

**Table S9**

Overlapping and intergenic-spacer sequences of Fulgoroidea mitochondrial genomes (1/11).

Region	<i>Metcalfa pruinosa</i> (H1)	<i>Metcalfa pruinosa</i> (H3)	<i>Salurnis marginella</i>	<i>Geisha distinctissima</i> <sup>†</sup>	<i>Pyrops candelaria</i>
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)3	(I)3	(I)18	(O)1	(I)9
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(I)4
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					
<i>ND2</i> - <i>trnW</i>	(O)2	(O)2	(O)2	(O)2	(I)33
<i>trnW</i> - <i>trnC</i>	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8
<i>trnC</i> - <i>trnY</i>	(I)7	(I)7		(I)3	
<i>trnY</i> - <i>COI</i>			(I)5	(I)6	(I)2
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>	(I)2	(I)2			
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>				(I)1	(I)8
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)10	(I)10		(I)2	(I)2
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>					
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>					
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>	(I)6	(I)6	(I)1		(I)6
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>	(I)1	(I)1	(I)35		
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(O)2	(O)2	(O)1		(I)17
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)17	(I)17			(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(I)25	(I)25	(I)1	(I)5	
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(O)2		(O)2
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(I)3	(I)3	(I)2	(I)2	(I)2
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(I)12	(I)12	(O)2	(I)3	(O)2
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>	(I)6	(I)6	(O)1	(O)10	
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(I)1	(I)1		(I)9	
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>	(I)14	(I)14			(I)4
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)1	(O)1	(I)1	(I)8	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>trnT</i>	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2	(I)16
<i>trnT</i> - <i>trnP</i>	(I)7	(I)7	(I)1	(I)3	(I)3
<i>trnP</i> - <i>ND6</i>	(I)1	(I)1	(I)1	(O)10	(I)1
<i>ND6</i> - <i>CytB</i>	(I)4	(I)4	(O)8	(O)8	(I)3
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(I)15	(I)15	(O)1		(I)17
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(I)9	(I)9	(O)7	(I)6	(O)7
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>					
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>					
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>			(O)1		
<i>srRNA</i> - A+T-rich region					
Total nucleotides	(O)21 (I)147	(O)21 (I)147	(O)41 (I)68	(O)47 (I)51	(O)33 (I)132

**Table S9**

Continued (2/11).

Region	<i>Lycorma delicatula</i> (Henan, China)	<i>Lycorma delicatula</i> (China)	<i>Lycorma delicatula</i> (Korea)	<i>Aphaena</i> (Callidepsa) <i>amabilis</i>	<i>Aphaena</i> (Aphaena) <i>discolor nigrotibiata</i>
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					
<i>ND2</i> - <i>trnW</i>	(I)2	(I)2	(I)2	(O)2	(I)2
<i>trnW</i> - <i>trnC</i>	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8
<i>trnC</i> - <i>trnY</i>				(I)9	(I)3
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4	(I)5
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>					
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>					
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)10	(I)10	(I)10	(I)9	(I)9
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>					
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>					
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>	(I)5	(I)2	(I)2	(I)3	(I)7
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>					
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(I)25		(O)1	(I)6	(O)1
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(O)4			(I)1	(I)1
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(I)7	(I)8
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>	(O)2	(O)1	(O)2	(O)1	(O)1
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(O)2	(O)1	(O)2	(O)1	(O)1
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(O)2	(O)2	(O)2	(O)2	(O)2
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>	(O)10			(I)1	(I)2
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(O)1	(O)1	(O)1		
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>	(O)16			(I)1	(I)1
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>trnT</i>	(I)7	(I)7	(I)7	(I)7	(I)7
<i>trnT</i> - <i>trnP</i>	(I)3	(I)3	(I)3	(I)6	(I)2
<i>trnP</i> - <i>ND6</i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>ND6</i> - <i>CytB</i>	(O)8	(O)8	(I)4	(O)8	(O)8
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(I)5	(I)5	(I)5	(I)1	
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(O)8	(O)8	(O)8	(I)3	(I)4
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>					
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>					
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>			(O)3		
<i>srRNA</i> - A+T-rich region					
Total nucleotides	(O)77 (I)65	(O)45 (I)37	(O)43 (I)41	(O)37 (I)62	(O)36 (I)55

**Table S9**

Continued (3/11).

