

Table S2. Location and length of intron-containing genes in ten *Eremurus* species.

<i>Eremurus inderiensis</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1346	4032	35	2615	37		
<i>rps16</i>	4479	5616	207	892	39		
<i>trnG-UCC</i>	8574	9332	23	687	49		
<i>atpF</i>	11245	12576	408	765	159		
<i>rpoC1</i>	20084	22880	1626	736	435		
<i>trnL-UAA</i>	46633	47220	37	501	50		
<i>trnV-UAC</i>	51469	52134	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	69973	98927	114	28583	258		
<i>rps12(2)</i>	69973	139944	114	69600	258		
<i>petB</i>	75243	76686	6	787	651		
<i>petD</i>	76925	78143	9	685	525		
<i>rpl16</i>	81725	83059	411	915	9		
<i>rpl2(1)</i>	84942	86364	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	152250	153672	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95597	97828	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	140786	143017	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102856	103869	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	134745	135758	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	103934	104812	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	133802	134680	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119488	121653	540	1074	552		
<i>ycf3</i>	41692	43690	153	763	228	726	129
<i>clpP</i>	70215	72302	252	662	294	811	69
<i>Eremurus hissaricus</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1492	4178	35	2615	37		
<i>rps16</i>	4622	5757	207	890	39		
<i>trnG-UCC</i>	8675	9433	23	687	49		
<i>atpF</i>	11346	12677	408	765	159		
<i>rpoC1</i>	20187	22986	1626	739	435		
<i>trnL-UAA</i>	46809	47403	37	501	57		
<i>trnV-UAC</i>	51699	52364	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70226	99046	114	28449	258		
<i>rps12(2)</i>	70226	140085	114	69488	258		
<i>petB</i>	75468	76915	6	791	651		
<i>petD</i>	77154	78380	9	693	525		

<i>rpl16</i>	81953	83287	411	915	9		
<i>rpl2(1)</i>	85073	86495	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	152379	153801	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95716	97947	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	140927	143158	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102975	103988	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	134886	135899	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	104053	104931	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	133943	134821	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119568	121735	540	1076	552		
<i>ycf3</i>	41831	43829	153	763	228	726	129
<i>clpP</i>	70468	72533	252	645	294	806	69
<i>Eremurus iae</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1368	4054	35	2615	37		
<i>rps16</i>	4492	5625	207	888	39		
<i>trnG-UCC</i>	8529	9287	23	687	49		
<i>atpF</i>	11200	12532	408	766	159		
<i>rpoC1</i>	20036	22839	1626	743	435		
<i>trnL-UAA</i>	46687	47281	37	501	57		
<i>trnV-UAC</i>	51685	52350	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70218	99138	114	28549	258		
<i>rps12(2)</i>	70218	140470	114	69881	258		
<i>petB</i>	75460	76907	6	791	651		
<i>petD</i>	77146	78372	9	693	525		
<i>rpl16</i>	81946	83280	411	915	9		
<i>rpl2(1)</i>	85165	86587	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	152764	154186	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95808	98039	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	141312	143543	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	103067	104080	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	135271	136284	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	104145	105023	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	134328	135206	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119655	121815	540	1069	552		
<i>ycf3</i>	41682	43680	153	763	228	726	129
<i>clpP</i>	70460	72525	252	645	294	806	69
<i>Eremurus regelii</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1368	4054	35	2615	37		

