
XKR4	PDPR	TRAPPC10
XKR7	PDS5B	TRAPPC6B
XPO5	PDSS2	TRAPPC9
XPO6	PDX1	TRARG1
XPR1	PDXDC1	TRAT1
XRCC3	PDZD2	TRDMT1
XRCC6	PDZD8	TREM1
XRN1	PDZRN3	TREML2
XYLT1	PEAK1	TRIM14
XYLT2	PEAR1	TRIM2
YAE1	PEG10	TRIM24
YAF2	PELI1	TRIM28
YAP1	PELI2	TRIM35
YARS2	PELO	TRIM36
YEATS2	PER2	TRIM4
YIPF3	PER3	TRIM44
YIPF4	PERM1	TRIM48
YIPF5	PERP	TRIM58
YIPF6	PEX10	TRIM62
YLPM1	PEX11A	TRIM64B
YOD1	PEX11B	TRIM67
YPEL1	PEX13	TRIM71
YPEL3	PEX19	TRIM72
YTHDC1	PEX2	TRIM74
YTHDF3	PEX26	TRIM9
YWHAE	PEX3	TRIOBP
YWHAG	PEX5L	TRIP11
YY1AP1	PEX7	TRIP13
ZADH2	PF4	TRIP4
ZBED1	PF4V1	TRIQQ

ZBED4	PFAS	TRMO
ZBED6CL	PFDN4	TRMT10B
ZBTB16	PFKFB2	TRMT2A
ZBTB20	PFKM	TRMT5
ZBTB21	PFN4	TRMT6
ZBTB24	PGAP1	TRMT9B
ZBTB25	PGAP2	TRNP1
ZBTB3	PGBD2	TROAP
ZBTB33	PGBD3	TRPA1
ZBTB34	PGBD4	TRPC1
ZBTB37	PGBD5	TRPC3
ZBTB39	PGGT1B	TRPC4
ZBTB40	PGK1	TRPC4AP
ZBTB41	PGLYRP2	TRPC5
ZBTB43	PGM1	TRPM2
ZBTB49	PGM2	TRPM3
ZBTB5	PGM2L1	TRPS1
ZBTB6	PGM3	TRPV2
ZBTB7A	PGM5	TRUB1
ZBTB7C	PGPEP1	TRUB2
ZBTB8B	PGPEP1L	TSC1
ZBTB8OS	PGR	TSC22D2
ZBTB9	PGRMC1	TSC22D3
ZC2HC1C	PHACTR1	TSEN2
ZC3H11A	PHACTR2	TSEN54
ZC3H12B	PHACTR4	TSFM
ZC3H12C	PHB	TSHZ2
ZC3H13	PHB2	TSKU
ZC3H14	PHC1	TSN
ZC3H7B	PHC3	TSNARE1
ZC3H8	PHEX	TSPAN11
ZC3HAV1L	PHF12	TSPAN12
ZCCHC14	PHF14	TSPAN13
ZCCHC24	PHF19	TSPAN14
ZCCHC4	PHF20	TSPAN15
ZCRB1	PHF20L1	TSPAN17
ZDHHC14	PHF21B	TSPAN2
ZDHHC15	PHF23	TSPAN3
ZDHHC17	PHF24	TSPAN5
ZDHHC18	PHF3	TSPAN7
ZDHHC21	PHF6	TSPYL1
ZDHHC22	PHF7	TSPYL5
ZDHHC23	PHF8	TSSK1B
ZDHHC24	PHIP	TSTD2

ZDHHC3	PHKA1	TTBK1
ZDHHC8	PHKA2	TTBK2
ZDHHC9	PHKG2	TTC13
ZEB2	PHLDA3	TTC14
ZFAND1	PHLDB1	TTC26
ZFAND2A	PHLDB2	TTC28
ZFAND3	PHLPP2	TTC30B
ZFAND5	PHOX2B	TTC31
ZFHX2	PHTF1	TTC37
ZFHX3	PHTF2	TTC39A
ZFP1	PHYH	TTC39B
ZFP28	PHYHIPL	TTC39C
ZFP30	PI15	TTC4
ZFP36L2	PI4K2A	TTC7A
ZFP37	PI4K2B	TTC7B
ZFP62	PI4KA	TTC8
ZFP90	PIAS1	TTC9
ZFP91	PIAS2	TTF2
ZFPM2	PIAS4	TTI2
ZFYVE16	PIBF1	TTL
ZFYVE9	PICALM	TTLL11
ZHX1	PID1	TTLL12
ZIC1	PIFO	TTLL4
ZIC5	PIGF	TTLL7
ZIK1	PIGG	TTPAL
ZIM3	PIGH	TTR
ZKSCAN1	PIGK	TUB
ZKSCAN3	PIGM	TUBA1A
ZKSCAN4	PIGO	TUBA1C
ZKSCAN5	PIGP	TUBB6
ZKSCAN7	PIGR	TUBGCP3
ZKSCAN8	PIGV	TUBGCP4
ZMAT4	PIH1D3	TULP4
ZMIZ1	PIK3AP1	TWF1
ZMIZ2	PIK3C2A	TWISTNB
ZMPSTE24	PIK3C3	TWINK
ZMYM4	PIK3CA	TXK
ZMYND11	PIK3CB	TXLNA
ZNF100	PIK3CG	TXLNB
ZNF107	PIK3R1	TXLNG
ZNF114	PIK3R2	TXNDC12
ZNF124	PIK3R3	TXNDC16
ZNF131	PIK3R5	TXNDC17
ZNF132	PIKFYVE	TXNRD1

ZNF140	PIM3	TXNRD2
ZNF141	PIN4	TYR
ZNF146	PINK1	TYRP1
ZNF148	PIP4K2A	TYW3
ZNF154	PIP4K2C	TYW5
ZNF160	PIP4P2	UAP1
ZNF169	PIP5K1A	UBA2
ZNF174	PIP5K1B	UBA5
ZNF180	PIP5K1C	UBA6
ZNF181	PITPNA	UBAC1
ZNF185	PITPNB	UBAP2L
ZNF19	PITPNC1	UBASH3B
ZNF207	PITPNM3	UBC
ZNF211	PITX2	UBD
ZNF22	PIWIL1	UBE2D1
ZNF230	PIWIL2	UBE2D3
ZNF234	PJA2	UBE2E1
ZNF236	PKD2	UBE2E2
ZNF24	PKHD1	UBE2E3
ZNF25	PKHD1L1	UBE2F
ZNF253	PKIA	UBE2G1
ZNF256	PKLR	UBE2G2
ZNF260	PKN2	UBE2H
ZNF264	PKNOX1	UBE2I
ZNF268	PKP4	UBE2J1
ZNF274	PLA2G12A	UBE2J2
ZNF275	PLA2G2C	UBE2K
ZNF277	PLA2G4A	UBE2N
ZNF280C	PLA2G4D	UBE2O
ZNF280D	PLA2G4E	UBE2Q1
ZNF284	PLA2G4F	UBE2QL1
ZNF287	PLA2G5	UBE2S
ZNF3	PLA2G7	UBE2T
ZNF302	PLA2R1	UBE2V2
ZNF317	PLAA	UBE2W
ZNF326	PLAAT3	UBE3B
ZNF330	PLAAT5	UBE4A
ZNF333	PLAC8	UBIAD1
ZNF337	PLAG1	UBN2
ZNF341	PLAGL2	UBOX5
ZNF343	PLAU	UBP1
ZNF35	PLB1	UBQLN4
ZNF350	PLBD2	UBR5
ZNF354C	PLCB1	UBR7

ZNF362	PLCB4	UBTD2
ZNF367	PLCD4	UBXN10
ZNF37A	PLCE1	UBXN2A
ZNF385A	PLCG1	UBXN2B
ZNF385B	PLCH1	UBXN7
ZNF391	PLCL1	UCHL5
ZNF395	PLCXD1	UCMA
ZNF396	PLCXD2	UCP2
ZNF397	PLCXD3	UCP3
ZNF407	PLD1	UEVLD
ZNF410	PLD2	UFL1
ZNF417	PLD5	UFM1
ZNF426	PLD6	UGCG
ZNF429	PLEKHA1	UGT2B15
ZNF431	PLEKHA3	UGT8
ZNF436	PLEKHA5	UHMK1
ZNF436-AS1	PLEKHA6	UHRF1
ZNF446	PLEKHA8	UHRF1BP1L
ZNF451	PLEKHB2	ULK2
ZNF460	PLEKHF2	ULK3
ZNF461	PLEKHG2	UMPS
ZNF462	PLEKHG3	UNC13A
ZNF471	PLEKHG4B	UNC13B
ZNF483	PLEKHG5	UNC5B
ZNF490	PLEKHH1	UNC5C
ZNF496	PLEKHH2	UNC5D
ZNF500	PLEKHM1	UNC79
ZNF501	PLEKHM3	UNC93A
ZNF507	PLEKHO1	UNKL
ZNF512	PLEKHS1	UPF1
ZNF514	PLG	UPF3B
ZNF518B	PLGLB1	UPP2
ZNF530	PLGLB2	UQCC3
ZNF536	PLIN3	UQCR10
ZNF543	PLIN5	UQCR11
ZNF546	PLK2	UQCRB
ZNF547	PLLP	UQCRFS1
ZNF548	PLN	URB1
ZNF549	PLP2	URGCP-MRPS24
ZNF550	PLPBP	URI1
ZNF551	PLPP3	UROS
ZNF552	PLPP4	USB1
ZNF555	PLPP5	USF3
ZNF556	PLPP6	USP1

ZNF557	PLPP7	USP13
ZNF559-ZNF177	PLPPR4	USP14
ZNF560	PLPPR5	USP15
ZNF561	PLRG1	USP18
ZNF562	PLS1	USP21
ZNF572	PLSCR1	USP22
ZNF574	PLSCR2	USP28
ZNF576	PLSCR5	USP3
ZNF583	PLXDC2	USP30
ZNF584	PLXNA2	USP31
ZNF585A	PLXNA4	USP32
ZNF587B	PLXNB1	USP35
ZNF592	PLXNC1	USP36
ZNF593	PM20D1	USP39
ZNF605	PM20D2	USP4
ZNF607	PMAIP1	USP40
ZNF613	PMEPA1	USP46
ZNF614	PMP2	USP47
ZNF616	PMPCA	USP48
ZNF618	PMPCB	USP49
ZNF620	PMVK	USP5
ZNF621	PNISR	USP51
ZNF623	PNLIPRP3	USP53
ZNF624	PNMA1	USP54
ZNF625	PNMA2	USP6
ZNF626	PNMA6A	USP6NL
ZNF629	PNMA8A	USP9X
ZNF641	PNN	USP9Y
ZNF652	PNO1	UST
ZNF655	PNOC	UTP14A
ZNF660	PNP	UTP14C
ZNF668	PNPLA3	UTP15
ZNF670	PNPLA4	UTP25
ZNF680	PNPLA8	UTP6
ZNF695	PNRC1	UTS2B
ZNF697	PNRC2	UTY
ZNF699	POC1B	VAMP3
ZNF70	POC1B-GALNT4	VAMP4
ZNF701	POF1B	VAMP7
ZNF703	POFUT1	VANGL1
ZNF704	POFUT2	VANGL2
ZNF705A	POGK	VAPB
ZNF705D	POGLUT1	VASH1
ZNF705G	POGLUT3	VASH2

ZNF706	POLA1	VAT1
ZNF708	POLA2	VAT1L
ZNF709	POLE	VAV2
ZNF71	POLE4	VAV3
ZNF711	POLG	VAX1
ZNF714	POLH	VCAM1
ZNF736	POLI	VCAN
ZNF74	POLK	VCL
ZNF746	POLM	VCPIP1
ZNF747	POLQ	VDAC3
ZNF749	POLR1A	VEZF1
ZNF75A	POLR1B	VEZT
ZNF764	POLR1C	VGLL3
ZNF765	POLR1E	VGLL4
ZNF770	POLR2C	VHL
ZNF772	POLR2D	VHLL
ZNF773	POLR2E	VIL1
ZNF776	POLR2F	VIT
ZNF778	POLR2M	VKORC1L1
ZNF785	POLR3A	VDLR
ZNF789	POLR3B	VMA21
ZNF791	POLR3E	VMAC
ZNF793	POLR3F	VN1R1
ZNF799	POLR3G	VNN1
ZNF805	POLR3K	VPS13A
ZNF814	POM121	VPS13B
ZNF831	POM121L12	VPS13C
ZNF844	POMC	VPS26A
ZNF85	POMP	VPS26C
ZNF852	POMT1	VPS36
ZNF875	PON1	VPS37A
ZNF879	PON3	VPS50
ZNF880	POP1	VPS52
ZNF891	POP4	VPS53
ZNF91	POPDC2	VPS54
ZNF93	POSTN	VPS9D1
ZNHIT6	POT1	VRTN
ZNRD2	POTED	VSIR
ZNRF1	POTEE	VSTM4
ZNRF2	POTEI	VSTM5
ZNRF3	POU1F1	VSX1
ZRANB1	POU2AF1	VSX2
ZSCAN12	POU2F1	VT A1
ZSCAN22	POU2F2	VTI1A

ZSCAN23	POU3F2	VTI1B
ZSCAN31	POU3F3	VTN
ZSWIM4	POU4F1	VWA1
ZSWIM7	POU4F2	VWA3B
ZW10	POU6F2	VWC2
ZXDA	PP7080	VWC2L
ZXDB	PPA2	VWDE
ZXDC	PPARD	WAC
ZYX	PPARG	WARS
ZZEF1	PPARGC1A	WARS2
ZZZ3	PPARGC1B	WASF2
	PPAT	WASF3
	PPBP	WASL
	PPDPF	WBP1L
	PPEF2	WDCP
	PPFIA1	WDFY2
	PPFIBP1	WDHD1
	PPHLN1	WDPCP
	PPIE	WDR12
	PPIF	WDR20
	PPIG	WDR3
	PPIL1	WDR33
	PPIL4	WDR34
	PPIL6	WDR35
	PPIP5K2	WDR4
	PPL	WDR41
	PPM1A	WDR47
	PPM1B	WDR48
	PPM1D	WDR55
	PPM1E	WDR59
	PPM1H	WDR60
	PPM1K	WDR61
	PPM1L	WDR7
	PPME1	WDR70
	PPP1CB	WDR73
	PPP1CC	WDR75
	PPP1R12A	WDR76
	PPP1R12B	WDR77
	PPP1R14C	WDR82
	PPP1R15A	WDR89
	PPP1R15B	WDR97
	PPP1R1A	WDTC1
	PPP1R1C	WEE1
	PPP1R21	WFDC1

<i>PPP1R3A</i>	<i>WFDC13</i>
<i>PPP1R3B</i>	<i>WFS1</i>
<i>PPP1R3C</i>	<i>WIF1</i>
<i>PPP1R3D</i>	<i>WIPF1</i>
<i>PPP1R3E</i>	<i>WIPF2</i>
<i>PPP1R3G</i>	<i>WIFI2</i>
<i>PPP1R9A</i>	<i>WLS</i>
<i>PPP2CA</i>	<i>WNK3</i>
<i>PPP2R1A</i>	<i>WNT1</i>
<i>PPP2R1B</i>	<i>WNT10B</i>
<i>PPP2R2A</i>	<i>WNT2</i>
<i>PPP2R2B</i>	<i>WNT2B</i>
<i>PPP2R2C</i>	<i>WNT8B</i>
<i>PPP2R3A</i>	<i>WNT9B</i>
<i>PPP2R5C</i>	<i>WRN</i>
<i>PPP2R5E</i>	<i>WSB1</i>
<i>PPP3CB</i>	<i>WSB2</i>
<i>PPP3CC</i>	<i>WSCD1</i>
<i>PPP3R1</i>	<i>WT1</i>
<i>PPP3R2</i>	<i>WWC2</i>
<i>PPP4R1</i>	<i>WWC3</i>
<i>PPP4R2</i>	<i>WWP2</i>
<i>PPP4R3A</i>	<i>WWTR1</i>
<i>PPP4R4</i>	<i>XAF1</i>
<i>PPP5D1</i>	<i>XBP1</i>
<i>PPP6C</i>	<i>XCR1</i>
<i>PPP6R1</i>	<i>XIAP</i>
<i>PPP6R3</i>	<i>XIRP2</i>
<i>PPTC7</i>	<i>XK</i>
<i>PPWD1</i>	<i>XKR4</i>
<i>PQLC2</i>	<i>XKR7</i>
<i>PQLC2L</i>	<i>XPO5</i>
<i>PRAF2</i>	<i>XPR1</i>
<i>PRAMEF1</i>	<i>XRCC3</i>
<i>PRAMEF15</i>	<i>XRCC6</i>
<i>PRAMEF2</i>	<i>XRN1</i>
<i>PRAMEF27</i>	<i>XYLT2</i>
<i>PRAMEF4</i>	<i>YAE1</i>
<i>PRAMEF6</i>	<i>YAF2</i>
<i>PRAMEF7</i>	<i>YAP1</i>
<i>PRAMEF8</i>	<i>YARS2</i>
<i>PRC1</i>	<i>YEATS2</i>
<i>PRCP</i>	<i>YIPF3</i>
<i>PRDM1</i>	<i>YIPF4</i>

<i>PRDM10</i>	<i>YIPF5</i>
<i>PRDM13</i>	<i>YIPF6</i>
<i>PRDM15</i>	<i>YME1L1</i>
<i>PRDM16</i>	<i>YOD1</i>
<i>PRDM2</i>	<i>YPEL1</i>
<i>PRDM4</i>	<i>YPEL2</i>
<i>PRDM5</i>	<i>YPEL3</i>
<i>PRDM6</i>	<i>YTHDC1</i>
<i>PRDM7</i>	<i>YTHDF2</i>
<i>PRELID2</i>	<i>YTHDF3</i>
<i>PRELID3B</i>	<i>YWHAB</i>
<i>PRELP</i>	<i>YWHAE</i>
<i>PREPL</i>	<i>YWHAG</i>
<i>PREX1</i>	<i>YWHAZ</i>
<i>PREX2</i>	<i>YY1</i>
<i>PRH2</i>	<i>YY2</i>
<i>PRICKLE2</i>	<i>ZADH2</i>
<i>PRIM1</i>	<i>ZBED1</i>
<i>PRIMPOL</i>	<i>ZBED4</i>
<i>PRKAA1</i>	<i>ZBED6CL</i>
<i>PRKAA2</i>	<i>ZBTB16</i>
<i>PRKAB1</i>	<i>ZBTB2</i>
<i>PRKAB2</i>	<i>ZBTB20</i>
<i>PRKACA</i>	<i>ZBTB21</i>
<i>PRKACB</i>	<i>ZBTB24</i>
<i>PRKACG</i>	<i>ZBTB25</i>
<i>PRKAG2</i>	<i>ZBTB26</i>
<i>PRKAG3</i>	<i>ZBTB3</i>
<i>PRKAR1A</i>	<i>ZBTB33</i>
<i>PRKAR2A</i>	<i>ZBTB34</i>
<i>PRKAR2B</i>	<i>ZBTB37</i>
<i>PRKCA</i>	<i>ZBTB39</i>
<i>PRKCE</i>	<i>ZBTB40</i>
<i>PRKCI</i>	<i>ZBTB41</i>
<i>PRKCQ</i>	<i>ZBTB42</i>
<i>PRKDC</i>	<i>ZBTB43</i>
<i>PRKG1</i>	<i>ZBTB49</i>
<i>PRKG2</i>	<i>ZBTB5</i>
<i>PRKN</i>	<i>ZBTB6</i>
<i>PRKRA</i>	<i>ZBTB7B</i>
<i>PRKX</i>	<i>ZBTB7C</i>
<i>PRL</i>	<i>ZBTB8B</i>
<i>PRLHR</i>	<i>ZBTB8OS</i>
<i>PRMT2</i>	<i>ZBTB9</i>