Region	<i>Betatropis formosana</i>	<i>Magadhaideus luodiana</i> sp. nov	<i>Peltatavertexalis horizontalis</i> sp. nov	<i>Plectoderini</i> sp.	<i>Paracatonidia</i> sp.
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(O)3	(I)2	(O)3	(O)3	(O)3
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					
<i>ND2</i> - <i>trnW</i>	(O)2	(O)2	(O)2	(O)2	(O)2
<i>trnW</i> - <i>trnC</i>	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8
<i>trnC</i> - <i>trnY</i>	(I)12	(I)8	(I)5	(I)8	(I)3
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)16			(I)2	
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>					
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>					
<i>COII</i> - <i>trnK</i>				(I)1	
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>					
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>					
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>	(O)1				
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>	(I)6				
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(O)2		(I)3	(O)1	(O)1
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)6		(I)3	(I)5	
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(I)2	(I)12	(I)1	(I)6	
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>					(O)1
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(I)6	(I)8			(I)3
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(I)2	(O)1	(I)4	(O)1	(I)3
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>	(I)10	(I)2	(O)6	(I)2	(O)20
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(I)5	(I)8	(I)16	(I)3	(O)7
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7	(I)45	(I)48	(I)69
<i>ND4L</i> - <i>trnT</i>	(I)2	(I)2	(I)2	(I)1	(I)3
<i>trnT</i> - <i>trnP</i>	(I)7	(I)2			(I)1
<i>trnP</i> - <i>ND6</i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>ND6</i> - <i>CytB</i>	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8	(I)6
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(O)1	(O)4	(O)2	(O)7	(I)5
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>	(I)18	(I)3		(I)3	
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>	(I)13	(I)7	(I)1008	(I)15	(I)18
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>	(O)3	(O)3	(O)3	(O)3	(O)3
<i>srRNA</i> - A+T-rich region					
Total nucleotides	(O)44 (I)108	(O)42 (I)57	(O)41 (I)1090	(O)42 (I)97	(O)54 (I)114

**Table S9**

Continued (4/11).

Region	<i>Pentastiridius</i> sp. <sup>‡</sup>	<i>Lydda</i> sp. <sup>‡</sup>	<i>Sivaloka damnosus</i>	<i>Sivaloka</i> sp. <sup>‡</sup>	<i>Ricania marginalis</i>
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(O)3	(I)1		(O)1	(I)4
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)2		(O)1	(O)1	(I)14
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					
<i>ND2</i> - <i>trnW</i>	(O)2	(O)2		(O)1	(I)27
<i>trnW</i> - <i>trnC</i>	(O)8	(O)8	(O)9	(O)8	(O)8
<i>trnC</i> - <i>trnY</i>		(I)2	(I)16		(I)12
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(O)2	(I)1	(I)9	(I)1	(I)1
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>	(I)4	(I)1	(O)5	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>					
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)1				
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>		(I)1			(I)2
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>					
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7	(O)6	(O)7	(O)7	(O)4
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					(O)28
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>	(O)1		(I)20		(I)3
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>				(O)1	
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(O)1	(O)1	(I)6	(O)1	(I)5
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(O)1				
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)2	(O)1	(I)13		(O)3
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>	(O)1		(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(O)1	(I)5	(I)8	(O)1	(I)1
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>		(O)2	(I)4	(O)2	(I)8
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>	(I)84		(I)6	(O)2	(I)6
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(I)140		(I)5		(I)1
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>					
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(I)5	(I)5	(O)7	(I)151	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>trnT</i>	(I)11	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2
<i>trnT</i> - <i>trnP</i>	(O)1	(O)1			(I)11
<i>trnP</i> - <i>ND6</i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>ND6</i> - <i>CytB</i>	(I)3	(O)8	(O)8	(O)8	(O)8
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(I)1	(O)2	(O)1	(O)2	(O)14
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>			(I)4	(O)7	(O)4
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>		(I)2	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>		(O)1			
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>					
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>		(I)1			
<i>srRNA</i> - A+T-rich region		(O)1			
Total nucleotides	(O)32 (I)250	(O)33 (I)22	(O)39 (I)95	(O)43 (I)157	(O)77 (I)100

**Table S9**

Continued (5/11).