<i>rps16</i>	4492	5627	207	890	39		
<i>trnG-UCC</i>	8536	9294	23	687	49		
<i>atpF</i>	11207	12538	408	766	159		
<i>rpoC1</i>	20042	22846	1626	744	435		
<i>trnL-UAA</i>	46609	47203	37	501	57		
<i>trnV-UAC</i>	51479	52144	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70012	98931	114	28548	258		
<i>rps12(2)</i>	70012	140113	114	69730	258		
<i>petB</i>	75254	76700	6	790	651		
<i>petD</i>	76939	78165	9	693	525		
<i>rpl16</i>	81739	83073	411	915	9		
<i>rpl2(1)</i>	84958	86380	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	152407	153829	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95601	97832	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	140955	143186	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102860	103873	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	134914	135927	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	103938	104816	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	133971	134849	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119601	121762	540	1070	552		
<i>ycf3</i>	41683	43681	153	763	228	726	129
<i>clpP</i>	70254	72319	252	645	294	806	69
<i>Eremurus soogdianus</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1396	4082	35	2615	37		
<i>rps16</i>	4529	5665	207	891	39		
<i>trnG-UCC</i>	8618	9376	23	687	49		
<i>atpF</i>	11289	12620	408	765	159		
<i>rpoC1</i>	20127	22923	1626	736	435		
<i>trnL-UAA</i>	46678	47265	37	501	50		
<i>trnV-UAC</i>	51514	52179	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70018	98974	114	28585	258		
<i>rps12(2)</i>	70018	139985	114	69596	258		
<i>petB</i>	75289	76732	6	787	651		
<i>petD</i>	76971	78189	9	685	525		
<i>rpl16</i>	81772	83106	411	915	9		
<i>rpl2(1)</i>	84989	86411	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	152291	153713	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95644	97875	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	140827	143058	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102903	103916	42	937	35		

<i>trnI-GAU(2)</i>	134786	135799	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	103981	104859	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	133843	134721	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119529	121694	540	1074	552		
<i>ycf3</i>	41736	43734	153	763	228	726	129
<i>clpP</i>	70260	72347	252	663	294	810	69
<i>Eremurus aitchisonii</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1368	4053	35	2614	37		
<i>rps16</i>	4484	5617	207	888	39		
<i>trnG-UCC</i>	8803	9561	23	687	49		
<i>atpF</i>	11473	12839	408	800	159		
<i>rpoC1</i>	20348	23146	1626	738	435		
<i>trnL-UAA</i>	46851	47439	37	502	50		
<i>trnV-UAC</i>	51699	52364	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70177	99110	114	28562	258		
<i>rps12(2)</i>	70177	141166	114	70588	258		
<i>petB</i>	75423	76866	6	787	651		
<i>petD</i>	77110	78328	9	685	525		
<i>rpl16</i>	81901	83234	411	914	9		
<i>rpl2(1)</i>	85137	86559	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	153460	154882	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95780	98011	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	142008	144239	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	103036	104049	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	135970	136983	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	104114	104992	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	135027	135905	35	806	38		
<i>ndhA</i>	120339	122552	540	1062	552		
<i>ycf3</i>	41987	43983	153	757	228	730	129
<i>clpP</i>	70417	72501	252	660	294	810	69
<i>Eremurus albertii</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1370	4054	35	2613	37		
<i>rps16</i>	4487	5620	207	888	39		
<i>trnG-UCC</i>	8501	9259	23	687	49		
<i>atpF</i>	11174	12504	408	764	159		
<i>rpoC1</i>	20014	22811	1626	737	435		
<i>trnL-UAA</i>	46526	47113	37	501	50		
<i>trnV-UAC</i>	51418	52083	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	69869	98795	114	28555	258		