<i>PRMT3</i>	<i>ZC2HC1C</i>
<i>PRMT5</i>	<i>ZC3H10</i>
<i>PRMT6</i>	<i>ZC3H11A</i>
<i>PRMT9</i>	<i>ZC3H12B</i>
<i>PRND</i>	<i>ZC3H12C</i>
<i>PRNP</i>	<i>ZC3H13</i>
<i>PROK2</i>	<i>ZC3H14</i>
<i>PROM2</i>	<i>ZC3H15</i>
<i>PROP1</i>	<i>ZC3H4</i>
<i>PRORP</i>	<i>ZC3H7B</i>
<i>PROS1</i>	<i>ZC3H8</i>
<i>PROSER1</i>	<i>ZC3HAV1L</i>
<i>PROSER2</i>	<i>ZCCHC14</i>
<i>PROSER3</i>	<i>ZCCHC24</i>
<i>PROX1</i>	<i>ZCCHC4</i>
<i>PROX2</i>	<i>ZCRB1</i>
<i>PRPF18</i>	<i>ZDHHC14</i>
<i>PRPF19</i>	<i>ZDHHC15</i>
<i>PRPF38A</i>	<i>ZDHHC17</i>
<i>PRPF38B</i>	<i>ZDHHC18</i>
<i>PRPF39</i>	<i>ZDHHC2</i>
<i>PRPF4</i>	<i>ZDHHC20</i>
<i>PRPF40A</i>	<i>ZDHHC21</i>
<i>PRPF4B</i>	<i>ZDHHC22</i>
<i>PRPH2</i>	<i>ZDHHC23</i>
<i>PRPS1</i>	<i>ZDHHC24</i>
<i>PRPS2</i>	<i>ZDHHC3</i>
<i>PRPSAP2</i>	<i>ZDHHC8</i>
<i>PRR14L</i>	<i>ZDHHC9</i>
<i>PRR15</i>	<i>ZEB1</i>
<i>PRR16</i>	<i>ZEB2</i>
<i>PRR20A</i>	<i>ZFAND1</i>
<i>PRR20B</i>	<i>ZFAND2A</i>
<i>PRR20C</i>	<i>ZFAND3</i>
<i>PRR20D</i>	<i>ZFAND5</i>
<i>PRR20E</i>	<i>ZFHX2</i>
<i>PRR23A</i>	<i>ZFHX3</i>
<i>PRR23B</i>	<i>ZFP1</i>
<i>PRR23D1</i>	<i>ZFP14</i>
<i>PRR23D2</i>	<i>ZFP2</i>
<i>PRR27</i>	<i>ZFP28</i>
<i>PRR29</i>	<i>ZFP30</i>
<i>PRR3</i>	<i>ZFP36L2</i>
<i>PRR5L</i>	<i>ZFP37</i>

<i>PRR9</i>	<i>ZFP62</i>
<i>PRRC1</i>	<i>ZFP90</i>
<i>PRRG4</i>	<i>ZFP91</i>
<i>PRRX1</i>	<i>ZFPM2</i>
<i>PRSS12</i>	<i>ZFYVE16</i>
<i>PRSS22</i>	<i>ZFYVE27</i>
<i>PRSS23</i>	<i>ZHX1</i>
<i>PRSS33</i>	<i>ZIC1</i>
<i>PRSS35</i>	<i>ZIC5</i>
<i>PRTG</i>	<i>ZIK1</i>
<i>PRUNE2</i>	<i>ZIM3</i>
<i>PRXL2B</i>	<i>ZKSCAN1</i>
<i>PRXL2C</i>	<i>ZKSCAN3</i>
<i>PSAPL1</i>	<i>ZKSCAN4</i>
<i>PSAT1</i>	<i>ZKSCAN5</i>
<i>PSD3</i>	<i>ZKSCAN7</i>
<i>PSD4</i>	<i>ZKSCAN8</i>
<i>PSEN1</i>	<i>ZMAT4</i>
<i>PSG1</i>	<i>ZMIZ1</i>
<i>PSG11</i>	<i>ZMIZ2</i>
<i>PSG2</i>	<i>ZMPSTE24</i>
<i>PSG3</i>	<i>ZMYM4</i>
<i>PSG4</i>	<i>ZMYM6</i>
<i>PSG5</i>	<i>ZNF100</i>
<i>PSG8</i>	<i>ZNF107</i>
<i>PSIP1</i>	<i>ZNF112</i>
<i>PSKH2</i>	<i>ZNF117</i>
<i>PSMA2</i>	<i>ZNF124</i>
<i>PSMA4</i>	<i>ZNF132</i>
<i>PSMA5</i>	<i>ZNF134</i>
<i>PSMA8</i>	<i>ZNF136</i>
<i>PSMB2</i>	<i>ZNF138</i>
<i>PSMC3IP</i>	<i>ZNF140</i>
<i>PSMD1</i>	<i>ZNF141</i>
<i>PSMD10</i>	<i>ZNF146</i>
<i>PSMD11</i>	<i>ZNF148</i>
<i>PSMD12</i>	<i>ZNF154</i>
<i>PSMD5</i>	<i>ZNF160</i>
<i>PSME4</i>	<i>ZNF169</i>
<i>PSMF1</i>	<i>ZNF174</i>
<i>PSMG1</i>	<i>ZNF180</i>
<i>PSMG4</i>	<i>ZNF181</i>
<i>PSPC1</i>	<i>ZNF185</i>
<i>PSPH</i>	<i>ZNF19</i>

<i>PSRC1</i>	<i>ZNF195</i>
<i>PTAFR</i>	<i>ZNF207</i>
<i>PTAR1</i>	<i>ZNF208</i>
<i>PTBP2</i>	<i>ZNF211</i>
<i>PTBP3</i>	<i>ZNF22</i>
<i>PTCD2</i>	<i>ZNF224</i>
<i>PTCD3</i>	<i>ZNF233</i>
<i>PTCH1</i>	<i>ZNF234</i>
<i>PTCHD1</i>	<i>ZNF236</i>
<i>PTCHD3</i>	<i>ZNF24</i>
<i>PTCHD4</i>	<i>ZNF25</i>
<i>PTDSS1</i>	<i>ZNF253</i>
<i>PTDSS2</i>	<i>ZNF256</i>
<i>PTEN</i>	<i>ZNF260</i>
<i>PTER</i>	<i>ZNF264</i>
<i>PTGDR</i>	<i>ZNF268</i>
<i>PTGER2</i>	<i>ZNF274</i>
<i>PTGER3</i>	<i>ZNF275</i>
<i>PTGER4</i>	<i>ZNF277</i>
<i>PTGES</i>	<i>ZNF280C</i>
<i>PTGES3</i>	<i>ZNF280D</i>
<i>PTGFR</i>	<i>ZNF284</i>
<i>PTGFRN</i>	<i>ZNF287</i>
<i>PTGIR</i>	<i>ZNF3</i>
<i>PTGIS</i>	<i>ZNF302</i>
<i>PTGR2</i>	<i>ZNF317</i>
<i>PTGS1</i>	<i>ZNF319</i>
<i>PTGS2</i>	<i>ZNF326</i>
<i>PTH2R</i>	<i>ZNF330</i>
<i>PTHLH</i>	<i>ZNF331</i>
<i>PTK2</i>	<i>ZNF333</i>
<i>PTPDC1</i>	<i>ZNF337</i>
<i>PTPMT1</i>	<i>ZNF341</i>
<i>PTPN1</i>	<i>ZNF343</i>
<i>PTPN11</i>	<i>ZNF35</i>
<i>PTPN14</i>	<i>ZNF350</i>
<i>PTPN2</i>	<i>ZNF354C</i>
<i>PTPN20</i>	<i>ZNF362</i>
<i>PTPN3</i>	<i>ZNF366</i>
<i>PTPN4</i>	<i>ZNF367</i>
<i>PTPRB</i>	<i>ZNF37A</i>
<i>PTPRC</i>	<i>ZNF382</i>
<i>PTPRD</i>	<i>ZNF385A</i>
<i>PTPRE</i>	<i>ZNF385B</i>

<i>PTPRG</i>	<i>ZNF391</i>
<i>PTPRJ</i>	<i>ZNF395</i>
<i>PTPRK</i>	<i>ZNF396</i>
<i>PTPRM</i>	<i>ZNF397</i>
<i>PTPRN2</i>	<i>ZNF407</i>
<i>PTPRO</i>	<i>ZNF417</i>
<i>PTPRT</i>	<i>ZNF419</i>
<i>PTPRZ1</i>	<i>ZNF426</i>
<i>PTRH2</i>	<i>ZNF429</i>
<i>PTRHD1</i>	<i>ZNF431</i>
<i>PTS</i>	<i>ZNF436</i>
<i>PTTG1IP</i>	<i>ZNF436-AS1</i>
<i>PUDP</i>	<i>ZNF439</i>
<i>PUM2</i>	<i>ZNF440</i>
<i>PURA</i>	<i>ZNF446</i>
<i>PURB</i>	<i>ZNF451</i>
<i>PURG</i>	<i>ZNF460</i>
<i>PUS10</i>	<i>ZNF461</i>
<i>PUS3</i>	<i>ZNF471</i>
<i>PUS7</i>	<i>ZNF479</i>
<i>PUS7L</i>	<i>ZNF483</i>
<i>PVRIG</i>	<i>ZNF484</i>
<i>PWP1</i>	<i>ZNF490</i>
<i>PWWP2A</i>	<i>ZNF493</i>
<i>PWWP3B</i>	<i>ZNF496</i>
<i>PXDN</i>	<i>ZNF500</i>
<i>PXK</i>	<i>ZNF501</i>
<i>PXMP4</i>	<i>ZNF503</i>
<i>PXN</i>	<i>ZNF507</i>
<i>PXT1</i>	<i>ZNF514</i>
<i>PXYLP1</i>	<i>ZNF518B</i>
<i>PYGO1</i>	<i>ZNF525</i>
<i>PYHIN1</i>	<i>ZNF530</i>
<i>PYROXD1</i>	<i>ZNF536</i>
<i>PYROXD2</i>	<i>ZNF543</i>
<i>QDPR</i>	<i>ZNF546</i>
<i>QKI</i>	<i>ZNF547</i>
<i>QPCT</i>	<i>ZNF548</i>
<i>QPCTL</i>	<i>ZNF549</i>
<i>QRFPR</i>	<i>ZNF550</i>
<i>QRSL1</i>	<i>ZNF551</i>
<i>QSER1</i>	<i>ZNF552</i>
<i>QSOX2</i>	<i>ZNF555</i>
<i>QTRT2</i>	<i>ZNF556</i>

<i>R3HDM1</i>	<i>ZNF557</i>
<i>RAB10</i>	<i>ZNF559-ZNF177</i>
<i>RAB11A</i>	<i>ZNF560</i>
<i>RAB11B</i>	<i>ZNF561</i>
<i>RAB11FIP1</i>	<i>ZNF562</i>
<i>RAB11FIP2</i>	<i>ZNF571</i>
<i>RAB12</i>	<i>ZNF572</i>
<i>RAB14</i>	<i>ZNF576</i>
<i>RAB15</i>	<i>ZNF579</i>
<i>RAB17</i>	<i>ZNF583</i>
<i>RAB18</i>	<i>ZNF584</i>
<i>RAB1A</i>	<i>ZNF585A</i>
<i>RAB21</i>	<i>ZNF587</i>
<i>RAB22A</i>	<i>ZNF587B</i>
<i>RAB23</i>	<i>ZNF592</i>
<i>RAB27A</i>	<i>ZNF593</i>
<i>RAB27B</i>	<i>ZNF605</i>
<i>RAB28</i>	<i>ZNF607</i>
<i>RAB29</i>	<i>ZNF613</i>
<i>RAB2A</i>	<i>ZNF614</i>
<i>RAB2B</i>	<i>ZNF616</i>
<i>RAB30</i>	<i>ZNF618</i>
<i>RAB31</i>	<i>ZNF620</i>
<i>RAB32</i>	<i>ZNF621</i>
<i>RAB33B</i>	<i>ZNF623</i>
<i>RAB38</i>	<i>ZNF624</i>
<i>RAB39B</i>	<i>ZNF625</i>
<i>RAB3B</i>	<i>ZNF626</i>
<i>RAB3C</i>	<i>ZNF629</i>
<i>RAB3GAP1</i>	<i>ZNF641</i>
<i>RAB3GAP2</i>	<i>ZNF652</i>
<i>RAB3IL1</i>	<i>ZNF655</i>
<i>RAB3IP</i>	<i>ZNF660</i>
<i>RAB41</i>	<i>ZNF670</i>
<i>RAB42</i>	<i>ZNF672</i>
<i>RAB43</i>	<i>ZNF676</i>
<i>RAB4A</i>	<i>ZNF680</i>
<i>RAB5IF</i>	<i>ZNF695</i>
<i>RAB6A</i>	<i>ZNF697</i>
<i>RAB6B</i>	<i>ZNF699</i>
<i>RAB6C</i>	<i>ZNF70</i>
<i>RAB7A</i>	<i>ZNF701</i>
<i>RAB8B</i>	<i>ZNF703</i>
<i>RAB9B</i>	<i>ZNF704</i>

<i>RABGAP1</i>	<i>ZNF705A</i>
<i>RABGAP1L</i>	<i>ZNF705D</i>
<i>RABGEF1</i>	<i>ZNF705G</i>
<i>RABIF</i>	<i>ZNF706</i>
<i>RABL2A</i>	<i>ZNF708</i>
<i>RABL2B</i>	<i>ZNF709</i>
<i>RABL3</i>	<i>ZNF71</i>
<i>RABL6</i>	<i>ZNF716</i>
<i>RAC1</i>	<i>ZNF726</i>
<i>RACGAP1</i>	<i>ZNF728</i>
<i>RAD1</i>	<i>ZNF736</i>
<i>RAD17</i>	<i>ZNF737</i>
<i>RAD18</i>	<i>ZNF74</i>
<i>RAD21</i>	<i>ZNF746</i>
<i>RAD21L1</i>	<i>ZNF747</i>
<i>RAD50</i>	<i>ZNF749</i>
<i>RAD51</i>	<i>ZNF75A</i>
<i>RAD51AP1</i>	<i>ZNF764</i>
<i>RAD51AP2</i>	<i>ZNF765</i>
<i>RAD51B</i>	<i>ZNF772</i>
<i>RAD51C</i>	<i>ZNF773</i>
<i>RAD52</i>	<i>ZNF776</i>
<i>RAD54B</i>	<i>ZNF778</i>
<i>RAD54L2</i>	<i>ZNF785</i>
<i>RAD9B</i>	<i>ZNF789</i>
<i>RADX</i>	<i>ZNF791</i>
<i>RAE1</i>	<i>ZNF793</i>
<i>RAG1</i>	<i>ZNF799</i>
<i>RAI14</i>	<i>ZNF805</i>
<i>RAI2</i>	<i>ZNF814</i>
<i>RALA</i>	<i>ZNF827</i>
<i>RALB</i>	<i>ZNF831</i>
<i>RALBP1</i>	<i>ZNF844</i>
<i>RALGAPA1</i>	<i>ZNF85</i>
<i>RALGAPA2</i>	<i>ZNF850</i>
<i>RALGPS1</i>	<i>ZNF852</i>
<i>RALGPS2</i>	<i>ZNF875</i>
<i>RALY</i>	<i>ZNF879</i>
<i>RALYL</i>	<i>ZNF880</i>
<i>RAMAC</i>	<i>ZNF891</i>
<i>RAN</i>	<i>ZNF90</i>
<i>RANBP1</i>	<i>ZNF91</i>
<i>RANBP2</i>	<i>ZNF92</i>
<i>RANBP3L</i>	<i>ZNF93</i>

<i>RANBP6</i>	<i>ZNF99</i>
<i>RANBP9</i>	<i>ZNHIT6</i>
<i>RANGAP1</i>	<i>ZNRF1</i>
<i>RAP1A</i>	<i>ZNRF2</i>
<i>RAP1GAP</i>	<i>ZNRF3</i>
<i>RAP2A</i>	<i>ZRANB1</i>
<i>RAP2B</i>	<i>ZSCAN12</i>
<i>RAP2C</i>	<i>ZSCAN16</i>
<i>RAPGEF1</i>	<i>ZSCAN18</i>
<i>RAPGEF2</i>	<i>ZSCAN22</i>
<i>RAPGEF3</i>	<i>ZSCAN31</i>
<i>RAPGEF5</i>	<i>ZSWIM4</i>
<i>RAPGEF6</i>	<i>ZSWIM7</i>
<i>RAPH1</i>	<i>ZXDA</i>
<i>RARB</i>	<i>ZXDB</i>
<i>RARRES1</i>	<i>ZXDC</i>
<i>RARS2</i>	<i>ZYG11B</i>
<i>RASA1</i>	<i>ZYX</i>
<i>RASA2</i>	<i>ZZEF1</i>
<i>RASAL2</i>	<i>ZZZ3</i>
<i>RASAL3</i>	
<i>RASD2</i>	
<i>RASEF</i>	
<i>RASGEF1A</i>	
<i>RASGRF1</i>	
<i>RASGRF2</i>	
<i>RASGRP3</i>	
<i>RASSF1</i>	
<i>RASSF2</i>	
<i>RASSF3</i>	
<i>RASSF4</i>	
<i>RASSF6</i>	
<i>RASSF8</i>	
<i>RASSF9</i>	
<i>RAVER2</i>	
<i>RB1</i>	
<i>RB1CC1</i>	
<i>RBAK</i>	
<i>RBBP4</i>	
<i>RBBP5</i>	
<i>RBBP6</i>	
<i>RBBP9</i>	
<i>RBFOX1</i>	
<i>RBFOX2</i>	

RBL1
RBL2
RBM11
RBM12
RBM12B
RBM14
RBM17
RBM18
RBM19
RBM20
RBM22
RBM24
RBM25
RBM26
RBM27
RBM28
RBM3
RBM38
RBM39
RBM4
RBM41
RBM43
RBM44
RBM46
RBM48
RBM7
RBMS1
RBMS2
RBMXL1
RBMXL2
RBMY1A1
RBMY1B
RBMY1D
RBMY1E
RBMY1F
RBP2
RBPMs
RBPMs2
RBSN
RC3H2
RCAN2
RCAN3
RCBTB1
RCBTB2

RCC2
RCCD1
RCHY1
RCL1
RCN1
RCN2
RCOR1
RCOR3
RCSD1
RD3
RDH10
RDH12
RDH13
RDH14
RDX
RECK
RECQL
REEP1
REEP3
REEP5
REG3A
REG3G
REG4
REL
RELCH
RELL1
RELT
REP15
REPS1
REPS2
RERE
RERG
RESF1
REST
RET
RETREG1
RETREG2
REV1
RFC1
RFC3
RFLNB
RFNG
RFPL3S
RFPL4B

