

Table S6. Tandem repeats of the CR in species in Lacertidae.

Species	Copy number	Length	Tandem repeat motif
<i>Acanthodactylus boskianus</i>	2.4	11	TTTTCAACAAA
<i>Ac. erythrurus</i>	2.0	56	TATGTATATTGTACATTAATTTATTTACCCCATGAATATCATCTATATACCTACTT
<i>Australolacerta australis</i>	2.8	12	CACTTTTTTGGC
<i>Darevskia armeniaca</i>	2.2	87	AGCACCTACAACCCAGCCGCTAAATGCGGCTTTTTTGCCCAACACACAACAAACAACCTCAACTTTAACCTTCCATCCCCTACTTCAC
	2.3	22	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>D. brauneri</i>	3.7	10	AAATTTTAAC
<i>D. caucasica</i>	2.0	63	TACCCAGCCGCTAAATGCGGCTTTTTTGCTCCAAACACCCAACTAACAACCTCAACTTTAACCC
	2.3	22	CAAAAATTTTAACAAATTTTAC
<i>D. chlorogaster</i>	1.8	92	TACCCAGCCGCTTAGTGCGGCTTTTTTGCTCCAAACAACCAACAACAAGTCAACTTTAACCTATTAACCCCTGCCTTACATGGCACCTTC
	2.6	90	CTCCAAACAACCAACAACAAGTCAACTTTAACCTGTAAACCCCTGCCACATGGCACCTTCTACCCAGCCGCTTAGTGCGGCTTTTTTG
<i>D. clarkorum</i>	2.3	22	CAAAACTTTTAAAAAATTTTAC
	2.1	20	ACAAAAAACAACAAAAATTTA
<i>D. daghestanica</i>	2.0	53	CAACTCAACTTAAACCTCCCAACCCCTACCTTACATTAAACCTCTTACCCAGCCGCTAAACGCGGCTTTTTTGCTCCAAACATCCAACAAGCAA
			CTCAACTTAAACCTCCCAACCCCTAC
	2.4	22	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>D. dahl</i>	2.3	22	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>D. derjugini</i>	1.9	90	TTACCTAGCCGCTAAATGCGGCTTTTTTGCTCCAAACATCCAACAAATAACACAACCTTTAACCTTCTAACCCCTGCTTCACTGCACTGG
<i>D. mixta</i>	2.0	87	AACCCAGCCGCTAAATGCGGCTTTTTTGCTCCAAACACACAACAAACAACCTCAACTTTAACCTTCCAACCCCTACTTCACAGCACCTGT
	2.3	22	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>D. parvula</i>	2.6	23	CAAAACTTTTAACAAATTTTATAC
<i>D. portschinskii</i>	3.0	23	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>D. raddei</i>	2.8	59	CACACATTCAACAAATAATTCAACTTTAACCTCCCAATACCTACTACACAAACTGCCAT
	4.8	58	CACACATTCACAACTATTCAACTTTAACCTCCCAATACCTACAACACAAACTGCCAT
	3.9	59	TGCCTCCACACATTCAACAAATAATTCAACTTTAACCTCCCAATACCTACGACACAAAC
	26.6	58	CAACTTTAACCTCCCAATACCTACAACACAAACTGCCATCACACATTCAACAAACATT
	4.5	61	AACTTTAACCTCCCAATACCTACGACACAAACACTTTGCCATCACATTCAACAAACCATTC
<i>D. rudis</i>	3.0	23	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>D. saxicola</i>	3.0	22	ACAAAACCTTTTAACAAATTTTA
<i>D. unisexualis</i>	2.0	15	AACACCTACTACACC
	2.4	22	CAAAACTTTTAACAAATTTTAC
<i>Eremias argus</i>	2.3	20	AAAAAAATTTTTTATAATA
	7.8	65	CCTAAAACCAGGCTGCCCAAGCAGCCGATTCTTACTCCCCAAGCCGCTTCTAGCGGCTTTTTTG