Region	<i>Ricania speculum</i>	<i>Ugyops</i> sp.
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)4	
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(I)14	(O)2
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>		
<i>ND2</i> - <i>trnW</i>	(I)26	(I)3
<i>trnW</i> - <i>trnC</i>	(O)8	(O)8
<i>trnC</i> - <i>trnY</i>	(I)4	(I)1
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)4	(O)2
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>	(I)1	
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>		
<i>COII</i> - <i>trnK</i>		(I)1
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>	(I)2	
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>		
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)4	(O)4
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>		
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>	(I)3	
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>		
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(I)5	(O)2
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)5	(I)6
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(I)2	(O)2
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>	(O)1	(O)1
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(I)1	(O)1
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(I)7	(O)2
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>	(I)5	
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(I)15	
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>		
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>trnT</i>	(I)2	(I)1
<i>trnT</i> - <i>trnP</i>	(I)11	(O)1
<i>trnP</i> - <i>ND6</i>	(I)1	(I)1
<i>ND6</i> - <i>CytB</i>	(O)8	
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)1	(O)1
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(O)7	(I)16
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>	(I)23	
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>	(O)7	
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>	(O)3	
<i>srRNA</i> - A+T-rich region		
Total nucleotides	(O)46 (I)136	(O)33 (I)30

**Table S9**

Continued (6/11).

Region	<i>Saccharosydne procerus</i>	<i>Changeonodelphax velitchkovskiyi</i>	<i>Nilaparvata bakeri</i> (unknown)	<i>Nilaparvata lugens</i> (biotype Y, Zhejiang, China)	<i>Nilaparvata lugens</i> (biotype L, Zhejiang, China)
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)1	(I)5	(I)3	(I)3	(I)3
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					
<i>ND2</i> - <i>trnC</i>	(O)2	(I)3			
<i>trnC</i> - <i>trnW</i>	(I)8	(I)28	(I)12	(I)8	(I)7
<i>trnW</i> - <i>trnY</i>	(I)14	(I)15	(I)20	(I)20	(I)20
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)5	(I)8	(I)14	(I)13	(I)13
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>			(O)5	(O)5	(O)5
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>					
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)2	(I)3	(I)6	(I)11	(I)11
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>		(I)1			
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>					
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7	(O)7	(O)22	(O)19	(O)19
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>					
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>			(I)101	(I)101	(I)101
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(I)5	(O)2	(I)8	(I)5	(I)5
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>		(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(I)1	(I)3	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>I</sub></i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnS<sub>I</sub></i> - <i>trnE</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(I)4				
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>					
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>			(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>	(I)3				
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7	(O)10	(O)10	(O)10
<i>ND4L</i> - <i>ND6</i>	(I)49	(I)45	(I)34	(I)33	(I)33
<i>ND6</i> - <i>trnP</i>	(I)64	(I)146	(I)70	(I)48	(I)48
<i>trnP</i> - <i>trnT</i>	(I)1				
<i>trnT</i> - <i>CytB</i>	(I)4	(I)5	(I)8	(I)7	(I)7
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(I)1	(I)2	(O)10	(O)10	(O)10
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(I)15	(I)217	(I)20	(I)20	(I)20
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>					
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>					
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>			(I)4	(I)4	(I)4
<i>srRNA</i> - A+T-rich region					
Total nucleotides	(O)19 (I)178	(O)19 (I)486	(O)52 (I)305	(O)49 (I)278	(O)49 (I)277

**Table S9**

Continued (7/11).

Region	<i>Nilaparvata lugens</i> (Hainan, China)	<i>Nilaparvata lugens</i> (Hadong-gun, Korea) <sup>‡</sup>	<i>Nilaparvata lugens</i> (Guangdong, China)
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)3	(O)3	(I)3
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>			
<i>ND2</i> - <i>trnC</i>		(O)57	
<i>trnC</i> - <i>trnC</i>	(I)348	(I)349	(I)345
<i>trnC</i> - <i>trnC</i>	(I)348	(I)346	(I)346
<i>trnC</i> - <i>trnW</i>	(I)10	(I)11	(I)10
<i>trnW</i> - <i>trnY</i>	(I)9	(I)8	(I)9
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)13	(I)13	(I)13
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>			
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>			
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)11	(I)11	(I)11
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>			
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>			
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)1	(O)1	(O)1
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>			
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>			
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>			
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)4	(I)4	(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>			
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>			
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>			
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>			
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>			
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>			(O)1
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>ND6</i>	(I)33	(I)33	(I)33
<i>ND6</i> - <i>trnP</i>	(I)48	(I)48	(I)48
<i>trnP</i> - <i>trnT</i>			
<i>trnT</i> - <i>CytB</i>	(I)7	(I)7	(I)7
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)10	(O)10	(O)10
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(I)20	(O)15	(I)20
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>			
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>	(O)1	(O)1	(O)1
<i>srRNA</i> - A+T-rich region			
Total nucleotides	(O)22 (I)856	(O)97 (I)832	(O)23 (I)851

**Table S9**

Continued (8/11).

