

Table S2 Motif sequences identified by MEME tools in litchi MADS-box genes.

Motif	Length	Best possible match
1	41	RQVTFSKRRNGLFKKASELSTLCDAEVALIVFSPTGKLYEF
2	15	MGRGKIEJKRIENET
3	24	RQLLGEDLQGLSIKELQQLQLEKQLE
4	28	RVRETKNZLIMEZISELKKKEQQLQEEN
5	50	SSSSTKQVIEKYKMNMPNLHRFDQPSLELQLECNTYAMLSREIAEKTREL
6	50	WPSQMGVQEVLSRFKNMPEMERSKKMVNQDSFLRZRIVKANEQLKKQRKD
7	21	GHPSIESVVNRFTGNPPQDS
8	27	WEAPIDELNPEQLEELKAALEKLKKKV
9	29	AHRNANIQELNMZLTDLLNZLEIEKERGE
10	15	SSSSMEKTJERYQKC
11	21	QSWQQEYAKLKQQIZNLQRSQ
12	41	LHHIYQGNGFDALNVNDFHSLIWFAQEKRKEIKKRVLYLQQ
13	41	FASCWDDRLNSFSIDQLRVLLVTFDNNIEIARTRIATIKGD
14	50	NDIAIGLQQFGNFGTGGGGNASGQDMRLPTEFFDPNIMTSDIGLPYDVTK
15	41	GSHDNZGVIWTPDGGHHDGLIFDDEYPLNDLVGLDEIDYBP
16	29	QYLKDIEKKIETHNQMAAGGSSSSSSTAA
17	50	QMELVDYRNYPYFGGFNGAETTMRLQPYEGFKGLMNIGGMNVPMQLQPQP
18	15	NSSDTSCLKLGLAFPS
19	48	LZEKVAEKKKILSEWKNPEKIDDLEKJEIMENHLAESLEBIKAKKEEL
20	29	EVELIRKENKETLKKLEERKKNRGEKTG