<i>rps12(2)</i>	69869	139809	114	69539	258		
<i>petB</i>	75110	76560	6	794	651		
<i>petD</i>	76799	78017	9	685	525		
<i>rpl16</i>	81584	82922	411	919	9		
<i>rpl2(1)</i>	84822	86244	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	152103	153525	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95465	97696	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	140651	142882	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102713	103726	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	134621	135634	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	103791	104669	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	133678	134556	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119303	121464	540	1070	552		
<i>ycf3</i>	41633	43623	153	755	228	726	129
<i>clpP</i>	70109	72189	252	663	294	803	69
<i>Eremurus lactiflorus</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1370	4054	35	2613	37		
<i>rps16</i>	4494	5628	207	889	39		
<i>trnG-UCC</i>	8565	9323	23	687	49		
<i>atpF</i>	11235	12568	408	767	159		
<i>rpoC1</i>	20072	22873	1626	741	435		
<i>trnL-UAA</i>	46641	47228	37	501	50		
<i>trnV-UAC</i>	51137	51802	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	69645	98456	114	28440	258		
<i>rps12(2)</i>	69645	139557	114	69541	258		
<i>petB</i>	74889	76332	6	787	651		
<i>petD</i>	76583	77801	9	685	525		
<i>rpl16</i>	81375	82707	411	913	9		
<i>rpl2(1)</i>	84588	86010	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	151746	153168	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95126	97357	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	140399	142630	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102390	103403	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	134353	135366	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	103468	104346	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	133410	134288	35	806	38		
<i>ndhA</i>	119036	121198	540	1071	552		
<i>ycf3</i>	41702	43693	153	756	228	726	129
<i>clpP</i>	69885	71971	252	665	294	807	69

<i>Eremurus luteus</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1369	4054	35	2614	37		
<i>rps16</i>	4486	5617	207	886	39		
<i>trnG-UCC</i>	8755	9543	23	687	49		
<i>atpF</i>	11455	12807	408	786	159		
<i>rpoC1</i>	20315	23113	1626	738	435		
<i>trnL-UAA</i>	46816	47403	37	501	50		
<i>trnV-UAC</i>	51657	52322	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70141	99062	114	28550	258		
<i>rps12(2)</i>	70141	141101	114	70589	258		
<i>petB</i>	75384	76832	6	792	651		
<i>petD</i>	77077	78301	9	691	525		
<i>rpl16</i>	81873	83209	411	917	9		
<i>rpl2(1)</i>	85089	86511	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	153395	154817	327	664	432		
<i>ndhB(1)</i>	95732	97963	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	141943	144174	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102986	103999	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	135907	136920	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	104064	104942	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	104064	135842	35	806	38		
<i>ndhA</i>	120628	122782	540	1063	552		
<i>ycf3</i>	41942	43935	153	756	228	728	129
<i>clpP</i>	70381	72462	252	660	294	807	69
<i>Eremurus suworowii</i>							
Gene	Start	End	ExonI	IntronI	ExonII	IntronII	ExonIII
<i>trnK-UUU</i>	1368	4052	35	2613	37		
<i>rps16</i>	4484	5620	207	891	39		
<i>trnG-UCC</i>	8819	9577	23	687	49		
<i>atpF</i>	11485	12848	408	797	159		
<i>rpoC1</i>	20361	23157	1626	736	435		
<i>trnL-UAA</i>	46752	47341	37	503	50		
<i>trnV-UAC</i>	51615	52280	37	590	39		
<i>rps12(1)</i>	70068	98994	114	28555	258		
<i>rps12(2)</i>	70068	141090	114	70651	258		
<i>petB</i>	75310	76757	6	791	651		
<i>petD</i>	77003	78221	9	685	525		
<i>rpl16</i>	81787	83124	411	918	9		
<i>rpl2(1)</i>	85021	86443	432	664	327		
<i>rpl2(2)</i>	153384	154806	327	664	432		

<i>ndhB(1)</i>	95664	97895	756	699	777		
<i>ndhB(2)</i>	141932	144163	777	699	756		
<i>trnI-GAU(1)</i>	102920	103933	42	937	35		
<i>trnI-GAU(2)</i>	135894	136907	35	937	42		
<i>trnA-UGC(1)</i>	103998	104876	38	806	35		
<i>trnA-UGC(2)</i>	134951	135829	35	806	38		
<i>ndhA</i>	120607	122756	540	1058	552		
<i>ycf3</i>	41988	43982	153	756	228	729	129
<i>clpP</i>	70308	72390	252	661	294	807	69