Region	<i>Nilaparvata lugens</i> (biotype 1, Zhejiang, China)	<i>Nilaparvata lugens</i> (biotype 2, Zhejiang, China)	<i>Nilaparvata lugens</i> (biotype 3, Zhejiang, China)	<i>Nilaparvata muiri</i>	<i>Nilaparvata</i> sp. <sup>‡</sup>
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)3	(I)3	(I)3	(I)2	(I)16
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					(O)2
<i>ND2</i> - <i>trnC</i>					(I)19
<i>trnC</i> - <i>trnW</i>	(I)8	(I)8	(I)8	(I)7	(I)3
<i>trnW</i> - <i>trnY</i>	(I)20	(I)20	(I)20	(I)20	(I)9
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)13	(I)13	(I)13	(I)14	
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>	(O)5	(O)5	(O)5	(O)5	
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>					
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)11	(I)11	(I)11	(I)6	(I)1
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>					
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>					(I)1
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)19	(O)19	(O)19	(O)19	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>					(I)1
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>	(I)101	(I)101	(I)101	(I)101	
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(I)5	(I)5	(I)5	(I)7	(O)2
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>I</sub></i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	
<i>trnS<sub>I</sub></i> - <i>trnE</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>					(I)1
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>					(O)1
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(O)4	(O)4	(O)3	(O)3	(I)2
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>			(O)1	(O)1	(I)1
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)10	(O)10	(O)10	(O)10	(I)11
<i>ND4L</i> - <i>ND6</i>	(I)33	(I)33	(I)33	(I)34	(I)39
<i>ND6</i> - <i>trnP</i>	(I)47	(I)48	(I)48	(I)55	(I)219
<i>trnP</i> - <i>trnT</i>					(I)1
<i>trnT</i> - <i>CytB</i>	(I)7	(I)7	(I)7	(I)10	(I)4
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)10	(O)10	(O)10	(O)12	(O)1
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(I)20	(I)20	(I)20	(I)22	(I)17
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(O)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>					
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>					
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)2	
<i>srRNA</i> - A+T-rich region					
Total nucleotides	(O)52 (I)277	(O)52 (I)278	(O)52 (I)278	(O)55 (I)284	(O)16 (I)350



**Table S9**

Continued (9/11).

Region	<i>Peregrinus maidis</i>	<i>Sogatella furcifera</i> (Hainan, China)	<i>Sogatella furcifera</i> (Yunnan, China)	<i>Sogatella vibix</i>	<i>Laodelphax striatellus</i> (Jiangsu, China)
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)16	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>					
<i>ND2</i> - <i>trnC</i>	(O)2	(O)2	(O)2	(O)2	(I)3
<i>trnC</i> - <i>trnW</i>	(I)40	(I)18	(I)18	(I)16	(I)34
<i>trnW</i> - <i>trnY</i>	(I)1	(I)10	(I)10	(I)9	(I)3
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)8	(I)1	(I)1	(I)1	(I)4
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>					
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>					
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(I)1			(I)1	
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>					
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>		(I)2	(I)2		
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)4	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>					
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>					
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>					
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(I)1			(O)1	
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>	(O)1			(O)1	(O)14
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(O)1			(O)1	
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(O)1				(O)1
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>					
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>	(I)2				
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>	(I)1				(I)2
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>ND6</i>	(I)53	(I)49	(I)49	(I)49	(I)45
<i>ND6</i> - <i>trnP</i>	(I)338	(I)93	(I)94	(I)75	(I)58
<i>trnP</i> - <i>trnT</i>	(I)1	(I)3	(I)3	(I)2	(I)4
<i>trnT</i> - <i>CytB</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)1			(O)2	
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(I)17	(I)17	(I)17	(I)17	(I)17
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>					
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>					
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>					
<i>srRNA</i> - A+T-rich region					
Total nucleotides	(O)19 (I)488	(O)18 (I)204	(O)18 (I)205	(O)23 (I)181	(O)31 (I)181

**Table S9**

Continued (10/11).

