

**Table S2. Allele and genotype frequencies of candidate genes in patients with knee OA and in control group**

Groups	N	Allele frequencies				Genotype frequencies					
rs6539153 ( <i>CHST11</i> )											
Control	161	C	134 (0,416)	T	188 (0,584)	CC	32 (0,199)	CT	70 (0,435)	TT	59 (0,366)
Knee OA	123		108 (0,439)		138 (0,561)		24 (0,195)		60 (0,488)		39 (0,317)
rs226794 ( <i>ADAMTS5</i> )											
Control	161	G	276 (0,857)	A	46 (0,143)	GG	116 (0,721)	GA	44 (0,273)	AA	1 (0,006)
Knee OA	135		222 (0,822)		48 (0,178)		90 (0,667)		42 (0,311)		3 (0,022)
rs2830585 ( <i>ADAMTS5</i> )											
Control	161	C	284 (0,882)	T	38 (0,118)	CC	126 (0,782)	CT	32 (0,199)	TT	3 (0,019)
Knee OA	137		237 (0,865)		37 (0,135)		103 (0,752)		31 (0,226)		3 (0,022)
rs1042667 ( <i>SOX9</i> )											
Control	162	A	188 (0,580)	C	136 (0,420)	AA	59 (0,364)	AC	70 (0,432)	CC	33 (0,204)
Knee OA	137		173 (0,631)		101 (0,369)		56 (0,409)		61 (0,445)		20 (0,146)
rs2229989 ( <i>SOX9</i> )											
Control	161	C	244 (0,758)	T	78 (0,242)	CC	92 (0,571)	CT	60 (0,373)	TT	9 (0,056)
Knee OA	137		206 (0,752)		68 (0,248)		78 (0,579)		50 (0,365)		9 (0,066)
rs7217932 ( <i>SOX9</i> )											
Control	161	C	168 (0,522)	T	154 (0,478)	CC	44 (0,273)	CT	80 (0,497)	TT	37 (0,230)
Knee OA	124		125 (0,504)		123 (0,496)		35 (0,282)		55 (0,444)		34 (0,274)
rs1107946 ( <i>COL1A1</i> )											
Control	161	C	249 (0,773)	A	73 (0,227)	CC	100 (0,621)	CA	49 (0,304)	AA	12 (0,075)
Knee OA	139		224 (0,806)		54 (0,194)		90 (0,647)		44 (0,317)		5 (0,036)
rs1800012 ( <i>COL1A1</i> )											
Control	161	G	275 (0,854)	T	47 (0,146)	GG	118 (0,733)	GT	39 (0,242)	TT	4 (0,025)
Knee OA	139		235 (0,845)		43 (0,155)		102 (0,734)		31 (0,223)		6 (0,043)