

Table S1. Statistically significant changes (\uparrow : up regulations; \downarrow : down regulations; $P < 0.05$) in the expressions of the ten target genes (*groEL*, *hly*, *iap*, *inlA*, *inlB*, *lisK*, *mdrD*, *mdrL*, *prfA*, *sigB*) at the two *L. monocytogenes* strains AAL20066 (ser. 1/2a) and AAL20074 (ser. 4b), following their sublethal exposure (for 2 hours at 37 °C) to BAC (4.0 $\mu\text{g}/\text{mL}$), THY (312.5 $\mu\text{g}/\text{mL}$) or AMP (0.5 $\mu\text{g}/\text{mL}$), in comparison to the untreated controls (no antimicrobial exposure). ∞ : no significant change.

s/n	Gene	BAC		THY		AMP		∞	\uparrow	\downarrow
		AAL20066	AAL20074	AAL20066	AAL20074	AAL20066	AAL20074			
1	<i>groEL</i>	∞	∞	∞	∞	\downarrow	∞	5	0	1
2	<i>hly</i>	\downarrow	∞	\downarrow	∞	∞	\downarrow	3	0	3
3	<i>iap</i>	\uparrow	∞	\downarrow	∞	∞	∞	4	1	1
4	<i>inlA</i>	∞	∞	∞	\uparrow	∞	\downarrow	4	1	1
5	<i>inlB</i>	∞	∞	∞	\uparrow	∞	\downarrow	4	1	1
6	<i>lisK</i>	∞	∞	\downarrow	\downarrow	\downarrow	∞	3	0	3
7	<i>mdrD</i>	\uparrow	\downarrow	\downarrow	\downarrow	∞	∞	2	1	3
8	<i>mdrL</i>	∞	\downarrow	∞	∞	\downarrow	\downarrow	3	0	3
9	<i>prfA</i>	\downarrow	\downarrow	\downarrow	\downarrow	∞	\downarrow	1	0	5
10	σ^B (<i>sigB</i>)	\downarrow	\downarrow	\downarrow	\downarrow	\downarrow	∞	1	0	5
	∞	5	6	4	4	6	5			
	\uparrow	2	0	0	2	0	0			
	\downarrow	3	4	6	4	4	5			

Differential behavior in genes' expressions between the two strains.

Statistically significant differences in genes' expressions between the two strains ($P < 0.05$).