```
CNCD147  ATGCGTGAAGTTATTTCTATCCACGTTGGACAGGCCGGTGTTCAAATCGGTAACGGCTGCTGGGAACTCTACTGCCTAGA 80
G3       ATGCGTGAAGTTATTTCTATCCACGTTGGACAGGCCGGTGTTCAGATTGGTAACGGCTGCTGGGAACTCTACTGCCTTGA 80
         ********************************************* **  *****************************:**

CNCD147  ACACGGTATCCAACCAGATGGCCAACTCCCATCAGACAAGACAATCGGTGTCGAAGATGATGCTTTCAACACATTCTTCT 160
G3       GCACGGTATCCAGCCAGATGGCCAGCTCCCATCAGACAAGACAATCGGTGTCGAAGATGATGCTTTTAACACATTCTTCT 160
         .***********.***********.********************************************* ***********

CNCD147  CCGAGACAGGCGCCGGCAAGCACGTCCCACGTGCTGTTTTCGTCGATCTTGAACCAACAGTCGTCGACGAAGTCCGCACA 240
G3       CCGAGACAGGCGCCGGCAAGCACGTTCCACGTGCTGTTTTCGTCGATCTTGAACCAACAGTCGTCGACGAAGTCCGCACA 240
         ************************* ******************************************************

CNCD147  GGCACATACCGCCAGCTTTTCCACCCAGAGCAGCTCATCTCCGGCAAGGAAGATGCCGCTAACAACTACGCTCGTGGCCA 320
G3       GGCACATACCGCCAGCTTTTCCACCCAGAGCAGCTCATCTCCGGCAAGGAAGATGCCGCTAACAACTACGCGCGTGGCCA 320
         ******************************************************************** ********

CNCD147  CTACACAGTTGGTAAGGAAATCATCGATCTCACACTCGACCGCATCCGTAAGCTTGCTGATCAGTGCACAGGTCTTCAGG 400
G3       CTACACAGTTGGTAAGGAAATCATCGATCTCACACTCGACCGCATCCGTAAGCTTGCTGATCAGTGCACAGGTCTTCAGG 400
         *******************************************************************************

CNCD147  GCTTCCTTATCTTCCACTCCTTCGGTGGTGGCACAGGCGCTGGCTTCGGCTCCCTCCTTCTCGAGCGTCTTTCTGTCGAC 480
G3       GCTTCCTTATCTTCCACTCCTTCGGTGGTGGCACAGGCGCTGGCTTCGGCTCCCTCCTTCTCGAGCGTCTTTCTGTCGAC 480
         *******************************************************************************

CNCD147  TACGGCAAGAAGTCCAAGCTCGAATTCACAGTCTACCCATCTCCACAGGTTTCCACAGCCATCGTCGAGCCATACAACTC 560
G3       TACGGCAAGAAGTCCAAGCTCGAATTCACAGTCTACCCATCTCCACAGGTTTCCACAGCCATCGTCGAGCCATACAACTC 560
         *******************************************************************************

CNCD147  CATTCTCGCTACACACTCCATGATCGATCACTCCGACTGCGCTTTCATGGTCGATAACGAAGCTCTCTACGATCTCTGCC 640
G3       CATTCTCGCTACACACTCCATGATCGATCACTCCGACTGCGCTTTCATGGTCGATAACGAAGCTCTCTACGATCTCTGCC 640
         *******************************************************************************

CNCD147  GCCGTGCCCTCGATATCGAGCGCCCAACATACACCAACCTCAACCGTCTCATCGGCCAGGTTGTTTCCTCCCTCACAGCC 720
G3       GCCGTGCCCTCGATATCGAGCGCCCAACATACACCAACCTCAACCGTCTCATCGGCCAGGTTGTTTCCTCCCTCACAGCC 720
         *******************************************************************************

CNCD147  TCCCTCAGATTCGATGGTGCCCTCAACGTCGACTTCACAGAGTTCCAGACAAACCTTGTCCCATACGCTCGTATCCACTT 800
G3       TCCCTCAGATTCGATGGTGCCCTCAACGTCGACTTCACAGAGTTCCAGACAAACCTTGTCCCATACGCTCGTATCCACTT 800
         *******************************************************************************

CNCD147  CCCAATCTGCTCTTATGCTCCAGTCATTTCTGCAGAGAAGGCCTACCACGAGCAGCTCTCTGTTGCCGAAATCACAAACT 880
G3       CCCAATCTGCTCCTATGCTCCAGTCATTTCTGCAGAGAAGGCCTACCACGAGCAGCTCTCTGTTGCCGAAATCACAAACT 880
         ************ ******************************************************************

CNCD147  CACTCTTCGAGCCAGCCAACATGATGGTTAAGTGCGACCCACGCCACGGCAAGTACATGGCTTGCACACTCCTTTACCGT 960
G3       CACTCTTCGAGCCAGCCAACATGATGGTTAAGTGCGACCCACGCCACGGCAAGTACATGGCTTGCACACTCCTTTACCGT 960
         *******************************************************************************

CNCD147  GGTGATGTCGTTCCAAAGGATGTCTCCGCTGCTGTCGCTACAATCAAGACAAAGCGCACAATCCAGTTCGTCGACTGGTG 1040
G3       GGTGATGTCGTTCCAAAGGATGTCTCCGCTGCTGTCGCTACAATCAAGACAAAGCGCACAATCCAGTTCGTCGACTGGTG 1040
         *******************************************************************************

CNCD147  CCCAACAGGCTTCAAGATGGGTATCAACTACCAGCCACCAACAGTCGTCCCAGGTGGCGACCTCGCAAAGGTCCAGCGCG 1120
G3       CCCAACAGGCTTCAAGATGGGTATCAACTACCAGCCACCAACAGTCGTTCCAGGTGGCGACCTCGCAAAGGTCCAGCGCG 1120
         *********************************************** *******************************

CNCD147  CCGTCTGCATGCTCGCTAACACAACAGCCATCGCCGAAGCTTGGTCTCGCCTCGACCACAAGTTCGACCTCATGTACGCT 1200
G3       CTGTCTGCATGCTCGCTAACACAACAGCCATCGCCGAAGCTTGGTCTCGCCTCGACCACAAGTTCGACCTCATGTACGCT 1200
         * *****************************************************************************

CNCD147  AAGCGTGCTTTCGTCCACTGGTACGTCGGTGAGGGTATGGAAGAAGCTGAATTCCCAGAAGCTCGTGAAGATCTTGCCCT 1280
G3       AAGCGTGCTTTCGTCCACTGGTACGTCGGTGAGGGTATGGAAGAAGCTGAATTCCCAGAAGCTCGTGAAGATCTTGCCCT 1280
         *******************************************************************************

CNCD147  CCTCGAGAAGGACTACGACGAAGTCGCTGCTGAATCAGTCGAAGGTGGCGATGAGGAAGAAGATGGTGGCGAAATGTAA 1359
G3       CCTCGAGAAGGACTACGACGAAGTCGCTGCTGAATCAGTCGAAGGTGGCGATGAAGAAGAAGATGGTGGCGAAATGTAA 1359
         ***************************************************** .*************************
```

Supplementary Figure S4. Nucleotide sequence alignment between the *tvtubα1* gene amplified from the *T. vaginalis* CNCD147 isolate and G3 from the *T. vaginalis* genome. The letters in red indicate the nt changes found after the amplicon DNA sequencing. * Represents identical nucleotides.