Supplementary Table S1. Haplotype distribution of wild *L. vitta* in Gulf of Thailand.

Haplotype	Central	North	South	SK	SM	Total	Haplotype	Central	North	South	SK	SM	Total
H1	1	-	-	-	-	1	H31	-	-	1	-	-	1
H2	1	3	1	1	-	6	H32	-	-	1	-	-	1
H3	1	-	-	-	-	1	H33	-	-	1	-	-	1
H4	1	-	-	-	1	2	H34	-	-	1	-	-	1
H5	1	1	1	-	-	3	H35	-	-	1	-	-	1
H6	2	-	1	-	-	3	H36	-	-	1	-	-	1
H7	2	-	-	-	-	2	H37	-	-	1	-	-	1
H8	3	-	-	1	-	4	H38	-	-	1	-	-	1
H9	1	1	-	-	-	2	H39	-	-	1	-	-	1
H10	1	-	1	-	-	2	H40	-	-	1	-	-	1
H11	1	1	1	2	2	7	H41	-	-	-	1	-	1
H12	3	3	5	5	5	21	H42	-	-	-	1	-	1
H13	1	-	1	2	1	5	H43	-	-	-	1	-	1
H14	1	-	-	-	1	2	H44	-	-	-	1	-	1
H15	1	-	-	-	-	1	H45	-	-	-	1	-	1
H16	1	-	-	-	-	1	H46	-	-	-	1	-	1
H17	1	-	-	-	-	1	H47	-	-	-	1	-	1
H18	1	-	-	-	-	1	H48	-	-	-	1	-	1
H19	1	-	-	-	-	1	H49	-	-	-	-	1	1
H20	1	-	-	-	-	1	H50	-	-	-	-	1	1
H21	1	1	-	-	-	2	H51	-	-	-	-	1	1
H22	1	1	-	-	-	2	H52	-	-	-	-	1	1
H23	1	-	2	-	-	3	H53	-	-	-	-	1	3
H24	1	-	-	-	-	1	H54	-	-	-	-	1	1
H25	-	1	-	-	-	1	H55	-	-	-	-	1	1
H26	-	1	-	-	1	2	H56	-	-	-	-	1	1
H27	-	1	-	-	-	1	H57	-	-	-	-	1	1
H28	-	1	-	1	-	2	H58	-	-	-	-	1	1
H29	-	-	3	2	4	9	H59	-	-	-	-	1	1
H30	-	-	1	-	-	1							

SM = Samaesarn (eastern Thailand); SK = Songkhla (southern Thailand).

https://doi.org/10.3390/d18040235