

**Supplementary Table S6.** Consensus monomer sequences of the 10 most prominent repeat families in the *R. dominica* genome.

Repeat	Monomer Consensus Sequence
RD rep1	GCTCCAGCTTGCCCAGAGCTAGCTCCAGCTAGCTCCACTAAAGAGAAAGCTAGCTCCACCTTACTTG AGTAGTTATAAGCTCATCATTTTCGGGGGGTGCTAACTTAACGTTATCCTCGCCATGGCCTCAAATCTG TTTCAAAACCTA
RD rep2	ATTAGAGACGATGCATTCACTTTAATACGGCATCCTCTTATGCATTCTGGAAACAGTTGCTTCATTAT AGCAGATCGGAAGCGAAGACGACCATTAAAAGGCACAATTGGTCAAACCTAACAAT
RD rep3	TAATAACGTATTTGGTTAAACTAATACCATAAGAGTTTATTCTTTCCACTTAATACGGCATACTATAT ACGCTTGCTGGACCCAGCTTCGTCATTACAGCTTATCGTATATAAGGCGACCGTCTAA
RD rep4	CAAGCATAACAGATTGTGTCGCTTTAAATCAAACAATATAGTCCCTTATACTATTATATTGAGCAAA AGCGTTATTAGAAGCTAGACGTATCTTCCTGACTCATATAATACCAGCATTGTACCCAG
RD rep5	GACCGATTTGAATGAATTTTTTTGTATGCGTTTGGGTGGCGCCCTGGATGGTTTAGATTACAAATCA GCCCCGGCAGATGGCGCTGCAGTCGGTATCTAGGTTATTTATCTATACTGCAACTAAACG
RD rep6	CATTCCGAAATTCAGGAGGTCCAGATTAGTAAATATGCTTGAAATTATACAAATCGGAGGTGCAAA AATTTTAAGGTCCAAAAAGAACAAGGGGTTAGCCTTTGATGTTTTGTGATTTTTTCGGTGGAACTA ATTTTAGCTCAAAATCGACAAACAGATGTATTTTGAGCTGCAGATTCCAAAAATTTGATCAGAAATG AGCTAGGACGTCGGGCGGCCTAATTTACTCCGCTTTTAGATCGAACCGTTGTAGCTAGCGACAAACG GATAC
RD rep7	TTAGCCTTTGCTTTTTTGCAGTTTTTCGGTGGAATTATTTTTGGCTCAAAATCGGCATACTGATGTATT TTGAGCTGCAGATTCCAAAAATGCAGTCAGAAATGAGCTAGGACGTCCGGAAATTTATTTTTTCGCAA ATTGACCCCTTCTACTCTAGGTCACCTTTTCAGACGAACCGTTGCAGCTAGAGACCAACTGACACCACT CCGAAATGCAGCAGGTCCACATTAGTAAATGAACATAAAATTAGCGTAATCGGAGACCATCAAGTT TCAAGGTGAAAAAACAACAAGGGG
RD rep8	GGTCAAACAATCGGTTACAGATTTCGGTGAGATGAATTCAAAAAGTTTAAGCACGTTTTATCGCAGC GCAGTGGTTTGACAAATTATAGTTTGTCTGAATTATAATTGGT
RD rep9	AAAAGATGGGCAATTGTGCTTCAATTTGGTGGCTAACTTCCAAATATAAAAAATATTGATTTTACTAA AAAGGGGTCATGTGGCTAAGTTAACACATGAAGCACAATGAAGCACAATCGAAGCACTAAAGACTA GT
RD rep10	TCTAATTACGGCAATGAATTGTGCTCGTTTTGTGCTGAAATGTGCCGGTGTGAGGGAGTTTTGTGCAG CAACCCTTATATTTAATTTTTTAAAAACACCGGCGGGCGGGGCCAGCTTGACGGTCAGCCCCGCTTT TTTTGGGAATATTCAAAA