<i>E. brencleyi</i>	65	13.5	AAAAGTAGCCGCCCCAGCGGCCTAATTCTTCCTACCCAGCCGCTTCTAGCGGCTTTTTGCCTT
	19	2.1	TACATAATACATAACTGTT
	12	2.5	TTTGTAAAAACC
	56	14.3	ACAAAGATCAATTCGTTTGTGTTAACCTAAATTTCTCTAGAACACAAACAAATTG
	19	2.8	TTTTTAATTAAAAATATTT
	10	5.1	AATTTTTTTT
	19	1.9	AAAATAATTTTAAATTTTT
<i>E. dzungarica</i>	57	6.5	CCTAAAAACAGGCCGCTCAGGCGGCCACTACCCAGCCGCTTATAGCGGCTTTTTTG
	56	17.0	TTAACAAAGAACAATTCGTTTGTATTGTCTAAACTTATCTAGAACACAAATAAA
	20	2.4 × 2	AAAAAATTTCTTTATTTTCA
<i>E. multiocellata</i>	61	6.7	CCTAAAAACAGGCCGCCCCAGCGGCCATTACTCCCCCTGCCGCTTATAGCGGCTTTTTTG
	56	13.8	AACAAAGAACAATTCGTTTGTGTTAACCTAAACTTCTCTAGAACACAAACGAATT
<i>E. nikolskii</i>	65	12.6	CCCTAAAACAGGCCGCTCCAGCGGCTTACCCACCCCTCACCAGCCGCTTCTAGCGGCTTTTTTG
	56	8.9	AACAAATTAACAAAGAACAACCTGTTTGTATTAACTAAACTTCTCGGGAACACA
	20	2.5 × 3	TTTAAAAAATTTTTCTATT
<i>E. przewalskii</i>	66	7.8	CCTAAAAACAGGCCGCTCCGACGGCCCTTGCCCCCTCACCCCGCCGCTTATAGCGGCTTTTTTG
	56	12.0	ACAAAGAACAATTCGTTTGTATTGTCTAAACTTATCTAGAACACAAACGAATT
	18	1.9	TAAAAATAATTTTTTTAT
<i>E. scripta</i> KZL15	67	10.5	CCTTTAAACAAGCCGTCCAAGACGGCATGCATTCCCCTTACCCGCGCTTCTAGCGGCTTTTTTG
	11	4.2	TTTTTAACAAA
	155	13.7	AAAGGTAAATTTGTTTATAATTAACCTAAATTTGTCTAGAACACAAACAAATTAATAAAAGAACTAATTTGTTTATAATTGACTTAAATTTACCTA GAACACAAACAAATTAACAAAGATTAATTCATTTGTAACCTAACTAAATTTTAAATTTTA
			CCTTTAAACAAGCCGTCCAAGACGGCATGCATTCCCCTTACCCGCGCTTCTAGCGGCTTTTTTG
<i>E. scripta</i> KZL44	67	8.6	AAAGGTAAATTTGTTTATAATTAACCTAAATTTGTCTAGAACACAAACAAATTAATAAAAGAACTAATTTGTTTATAATTGACTTAAATTTACCTA GAACACAAACAAATTAACAAAGATTAATTCATTTGTAACCTAACTAAATTTTAAATTTTA
	11	4.2	TTTTTAACAAA
	155	11.7	AAAGGTAAATTTGTTTATAATTAACCTAAATTTGTCTAGAACACAAACAAATTAATAAAAGAACTAATTTGTTTATAATTGACTTAAATTTACCTA GAACACAAACAAATTAACAAAGATTAATTCATTTGTAACCTAACTAAATTTTAAATTTTA
<i>E. stummeri</i>	54	10.3	CCTACAACCAACCATCCCCATACATTTTACAAGCCGCTTCTAGCGGCTTTTTTG
	56	22.1	TCTCTAGAACACAAACAACTAACAAAGAACAATTCGTTTGTGTTAACCTAGATT
	11	2.9	TTTTTTAAATA
<i>E. szczrbaki</i>	61	5.9	CCTTAAACCAGCCGCCAACGGCCCTATTTCACTCCAAGCCGCGCATAGCGGCTTTTTTG
	56	12.2	ACAAACGAATTCACAAAGAACAATTCGTTTGTATTAACTAACTTCTCTAGAAC
	21	2.1 × 2	AAAAATTTTATTTTTTAAAA
<i>E. vermiculata</i>	55	18.3	TCCACTTCTCACCCTATTTCTCTACTTCACATGCCGCTCCTAGCGGCTTTTTTG
	56	13.1	TCTAGAACACAAACGAATTAACAAAGAACAATTCGTTTGTAAATTAACCTAAGTTTC
	56	6.1	TTCTCTAGAACACAAACGAATTAACAAAGAACAATTCGTTTGTAAATTAACCTAGGT
	10	4.1	TAAATATTTT
<i>E. yarkandensis</i>	65	5.8	CCTAAAAACAGGCCGCTCCGGCGGCCATTGCCCCCTCCCCAGCCGCTTCTAGCGGCTTTTTTG
	56	11.3	TTAACAAACAACAATTCGTTTGTATTATCCTAAACTTATCTAGAACACAAATAAA
	19	2.4	CAAAAAAATTTCTTATTTT

