

Table S2. Drug-resistance associated gene mutations detected by WGS

Drug	Drug-resistance associated gene mutations	Phenotypic DST		Total
		Resistant	Sensitive	
rifampicin	None	6	1022	1028
	<i>rpoB</i> _p.Asn437Asp, <i>rpoB</i> _p.Leu430Pro	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Asp435Gly	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Asp435Gly, <i>rpoB</i> _p.His445Asn	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Asp435Tyr	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Asp435Val	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.His445Arg	2	0	2
	<i>rpoB</i> _p.His445Asp	4	1	5
	<i>rpoB</i> _p.His445Gln, <i>rpoB</i> _p.Leu430Pro	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.His445Ser	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.His445Tyr	4	2	6
	<i>rpoB</i> _p.Leu430Pro	0	2	2
	<i>rpoB</i> _p.Leu452Pro	5	2	7
	<i>rpoB</i> _p.Ser441Leu	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Ser450Leu	42	2	44
	<i>rpoB</i> _p.Ser450Phe	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Ser450Trp	1	0	1
	<i>rpoB</i> _p.Val170Phe	0	1	1
isoniazid	None	22	965	987
	<i>inhA</i> _c.-154G>A	1	4	5
	<i>inhA</i> _c.-770T>C	1	0	1
	<i>inhA</i> _c.-770T>C, <i>katG</i> _p.Ser315Thr	2	0	2
	<i>inhA</i> _c.-777C>T	8	9	17
	<i>inhA</i> _c.-777C>T, <i>katG</i> _p.Ser315Thr	1	0	1
	<i>katG</i> _p.Ser315Asn	2	0	2
	<i>katG</i> _p.Ser315Thr	85	3	88
	<i>katG</i> _p.Trp198*	1	0	1
	<i>katG</i> _p.Trp477*	1	0	1
ethambutol	None	37	1021	1058
	<i>embA</i> _c.-12C>T, <i>embB</i> _p.Gly406Ala	1	0	1
	<i>embB</i> _p.Asp354Ala	1	4	5
	<i>embB</i> _p.Gln497Arg	2	1	3
	<i>embB</i> _p.Gly406Ala	3	1	4
	<i>embB</i> _p.Gly406Ala, <i>embB</i> _p.Met306Ile	2	0	2
	<i>embB</i> _p.Gly406Asp	1	1	2
	<i>embB</i> _p.Met306Ile	4	6	10
	<i>embB</i> _p.Met306Leu	1	1	2
	<i>embB</i> _p.Met306Val	11	7	18
levofloxacin	None	24	1036	1060
	<i>gyrA</i> _p.Ala90Val	11	3	14

	<i>gyrA</i> _p.Asp94Ala	1	1	2
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Asn	7	0	7
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Gly	15	3	18
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Tyr	2	0	2
	<i>gyrB</i> _p.Asp461Asn	0	1	1
	<i>gyrB</i> _p.Glu501Asp	0	1	1
moxifloxacin	None	13	1047	1060
	<i>gyrA</i> _p.Ala90Val	3	11	14
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Ala	0	2	2
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Asn	3	4	7
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Gly	8	10	18
	<i>gyrA</i> _p.Asp94Tyr	1	1	2
	<i>gyrB</i> _p.Asp461Asn	0	1	1
	<i>gyrB</i> _p.Glu501Asp	0	1	1
streptomycin	None	63	935	998
	<i>gid</i> _c.102delG	1	2	3
	<i>gid</i> _c.102delG, <i>rrs</i> _n.514A>C	1	0	1
	<i>gid</i> _c.115delC	2	2	4
	<i>gid</i> _p.Arg102*	1	0	1
	<i>gid</i> _p.Glu103*	1	0	1
	<i>gid</i> _p.Trp45*	0	1	1
	<i>rpsL</i> _p.Lys43Arg	72	4	76
	<i>rpsL</i> _p.Lys88Arg	9	0	9
	<i>rpsL</i> _p.Lys88Gln	0	1	1
	<i>rrs</i> _n.514A>C	7	0	7
	<i>rrs</i> _n.517C>T	2	1	3
amikacin	None	2	1100	1102
	<i>rrs</i> _n.1401A>G	3	0	3
kanamycin	None	22	1077	1099
	<i>eis</i> _c.-10G>A	1	0	1
	<i>eis</i> _c.-37G>T	2	0	2
	<i>rrs</i> _n.1401A>G	3	0	3
capreomycin	None	50	1052	1102
	<i>rrs</i> _n.1401A>G	3	0	3