RFTN2
RFX2
RFX3
RFX5
RFX6
RGL1
RGL2
RGMA
RGMB
RGN
RGPD4
RGPD5
RGPD6
RGPD8
RGR
RGS13
RGS16
RGS17
RGS18
RGS2
RGS21
RGS4
RGS5
RGS6
RGS7
RGS7BP
RGS9BP
RHBDD1
RHEB
RHOBTB1
RHOBTB2
RHOBTB3
RHOH
RHOJ
RHOQ
RHOT1
RHPN2
RIBC1
RIC1
RIC8B
RICTOR
RIDA
RILPL2
RIMBP2

RIMKLA
RIMKLB
RIMS2
RIMS3
RIMS4
RIN2
RINT1
RIOK1
RIOK2
RIOK3
RIOX2
RIPK2
RIPK4
RIPOR2
RIPOR3
RIPPLY3
RIT1
RITA1
RLBP1
RLIM
RLN1
RLN2
RMDN2
RMI1
RMI2
RMND5A
RNASE13
RNASE4
RNASEH1
RNASEH2B
RNASEH2C
RNASET2
RND3
RNF103-CHMP3
RNF11
RNF111
RNF114
RNF125
RNF126
RNF13
RNF130
RNF138
RNF141
RNF144A

RNF144B
RNF146
RNF148
RNF149
RNF150
RNF152
RNF157
RNF165
RNF168
RNF169
RNF17
RNF170
RNF180
RNF182
RNF185
RNF187
RNF19A
RNF19B
RNF2
RNF20
RNF207
RNF212
RNF212B
RNF213
RNF216
RNF217
RNF219
RNF26
RNF32
RNF34
RNF38
RNF4
RNF41
RNF44
RNGTT
RNLS
RNMT
RO60
ROBO1
ROBO2
ROBO3
ROBO4
ROCK1
ROCK2

ROMO1
ROPN1
ROR1
ROR2
RORA
RORB
RORC
ROS1
RP2
RPA1
RPA3
RPAIN
RPAP2
RPAP3
RPE
RPE65
RPEL1
RPF1
RPF2
RPGR
RPGRIP1L
RPH3AL
RPL10L
RPL12
RPL13
RPL13A
RPL14
RPL17
RPL22
RPL22L1
RPL23
RPL23A
RPL26L1
RPL27A
RPL31
RPL36AL
RPL37
RPL37A
RPL7
RPL7L1
RPL8
RPL9
RPP14
RPP30

RPP40
RPRD1A
RPRD2
RPS12
RPS15A
RPS19
RPS2
RPS20
RPS23
RPS27A
RPS27L
RPS29
RPS4Y1
RPS6
RPS6KA2
RPS6KA3
RPS6KA5
RPS6KA6
RPS6KB1
RPS6KC1
RPS6KL1
RPTN
RPUSD2
RRAGC
RRAGD
RRAS2
RREB1
RRH
RRM1
RRM2B
RRN3
RRP15
RRP1B
RRP36
RRP7A
RRP8
RRS1
RS1
RSAD2
RSBN1
RSBN1L
RSF1
RSKR
RSL1D1

RSPH3
RSPH4A
RSPO1
RSPO3
RSPRY1
RTBDN
RTCA
RTF2
RTKN2
RTL6
RTL8B
RTL9
RTN3
RTN4
RTN4RL1
RTP4
RUBCN
RUBCNL
RUFY1
RUFY2
RUFY3
RUNDC1
RUNDC3B
RUNX1
RUNX1T1
RUNX2
RWDD1
RWDD2A
RWDD2B
RWDD4
RXFP1
RXYLT1
RYBP
RYR2
S100A10
S100A16
S100A2
S100A7A
S100PBP
S1PR1
S1PR3
S1PR5
SAA2
SACM1L

SAE1
SALL1
SALL4
SAMD1
SAMD12
SAMD14
SAMD15
SAMD3
SAMD4A
SAMD5
SAMD8
SAMD9L
SAP30
SAP30BP
SAP30L
SAR1A
SAR1B
SARAF
SART3
SASH1
SASS6
SATB1
SATB2
SAV1
SAXO2
SAYSD1
SBF2
SBSPON
SC5D
SCAF1
SCAF4
SCAF8
SCAI
SCAMP5
SCAPER
SCARA5
SCARB1
SCARB2
SCCPDH
SCD5
SCEL
SCFD1
SCFD2
SCG5

SCGB2A1
SCIMP
SCIN
SCLT1
SCML1
SCML2
SCML4
SCN11A
SCN1A
SCN2A
SCN2B
SCN3A
SCN8A
SCN9A
SCNM1
SCO1
SCP2
SCRG1
SCRIB
SCRN1
SCRN2
SCRN3
SCUBE3
SCYL1
SCYL2
SCYL3
SDAD1
SDC1
SDC2
SDCBP
SDE2
SDF2
SDHAF1
SDHAF3
SDHD
SDK1
SDR16C5
SEC11A
SEC14L3
SEC14L4
SEC14L5
SEC14L6
SEC16B
SEC22C

SEC23IP
SEC24A
SEC24B
SEC24D
SEC31B
SEC61A2
SEC61G
SEC62
SEC63
SECISBP2L
SEH1L
SEL1L
SEL1L3
SELENOI
SELENOK
SELENON
SELENOP
SELENOS
SELENOT
SEM1
SEMA3A
SEMA3C
SEMA3D
SEMA4D
SEMA4G
SEMA5A
SEMA6A
SEMA6D
SEMA7A
SENP2
SENP5
SENP7
SEPHS1
SEPTIN10
SEPTIN11
SEPTIN14
SEPTIN2
SEPTIN3
SEPTIN4
SEPTIN6
SEPTIN7
SERAC1
SERBP1
SERF1A

SERF1B
SERINC1
SERINC3
SERP1
SERPINA5
SERPINB10
SERPINB11
SERPINB13
SERPINB2
SERPINB7
SERPINB8
SERPINB9
SERPINC1
SERPINE1
SERPING1
SERTAD2
SERTAD3
SERTAD4
SERTM1
SESN1
SESN2
SESN3
SESTD1
SETBP1
SETD3
SETD4
SETD5
SETD7
SETD9
SETDB2
SETX
SEZ6L
SF3A1
SF3B1
SF3B3
SF3B5
SFI1
SFMBT1
SFMBT2
SFPQ
SFRP1
SFRP2
SFRP4
SFT2D2

SFT2D3
SFTPA1
SFTPA2
SFXN1
SFXN2
SFXN5
SGCB
SGCD
SGMS2
SGO1
SGPL1
SGPP2
SGSM2
SGTA
SGTB
SH2B3
SH2D1A
SH2D1B
SH2D4A
SH2D4B
SH2D7
SH3BGR
SH3BGRL
SH3BGRL2
SH3BP2
SH3BP4
SH3BP5
SH3BP5L
SH3D19
SH3GL2
SH3GLB1
SH3GLB2
SH3KBP1
SH3PXD2B
SH3RF1
SH3RF2
SH3RF3
SH3YL1
SHC1
SHC3
SHC4
SHCBP1
SHCBP1L
SHE

SHH
SHISA2
SHISA3
SHISA6
SHISA7
SHISA9
SHISAL1
SHLD1
SHLD2
SHMT1
SHOC2
SHPRH
SHQ1
SHROOM2
SHROOM3
SHROOM4
SHTN1
SIAH2
SIAH3
SIDT1
SIDT2
SIGLEC11
SIGLEC12
SIGLEC15
SIGLEC8
SIGLEC9
SIK1
SIK2
SIKE1
SIM1
SIM2
SIN3A
SIPA1
SIPA1L1
SIRPA
SIRPB1
SIRPB2
SIRT1
SIRT3
SIRT5
SIRT7
SIT1
SIX1
SIX3

SIX4
SIX6
SKA1
SKA2
SKA3
SKAP2
SKI
SKIDA1
SKIL
SKP1
SKP2
SLA
SLA2
SLAIN1
SLAIN2
SLAMF6
SLBP
SLC10A1
SLC10A2
SLC10A3
SLC10A6
SLC10A7
SLC11A1
SLC12A2
SLC12A3
SLC12A5
SLC12A6
SLC12A7
SLC13A1
SLC13A3
SLC14A1
SLC15A2
SLC15A4
SLC15A5
SLC16A1
SLC16A13
SLC16A14
SLC16A2
SLC16A6
SLC16A7
SLC16A9
SLC17A2
SLC17A4
SLC17A6

SLC17A8
SLC17A9
SLC18A1
SLC18A2
SLC18B1
SLC19A2
SLC1A1
SLC1A2
SLC1A3
SLC1A4
SLC1A5
SLC1A6
SLC1A7
SLC20A2
SLC22A1
SLC22A10
SLC22A15
SLC22A2
SLC22A9
SLC23A1
SLC23A2
SLC24A1
SLC24A2
SLC24A4
SLC24A5
SLC25A10
SLC25A12
SLC25A15
SLC25A16
SLC25A17
SLC25A18
SLC25A21
SLC25A21-AS1
SLC25A23
SLC25A24
SLC25A25
SLC25A26
SLC25A27
SLC25A30
SLC25A31
SLC25A32
SLC25A36
SLC25A37
SLC25A38

SLC25A4
SLC25A40
SLC25A44
SLC25A46
SLC25A5
SLC26A1
SLC26A10
SLC26A2
SLC26A4
SLC26A7
SLC26A8
SLC26A9
SLC27A4
SLC28A1
SLC28A3
SLC29A4
SLC2A1
SLC2A10
SLC2A12
SLC2A13
SLC2A14
SLC2A2
SLC2A3
SLC2A9
SLC30A1
SLC30A10
SLC30A2
SLC30A4
SLC30A5
SLC30A6
SLC30A7
SLC30A8
SLC30A9
SLC31A1
SLC31A2
SLC32A1
SLC34A1
SLC35A1
SLC35A5
SLC35B3
SLC35B4
SLC35C2
SLC35D1
SLC35D2

SLC35E1
SLC35E3
SLC35F1
SLC35F2
SLC35F3
SLC35F5
SLC35F6
SLC35G1
SLC35G3
SLC36A1
SLC36A2
SLC36A4
SLC37A3
SLC38A1
SLC38A11
SLC38A2
SLC38A4
SLC38A7
SLC38A9
SLC39A1
SLC39A11
SLC39A14
SLC39A2
SLC39A6
SLC39A8
SLC39A9
SLC3A1
SLC41A2
SLC41A3
SLC43A2
SLC43A3
SLC44A1
SLC44A5
SLC45A4
SLC46A3
SLC49A4
SLC4A1
SLC4A10
SLC4A4
SLC4A5
SLC4A7
SLC4A8
SLC5A1
SLC5A10

SLC5A12
SLC5A3
SLC5A6
SLC5A7
SLC5A8
SLC6A1
SLC6A11
SLC6A15
SLC6A17
SLC6A20
SLC6A5
SLC6A8
SLC7A1
SLC7A11
SLC7A14
SLC7A2
SLC7A6
SLC7A6OS
SLC8A1
SLC8B1
SLC9A4
SLC9A6
SLC9A7
SLC9A8
SLC9A9
SLC9B1
SLC9B2
SLC9C1
SLCO1B1
SLCO1C1
SLCO2B1
SLCO3A1
SLCO4C1
SLCO5A1
SLF1
SLF2
SLFN11
SLFN12L
SLFN13
SLFN5
SLIT1
SLIT2
SLITRK1
SLITRK3

SLK
SLMAP
SLU7
SLX4IP
SMAD1
SMAD2
SMAD3
SMAD4
SMAD5
SMAD7
SMAD9
SMAP1
SMAP2
SMARCA1
SMARCA2
SMARCA5
SMARCAD1
SMARCC1
SMARCE1
SMC1B
SMC2
SMC3
SMC4
SMC5
SMC6
SMCHD1
SMCO3
SMCR8
SMDT1
SMG1
SMG5
SMG7
SMIM12
SMIM13
SMIM14
SMIM15
SMIM18
SMIM19
SMIM21
SMIM30
SMIM6
SMIM7
SMIM8
SMKR1

SMLR1
SMN1
SMN2
SMNDC1
SMO
SMR3A
SMS
SMTNL2
SMU1
SMUG1
SMURF1
SMURF2
SMYD2
SNAI1
SNAI2
SNAP23
SNAP25
SNAP29
SNAP47
SNAP91
SNAPC1
SNAPC3
SNAPC5
SNAPIN
SNCAIP
SND1
SNED1
SNF8
SNIP1
SNN
SNRK
SNRNP27
SNRNP40
SNRNP48
SNRPD1
SNRPD3
SNRPF
SNRPG
SNTB2
SNX1
SNX10
SNX13
SNX16
SNX18

SNX19
SNX2
SNX22
SNX24
SNX25
SNX27
SNX30
SNX4
SNX9
SOAT1
SOBP
SOCS2
SOCS3
SOCS4
SOCS5
SOCS6
SOD2
SOGA1
SOHLH1
SOHLH2
SON
SORBS1
SORBS2
SORCS1
SORCS2
SORD
SORL1
SORT1
SOS2
SOST
SOSTDC1
SOWAHA
SOWAHB
SOWAHC
SOX1
SOX11
SOX12
SOX13
SOX21
SOX30
SOX4
SOX5
SOX7
SP1

SP100
SP110
SP140L
SP2
SP3
SP4
SP8
SP9
SPA17
SPACA1
SPAG1
SPAG11A
SPAG16
SPAG6
SPAG9
SPAM1
SPANXN1
SPARC
SPARCL1
SPATA13
SPATA17
SPATA18
SPATA2
SPATA22
SPATA33
SPATA4
SPATA5
SPATA6
SPATA9
SPATS2
SPATS2L
SPC24
SPC25
SPCS1
SPCS2
SPCS3
SPDYE1
SPDYE3
SPECC1
SPEF2
SPEN
SPESP1
SPG21
SPG7

SPHAR
SPHKAP
SPIC
SPICE1
SPIDR
SPIN1
SPIN3
SPIN4
SPINT2
SPIRE1
SPOCK1
SPOCK2
SPOCK3
SPOPL
SPOUT1
SPPL2A
SPPL2C
SPRED1
SPRED2
SPRY1
SPRY3
SPRY4
SPRYD4
SPRYD7
SPTBN1
SPTBN2
SPTLC1
SPTLC2
SPTLC3
SPTSSA
SPTY2D1
SPX
SRA1
SRC
SRCAP
SRD5A1
SRD5A3
SREK1
SREK1IP1
SRFBP1
SRGAP1
SRGAP3
SRGN
SRI

SRL
SRP19
SRP9
SRPK2
SRPRA
SRPRB
SRPX2
SRR
SRRD
SRRM1
SRRM4
SRSF1
SRSF10
SRSF11
SRSF12
SRSF2
SRSF3
SRSF4
SRSF6
SRSF7
SRSF9
SRXN1
SRY
SS18
SS18L1
SSB
SSBP2
SSBP3
SSH2
SSPN
SSR1
SSR3
SSR4P1
SSTR2
SSX1
SSX2
SSX2IP
SSX3
ST13
ST18
ST3GAL6
ST6GAL1
ST6GAL2
ST6GALNAC3

ST6GALNAC5

ST7L

ST8SIA1

ST8SIA2

ST8SIA3

ST8SIA4

ST8SIA6

STAC

STAC2

STAG1

STAG2

STAM

STAM2

STAMBP

STAMBPL1

STAP1

STARD13

STARD3NL

STARD4

STARD7

STARD9

STAT1

STAT2

STAT3

STAT5B

STATH

STAU1

STAU2

STC1

STC2

STEAP1

STEAP2

STEAP3

STEAP4

STIM1

STIM2

STK10

STK16

STK17B

STK24

STK26

STK3

STK32A

STK32B

STK32C
STK35
STK38L
STK39
STK40
STKLD1
STMN2
STMND1
STMP1
STN1
STOM
STOML1
STOML3
STON2
STOX2
STRADA
STRADB
STRIP1
STRIP2
STRN
STRN3
STRN4
STS
STT3A
STT3B
STUM
STX11
STX16
STX17
STX1A
STX1B
STX2
STX3
STX6
STX7
STXBP1
STXBP3
STXBP4
STXBP5
STXBP5L
STXBP6
STYK1
STYX
STYXL1

SUB1
SUCLG1
SUCLG2
SUCNR1
SUCO
SUFU
SUGCT
SUGT1
SULF1
SULF2
SULT1B1
SULT1C2
SULT1C4
SULT1E1
SULT4A1
SUMO1
SUMO2
SUMO3
SUOX
SUPT3H
SUPT7L
SURF1
SURF4
SURF6
SUSD1
SUSD5
SUSD6
SUV39H2
SUZ12
SV2A
SV2B
SV2C
SVIP
SWAP70
SWT1
SYAP1
SYCP2
SYF2
SYK
SYN1
SYN3
SYNC
SYNCRIP
SYNDIG1

SYNE3
SYNGR3
SYNJ1
SYNJ2
SYNJ2BP
SYNM
SYNPO
SYNPO2
SYNPO2L
SYNPR
SYPL1
SYS1
SYT1
SYT10
SYT11
SYT13
SYT15
SYT2
SYT4
SYT5
SYT6
SYT7
SYT9
SYTL3
SZRD1
TAB1
TAB3
TAC1
TACO1
TACR1
TACR3
TADA1
TADA2B
TAF11
TAF1A
TAF1B
TAF1D
TAF2
TAF3
TAF4B
TAF5
TAF5L
TAF7
TAF8

TAF9B
TAF A1
TAF A2
TAF A3
TAF A4
TAGAP
TAL1
TAL2
TANC1
TANC2
TANGO6
TANK
TAOK1
TAOK3
TAP2
TAPT1
TARDBP
TARSL2
TAS2R20
TAS2R30
TAS2R4
TAS2R5
TASOR
TASOR2
TASP1
TAT
TATDN1
TATDN2
TATDN3
TAX1BP1
TBC1D1
TBC1D12
TBC1D14
TBC1D15
TBC1D16
TBC1D19
TBC1D20
TBC1D22A
TBC1D23
TBC1D24
TBC1D25
TBC1D30
TBC1D32
TBC1D4

TBC1D5
TBC1D8
TBC1D8B
TBC1D9
TBCA
TBCC
TBCEL
TBK1
TBL1X
TBL1XR1
TBPL1
TBPL2
TBRG1
TBX15
TBX18
TBX20
TBX3
TBX5
TBX6
TC2N
TCAF1
TCAF2
TCEA1
TCEAL4
TCEANC
TCEANC2
TCF12
TCF15
TCF21
TCF23
TCF24
TCF4
TCF7
TCF7L2
TCFL5
TCHHL1
TCHP
TCIM
TCIRG1
TCL1A
TCN2
TCOF1
TCP1
TCP11L2

TCTA
TCTE1
TCTEX1D1
TCTN1
TDG
TDGF1
TDO2
TDP2
TDRD15
TDRD6
TDRP
TEC
TECPR1
TECPR2
TECRL
TECTB
TEDDM1
TEF
TEFM
TEKT1
TENM1
TENM2
TENM3
TENM4
TENT2
TENT4A
TENT5C
TENT5D
TEP1
TEPP
TEPSIN
TERB2
TERF1
TERF2
TERF2IP
TES
TESK1
TESMIN
TESPA1
TET1
TET2
TET3
TEX19
TEX2

