

**Table S8**

ANOVA test for mean Ks/Ks ratio of 45 mitochondrial genomes of Fulgoroidea.

## (A) Whole PCGs, major-strand PCGs, and minor-strand PCGs

Factor	No.	Mean	Std Dev.	Lower	Upper	Lower 95%	Upper 95%	Prob > F	Min.	Med.	Max.	Connecting Latter
PCGs	45	0.0977	0.0062	0.0915	0.1040	0.0958	0.0996		0.0826	0.0988	0.1122	A
PCGs-major	45	0.0841	0.0063	0.0778	0.0904	0.0823	0.0860	<.0001	0.0713	0.0859	0.0953	B
PCGs-minor	45	0.1131	0.0114	0.1017	0.1245	0.1097	0.1165		0.0875	0.1156	0.1566	C

## (B) Individual PCGs

Factor	No.	Mean	Std Dev.	Lower	Upper	Lower 95%	Upper 95%	Prob > F	Min.	Med.	Max.	Connecting Latter
<i>ATP6</i>	44	0.1469	0.0213	0.1257	0.1682	0.1405	0.1534		0.1000	0.1522	0.1859	C
<i>ATP8</i>	44	0.3340	0.1115	0.2224	0.4455	0.3000	0.3679		0.2352	0.2955	0.6839	A
<i>COI</i>	44	0.0418	0.0035	0.0384	0.0453	0.0408	0.0429		0.0371	0.0419	0.0534	E
<i>COII</i>	44	0.1120	0.0098	0.1022	0.1218	0.1090	0.1150		0.0914	0.1101	0.1368	CD
<i>COIII</i>	44	0.0741	0.0088	0.0653	0.0829	0.0714	0.0768		0.0559	0.0753	0.0891	DE
<i>CytB</i>	44	0.0837	0.0114	0.0723	0.0951	0.0802	0.0872		0.0676	0.0831	0.1129	DE
<i>ND1</i>	43	0.2716	0.0373	0.2343	0.3088	0.2601	0.2830	<.0001	0.1932	0.2770	0.3682	B
<i>ND2</i>	44	0.2725	0.0367	0.2358	0.3092	0.2614	0.2837		0.2218	0.2650	0.3492	B
<i>ND3</i>	44	0.2358	0.1136	0.1222	0.3493	0.2012	0.2703		0.1326	0.1897	0.5110	B
<i>ND4</i>	44	0.1222	0.0140	0.1081	0.1362	0.1179	0.1264		0.0964	0.1223	0.1722	CD
<i>ND4L</i>	44	0.3808	0.1710	0.2098	0.5518	0.3288	0.4328		0.1442	0.3483	0.8352	A
<i>ND5</i>	44	0.1056	0.0168	0.0888	0.1224	0.1005	0.1107		0.0761	0.1055	0.1437	CD
<i>ND6</i>	44	0.3464	0.0536	0.2927	0.4000	0.3301	0.3627		0.2483	0.3408	0.5057	A

PCG, protein-coding gene.