Region	<i>Laodelphax striatella</i> (Suwon, Korea)	<i>Laodelphax striatella</i> (Milyang, Korea)	<i>Laodelphax striatellus</i> A1 (China)	<i>Laodelphax striatellus</i> B1 (China)
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>				
<i>ND2</i> - <i>trnC</i>	(I)3	(I)3	(I)3	(I)3
<i>trnC</i> - <i>trnW</i>	(I)34	(I)34	(I)34	(I)34
<i>trnW</i> - <i>trnY</i>	(I)3	(I)3	(I)3	(I)3
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>				
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>				
<i>COII</i> - <i>trnK</i>				
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>				
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>				
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>				
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>				
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>				
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>		(O)1		
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>I</sub></i>	(O)14	(O)14	(O)14	(O)14
<i>trnS<sub>I</sub></i> - <i>trnE</i>				
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(O)1	(O)1	(O)1	(O)1
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>				
<i>ND5</i> - <i>trnH</i>				
<i>trnH</i> - <i>ND4</i>	(I)2	(I)2	(I)2	(I)2
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7	(O)7	(O)7	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>ND6</i>	(I)45	(I)45	(I)45	(I)45
<i>ND6</i> - <i>trnP</i>	(I)68	(I)68	(I)58	(I)55
<i>trnP</i> - <i>trnT</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>trnT</i> - <i>CytB</i>	(I)4	(I)4	(I)4	(I)4
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)2	(O)2		
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(I)17	(I)17	(I)17	(I)17
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1	(I)1	(I)1	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>				
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>				
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>				
<i>srRNA</i> - A+T-rich region				
Total nucleotides	(O)33 (I)191	(O)34 (I)191	(O)31 (I)181	(O)31 (I)178

**Table S9**

Continued (11/11).

Region	<i>Laodelphax striatellus</i> (Beijing, China)
<i>trnI</i> - <i>trnQ</i>	(I)2
<i>trnQ</i> - <i>trnM</i>	(O)1
<i>trnM</i> - <i>ND2</i>	
<i>ND2</i> - <i>trnC</i>	(I)3
<i>trnC</i> - <i>trnW</i>	(I)34
<i>trnW</i> - <i>trnY</i>	(I)3
<i>trnY</i> - <i>COI</i>	(I)4
<i>COI</i> - <i>trnL<sub>2</sub></i>	
<i>trnL<sub>2</sub></i> - <i>COII</i>	
<i>COII</i> - <i>trnK</i>	(O)20
<i>trnK</i> - <i>trnD</i>	
<i>trnD</i> - <i>ATP8</i>	
<i>ATP8</i> - <i>ATP6</i>	(O)7
<i>ATP6</i> - <i>COIII</i>	
<i>COIII</i> - <i>trnG</i>	
<i>trnG</i> - <i>ND3</i>	
<i>ND3</i> - <i>trnA</i>	(O)1
<i>trnA</i> - <i>trnR</i>	(I)4
<i>trnR</i> - <i>trnN</i>	(O)1
<i>trnN</i> - <i>trnS<sub>1</sub></i>	(O)4
<i>trnS<sub>1</sub></i> - <i>trnE</i>	(O)6
<i>trnE</i> - <i>trnF</i>	(O)1
<i>trnF</i> - <i>ND5</i>	
<i>ND5</i> - <i>ND4</i>	(O)14
<i>ND4</i> - <i>ND4L</i>	(O)7
<i>ND4L</i> - <i>trnH</i>	(I)72
<i>trnH</i> - <i>ND6</i>	(O)1
<i>ND6</i> - <i>trnP</i>	
<i>trnP</i> - <i>trnT</i>	(I)4
<i>trnT</i> - <i>CytB</i>	(I)4
<i>CytB</i> - <i>trnS<sub>2</sub></i>	(O)15
<i>trnS<sub>2</sub></i> - <i>ND1</i>	(O)20
<i>ND1</i> - <i>trnL<sub>1</sub></i>	(I)1
<i>trnL<sub>1</sub></i> - <i>lrRNA</i>	
<i>lrRNA</i> - <i>trnV</i>	
<i>trnV</i> - <i>srRNA</i>	
<i>srRNA</i> - A+T-rich region	
Total nucleotides	(O)98 (I)131

(O), overlapping sequences; (I), intergenic spacer sequences. An empty column indicates that neighboring genes were abutting to each other.

‡, partially or fully re-annotated in this study.