TEX22
TEX35
TEX36
TF
TFAM
TFAP2B
TFAP2C
TFB2M
TFCP2L1
TFDP1
TFDP2
TFE3
TFEC
TFF3
TFG
TFIP11
TFPI
TFPI2
TGFA
TGFB2
TGFB3
TGFB1
TGFB1
TGFB2
TGFB3
TGFB1
TGFB1
TGFB2
TGFB3
TGIF1
TGIF2LX
TGIF2LY
TGIF2-RAB5IF
TGM2
TGM4
TGM5
TGOLN2
TGS1
THADA
THAP1
THAP12
THAP2
THAP3
THAP6
THAP9
THBD
THBS1
THBS2

THBS4
THEM4
THEMIS2
THG1L
THNSL1
THOC3
THOC5
THOC7
THRAP3
THRB
THSD4
THSD7A
THSD7B
THTPA
THUMPD2
THUMPD3
TIA1
TIAL1
TIFA
TIFAB
TIGAR
TIGD2
TIGD4
TIGD6
TIGIT
TIMD4
TIMELESS
TIMM10
TIMM17A
TIMM29
TIMM8A
TIMM9
TIMP3
TIMP4
TIPRL
TIRAP
TJP2
TK2
TKFC
TKTL1
TLCD2
TLCD4
TLCD5
TLE3

TLE4
TLK1
TLK2
TLL1
TLL2
TLN2
TLNRD1
TLR3
TLR6
TLR7
TLX1
TLX3
TM2D2
TM2D3
TM4SF1
TM4SF18
TM4SF20
TM4SF5
TM6SF1
TM9SF2
TM9SF3
TMA16
TMA7
TMBIM4
TMBIM6
TMC2
TMC6
TMC7
TMCC1
TMCC3
TMC01
TMC03
TMED10
TMED2
TMED4
TMED5
TMED7
TMED8
TMED9
TMEFF1
TMEFF2
TMEM100
TMEM104
TMEM106B

TMEM106C
TMEM108
TMEM11
TMEM116
TMEM117
TMEM120B
TMEM121B
TMEM127
TMEM128
TMEM130
TMEM132A
TMEM132B
TMEM134
TMEM135
TMEM144
TMEM14B
TMEM151A
TMEM151B
TMEM154
TMEM156
TMEM161B
TMEM163
TMEM164
TMEM165
TMEM167A
TMEM167B
TMEM168
TMEM169
TMEM170A
TMEM170B
TMEM174
TMEM175
TMEM178A
TMEM178B
TMEM181
TMEM182
TMEM183A
TMEM184A
TMEM184B
TMEM184C
TMEM185A
TMEM185B
TMEM186
TMEM189

TMEM19
TMEM192
TMEM196
TMEM200A
TMEM200C
TMEM207
TMEM209
TMEM213
TMEM215
TMEM220
TMEM221
TMEM229A
TMEM230
TMEM231
TMEM232
TMEM233
TMEM234
TMEM236
TMEM237
TMEM239
TMEM241
TMEM242
TMEM243
TMEM245
TMEM246
TMEM248
TMEM25
TMEM251
TMEM252
TMEM254
TMEM255A
TMEM26
TMEM260
TMEM263
TMEM267
TMEM273
TMEM30A
TMEM30B
TMEM33
TMEM35A
TMEM37
TMEM38A
TMEM39A
TMEM40

TMEM41A
TMEM43
TMEM44
TMEM47
TMEM50A
TMEM50B
TMEM53
TMEM62
TMEM63C
TMEM64
TMEM65
TMEM67
TMEM68
TMEM69
TMEM70
TMEM72
TMEM74
TMEM86A
TMEM87A
TMEM87B
TMEM97
TMEM98
TMEM9B
TMF1
TMIE
TMLHE
TMOD1
TMOD2
TMOD3
TMPO
TMPPE
TMPRSS11A
TMPRSS11B
TMPRSS11D
TMPRSS11E
TMPRSS12
TMPRSS13
TMPRSS15
TMPRSS2
TMPRSS4
TMPRSS5
TMSB15B
TMTC1
TMTC2

TMTC3
TMTC4
TMX1
TMX3
TMX4
TNF
TNFAIP6
TNFAIP8
TNFAIP8L1
TNFAIP8L3
TNFRSF10A
TNFRSF10B
TNFRSF10C
TNFRSF11A
TNFRSF11B
TNFRSF13C
TNFRSF14
TNFRSF19
TNFRSF1B
TNFRSF25
TNFRSF8
TNFRSF9
TNFSF10
TNFSF13B
TNFSF14
TNFSF15
TNFSF4
TNFSF8
TNIK
TNIP2
TNIP3
TNKS
TNKS1BP1
TNKS2
TNN
TNNI1
TNPO1
TNR
TNRC6A
TNRC6B
TNRC6C
TNS3
TNS4
TOGARAM1

TOGARAM2

TOM1L1

TOMM20

TOMM20L

TOMM22

TOMM40

TOMM6

TOP1

TOP2A

TOPORS

TOR1A

TOR1AIP1

TOR1AIP2

TOR1B

TOX

TOX2

TOX3

TP53

TP53BP2

TP53I11

TP53INP1

TP53INP2

TP53TG5

TP63

TPBGL

TPCN1

TPCN2

TPD52

TPD52L1

TPD52L3

TPGS2

TPH1

TPH2

TPK1

TPM3

TPMT

TPP1

TPPP

TPR

TPRG1

TPRG1L

TPRX1

TPRXL

TPST1

TPST2
TPT1
TRA2B
TRABD
TRABD2A
TRABD2B
TRAF1
TRAF2
TRAF3
TRAF3IP1
TRAF3IP3
TRAF4
TRAF5
TRAF6
TRAK1
TRAK2
TRAM2
TRAPPC10
TRAPPC13
TRAPPC2B
TRAPPC4
TRAPPC6B
TRAPPC8
TRAPPC9
TRAT1
TRDMT1
TRDN
TREM1
TREML2
TRERF1
TRHDE
TRIAP1
TRIB1
TRIM13
TRIM14
TRIM2
TRIM22
TRIM23
TRIM24
TRIM25
TRIM29
TRIM33
TRIM35
TRIM36

TRIM37
TRIM38
TRIM4
TRIM40
TRIM41
TRIM44
TRIM45
TRIM5
TRIM58
TRIM6
TRIM63
TRIM64B
TRIM65
TRIM66
TRIM67
TRIM7
TRIM71
TRIM72
TRIML2
TRIO
TRIP11
TRIP12
TRIP13
TRIP4
TRIQK
TRMO
TRMT10A
TRMT10B
TRMT10C
TRMT12
TRMT13
TRMT1L
TRMT44
TRMT5
TRMT9B
TRMU
TRNT1
TRPA1
TRPC3
TRPC4
TRPC5
TRPC6
TRPM1
TRPM3

TRPM4
TRPM6
TRPM7
TRPS1
TRPV1
TRPV3
TRUB1
TSC22D1
TSC22D2
TSC22D3
TSEN2
TSFM
TSHR
TSHZ1
TSHZ2
TSHZ3
TSKU
TSLP
TSN
TSNAX
TSPAN11
TSPAN12
TSPAN14
TSPAN15
TSPAN2
TSPAN3
TSPAN5
TSPAN6
TSPAN9
TSPYL1
TSPYL6
TSR1
TSTD2
TTBK2
TTC14
TTC17
TTC19
TTC21B
TTC22
TTC23
TTC26
TTC28
TTC29
TTC30A

TTC30B
TTC31
TTC32
TTC33
TTC37
TTC39A
TTC39B
TTC4
TTC5
TTC7A
TTC8
TTC9
TTF1
TTF2
TTK
TTL
TTLL11
TTLL5
TTLL7
TTLL9
TTN
TPA
TPAL
TTR
TUB
TUBA1B
TUBB1
TUBB6
TUBE1
TUBGCP3
TUFT1
TULP3
TULP4
TUSC1
TUSC2
TUSC3
TUT4
TUT7
TVP23A
TVP23C
TWF1
TWIST1
TWISTNB
TWSG1

TXK
TXLNA
TXLNG
TXNDC15
TXNDC16
TXNDC2
TXNDC8
TXNDC9
TXNL1
TXNL4B
TXNRD1
TXNRD2
TYMS
TYRO3
TYRP1
TYW1
TYW3
TYW5
UACA
UAP1
UBA2
UBA5
UBA6
UBAP2L
UBASH3B
UBB
UBD
UBE2A
UBE2B
UBE2D1
UBE2D2
UBE2D3
UBE2D4
UBE2E3
UBE2G1
UBE2H
UBE2I
UBE2J1
UBE2K
UBE2L3
UBE2N
UBE2Q1
UBE2Q2
UBE2QL1

UBE2R2
UBE2S
UBE2T
UBE2U
UBE2V2
UBE2W
UBE3A
UBE3B
UBE3D
UBE4A
UBE4B
UBFD1
UBIAD1
UBL3
UBL4A
UBLCP1
UBN2
UBP1
UBQLN1
UBQLN4
UBR1
UBR2
UBR5
UBR7
UBTD2
UBXN10
UBXN2A
UBXN2B
UBXN4
UBXN7
UCHL3
UCHL5
UCK1
UCK2
UCKL1
UCP1
UCP3
UEVLD
UFD1
UFL1
UFM1
UGCG
UGDH
UGGT1

UGP2
UGT2A1
UGT2A3
UGT2B10
UGT2B11
UGT2B15
UGT2B4
UGT3A1
UGT8
UHMK1
UHRF1BP1
UHRF1BP1L
UIMC1
ULBP1
ULBP3
ULK2
UMODL1
UMODL1-AS1
UMPS
UNC119
UNC119B
UNC13A
UNC13B
UNC5C
UNC5D
UNC80
UNC93A
UNKL
UPF3B
UPK1B
UPP1
UPP2
UPRT
UQCR11
UQCRB
UQCRFS1
URB1
URI1
URM1
USB1
USF3
USH2A
USHBP1
USP1

USP10
USP12
USP13
USP14
USP15
USP18
USP22
USP24
USP25
USP3
USP31
USP32
USP37
USP38
USP42
USP44
USP46
USP47
USP48
USP49
USP51
USP53
USP6NL
USP7
USP8
USP9X
USPL1
UST
UTP14C
UTP15
UTP23
UTP25
UTP3
UTP4
UTRN
UTS2
UTY
UVRAG
UVSSA
UXS1
VAMP1
VAMP4
VAMP7
VANGL1

VANGL2
VAPA
VAPB
VASH2
VASP
VAT1
VAT1L
VAV2
VAV3
VAX1
VBP1
VCAM1
VCAN
VCP
VCPIP1
VDAC3
VEGFA
VEZF1
VEZT
VGLL3
VGLL4
VHL
VHLL
VIL1
VIP
VIPAS39
VIPR1
VIRMA
VKORC1L1
VLDLR
VMA21
VMP1
VN1R1
VNN1
VNN2
VPS13A
VPS13B
VPS13C
VPS18
VPS26A
VPS26B
VPS26C
VPS29
VPS36

VPS37A
VPS41
VPS4A
VPS4B
VPS50
VPS52
VPS53
VRK1
VRK2
VSIG1
VSIG10
VSIG10L
VSIG4
VSTM2A
VSTM4
VSTM5
VSX1
VTA1
VTI1A
VWA1
VWA2
VWA3A
VWA3B
VWA5A
VWA5B1
VWA8
VWC2
VWC2L
VWDE
VXN
WAC
WAPL
WARS
WARS2
WASF1
WASF3
WASHC2A
WASHC4
WASL
WBP11
WBP1L
WBP2NL
WBP4
WDCP

WDFY2
WDHD1
WDPCP
WDR12
WDR13
WDR20
WDR25
WDR3
WDR31
WDR33
WDR35
WDR4
WDR41
WDR44
WDR45B
WDR47
WDR48
WDR59
WDR5B
WDR7
WDR70
WDR73
WDR75
WDR76
WDR77
WDR78
WDR82
WDR89
WDR92
WDR93
WDTC1
WDYHV1
WFDC13
WFDC5
WHAMM
WIF1
WIPF1
WIPF2
WIP12
WLS
WNK1
WNK2
WNK3
WNT16

WNT2
WNT2B
WNT3
WNT4
WNT8A
WNT8B
WNT9B
WRN
WSB1
WSB2
WSCD1
WT1
WTAP
WTIP
WWC2
WWC3
WWP1
WWP2
WWTR1
XAF1
XBP1
XCL1
XCL2
XCR1
XIAP
XK
XKR4
XKR7
XKR9
XPNPEP2
XPNPEP3
XPO1
XPOT
XPR1
XRCC2
XRCC4
XRN1
XRN2
XRR1
XXYLT1
XYLB
XYLT1
XYLT2
YAE1

YAF2
YAP1
YARS
YARS2
YEATS2
YEATS4
YES1
YIPF4
YIPF6
YKT6
YME1L1
YOD1
YPEL1
YPEL2
YPEL5
YTHDC2
YTHDF1
YTHDF2
YTHDF3
YWHAG
YWHAH
YY1
ZADH2
ZBBX
ZBED1
ZBED3
ZBED4
ZBED6
ZBED8
ZBED9
ZBTB1
ZBTB11
ZBTB12
ZBTB14
ZBTB16
ZBTB2
ZBTB20
ZBTB21
ZBTB24
ZBTB25
ZBTB26
ZBTB3
ZBTB33
ZBTB34

ZBTB37
ZBTB38
ZBTB39
ZBTB40
ZBTB41
ZBTB42
ZBTB43
ZBTB44
ZBTB46
ZBTB5
ZBTB6
ZBTB7B
ZBTB7C
ZBTB8A
ZBTB8B
ZC2HC1A
ZC2HC1C
ZC3H12B
ZC3H12C
ZC3H13
ZC3H14
ZC3H15
ZC3H4
ZC3H7B
ZC3H8
ZC3HAV1
ZC3HAV1L
ZC3HC1
ZC4H2
ZCCHC10
ZCCHC14
ZCCHC17
ZCCHC2
ZCCHC24
ZCCHC4
ZCCHC7
ZCRB1
ZCWPW2
ZDBF2
ZDHHC13
ZDHHC14
ZDHHC15
ZDHHC16
ZDHHC17

ZDHC2
ZDHC20
ZDHC21
ZDHC23
ZDHC3
ZDHC6
ZDHC7
ZDHC9
ZEB1
ZEB2
ZER1
ZFAND2A
ZFAND3
ZFAND4
ZFAND5
ZFAND6
ZFAT
ZFC3H1
ZFH2
ZFH3
ZFP1
ZFP14
ZFP28
ZFP3
ZFP30
ZFP36L1
ZFP36L2
ZFP37
ZFP42
ZFP62
ZFP64
ZFP69
ZFP69B
ZFP82
ZFP90
ZFP91
ZFPM2
ZFR
ZFX
ZFY
ZFYVE1
ZFYVE16
ZFYVE21
ZFYVE28

ZG16
ZGPAT
ZHX1
ZIC1
ZIC2
ZIC3
ZIK1
ZIM3
ZKSCAN1
ZKSCAN2
ZKSCAN3
ZKSCAN4
ZKSCAN7
ZKSCAN8
ZMAT2
ZMAT3
ZMAT4
ZMIZ1
ZMPSTE24
ZMYM1
ZMYM2
ZMYM4
ZMYM6
ZMYND11
ZMYND8
ZNF10
ZNF100
ZNF106
ZNF112
ZNF117
ZNF132
ZNF134
ZNF136
ZNF138
ZNF14
ZNF140
ZNF141
ZNF143
ZNF146
ZNF148
ZNF154
ZNF157
ZNF160
ZNF169

ZNF174
ZNF175
ZNF180
ZNF182
ZNF184
ZNF185
ZNF189
ZNF19
ZNF197
ZNF20
ZNF200
ZNF207
ZNF208
ZNF212
ZNF214
ZNF215
ZNF217
ZNF222
ZNF223
ZNF224
ZNF226
ZNF230
ZNF234
ZNF235
ZNF236
ZNF236-DT
ZNF24
ZNF248
ZNF25
ZNF250
ZNF251
ZNF253
ZNF256
ZNF260
ZNF264
ZNF267
ZNF268
ZNF273
ZNF274
ZNF275
ZNF277
ZNF28
ZNF280C
ZNF280D

ZNF281
ZNF282
ZNF284
ZNF287
ZNF292
ZNF3
ZNF302
ZNF317
ZNF318
ZNF319
ZNF320
ZNF322
ZNF324B
ZNF326
ZNF329
ZNF330
ZNF331
ZNF333
ZNF334
ZNF337
ZNF33A
ZNF33B
ZNF345
ZNF346
ZNF347
ZNF35
ZNF354A
ZNF354B
ZNF354C
ZNF365
ZNF366
ZNF367
ZNF37A
ZNF382
ZNF383
ZNF384
ZNF385B
ZNF385D
ZNF391
ZNF394
ZNF395
ZNF396
ZNF397
ZNF404

ZNF407
ZNF410
ZNF415
ZNF417
ZNF419
ZNF420
ZNF426
ZNF429
ZNF43
ZNF430
ZNF431
ZNF432
ZNF436
ZNF436-AS1
ZNF439
ZNF440
ZNF441
ZNF442
ZNF443
ZNF444
ZNF446
ZNF449
ZNF45
ZNF451
ZNF460
ZNF461
ZNF462
ZNF468
ZNF470
ZNF471
ZNF480
ZNF483
ZNF484
ZNF485
ZNF486
ZNF487
ZNF490
ZNF491
ZNF493
ZNF497
ZNF501
ZNF503
ZNF507
ZNF510

ZNF512
ZNF513
ZNF516
ZNF518B
ZNF519
ZNF521
ZNF525
ZNF526
ZNF527
ZNF529
ZNF532
ZNF536
ZNF540
ZNF546
ZNF547
ZNF548
ZNF549
ZNF550
ZNF551
ZNF554
ZNF555
ZNF556
ZNF557
ZNF558
ZNF559-ZNF177
ZNF560
ZNF561
ZNF561-AS1
ZNF562
ZNF563
ZNF567
ZNF572
ZNF574
ZNF576
ZNF577
ZNF578
ZNF583
ZNF584
ZNF585A
ZNF585B
ZNF586
ZNF587
ZNF592
ZNF597

ZNF605
ZNF607
ZNF608
ZNF609
ZNF610
ZNF611
ZNF613
ZNF614
ZNF616
ZNF618
ZNF619
ZNF620
ZNF621
ZNF623
ZNF624
ZNF626
ZNF627
ZNF639
ZNF641
ZNF644
ZNF648
ZNF649
ZNF652
ZNF654
ZNF655
ZNF660
ZNF667
ZNF669
ZNF670
ZNF671
ZNF674
ZNF675
ZNF680
ZNF681
ZNF684
ZNF688
ZNF689
ZNF695
ZNF696
ZNF697
ZNF699
ZNF70
ZNF701
ZNF703

ZNF704
ZNF705A
ZNF705D
ZNF706
ZNF708
ZNF709
ZNF711
ZNF713
ZNF716
ZNF717
ZNF720
ZNF724
ZNF726
ZNF736
ZNF737
ZNF738
ZNF740
ZNF749
ZNF75A
ZNF763
ZNF765
ZNF766
ZNF770
ZNF772
ZNF773
ZNF774
ZNF776
ZNF778
ZNF780A
ZNF782
ZNF785
ZNF789
ZNF79
ZNF790
ZNF791
ZNF793
ZNF799
ZNF80
ZNF804B
ZNF81
ZNF813
ZNF814
ZNF823
ZNF827

ZNF829
ZNF830
ZNF831
ZNF84
ZNF843
ZNF844
ZNF845
ZNF850
ZNF852
ZNF853
ZNF860
ZNF862
ZNF875
ZNF879
ZNF891
ZNF90
ZNF92
ZNF93
ZNF99
ZNHIT1
ZNHIT6
ZNR1
ZNR2
ZNR3
ZP1
ZPLD1
ZPR1
ZRANB1
ZRANB2
ZRANB3
ZSCAN1
ZSCAN12
ZSCAN16
ZSCAN18
ZSCAN2
ZSCAN22
ZSCAN23
ZSCAN25
ZSCAN29
ZSCAN30
ZSCAN31
ZSWIM4
ZSWIM6
ZSWIM7

ZUP1
ZW10
ZWILCH
ZWINT
ZXDA
ZXDB
ZXDC
ZYG11B
ZZEF1
ZZZ3

miRPathDB V2.0 database.