<i>Lacerta agilis</i>	36	6.5	ACCCAGCCGCTCCAAGAGCGGCTTTTTGCCTCTAC
	11	3.4	TTTAAACAAAC
<i>L. bilineata</i>	11	4.1	ACAAATTTTTA
<i>L. viridis viridis</i>	11	4.1	ACAAATTTTTA
<i>Pedioplanis laticeps</i>	13	3.1	TAAAAAATTTTT
<i>Phoenicolacerta kulzeri</i>	34	8.7	AGCGGCTTTTTACCTCCCCCACCAGCCACTCTT
<i>Podarcis muralis</i>	34	11.7	CCACCTGCCGCTCCAGCGGCTTTTTGCCTCCA
	11	2.5	AAATTTTAACA
<i>Podarcis siculus</i>	36	11.4	CCAGCCGCTCCACAAGCGGCTTTTTGCCTCCCTAC
<i>Psammodromus algirus</i>	14	2.1	AAATAAAAAACAAC
<i>Takydromus amurensis</i>	67	3.6	TAACACATGCCGCTACAAGCGGCTATTTTCCCTCTACCATTAAACAAGTAAATACAAACATATATCTC
	80	2.3	ATATATGTTTAATCGTGCATTAACTTATTTACCCCATGAAAAATATATATATACAGTATCCTAATAATAAGACATAATAC
	20	2.0	AATTTTGAAAAATTCGTCC
<i>T. kuehnei</i>	70	2.2	ACTTTTGATGCCGCCTTACGCGGCTTATTTTCCCAGCTATTAGTTTGTAATTGATCAATTGGTTTGTA
	70	2.0	TATTAGTCTGTAATTGATCAATTGGTTTGTAACCTTTGTATGCCGCCTTGCGGGCTTATTTCCCTGC
<i>T. septentrionalis</i>	68	18.2	ATTTTCCCTCTAGCATTAAATCAAACCTAATACAAGTACCTATCTACAAACCATGCCGCTATACGCGGCTT
<i>T. sexlineatus</i>	68	30.0	TTTTACATGCCGCCTCGCGGGCTTATTTTCCCCTCTCAAATAATGAACAAACAAACATACTTTCC
<i>T. sylvaticus</i>	69	8.1	ATTTTCCCTCTACTCCTACACAAGTTAATACACTCCAACCATATTCAACACATGCCGCATCCTGCGGCTT
	69	5.1	TCCTGCGGCTTATTTTCCCTCTACTCCTACACAAGTTAATACACTCCAACCATATTCAACACATGCCGCA
<i>T. tachydromoides</i>	65	8.0	TTTTCCCTCTACATTAAACAAGTAAATACAAGAATTTTACTATCTCATGCCGCTATAAGCGGCTTA
<i>T. wolteri</i>	67	17.4	TAACCATGCCGCTCTATGCGGCTTTTTACCTCTACCACTACTTGACAAAATACAAATAATACCCAA
<i>Zootoca vivipara</i>	34	2.6	TTTTGCCTCTACCACTAGCCGCTTTATGCGGCTT

Note:

The motif segment “TAGCGGCTTTTTG” present in all examined *Eremias* species is in purple.

The motif segment “GCGGCTT” present in seven species of *Takydromus* is in green; segment “TTTTCC” present in six species of *Takydromus* is in blue.

“×2” or “×3” denotes similar type of TR in the species duplicated twice or three times, respectively.