Table S2. Differentially Expressed genes identified in GSE62452 and GSE28735

GSE62452				
ID	P.Value	logFC	Gene.symbol	Gene.title
7917455	1.34E-02	1.34E-01	<i>sep-15</i>	15 kDa selenoprotein
7930498	6.85E-12	1.42	<i>ACSL5</i>	acyl-CoA synthetase long-chain family member 5
7934906	1.69E-09	1.23	<i>ACTA2</i>	actin, alpha 2, smooth muscle, aorta
8145293	2.25E-11	1.23	<i>ADAM28</i>	ADAM metallopeptidase domain 28
8146000	5.52E-12	1.2	<i>ADAM9</i>	ADAM metallopeptidase domain 9
8111387	2.27E-12	1.14	<i>ADAMTS12</i>	ADAM metallopeptidase with thrombospondin type 1 motif 12
8126820	3.62E-12	1.38	<i>ADGRF1</i>	adhesion G protein-coupled receptor F1
8132557	4.33E-11	1.07	<i>AEBP1</i>	AE binding protein 1
8138381	5.39E-14	1.86	<i>AGR2</i>	anterior gradient 2, protein disulphide isomerase family member
7981514	7.88E-19	1.51	<i>AHNAK2</i>	AHNAK nucleoprotein 2
7934898	2.78E-08	1.14	<i>ANKRD22</i>	ankyrin repeat domain 22
8132318	5.39E-13	1.47	<i>ANLN</i>	anillin actin binding protein
7942135	7.97E-15	1.2	<i>ANO1</i>	anoctamin 1
8042439	3.30E-15	1.55	<i>ANTXR1</i>	anthrax toxin receptor 1
8101260	4.53E-12	1.03	<i>ANTXR2</i>	anthrax toxin receptor 2
8098246	2.82E-11	1.94	<i>ANXA10</i>	annexin A10
8072735	5.72E-15	1.43	<i>APOL1</i>	apolipoprotein L1
8095744	1.88E-05	1.08	<i>AREG</i>	amphiregulin
7954527	3.90E-12	1.08	<i>ARNTL2</i>	aryl hydrocarbon receptor nuclear translocator like 2
8040113	2.89E-18	1.03	<i>ASAP2</i>	ArfGAP with SH3 domain, ankyrin repeat and PH domain 2
7923086	5.15E-10	1.03	<i>ASPM</i>	abnormal spindle microtubule assembly
8162394	1.59E-08	1.16	<i>ASPN</i>	asporin
8067125	3.73E-13	1.21	<i>BCAS1</i>	breast carcinoma amplified sequence 1
8170648	7.58E-11	1.23	<i>BGN</i>	biglycan
8053417	1.90E-14	1.22	<i>CAPG</i>	capping actin protein, gelsolin like
8048864	1.01E-09	1.26	<i>CCL20</i>	C-C motif chemokine ligand 20
8120719	4.00E-12	1.25	<i>CD109</i>	CD109 molecule
8086517	9.70E-13	1.01	<i>CDCP1</i>	CUB domain containing protein 1
8001800	1.72E-13	1.51	<i>CDH11</i>	cadherin 11
7996819	2.25E-17	1.43	<i>CDH3</i>	cadherin 3

8037205	4.41E-12	1.1	<i>CEACAM1</i>	carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 1
8029086	1.62E-15	2.79	<i>CEACAM5</i>	carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 5
8029098	2.64E-15	2.42	<i>CEACAM6</i>	carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 6
7985317	6.13E-14	1.39	<i>CEMIP</i>	cell migration inducing hyaluronan binding protein
7909708	9.65E-12	1.12	<i>CENPF</i>	centromere protein F
8082928	1.57E-10	1.72	<i>CLDN18</i>	claudin 18
8129082	1.42E-16	1.42	<i>COL10A1</i>	collagen type X alpha 1 chain
7918064	1.46E-15	1.85	<i>COL11A1</i>	collagen type XI alpha 1 chain
8127563	2.53E-11	1.65	<i>COL12A1</i>	collagen type XII alpha 1 chain
7936144	7.85E-18	1.65	<i>COL17A1</i>	collagen type XVII alpha 1 chain
8016646	2.75E-09	1.53	<i>COL1A1</i>	collagen type I alpha 1 chain
8046922	1.33E-08	1.42	<i>COL3A1</i>	collagen type III alpha 1 chain
8057620	3.35E-10	1.36	<i>COL5A2</i>	collagen type V alpha 2 chain
8059905	1.33E-08	1.27	<i>COL6A3</i>	collagen type VI alpha 3 chain
8081235	3.69E-12	1.37	<i>COL8A1</i>	collagen type VIII alpha 1 chain
8035517	4.25E-09	1.2	<i>COMP</i>	cartilage oligomeric matrix protein
8091385	9.59E-08	1.67	<i>CP</i>	ceruloplasmin (ferroxidase)
8065412	2.60E-11	1.65	<i>CST1</i>	cystatin SN
8065416	3.03E-12	1.04	<i>CST2</i>	cystatin SA
7909164	6.32E-18	2.55	<i>CTSE</i>	cathepsin E
7919815	3.20E-08	1.19	<i>CTSK</i>	cathepsin K
8100977	4.36E-10	1.23	<i>CXCL5</i>	C-X-C motif chemokine ligand 5
7929466	4.28E-09	1.26	<i>CYP2C18</i>	cytochrome P450 family 2 subfamily C member 18
8089082	1.72E-12	1.1	<i>DCBLD2</i>	discoidin, CUB and LCCL domain containing 2
8103563	8.80E-13	1.13	<i>DDX60</i>	DEXD/H-box helicase 60
7968800	3.46E-11	1.02	<i>DGKH</i>	diacylglycerol kinase eta
8046124	1.43E-09	1.25	<i>DHRS9</i>	dehydrogenase/reductase 9
8118061	3.67E-09	1.81	<i>DPCR1</i>	diffuse panbronchiolitis critical region 1
8114920	2.24E-09	1.1	<i>DPYSL3</i>	dihydropyrimidinase like 3
8020762	1.97E-06	1.04	<i>DSG3</i>	desmoglein 3
7988350	2.29E-04	1.03	<i>DUOX2</i>	dual oxidase 2
8083941	1.02E-14	1.19	<i>ECT2</i>	epithelial cell transforming 2
8112980	6.86E-13	1.61	<i>EDIL3</i>	EGF like repeats and discoidin domains 3

8097692	2.43E-13	1.32	<i>EDNRA</i>	endothelin receptor type A
7978544	2.28E-14	1.39	<i>EGLN3</i>	egl-9 family hypoxia inducible factor 3
8059279	8.50E-12	1.02	<i>EPHA4</i>	EPH receptor A4
7979179	1.62E-12	1.09	<i>ERO1A</i>	endoplasmic reticulum oxidoreductase 1 alpha
8138289	1.70E-11	1.02	<i>ETV1</i>	ETS variant 1
8056257	1.48E-10	1.61	<i>FAP</i>	fibroblast activation protein alpha
7988467	2.02E-07	1.19	<i>FBN1</i>	fibrillin 1
8152703	1.26E-16	1.45	<i>FBXO32</i>	F-box protein 32
8148220	9.66E-08	1.07	<i>FER1L6</i>	fer-1 like family member 6
8064904	2.27E-15	1.34	<i>FERMT1</i>	fermitin family member 1
7965541	1.38E-15	1.18	<i>FGD6</i>	FYVE, RhoGEF and PH domain containing 6
8058765	3.32E-15	2.19	<i>FN1</i>	fibronectin 1
8123104	1.08E-09	1.31	<i>FNDC1</i>	fibronectin type III domain containing 1
8027748	2.23E-14	1.32	<i>FXVD3</i>	FXVD domain containing ion transport regulator 3
8109926	9.35E-11	1.86	<i>GABRP</i>	gamma-aminobutyric acid type A receptor pi subunit
7984001	2.77E-09	1.34	<i>GCNT3</i>	glucosaminyl (N-acetyl) transferase 3, mucin type
7954065	8.40E-14	1.01	<i>GPRC5A</i>	G protein-coupled receptor class C group 5 member A
7979658	1.00E-08	1.07	<i>GPX2</i>	glutathione peroxidase 2
8105348	8.85E-11	1.08	<i>GPX8</i>	glutathione peroxidase 8 (putative)
7982377	7.03E-11	1.03	<i>GREM1</i>	gremlin 1, DAN family BMP antagonist
8167973	2.21E-12	1.07	<i>HEPH</i>	hephaestin
8042942	2.73E-13	1.16	<i>HK2</i>	hexokinase 2
8103769	6.90E-07	1.06	<i>HPGD</i>	hydroxyprostaglandin dehydrogenase 15-(NAD)
7976443	4.29E-14	1.23	<i>IFI27</i>	interferon alpha inducible protein 27
7902553	1.27E-09	1.09	<i>IFI44</i>	interferon induced protein 44
7902541	7.29E-10	1.42	<i>IFI44L</i>	interferon induced protein 44 like
8058857	1.23E-10	1.49	<i>IGFBP5</i>	insulin like growth factor binding protein 5
8029773	4.13E-12	1.08	<i>IGFL2</i>	IGF like family member 2
8084794	1.20E-13	1.08	<i>IL1RAP</i>	interleukin 1 receptor accessory protein
8102950	2.20E-14	1.18	<i>INPP4B</i>	inositol polyphosphate-4-phosphatase type II B
7989985	1.01E-14	1.09	<i>ITGA11</i>	integrin subunit alpha 11
8105267	1.33E-16	2.14	<i>ITGA2</i>	integrin subunit alpha 2
8008237	6.48E-14	1.43	<i>ITGA3</i>	integrin subunit alpha 3

8009951	9.48E-18	1.23	<i>ITGB4</i>	integrin subunit beta 4
8015387	1.04E-12	1.45	<i>KRT17</i>	keratin 17
8015349	1.87E-16	1.83	<i>KRT19</i>	keratin 19
7963421	2.82E-06	1.02	<i>KRT6A</i>	keratin 6A
7955613	3.49E-10	1.49	<i>KRT7</i>	keratin 7
8045539	1.89E-10	1.17	<i>KYNU</i>	kynureninase
7924029	4.02E-20	2.08	<i>LAMB3</i>	laminin subunit beta 3
7908072	4.10E-21	2.65	<i>LAMC2</i>	laminin subunit gamma 2
8060940	2.46E-09	1.16	<i>LAMP5</i>	lysosomal associated membrane protein family member 5
8158167	2.41E-07	1.12	<i>LCN2</i>	lipocalin 2
8102232	3.80E-15	1.23	<i>LEF1</i>	lymphoid enhancer binding factor 1
8092541	1.61E-11	1.47	<i>LIPH</i>	lipase H
7969438	7.51E-14	1.17	<i>LMO7</i>	LIM domain 7
8041383	3.42E-12	1.1	<i>LTBP1</i>	latent transforming growth factor beta binding protein 1
7957023	1.19E-08	1.05	<i>LYZ</i>	lysozyme
8050537	2.86E-10	1.23	<i>MATN3</i>	matrilin 3
8050160	5.54E-19	1.55	<i>MBOAT2</i>	membrane bound O-acyltransferase domain containing 2
8135601	2.14E-13	1.35	<i>MET</i>	MET proto-oncogene, receptor tyrosine kinase
7960919	1.26E-05	1.06	<i>MFAP5</i>	microfibrillar associated protein 5
7938485	5.47E-16	1.13	<i>MICAL2</i>	microtubule associated monooxygenase, calponin and LIM domain containing 2
8049487	3.71E-18	1.24	<i>MLPH</i>	melanophilin
7951271	9.75E-06	1.19	<i>MMP1</i>	matrix metalloproteinase 1
8071758	7.16E-13	1.23	<i>MMP11</i>	matrix metalloproteinase 11
7951297	1.94E-10	1.41	<i>MMP12</i>	matrix metalloproteinase 12
7973336	2.18E-13	1.19	<i>MMP14</i>	matrix metalloproteinase 14
7951217	3.58E-05	1.2	<i>MMP7</i>	matrix metalloproteinase 7
8090180	1.56E-08	1.51	<i>MUC13</i>	mucin 13, cell surface associated
8033674	8.10E-11	1.19	<i>MUC16</i>	mucin 16, cell surface associated
8135048	1.21E-07	1.3	<i>MUC17</i>	mucin 17, cell surface associated
7935058	1.29E-14	1.39	<i>MYOF</i>	myoferlin
7950933	6.10E-16	1.41	<i>NOX4</i>	NADPH oxidase 4
8104758	2.01E-10	1.27	<i>NPR3</i>	natriuretic peptide receptor 3
8002303	2.18E-14	1.31	<i>NQO1</i>	NAD(P)H quinone dehydrogenase 1

8047763	2.10E-10	1.16	<i>NRP2</i>	neuropilin 2
8120967	1.76E-10	1.24	<i>NT5E</i>	5'-nucleotidase ecto
7958913	1.00E-12	1.04	<i>OAS2</i>	2'-5'-oligoadenylate synthetase 2
7961142	3.79E-07	1.24	<i>OLR1</i>	oxidized low density lipoprotein receptor 1
8138613	1.99E-14	1.16	<i>OSBPL3</i>	oxysterol binding protein like 3
7898413	1.04E-11	1.14	<i>PADI1</i>	peptidyl arginine deiminase 1
8056151	2.61E-13	1.11	<i>PLA2R1</i>	phospholipase A2 receptor 1
8101429	4.58E-13	1.76	<i>PLAC8</i>	placenta specific 8
8150509	2.92E-11	1.41	<i>PLAT</i>	plasminogen activator, tissue type
7928429	1.67E-14	1.29	<i>PLAU</i>	plasminogen activator, urokinase
7979710	1.41E-14	1.09	<i>PLEK2</i>	pleckstrin 2
7971077	3.76E-15	2.5	<i>POSTN</i>	periostin
7964907	2.54E-13	1.01	<i>PTPRR</i>	protein tyrosine phosphatase, receptor type R
8120043	4.31E-15	1.03	<i>RUNX2</i>	runt related transcription factor 2
7920297	1.97E-10	1.08	<i>S100A14</i>	S100 calcium binding protein A14
7969493	9.91E-15	1.55	<i>SCEL</i>	sciellin
8150889	5.14E-15	1.2	<i>SDR16C5</i>	short chain dehydrogenase/reductase family 16C, member 5
8140534	2.57E-08	1.26	<i>SEMA3C</i>	semaphorin 3C
8023696	1.11E-05	1.1	<i>SERPINB3</i>	serpin family B member 3
8021584	1.54E-16	1.97	<i>SERPINB5</i>	serpin family B member 5
8123246	3.88E-11	1.13	<i>SLC22A3</i>	solute carrier family 22 member 3
7915472	9.61E-19	1.67	<i>SLC2A1</i>	solute carrier family 2 member 1
8125149	2.91E-09	1.08	<i>SLC44A4</i>	solute carrier family 44 member 4
8169504	1.08E-16	2.66	<i>SLC6A14</i>	solute carrier family 6 member 14
8078014	7.80E-14	1.2	<i>SLC6A6</i>	solute carrier family 6 member 6
8066493	7.27E-14	1.73	<i>SLPI</i>	secretory leukocyte peptidase inhibitor
8115327	5.79E-08	1.03	<i>SPARC</i>	secreted protein acidic and cysteine rich
8168749	1.87E-08	1.07	<i>SRPX2</i>	sushi repeat containing protein, X-linked 2
7961215	4.25E-17	1.03	<i>STYK1</i>	serine/threonine/tyrosine kinase 1
8146863	3.54E-15	1.98	<i>SULF1</i>	sulfatase 1
8066822	2.14E-09	1.09	<i>SULF2</i>	sulfatase 2
7950810	1.82E-13	1.06	<i>SYTL2</i>	synaptotagmin like 2
7948444	2.51E-07	1.59	<i>TCN1</i>	transcobalamin 1

8070579	6.08E-09	1.51	<i>TFF1</i>	trefoil factor 1
8108217	6.23E-09	1.02	<i>TGFB1</i>	transforming growth factor beta induced
8066214	1.38E-11	1.26	<i>TGM2</i>	transglutaminase 2
8130867	3.13E-12	1.53	<i>THBS2</i>	thrombospondin 2
7993638	3.51E-10	1.55	<i>TMC5</i>	transmembrane channel like 5
7993588	1.31E-17	1.14	<i>TMC7</i>	transmembrane channel like 7
7945169	2.66E-09	1.12	<i>TMEM45B</i>	transmembrane protein 45B
7944164	1.38E-18	2.06	<i>TMPRSS4</i>	transmembrane protease, serine 4
8045688	1.22E-06	1.15	<i>TNFAIP6</i>	TNF alpha induced protein 6
8015016	4.18E-14	1.31	<i>TNS4</i>	tensin 4
8014974	4.39E-11	1.16	<i>TOP2A</i>	topoisomerase (DNA) II alpha
7952290	6.26E-16	1.28	<i>TRIM29</i>	tripartite motif containing 29
8179617	7.88E-11	1.35	<i>TRIM31</i>	tripartite motif containing 31
7901175	1.30E-19	2.38	<i>TSPAN1</i>	tetraspanin 1
7964927	1.28E-07	1.39	<i>TSPAN8</i>	tetraspanin 8
8106743	9.57E-12	1.76	<i>VCAN</i>	versican
8169263	1.16E-09	1.6	<i>VSIG1</i>	V-set and immunoglobulin domain containing 1
8058591	2.01E-10	-1.45	<i>ACADL</i>	acyl-CoA dehydrogenase, long chain
8101881	8.64E-06	-1.11	<i>ADH1B</i>	alcohol dehydrogenase 1B (class I), beta polypeptide
8095628	6.14E-10	-2.51	<i>ALB</i>	albumin
8074201	3.98E-08	-1.2	<i>ANKRD62</i>	ankyrin repeat domain 62
7991335	1.40E-09	-1.78	<i>ANPEP</i>	alanyl aminopeptidase, membrane
8047300	4.56E-13	-1.77	<i>AOX1</i>	aldehyde oxidase 1
7994252	4.52E-08	-1.46	<i>AQP8</i>	aquaporin 8
7951910	7.03E-09	-1.14	<i>BACE1</i>	beta-secretase 1
8174201	7.50E-10	-1.07	<i>BEX1</i>	brain expressed X-linked 1
7937079	9.88E-08	-1.13	<i>BNIP3</i>	BCL2 interacting protein 3
7908917	1.93E-12	-1.12	<i>BTG2</i>	BTG anti-proliferation factor 2
7989473	7.82E-09	-1.12	<i>C2CD4B</i>	C2 calcium dependent domain containing 4B
8163839	6.42E-10	-1.13	<i>C5</i>	complement component 5
8111864	2.87E-07	-1.18	<i>C6</i>	complement component 6
8158976	2.54E-06	-2.46	<i>CEL</i>	carboxyl ester lipase
7898176	2.00E-06	-2.14	<i>CELA2A</i>	chymotrypsin like elastase family member 2A

7898184	1.26E-06	-2.09	<i>CELA2B</i>	chymotrypsin like elastase family member 2B
7898725	4.89E-06	-2.12	<i>CELA3A</i>	chymotrypsin like elastase family member 3A
7898713	2.05E-06	-1.96	<i>CELA3B</i>	chymotrypsin like elastase family member 3B
8158987	6.37E-08	-1.45	<i>CELP</i>	carboxyl ester lipase pseudogene
8135661	1.55E-03	-1.28	<i>CFTR</i>	cystic fibrosis transmembrane conductance regulator
7910915	2.14E-07	-1.02	<i>CHRM3</i>	cholinergic receptor muscarinic 3
8125936	2.10E-06	-2.35	<i>CLPS</i>	colipase
8136235	3.14E-05	-1.9	<i>CPA1</i>	carboxypeptidase A1
8136187	4.02E-06	-2.5	<i>CPA2</i>	carboxypeptidase A2
8083246	9.24E-05	-1.71	<i>CPB1</i>	carboxypeptidase B1
8110990	8.07E-10	-1.19	<i>CTNND2</i>	catenin delta 2
7898167	5.05E-07	-2.57	<i>CTRC</i>	chymotrypsin C
8002121	7.07E-08	-2.06	<i>CTRL</i>	chymotrypsin like
8124196	8.77E-07	-1.18	<i>DCDC2</i>	doublecortin domain containing 2
8044700	8.95E-09	-1.1	<i>DPP10</i>	dipeptidyl peptidase like 10
8096845	1.76E-07	-1.82	<i>EGF</i>	epidermal growth factor
8145532	3.54E-12	-1.05	<i>EPHX2</i>	epoxide hydrolase 2
7925342	1.18E-11	-1.62	<i>ERO1B</i>	endoplasmic reticulum oxidoreductase 1 beta
7961524	8.66E-08	-2.42	<i>ERP27</i>	endoplasmic reticulum protein 27
8098671	7.89E-09	-1.67	<i>F11</i>	coagulation factor XI
8176193	3.08E-08	-1.07	<i>F8</i>	coagulation factor VIII
8151532	1.57E-04	-1.25	<i>FABP4</i>	fatty acid binding protein 4
8068684	1.96E-05	-1.03	<i>FAM3B</i>	family with sequence similarity 3 member B
8149521	7.69E-08	-1.67	<i>FGL1</i>	fibrinogen like 1
8046116	6.36E-07	-1.09	<i>G6PC2</i>	glucose-6-phosphatase catalytic subunit 2
7988414	1.78E-05	-1.54	<i>GATM</i>	glycine amidinotransferase
8119620	7.59E-07	-1.28	<i>GNMT</i>	glycine N-methyltransferase
7999920	1.06E-06	-2.6	<i>GP2</i>	glycoprotein 2
7949320	1.96E-07	-1.05	<i>GPHA2</i>	glycoprotein hormone alpha 2
8056327	1.15E-08	-1.04	<i>GRB14</i>	growth factor receptor bound protein 14
8166202	2.77E-07	-1.2	<i>GRPR</i>	gastrin releasing peptide receptor
8127065	5.66E-09	-1.38	<i>GSTA2</i>	glutathione S-transferase alpha 2
8089402	1.70E-08	-1.17	<i>GUCA1C</i>	guanylate cyclase activator 1C

7991034	3.55E-08	-1.15 <i>HOMER2</i>	homer scaffolding protein 2
7954377	2.90E-10	-2.31 <i>IAPP</i>	islet amyloid polypeptide
7913768	4.46E-06	-1.04 <i>IL22RA1</i>	interleukin 22 receptor subunit alpha 1
8009493	2.49E-06	-1.35 <i>KCNJ16</i>	potassium voltage-gated channel subfamily J member 16
7903592	7.50E-09	-1.78 <i>KIAA1324</i>	KIAA1324
8038633	1.13E-07	-1.79 <i>KLK1</i>	kallikrein 1
7961580	1.30E-11	-1.12 <i>LMO3</i>	LIM domain only 3
8052372	5.28E-08	-1.3 <i>MIR217</i>	microRNA 217
8001531	3.95E-08	-1.22 <i>MT1G</i>	metallothionein 1G
7908597	3.29E-09	-1.85 <i>NR5A2</i>	nuclear receptor subfamily 5 group A member 2
8142270	1.12E-09	-1.33 <i>NRCAM</i>	neuronal cell adhesion molecule
7990555	1.31E-07	-1.53 <i>NRG4</i>	neuregulin 4
7938687	2.11E-08	-1.02 <i>NUCB2</i>	nucleobindin 2
7988987	1.00E-05	-1.02 <i>ONECUT1</i>	one cut homeobox 1
7944793	1.56E-08	-1.31 <i>OR8D4</i>	olfactory receptor family 8 subfamily D member 4
8169389	2.99E-08	-1.19 <i>PAK3</i>	p21 (RAC1) activated kinase 3
7991815	2.27E-08	-1.94 <i>PDIA2</i>	protein disulfide isomerase family A member 2
8141094	5.08E-11	-1.52 <i>PDK4</i>	pyruvate dehydrogenase kinase 4
8126954	4.13E-04	-1.03 <i>PKHD1</i>	polycystic kidney and hepatic disease 1 (autosomal recessive)
7967034	2.19E-06	-2.22 <i>PLA2G1B</i>	phospholipase A2 group IB
7923837	5.02E-08	-1.35 <i>PM20D1</i>	peptidase M20 domain containing 1
7930790	1.51E-07	-2.84 <i>PNLIPRP1</i>	pancreatic lipase related protein 1
7930804	1.10E-06	-2.6 <i>PNLIPRP2</i>	pancreatic lipase related protein 2 (gene/pseudogene)
8136795	8.74E-05	-1.64 <i>PRSS1</i>	protease, serine 1
8154848	4.34E-06	-1.25 <i>PRSS3</i>	protease, serine 3
8136801	3.24E-05	-1.5 <i>PRSS3P2</i>	protease, serine 3 pseudogene 2
8062948	2.77E-08	-1.52 <i>RBPJL</i>	recombination signal binding protein for immunoglobulin kappa J region like
8042986	1.89E-04	-1.58 <i>REG1A</i>	regenerating family member 1 alpha
8053330	1.41E-04	-1.96 <i>REG1B</i>	regenerating family member 1 beta
8053337	6.00E-05	-1.98 <i>REG1CP</i>	regenerating family member 1 gamma, pseudogene
8053341	7.73E-04	-1.49 <i>REG3A</i>	regenerating family member 3 alpha
8042978	1.49E-04	-1.27 <i>REG3G</i>	regenerating family member 3 gamma
8167027	3.63E-09	-1.03 <i>RGN</i>	regucalcin

8117288	2.25E-06	-1.28	<i>SCGN</i>	secretagoin, EF-hand calcium binding protein
8091910	3.15E-08	-2.3	<i>SERPINI2</i>	serpin family I member 2
7934936	3.80E-10	-1.52	<i>SLC16A12</i>	solute carrier family 16 member 12
8117304	2.03E-06	-1.15	<i>SLC17A4</i>	solute carrier family 17 member 4
7956229	2.67E-08	-1.29	<i>SLC39A5</i>	solute carrier family 39 member 5
7948249	2.57E-09	-1.12	<i>SLC43A1</i>	solute carrier family 43 member 1
8095585	4.87E-05	-1.39	<i>SLC4A4</i>	solute carrier family 4 member 4
8144786	1.34E-13	-1.39	<i>SLC7A2</i>	solute carrier family 7 member 2
8114964	1.33E-03	-1.3	<i>SPINK1</i>	serine peptidase inhibitor, Kazal type 1
8092682	1.94E-06	-1.03	<i>SST</i>	somatostatin
8036699	9.75E-07	-1.25	<i>SYCN</i>	syncollin
8141016	2.75E-07	-1.11	<i>TFPI2</i>	tissue factor pathway inhibitor 2
8002283	4.20E-10	-1.73	<i>TMED6</i>	transmembrane p24 trafficking protein 6
7957221	1.77E-08	-1.61	<i>TRHDE</i>	thyrotropin releasing hormone degrading enzyme
8057056	1.89E-12	-1.2	<i>TTN</i>	titin
8020795	1.18E-02	-1.04	<i>TTR</i>	transthyretin

GSE28735

ID	P.Value	logFC	Gene.symbol	Gene.title
7985310	1.83E-15	1.128362	<i>ABHD17C</i>	abhydrolase domain containing 17C
7930498	1.19E-09	1.4634847	<i>ACSL5</i>	acyl-CoA synthetase long-chain family member 5
7934906	8.51E-07	1.1454927	<i>ACTA2</i>	actin, alpha 2, smooth muscle, aorta
7936968	8.37E-05	1.0717007	<i>ADAM12</i>	ADAM metallopeptidase domain 12
8145293	1.87E-07	1.141082	<i>ADAM28</i>	ADAM metallopeptidase domain 28
8146000	2.77E-09	1.1530387	<i>ADAM9</i>	ADAM metallopeptidase domain 9
8111387	2.08E-11	1.4163264	<i>ADAMTS12</i>	ADAM metallopeptidase with thrombospondin type 1 motif 12
8112342	2.85E-10	1.038462	<i>ADAMTS6</i>	ADAM metallopeptidase with thrombospondin type 1 motif 6
8126820	9.84E-11	1.6035156	<i>ADGRF1</i>	adhesion G protein-coupled receptor F1
8132557	5.02E-08	1.1198558	<i>AEBP1</i>	AE binding protein 1
8094028	1.10E-09	1.2469322	<i>AFAP1-AS1</i>	AFAP1 antisense RNA 1
8138381	5.69E-13	2.1373789	<i>AGR2</i>	anterior gradient 2, protein disulphide isomerase family member
7981514	1.40E-16	1.7455516	<i>AHNAK2</i>	AHNAK nucleoprotein 2
7962183	8.82E-10	1.062622	<i>AK4</i>	adenylate kinase 4

8149071	3.01E-07	1.0255767	<i>ANGPT2</i>	angiopoietin 2
7934898	1.10E-10	1.5765009	<i>ANKRD22</i>	ankyrin repeat domain 22
8132318	4.63E-11	1.6620173	<i>ANLN</i>	anillin actin binding protein
7942135	1.27E-11	1.2739089	<i>ANO1</i>	anoctamin 1
8042439	5.32E-11	1.5904338	<i>ANTXR1</i>	anthrax toxin receptor 1
8098246	5.23E-11	2.3579367	<i>ANXA10</i>	annexin A10
8095986	1.60E-07	1.0462073	<i>ANXA3</i>	annexin A3
8072735	2.49E-12	1.5050227	<i>APOL1</i>	apolipoprotein L1
8095744	5.40E-04	1.0105213	<i>AREG</i>	amphiregulin
7954527	9.10E-11	1.2634424	<i>ARNTL2</i>	aryl hydrocarbon receptor nuclear translocator like 2
8040113	1.48E-14	1.0555331	<i>ASAP2</i>	ArfGAP with SH3 domain, ankyrin repeat and PH domain 2
7923086	5.33E-09	1.2180584	<i>ASPM</i>	abnormal spindle microtubule assembly
7997593	3.79E-09	1.0605813	<i>ATP2C2</i>	ATPase secretory pathway Ca ²⁺ transporting 2
8141206	9.69E-10	1.2480627	<i>BAIAP2L1</i>	BAI1 associated protein 2 like 1
8067125	5.07E-13	1.5367902	<i>BCAS1</i>	breast carcinoma amplified sequence 1
8170648	1.88E-07	1.2178456	<i>BGN</i>	biglycan
8053417	3.20E-12	1.409224	<i>CAPG</i>	capping actin protein, gelsolin like
8006594	1.67E-04	1.1312298	<i>CCL18</i>	C-C motif chemokine ligand 18
8048864	3.22E-10	1.3648089	<i>CCL20</i>	C-C motif chemokine ligand 20
8120719	3.63E-09	1.2498704	<i>CD109</i>	CD109 molecule
8086517	4.12E-12	1.1710249	<i>CDCP1</i>	CUB domain containing protein 1
8001800	4.02E-09	1.4890444	<i>CDH11</i>	cadherin 11
7996819	8.76E-16	1.6362931	<i>CDH3</i>	cadherin 3
8037205	1.81E-11	1.292694	<i>CEACAM1</i>	carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 1
8029086	2.16E-13	3.1812869	<i>CEACAM5</i>	carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 5
8029098	1.06E-12	2.6271224	<i>CEACAM6</i>	carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 6
7985317	1.68E-13	1.8033796	<i>CEMIP</i>	cell migration inducing hyaluronan binding protein
7909708	1.11E-10	1.3075462	<i>CENPF</i>	centromere protein F
8082928	2.26E-10	2.1265416	<i>CLDN18</i>	claudin 18
8129082	3.23E-14	1.5692449	<i>COL10A1</i>	collagen type X alpha 1 chain
7918064	3.05E-13	2.1946749	<i>COL11A1</i>	collagen type XI alpha 1 chain
8127563	7.18E-09	1.732026	<i>COL12A1</i>	collagen type XII alpha 1 chain
7936144	2.22E-16	1.8936258	<i>COL17A1</i>	collagen type XVII alpha 1 chain

8016646	8.94E-07	1.5020929	<i>COL1A1</i>	collagen type I alpha 1 chain
8046922	5.70E-06	1.3701904	<i>COL3A1</i>	collagen type III alpha 1 chain
8057620	3.70E-07	1.3867727	<i>COL5A2</i>	collagen type V alpha 2 chain
8059905	6.07E-06	1.2233471	<i>COL6A3</i>	collagen type VI alpha 3 chain
8081235	4.54E-09	1.4414827	<i>COL8A1</i>	collagen type VIII alpha 1 chain
8035517	5.99E-08	1.4673376	<i>COMP</i>	cartilage oligomeric matrix protein
8100154	1.61E-08	1.0800867	<i>CORIN</i>	corin, serine peptidase
8091385	1.94E-06	1.767232	<i>CP</i>	ceruloplasmin (ferroxidase)
8065412	2.10E-10	2.0248356	<i>CST1</i>	cystatin SN
8065416	7.25E-11	1.2321847	<i>CST2</i>	cystatin SA
8147777	5.55E-11	1.0049256	<i>CTHRC1</i>	collagen triple helix repeat containing 1
7909164	6.00E-15	2.6841011	<i>CTSE</i>	cathepsin E
7919815	2.32E-05	1.0460687	<i>CTSK</i>	cathepsin K
8100977	2.77E-09	1.5615738	<i>CXCL5</i>	C-X-C motif chemokine ligand 5
7929466	8.67E-08	1.4042131	<i>CYP2C18</i>	cytochrome P450 family 2 subfamily C member 18
8089082	6.57E-09	1.0321687	<i>DCBLD2</i>	discoidin, CUB and LCCL domain containing 2
8103563	1.29E-08	1.0535862	<i>DDX60</i>	DEXD/H-box helicase 60
7968800	1.59E-08	1.0501716	<i>DGKH</i>	diacylglycerol kinase eta
8046124	8.43E-08	1.2735449	<i>DHRS9</i>	dehydrogenase/reductase 9
7927631	3.61E-09	1.2162724	<i>DKK1</i>	dickkopf WNT signaling pathway inhibitor 1
7979307	1.49E-08	1.1127349	<i>DLGAP5</i>	DLG associated protein 5
8118061	6.51E-10	2.1386271	<i>DPCR1</i>	diffuse panbronchiolitis critical region 1
8114920	1.11E-06	1.1362667	<i>DPYSL3</i>	dihydropyrimidinase like 3
8020779	2.73E-06	1.0892258	<i>DSG2</i>	desmoglein 2
8020762	1.17E-04	1.0104942	<i>DSG3</i>	desmoglein 3
8083941	1.39E-12	1.3293738	<i>ECT2</i>	epithelial cell transforming 2
8112980	2.04E-08	1.5138422	<i>EDIL3</i>	EGF like repeats and discoidin domains 3
8097692	4.42E-09	1.3127658	<i>EDNRA</i>	endothelin receptor type A
8113433	2.78E-12	1.1553482	<i>EFNA5</i>	ephrin A5
7972713	1.22E-11	1.0293451	<i>EFNB2</i>	ephrin B2
7978544	5.13E-13	1.6243329	<i>EGLN3</i>	egl-9 family hypoxia inducible factor 3
7953532	1.80E-09	1.1134007	<i>ENO2</i>	enolase 2
8059279	3.01E-09	1.1711916	<i>EPHA4</i>	EPH receptor A4

7965390	1.27E-04	1.0430022	<i>EPYC</i>	epiphycan
7979179	4.80E-12	1.219264	<i>ERO1A</i>	endoplasmic reticulum oxidoreductase 1 alpha
8112045	6.30E-13	1.0108476	<i>ESM1</i>	endothelial cell specific molecule 1
8138289	7.65E-08	1.0579796	<i>ETV1</i>	ETS variant 1
8056257	6.13E-07	1.4972633	<i>FAP</i>	fibroblast activation protein alpha
7988467	1.49E-04	1.0233667	<i>FBN1</i>	fibrillin 1
8152703	2.43E-14	1.4711818	<i>FBXO32</i>	F-box protein 32
8065948	2.05E-13	1.089496	<i>FER1L4</i>	fer-1 like family member 4, pseudogene
8148220	4.80E-08	1.3372369	<i>FER1L6</i>	fer-1 like family member 6
8064904	2.45E-12	1.5010753	<i>FERMT1</i>	fermitin family member 1
7965541	2.57E-12	1.2339911	<i>FGD6</i>	FYVE, RhoGEF and PH domain containing 6
8058765	3.25E-12	2.2111	<i>FN1</i>	fibronectin 1
8123104	4.97E-08	1.4763207	<i>FNDC1</i>	fibronectin type III domain containing 1
8116579	3.69E-11	1.1159918	<i>FOXQ1</i>	forkhead box Q1
8033054	3.99E-08	1.0387011	<i>FUT3</i>	fucosyltransferase 3 (Lewis blood group)
8027748	1.66E-13	1.5452418	<i>FXYPD3</i>	FXYPD domain containing ion transport regulator 3
8109926	9.38E-08	2.0308344	<i>GABRP</i>	gamma-aminobutyric acid type A receptor pi subunit
7984001	1.02E-07	1.4315447	<i>GCNT3</i>	glucosaminyl (N-acetyl) transferase 3, mucin type
7970441	1.15E-15	1.0717644	<i>GJB2</i>	gap junction protein beta 2
7954065	2.89E-12	1.1751238	<i>GPRC5A</i>	G protein-coupled receptor class C group 5 member A
7979658	6.73E-07	1.1878256	<i>GPX2</i>	glutathione peroxidase 2
8105348	2.15E-07	1.0094489	<i>GPX8</i>	glutathione peroxidase 8 (putative)
7982377	4.57E-09	1.0603713	<i>GREM1</i>	gremlin 1, DAN family BMP antagonist
8167973	4.92E-09	1.2034709	<i>HEPH</i>	hephaestin
8117589	7.94E-11	1.1253782	<i>HIST1H3H</i>	histone cluster 1, H3h
8124531	1.04E-09	1.0039847	<i>HIST1H3I</i>	histone cluster 1, H3i
8042942	5.71E-11	1.3526864	<i>HK2</i>	hexokinase 2
8016457	3.11E-14	1.0872489	<i>HOXB5</i>	homeobox B5
8103769	1.76E-05	1.1121756	<i>HPGD</i>	hydroxyprostaglandin dehydrogenase 15-(NAD)
7976443	1.65E-11	1.3512633	<i>IFI27</i>	interferon alpha inducible protein 27
7902541	1.27E-05	1.2289118	<i>IFI44L</i>	interferon induced protein 44 like
8138566	2.82E-09	1.1658791	<i>IGF2BP3</i>	insulin like growth factor 2 mRNA binding protein 3
8058857	1.19E-06	1.3557069	<i>IGFBP5</i>	insulin like growth factor binding protein 5

8029773	7.32E-12	1.4258422	<i>IGFL2</i>	IGF like family member 2
8043981	2.67E-08	1.0359142	<i>IL1R2</i>	interleukin 1 receptor type 2
8084794	8.95E-11	1.0983738	<i>IL1RAP</i>	interleukin 1 receptor accessory protein
8173444	4.46E-08	1.0835424	<i>IL2RG</i>	interleukin 2 receptor subunit gamma
8102950	3.31E-11	1.12227	<i>INPP4B</i>	inositol polyphosphate-4-phosphatase type II B
7989985	2.48E-13	1.3723916	<i>ITGA11</i>	integrin subunit alpha 11
8105267	5.63E-14	2.2658244	<i>ITGA2</i>	integrin subunit alpha 2
8008237	2.38E-12	1.5188551	<i>ITGA3</i>	integrin subunit alpha 3
8009951	2.71E-14	1.303354	<i>ITGB4</i>	integrin subunit beta 4
8037408	1.65E-18	1.0487336	<i>KCNN4</i>	potassium calcium-activated channel subfamily N member 4
7984540	6.91E-09	1.0248458	<i>KIF23</i>	kinesin family member 23
8005449	1.19E-10	1.1537338	<i>KRT17</i>	keratin 17
8015349	1.25E-14	2.0580204	<i>KRT19</i>	keratin 19
7963421	3.52E-05	1.0361116	<i>KRT6A</i>	keratin 6A
7955613	1.27E-08	1.6835824	<i>KRT7</i>	keratin 7
8045539	4.37E-08	1.2622391	<i>KYNU</i>	kynureninase
8020551	7.66E-15	1.3547947	<i>LAMA3</i>	laminin subunit alpha 3
7924029	1.19E-18	2.3442298	<i>LAMB3</i>	laminin subunit beta 3
7908072	7.03E-19	2.9016536	<i>LAMC2</i>	laminin subunit gamma 2
8060940	6.15E-07	1.2891922	<i>LAMP5</i>	lysosomal associated membrane protein family member 5
8158167	4.06E-06	1.1424984	<i>LCN2</i>	lipocalin 2
8102232	4.12E-11	1.3104127	<i>LEF1</i>	lymphoid enhancer binding factor 1
8092541	1.05E-10	1.6364271	<i>LIPH</i>	lipase H
7969438	7.10E-12	1.177314	<i>LMO7</i>	LIM domain 7
8149774	1.02E-10	1.2380353	<i>LOXL2</i>	lysyl oxidase like 2
8077366	1.05E-07	1.1022207	<i>LRRN1</i>	leucine rich repeat neuronal 1
8041383	1.39E-08	1.0574087	<i>LTBP1</i>	latent transforming growth factor beta binding protein 1
8138466	2.44E-05	1.0055842	<i>MACC1</i>	metastasis associated in colon cancer 1
8054479	6.50E-10	1.0471758	<i>MALL</i>	mal, T-cell differentiation protein like
8050537	1.98E-08	1.3906947	<i>MATN3</i>	matrilin 3
8050160	1.95E-14	1.5977576	<i>MBOAT2</i>	membrane bound O-acyltransferase domain containing 2
8155214	2.08E-09	1.1532836	<i>MELK</i>	maternal embryonic leucine zipper kinase
8135601	5.01E-12	1.4803842	<i>MET</i>	MET proto-oncogene, receptor tyrosine kinase

7960919	1.47E-04	1.0858004	<i>MFAP5</i>	microfibrillar associated protein 5
7938485	1.33E-13	1.2684082	<i>MICAL2</i>	microtubule associated monooxygenase, calponin and LIM domain containing 2
7937020	3.11E-09	1.1643182	<i>MKI67</i>	marker of proliferation Ki-67
8049487	2.82E-18	1.4629327	<i>MLPH</i>	melanophilin
7951271	1.96E-04	1.2251593	<i>MMP1</i>	matrix metalloproteinase 1
8071758	1.08E-11	1.5014524	<i>MMP11</i>	matrix metalloproteinase 11
7951297	4.19E-09	1.7443562	<i>MMP12</i>	matrix metalloproteinase 12
7973336	7.61E-11	1.325874	<i>MMP14</i>	matrix metalloproteinase 14
7951217	2.34E-04	1.2129338	<i>MMP7</i>	matrix metalloproteinase 7
8063115	5.12E-09	1.1166764	<i>MMP9</i>	matrix metalloproteinase 9
8087547	5.22E-16	1.1476047	<i>MST1R</i>	macrophage stimulating 1 receptor
7919669	1.87E-13	1.1160298	<i>MTMR11</i>	myotubularin related protein 11
7920642	4.51E-06	1.1236976	<i>MUC1</i>	mucin 1, cell surface associated
8090180	1.44E-06	1.6196007	<i>MUC13</i>	mucin 13, cell surface associated
8033674	2.46E-09	1.2668127	<i>MUC16</i>	mucin 16, cell surface associated
8135048	9.06E-07	1.7016829	<i>MUC17</i>	mucin 17, cell surface associated
8171172	4.22E-08	1.1398482	<i>MXRA5</i>	matrix remodeling associated 5
7935058	4.50E-11	1.3488062	<i>MYOF</i>	myoferlin
8100464	2.02E-10	1.0295189	<i>NMU</i>	neuromedin U
7950933	5.05E-13	1.6264947	<i>NOX4</i>	NADPH oxidase 4
8104746	2.75E-08	1.2844418	<i>NPR3</i>	natriuretic peptide receptor 3
8002303	3.20E-13	1.4664629	<i>NQO1</i>	NAD(P)H quinone dehydrogenase 1
8047763	2.66E-08	1.2613624	<i>NRP2</i>	neuropilin 2
8120967	2.80E-07	1.208268	<i>NT5E</i>	5'-nucleotidase ecto
7945245	1.21E-11	1.0137033	<i>NTM</i>	neurotrimin
7958884	3.86E-10	1.130268	<i>OAS1</i>	2'-5'-oligoadenylate synthetase 1
7958913	5.84E-09	1.0571731	<i>OAS2</i>	2'-5'-oligoadenylate synthetase 2
8100298	5.13E-10	1.1130531	<i>OCIAD2</i>	OCIA domain containing 2
7961142	1.72E-05	1.2763264	<i>OLR1</i>	oxidized low density lipoprotein receptor 1
8138613	3.71E-10	1.1831684	<i>OSBPL3</i>	oxysterol binding protein like 3
7898413	2.37E-10	1.3742273	<i>PADI1</i>	peptidyl arginine deiminase 1
8094520	3.29E-12	1.0136969	<i>PCDH7</i>	protocadherin 7
7950391	1.75E-11	1.0538702	<i>PGM2L1</i>	phosphoglucomutase 2 like 1

7990151	1.10E-11	1.021846	<i>PKM</i>	pyruvate kinase, muscle
8056151	4.39E-09	1.1070027	<i>PLA2R1</i>	phospholipase A2 receptor 1
8101429	8.34E-10	1.8359027	<i>PLAC8</i>	placenta specific 8
8150509	2.00E-08	1.3462227	<i>PLAT</i>	plasminogen activator, tissue type
7928429	2.54E-10	1.3743673	<i>PLAU</i>	plasminogen activator, urokinase
7979710	1.11E-14	1.2965764	<i>PLEK2</i>	pleckstrin 2
7930980	5.44E-15	1.1414518	<i>PLPP4</i>	phospholipid phosphatase 4
8083146	1.05E-05	1.0651547	<i>PLS1</i>	plastin 1
7971077	6.76E-13	2.6298373	<i>POSTN</i>	periostin
7964907	2.94E-12	1.2630898	<i>PTPRR</i>	protein tyrosine phosphatase, receptor type R
8050007	4.54E-07	1.1653407	<i>PXDN</i>	peroxidasin
8104788	2.46E-09	1.0131847	<i>RAI14</i>	retinoic acid induced 14
7915184	1.90E-13	1.1258644	<i>RHBDL2</i>	rhomboid like 2
7933855	3.56E-11	1.0185636	<i>RTKN2</i>	rhotekin 2
8120043	4.49E-13	1.2121193	<i>RUNX2</i>	runt related transcription factor 2
7920297	3.91E-10	1.2504989	<i>S100A14</i>	S100 calcium binding protein A14
7920291	1.04E-12	1.1656542	<i>S100A16</i>	S100 calcium binding protein A16
8093950	1.43E-17	1.2260793	<i>S100P</i>	S100 calcium binding protein P
7969493	9.21E-14	1.6301907	<i>SCEL</i>	sciellin
7960529	2.41E-07	1.0022056	<i>SCNN1A</i>	sodium channel epithelial 1 alpha subunit
8150889	2.50E-15	1.5155709	<i>SDR16C5</i>	short chain dehydrogenase/reductase family 16C, member 5
8140534	4.29E-05	1.0999293	<i>SEMA3C</i>	semaphorin 3C
7990345	2.29E-12	1.0218449	<i>SEMA7A</i>	semaphorin 7A (John Milton Hagen blood group)
8023696	7.48E-05	1.2747167	<i>SERPINB3</i>	serpin family B member 3
8021584	1.26E-14	2.1830693	<i>SERPINB5</i>	serpin family B member 5
7902127	1.52E-11	1.0548758	<i>SGIP1</i>	SH3 domain GRB2 like endophilin interacting protein 1
8010770	1.32E-13	1.0000809	<i>SLC16A3</i>	solute carrier family 16 member 3
8123246	1.57E-07	1.14787	<i>SLC22A3</i>	solute carrier family 22 member 3
7923850	2.85E-07	1.0173151	<i>SLC26A9</i>	solute carrier family 26 member 9
7915472	2.13E-15	1.8381029	<i>SLC2A1</i>	solute carrier family 2 member 1
8125149	1.29E-09	1.2232882	<i>SLC44A4</i>	solute carrier family 44 member 4
8169504	2.65E-15	3.075768	<i>SLC6A14</i>	solute carrier family 6 member 14
8078014	4.11E-10	1.2712856	<i>SLC6A6</i>	solute carrier family 6 member 6

8044080	1.44E-10	1.0730247	<i>SLC9A2</i>	solute carrier family 9 member A2
7954330	3.35E-05	1.1014516	<i>SLCO1B3</i>	solute carrier organic anion transporter family member 1B3
8066493	6.36E-11	1.7899024	<i>SLPI</i>	secretory leukocyte peptidase inhibitor
8168749	2.01E-06	1.1052856	<i>SRPX2</i>	sushi repeat containing protein, X-linked 2
8018774	1.77E-09	1.028552	<i>ST6GALNAC1</i>	ST6 N-acetylgalactosaminide alpha-2,6-sialyltransferase 1
7961215	2.27E-16	1.2155107	<i>STYK1</i>	serine/threonine/tyrosine kinase 1
8146863	1.31E-10	1.9594916	<i>SULF1</i>	sulfatase 1
8066822	1.82E-06	1.0889349	<i>SULF2</i>	sulfatase 2
8100798	1.85E-05	1.0806951	<i>SULT1B1</i>	sulfotransferase family 1B member 1
8044212	4.43E-05	1.0128167	<i>SULT1C2</i>	sulfotransferase family 1C member 2
7950810	1.15E-10	1.0928962	<i>SYTL2</i>	synaptotagmin like 2
7948444	1.75E-05	1.5896369	<i>TCN1</i>	transcobalamin 1
8070579	9.91E-09	1.9432884	<i>TFF1</i>	trefoil factor 1
8070574	2.96E-05	1.1430847	<i>TFF2</i>	trefoil factor 2
8108217	5.41E-08	1.1341551	<i>TGFBI</i>	transforming growth factor beta induced
8066214	8.35E-08	1.205276	<i>TGM2</i>	transglutaminase 2
8130867	4.55E-09	1.6264449	<i>THBS2</i>	thrombospondin 2
7993638	6.43E-09	1.7178244	<i>TMC5</i>	transmembrane channel like 5
7993588	8.57E-15	1.285476	<i>TMC7</i>	transmembrane channel like 7
7945169	1.21E-08	1.3963273	<i>TMEM45B</i>	transmembrane protein 45B
7944164	2.85E-16	2.2573618	<i>TMPRSS4</i>	transmembrane protease, serine 4
8045688	1.54E-05	1.30502	<i>TNFAIP6</i>	TNF alpha induced protein 6
8015016	2.19E-12	1.4127467	<i>TNS4</i>	tensin 4
8014974	1.86E-09	1.3128398	<i>TOP2A</i>	topoisomerase (DNA) II alpha
8061579	1.48E-09	1.1088969	<i>TPX2</i>	TPX2, microtubule nucleation factor
8012953	1.65E-13	1.0200102	<i>TRIM16</i>	tripartite motif containing 16
7952290	7.15E-14	1.4077371	<i>TRIM29</i>	tripartite motif containing 29
8124707	4.49E-09	1.3998011	<i>TRIM31</i>	tripartite motif containing 31
7901175	2.49E-18	2.7266844	<i>TSPAN1</i>	tetraspanin 1
7964927	9.05E-06	1.4074942	<i>TSPAN8</i>	tetraspanin 8
8106743	4.80E-08	1.7040513	<i>VCAN</i>	versican
8169263	1.03E-09	1.9952567	<i>VSIG1</i>	V-set and immunoglobulin domain containing 1
8051322	4.34E-10	1.1333331	<i>XDH</i>	xanthine dehydrogenase

8163116	6.30E-07	-1.0014458	<i>EPB41L4B</i>	erythrocyte membrane protein band 4.1 like 4B
7922846	5.04E-07	-1.0048831	<i>FAM129A</i>	family with sequence similarity 129 member A
7947496	6.83E-06	-1.0052447	<i>SLC1A2</i>	solute carrier family 1 member 2
8098654	1.25E-10	-1.0101842	<i>KLKB1</i>	kallikrein B1
8161755	1.73E-08	-1.0122549	<i>ALDH1A1</i>	aldehyde dehydrogenase 1 family member A1
7965884	3.44E-06	-1.0185951	<i>PAH</i>	phenylalanine hydroxylase
7976322	2.99E-05	-1.02353	<i>CHGA</i>	chromogranin A
8022666	3.28E-09	-1.0283231	<i>CHST9</i>	carbohydrate sulfotransferase 9
8113666	5.34E-10	-1.0293164	<i>SEMA6A</i>	semaphorin 6A
7976488	8.47E-05	-1.0333527	<i>SERPINA5</i>	serpin family A member 5
8060134	9.80E-10	-1.0356758	<i>KIF1A</i>	kinesin family member 1A
8174513	6.56E-05	-1.0388273	<i>CHRD1</i>	chordin like 1
8121515	5.26E-05	-1.0443833	<i>SLC16A10</i>	solute carrier family 16 member 10
8149927	3.58E-11	-1.0502238	<i>CLU</i>	clusterin
8135378	7.42E-10	-1.0549731	<i>PRKAR2B</i>	protein kinase cAMP-dependent type II regulatory subunit beta
8068684	5.66E-04	-1.0574936	<i>FAM3B</i>	family with sequence similarity 3 member B
8146687	3.89E-10	-1.0653827	<i>ADHFE1</i>	alcohol dehydrogenase, iron containing 1
8054281	4.54E-12	-1.0700796	<i>LONRF2</i>	LON peptidase N-terminal domain and ring finger 2
7922130	1.37E-06	-1.0727789	<i>DPT</i>	dermatopontin
7910915	1.69E-05	-1.0729804	<i>CHRM3</i>	cholinergic receptor muscarinic 3
8041727	1.42E-03	-1.073476	<i>SLC3A1</i>	solute carrier family 3 member 1
7993126	1.13E-08	-1.0759596	<i>ABAT</i>	4-aminobutyrate aminotransferase
8015884	1.36E-02	-1.0792696	<i>PPY</i>	pancreatic polypeptide
7937079	6.24E-06	-1.093632	<i>BNIP3</i>	BCL2 interacting protein 3
7938687	5.50E-07	-1.0996724	<i>NUCB2</i>	nucleobindin 2
7949320	5.08E-06	-1.10197	<i>GPHA2</i>	glycoprotein hormone alpha 2
7930714	1.30E-08	-1.1040269	<i>ATRNL1</i>	attractin like 1
7924309	1.15E-09	-1.1041791	<i>ESRRG</i>	estrogen related receptor gamma
8017885	1.29E-06	-1.104388	<i>ABCA8</i>	ATP binding cassette subfamily A member 8
8049990	1.60E-08	-1.1093278	<i>FAM150B</i>	family with sequence similarity 150 member B
7988987	1.52E-04	-1.1098869	<i>ONECUT1</i>	one cut homeobox 1
7944795	6.30E-07	-1.1183533	<i>OR4D5</i>	olfactory receptor family 4 subfamily D member 5
7933194	3.74E-12	-1.1287498	<i>CXCL12</i>	C-X-C motif chemokine ligand 12

7913768	7.64E-05	-1.1288124	<i>IL22RA1</i>	interleukin 22 receptor subunit alpha 1
8166784	3.70E-11	-1.1334431	<i>TSPAN7</i>	tetraspanin 7
8176193	6.97E-07	-1.1382302	<i>F8</i>	coagulation factor VIII
8056250	2.42E-02	-1.13885	<i>GCG</i>	glucagon
8106827	2.44E-09	-1.1424538	<i>ADGRV1</i>	adhesion G protein-coupled receptor V1
7986195	1.21E-08	-1.1493667	<i>SV2B</i>	synaptic vesicle glycoprotein 2B
8114964	1.26E-02	-1.1548584	<i>SPINK1</i>	serine peptidase inhibitor, Kazal type 1
7909681	1.77E-10	-1.1566953	<i>PROX1</i>	prospero homeobox 1
7922598	1.40E-11	-1.1579211	<i>ANGPTL1</i>	angiopoietin like 1
7976350	3.71E-10	-1.1597007	<i>UNC79</i>	unc-79 homolog (C. elegans)
7917304	2.28E-09	-1.1641287	<i>MCOLN3</i>	mucolipin 3
8105607	1.61E-06	-1.1697213	<i>FAM159B</i>	family with sequence similarity 159 member B
8029693	7.21E-06	-1.1699062	<i>FOSB</i>	FosB proto-oncogene, AP-1 transcription factor subunit
7908917	1.26E-10	-1.1710536	<i>BTG2</i>	BTG anti-proliferation factor 2
7948249	5.52E-07	-1.1801271	<i>SLC43A1</i>	solute carrier family 43 member 1
7976073	5.50E-10	-1.1848582	<i>FLRT2</i>	fibronectin leucine rich transmembrane protein 2
8127072	4.43E-06	-1.1862356	<i>GSTA1</i>	glutathione S-transferase alpha 1
8163839	1.30E-07	-1.1974638	<i>C5</i>	complement component 5
7983718	2.92E-07	-1.2012936	<i>SCG3</i>	secretogranin III
8057377	3.89E-11	-1.2015218	<i>CCDC141</i>	coiled-coil domain containing 141
8044700	2.52E-06	-1.204828	<i>DPP10</i>	dipeptidyl peptidase like 10
8126954	1.03E-03	-1.2130362	<i>PKHD1</i>	polycystic kidney and hepatic disease 1 (autosomal recessive)
8154848	1.02E-04	-1.2143664	<i>PRSS3</i>	protease, serine 3
7989473	2.64E-07	-1.2225682	<i>C2CD4B</i>	C2 calcium dependent domain containing 4B
8001531	5.08E-06	-1.2238896	<i>MT1G</i>	metallothionein 1G
7991034	2.00E-06	-1.248792	<i>HOMER2</i>	homer scaffolding protein 2
8056327	1.63E-07	-1.2659649	<i>GRB14</i>	growth factor receptor bound protein 14
7946579	1.42E-05	-1.2742767	<i>LYVE1</i>	lymphatic vessel endothelial hyaluronan receptor 1
7951910	1.16E-07	-1.2745662	<i>BACE1</i>	beta-secretase 1
7956229	1.41E-06	-1.2896791	<i>SLC39A5</i>	solute carrier family 39 member 5
8133876	1.18E-07	-1.2904853	<i>CD36</i>	CD36 molecule
8167027	7.44E-09	-1.2929591	<i>RGN</i>	regucalcin
8036699	2.95E-05	-1.2944747	<i>SYCN</i>	syncollin

8100853	5.86E-05	-1.3070631	<i>GC</i>	GC, vitamin D binding protein
8145532	1.13E-11	-1.309602	<i>EPHX2</i>	epoxide hydrolase 2
8042978	1.40E-03	-1.3113611	<i>REG3G</i>	regenerating family member 3 gamma
8124196	1.33E-05	-1.3135133	<i>DCDC2</i>	doublecortin domain containing 2
8089402	1.17E-06	-1.321844	<i>GUCA1C</i>	guanylate cyclase activator 1C
8092682	1.64E-06	-1.3220569	<i>SST</i>	somatostatin
8113234	1.93E-09	-1.3241064	<i>PCSK1</i>	proprotein convertase subtilisin/kexin type 1
8174201	2.54E-09	-1.3355184	<i>BEX1</i>	brain expressed X-linked 1
8111677	5.47E-11	-1.3452642	<i>LIFR</i>	leukemia inhibitory factor receptor alpha
8166202	4.45E-06	-1.3544622	<i>GRPR</i>	gastrin releasing peptide receptor
8148003	3.28E-05	-1.3557504	<i>SLC30A8</i>	solute carrier family 30 member 8
8052372	8.15E-06	-1.3568427	<i>MIR217</i>	microRNA 217
7961580	9.74E-12	-1.3596111	<i>LMO3</i>	LIM domain only 3
8074201	5.00E-07	-1.3759078	<i>ANKRD62</i>	ankyrin repeat domain 62
8110990	4.60E-08	-1.3781816	<i>CTNND2</i>	catenin delta 2
7923837	5.61E-06	-1.380062	<i>PM20D1</i>	peptidase M20 domain containing 1
8135661	5.01E-03	-1.3874427	<i>CFTR</i>	cystic fibrosis transmembrane conductance regulator
8119620	1.70E-05	-1.3901202	<i>GNMT</i>	glycine N-methyltransferase
8141016	4.15E-07	-1.4106651	<i>TFPI2</i>	tissue factor pathway inhibitor 2
8117304	1.00E-05	-1.4346631	<i>SLC17A4</i>	solute carrier family 17 member 4
8169389	5.30E-08	-1.4388473	<i>PAK3</i>	p21 (RAC1) activated kinase 3
8127065	6.38E-07	-1.4493653	<i>GSTA2</i>	glutathione S-transferase alpha 2
8105084	7.84E-06	-1.4541744	<i>C7</i>	complement component 7
8046116	1.49E-07	-1.4543064	<i>G6PC2</i>	glucose-6-phosphatase catalytic subunit 2
8057056	1.78E-11	-1.4561933	<i>TTN</i>	titin
8158987	2.16E-06	-1.4747756	<i>CELP</i>	carboxyl ester lipase pseudogene
8095585	1.26E-04	-1.5267887	<i>SLC4A4</i>	solute carrier family 4 member 4
8136801	2.13E-04	-1.5307853	<i>PRSS3P2</i>	protease, serine 3 pseudogene 2
8111864	4.60E-08	-1.5355449	<i>C6</i>	complement component 6
8020795	2.20E-03	-1.5423422	<i>TTR</i>	transthyretin
7994252	1.40E-06	-1.5447562	<i>AQP8</i>	aquaporin 8
8144786	3.48E-11	-1.5674787	<i>SLC7A2</i>	solute carrier family 7 member 2
8009493	5.72E-06	-1.5883822	<i>KCNJ16</i>	potassium voltage-gated channel subfamily J member 16

8141094	1.33E-08	-1.61166	<i>PK4</i>	pyruvate dehydrogenase kinase 4
7944793	3.26E-07	-1.6139998	<i>OR8D4</i>	olfactory receptor family 8 subfamily D member 4
8053341	2.80E-03	-1.6238604	<i>REG3A</i>	regenerating family member 3 alpha
8151532	8.18E-06	-1.6241164	<i>FABP4</i>	fatty acid binding protein 4
8142270	1.12E-08	-1.6280118	<i>NRCAM</i>	neuronal cell adhesion molecule
7990555	8.69E-06	-1.6338384	<i>NRG4</i>	neuregulin 4
7988414	7.45E-05	-1.6627798	<i>GATM</i>	glycine amidinotransferase
8149521	1.94E-05	-1.6669633	<i>FGL1</i>	fibrinogen like 1
8058591	2.09E-08	-1.6686389	<i>ACADL</i>	acyl-CoA dehydrogenase, long chain
8101881	4.00E-08	-1.6765011	<i>ADH1B</i>	alcohol dehydrogenase 1B (class I), beta polypeptide
7957221	5.25E-07	-1.680468	<i>TRHDE</i>	thyrotropin releasing hormone degrading enzyme
8062948	8.62E-07	-1.7077773	<i>RBPJL</i>	recombination signal binding protein for immunoglobulin kappa J region like
8117288	3.72E-07	-1.7441982	<i>SCGN</i>	secretagogin, EF-hand calcium binding protein
8042986	6.69E-04	-1.7448384	<i>REG1A</i>	regenerating family member 1 alpha
8136795	2.30E-04	-1.7786876	<i>PRSS1</i>	protease, serine 1
8083246	3.07E-04	-1.8422931	<i>CPB1</i>	carboxypeptidase B1
7934936	1.94E-09	-1.8661882	<i>SLC16A12</i>	solute carrier family 16 member 12
7991335	1.81E-07	-1.8945569	<i>ANPEP</i>	alanyl aminopeptidase, membrane
8002283	6.04E-08	-1.8966689	<i>TMED6</i>	transmembrane p24 trafficking protein 6
8038633	4.35E-06	-1.9187229	<i>KLK1</i>	kallikrein 1
7925342	5.57E-11	-1.9621349	<i>ERO1B</i>	endoplasmic reticulum oxidoreductase 1 beta
8098671	4.77E-08	-2.006714	<i>F11</i>	coagulation factor XI
8047300	6.71E-12	-2.0361547	<i>AOX1</i>	aldehyde oxidase 1
7908597	1.63E-07	-2.0610724	<i>NR5A2</i>	nuclear receptor subfamily 5 group A member 2
7903592	1.35E-08	-2.0721882	<i>KIAA1324</i>	KIAA1324
7898713	2.25E-05	-2.0730927	<i>CELA3B</i>	chymotrypsin like elastase family member 3B
8096845	2.96E-06	-2.0791816	<i>EGF</i>	epidermal growth factor
8136235	1.22E-04	-2.0943071	<i>CPA1</i>	carboxypeptidase A1
7991815	4.02E-07	-2.1084087	<i>PDIA2</i>	protein disulfide isomerase family A member 2
8053337	2.53E-04	-2.1295849	<i>REG1CP</i>	regenerating family member 1 gamma, pseudogene
8053330	4.80E-04	-2.1335769	<i>REG1B</i>	regenerating family member 1 beta
8002121	1.73E-06	-2.2352664	<i>CTRL</i>	chymotrypsin like
7898725	2.93E-05	-2.2463916	<i>CELA3A</i>	chymotrypsin like elastase family member 3A

7898184	1.02E-05	-2.2770016	<i>CELA2B</i>	chymotrypsin like elastase family member 2B
7898176	1.43E-05	-2.2827218	<i>CELA2A</i>	chymotrypsin like elastase family member 2A
7967034	2.51E-05	-2.3100656	<i>PLA2G1B</i>	phospholipase A2 group IB
8091910	1.28E-06	-2.4767376	<i>SERPINI2</i>	serpin family I member 2
8125936	1.29E-05	-2.5449413	<i>CLPS</i>	colipase
7961524	1.64E-06	-2.5885804	<i>ERP27</i>	endoplasmic reticulum protein 27
8095628	1.43E-07	-2.6310982	<i>ALB</i>	albumin
8136187	2.38E-05	-2.6502338	<i>CPA2</i>	carboxypeptidase A2
8158976	1.14E-05	-2.71677	<i>CEL</i>	carboxyl ester lipase
7999920	8.79E-06	-2.793808	<i>GP2</i>	glycoprotein 2
7898167	3.47E-06	-2.7982229	<i>CTRC</i>	chymotrypsin C
7954377	2.36E-09	-2.809762	<i>IAPP</i>	islet amyloid polypeptide
7930790	2.37E-06	-3.0266571	<i>PNLIPRP1</i>	pancreatic lipase related protein 1

Table S3. The 4 DEmiRNAs' targets for 47 of the 98 downregulated genes were found in the two GEO databases

miR-222-3p	miR-345-5p	miR-100-5p	miR-221-3p
<i>ACADL</i>	<i>ACADL</i>	<i>ADH1B</i>	<i>ACADL</i>
<i>ADH1B</i>	<i>ADH1B</i>	<i>EPHX2</i>	<i>ADH1B</i>
<i>BNIP3</i>	<i>AOX1</i>	<i>G6PC2</i>	<i>BNIP3</i>
<i>C6</i>	<i>BACE1</i>	<i>IL22RA1</i>	<i>C6</i>
<i>CHRM3</i>	<i>BNIP3</i>	<i>LMO3</i>	<i>CHRM3</i>
<i>DPP10</i>	<i>C5</i>	<i>SLC17A4</i>	<i>DPP10</i>
<i>EGF</i>	<i>CHRM3</i>	<i>SLC4A4</i>	<i>EGF</i>
<i>EPHX2</i>	<i>CTNND2</i>		<i>EPHX2</i>
<i>FAM3B</i>	<i>DPP10</i>		<i>FAM3B</i>
<i>KIAA1324</i>	<i>EGF</i>		<i>FGL1</i>
<i>LMO3</i>	<i>EPHX2</i>		<i>KIAA1324</i>
<i>NR5A2</i>	<i>ERO1B</i>		<i>LMO3</i>
<i>NRG4</i>	<i>ERP27</i>		<i>NR5A2</i>
<i>ONECUT1</i>	<i>F11</i>		<i>NRG4</i>
<i>PAK3</i>	<i>F8</i>		<i>ONECUT1</i>
<i>PKHD1</i>	<i>FABP4</i>		<i>PAK3</i>
<i>SLC17A4</i>	<i>G6PC2</i>		<i>PKHD1</i>
<i>SLC4A4</i>	<i>GATM</i>		<i>SLC17A4</i>
<i>SLC7A2</i>	<i>GRB14</i>		<i>SLC4A4</i>
<i>TTR</i>	<i>GRPR</i>		<i>SLC7A2</i>
	<i>GUCA1C</i>		<i>TTR</i>
	<i>IAPP</i>		
	<i>IL22RA1</i>		
	<i>KIAA1324</i>		
	<i>LMO3</i>		
	<i>NR5A2</i>		
	<i>NRCAM</i>		
	<i>NRG4</i>		
	<i>NUCB2</i>		
	<i>ONECUT1</i>		
	<i>PAK3</i>		
	<i>PDK4</i>		
	<i>PKHD1</i>		
	<i>PM20D1</i>		
	<i>REG3A</i>		
	<i>REG3G</i>		
	<i>RGN</i>		
	<i>SLC17A4</i>		
	<i>SLC4A4</i>		
	<i>SLC7A2</i>		
	<i>TFPI2</i>		

TRHDE

TTN

TTR

Table S4. Clinicopathological features of samples used in this study.

Type of samples	Cohort	Assay	Sample	Gender	Age	Alcohol	Smoking	Ethnicity	Tumor size	TNM	Differentiation grade	Survival
Tissue	First Cohort Controls (13)	Microarrays Identification=3	Control 1	F	36	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 2	F	49	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 3	M	52	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
		Validation (pool) RT-qPCR=10	Control 4	M	50	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 5	M	50	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 6	F	47	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 7	F	58	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 8	F	64	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 9	M	59	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 10	M	78	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 11	M	73	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 12	M	70	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 13	M	66	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
	Second Cohort Controls (15)	Validation (independent) RT-qPCR=15	Control 14	M	31	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 15	M	49	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 16	F	28	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 17	F	38	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 18	M	26	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-

			Control 19	F	33	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 20	M	74	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 21	F	26	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 22	M	60	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 23	M	40	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 24	M	27	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 25	M	65	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 26	M	27	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 27	F	64	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 28	F	52	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
	First Cohort Patients (25)	Microarrays Identification=12	Patient 1	M	66	No data	No data	Mexican-Mestizo	5.5	IIA	G2	-
			Patient 2	F	66	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IIA	G2	13
			Patient 3	F	57	No data	No data	Mexican-Mestizo	5.5	IIA	G2	-
			Patient 4	M	48	No data	No data	Mexican-Mestizo	5.1	IIB	G2	18
			Patient 5	M	75	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IIB	G2	12
			Patient 6	F	47	No data	No data	Mexican-Mestizo	9	IIB	G2	11
			Patient 7	M	78	No data	No data	Mexican-Mestizo	7.4	III	G1	4
			Patient 8	M	40	No data	No data	Mexican-Mestizo	2.59	III	G2	20
			Patient 9	M	61	No data	No data	Mexican-Mestizo	6.8	III	G3	4

			Patient 10	F	66	No data	No data	Mexican-Mestizo	40	IV	G2	1
			Patient 11	F	64	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	G2	-
			Patient 12	M	54	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	G3	10
		Validation (pool) RT-qPCR=13	Patient 13	F	81	No data	No data	Mexican-Mestizo	5	IIB	G2	14
			Patient 14	M	66	No data	No data	Mexican-Mestizo	5	IIB	G2	14
			Patient 15	M	52	No data	No data	Mexican-Mestizo	3	IIB	G2	5
			Patient 16	M	72	No data	No data	Mexican-Mestizo	3.96	III	G3	9
			Patient 17	M	70	No data	No data	Mexican-Mestizo	2.1	III	G2	9
			Patient 18	M	47	No data	No data	Mexican-Mestizo	2.1	III	G2	-
			Patient 19	F	55	No data	No data	Mexican-Mestizo	16	III	G2	16
			Patient 20	F	42	No data	No data	Mexican-Mestizo	4.1	IV	G2	20
			Patient 21	F	56	No data	No data	Mexican-Mestizo	5	IV	G2	3
			Patient 22	F	62	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	G2	1
			Patient 23	F	68	No data	No data	Mexican-Mestizo	5	IV	G3	10
			Patient 24	F	54	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	G3	-
			Patient 25	F	69	No data	No data	Mexican-Mestizo	6	IV	G3	-
	Second Cohort Patients (15)	Validation (independent) RT-qPCR=15	Patient 26	F	86	No data	No data	Mexican-Mestizo	2.1	IIB	G2	-
			Patient 27	M	60	No data	No data	Mexican-Mestizo	6	IIB	G2	-
			Patient 28	F	75	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	-	G2	-

			Patient 29	F	77	No data	No data	Mexican-Mestizo	4	IIB	G2	-
			Patient 30	F	62	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	-	G2	-
			Patient 31	M	65	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	-	G2	-
			Patient 32	M	64	No data	No data	Mexican-Mestizo	3.2	IIA	G2	-
			Patient 33	F	77	No data	No data	Mexican-Mestizo	4	IIB	G2	-
			Patient 34	M	68	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IIA	-	-
			Patient 35	F	58	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IIA	G2	-
			Patient 36	F	66	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IIA	G2	132
			Patient 37	F	47	No data	No data	Mexican-Mestizo	9	IIB	G2	11
			Patient 38	M	78	No data	No data	Mexican-Mestizo	7.4	III	G1	46
			Patient 39	F	64	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	G2	-
			Patient 40	F	68	No data	No data	Mexican-Mestizo	5	IV	G3	10
Plasma	First Cohort Controls (20)	Validation (independent) RT-qPCR=20	Control 1	F	43	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 2	F	47	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 3	F	51	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 4	M	54	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 5	F	47	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 6	F	39	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 7	F	56	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-

			Control 8	F	45	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 9	F	62	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 10	M	49	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 11	M	47	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 12	M	44	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 13	M	30	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 14	M	30	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 15	F	57	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 16	M	27	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 17	M	31	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 18	M	27	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 19	F	27	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
			Control 20	F	50	-	-	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
	First Cohort Patients (46)	Validation (independent) RT-qPCR=46	Patient 1	F	63	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 2	M	44	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 3	F	70	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 4	F	69	Yes	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 5	F	56	No	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 6	M	78	No	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-

			Patient 7	F	79	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 8	F	82	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 9	F	51	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 10	F	70	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 11	F	41	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 12	M	48	No	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 13	F	83	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 14	M	63	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 15	M	46	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 16	F	63	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 17	F	75	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 18	F	65	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 19	M	75	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 20	M	56	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 21	M	62	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 22	F	68	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	-	I	-	-
			Patient 23	F	51	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
			Patient 24	M	48	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
			Patient 25	M	56	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-

Patient 26	F	71	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
Patient 27	M	48	No	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 28	M	72	No	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 29	M	46	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
Patient 30	F	63	No	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
Patient 31	M	69	No	No	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 32	F	51	Yes	No data	Mexican-Mestizo	-	II	-	-
Patient 33	F	50	No	No data	Mexican-Mestizo	-	II	-	-
Patient 34	M	62	No	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
Patient 35	F	60	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 36	M	57	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	II	-	-
Patient 37	M	65	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
Patient 38	M	60	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 39	M	60	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 40	M	44	No data	No data	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 41	F	82	No data	No	Mexican-Mestizo	-	IV	-	-
Patient 42	F	71	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	-	III	-	-
Patient 43	F	68	No	Yes	Mexican-Mestizo	-	-	-	-
Patient 44	M	-	No	No	Mexican-Mestizo	-	-	-	-

			Patient 45	F	63	No	No	Mexican-Mestizo	-	II	-	-
			Patient 46	F	71	Yes	Yes	Mexican-Mestizo	2.9	II	-	-

Blue letters correspond to plasma samples and dark letters indicate tissue samples.