

Family	Relative abundance (%)	Eigencentrality
Aeromonadaceae	0.23	#N/A
Streptococcaceae	0.23	#N/A
Lactobacillales	0.06	#N/A
Intrasporangiaceae	0.04	#N/A
Saprosiraceae	0.04	#N/A
Listeriaceae	0.03	#N/A
env.OPS 17	0.03	#N/A
Sphingobacteriaceae	0.03	#N/A
Frankiaceae	0.02	#N/A
Brevibacteriaceae	0.02	#N/A
Veillonellaceae	0.02	#N/A
Mycobacteriaceae	0.02	#N/A
Blastocatellaceae	0.02	#N/A
Verrucomicrobiaceae	0.02	#N/A
Bdellovibrionaceae	0.02	#N/A
Hyphomicrobiaceae	0.01	#N/A
Gaiellales	0.01	#N/A
Gammaproteobacteria	0.01	#N/A
Solibacteraceae (Subgroup 3)	0.01	#N/A
Porphyromonadaceae	0.01	#N/A
Flavobacteriaceae	0.01	#N/A
Kineosporiaceae	0.01	#N/A
Cellulomonadaceae	0.01	#N/A
Acidobacteriaceae (Subgroup 1)	0.01	#N/A
Family XIII	0.01	#N/A
Christensenellaceae	0.01	#N/A
Opitutaceae	0.01	#N/A
67-14	0.01	#N/A
Micrococcales	0.01	#N/A
Rhodopirillaceae	0.01	#N/A
Dermabacteraceae	0.01	#N/A
Vibrionaceae	0.01	#N/A
Acido.Subgroup 6	0.01	#N/A
A4b	0.01	#N/A
Cytophagaceae	0.01	#N/A
Arcobacteraceae	0.01	#N/A
Chroococcidiopsaceae	0.01	#N/A
Family X	0.01	#N/A
Geodermatophilaceae	0.01	#N/A
Hydrogenophilaceae	0.01	#N/A
Solimonadaceae	0.01	#N/A
KD4-96	0.01	#N/A
SC-I-84	0.01	#N/A
Muribaculaceae	0.01	#N/A
Bacteroidales	0.01	#N/A
uncultured Ferrimicrobium sp.	0.00	#N/A
Pedosphaeraceae	0.00	#N/A
SJA-28	0.00	#N/A
uncultured Chlorobiales bacterium	0.00	#N/A

Family XII	0.00	#N/A
Mycoplasmataceae	0.00	#N/A
Nakamurellaceae	0.00	#N/A
Paracaedibacteraceae	0.00	#N/A
Reyranellaceae	0.00	#N/A
Acidaminococcaceae	0.00	#N/A
Steroidobacteraceae	0.00	#N/A
WD2101 soil group	0.00	#N/A
Gemmataceae	0.00	#N/A
Haliangiaceae	0.00	#N/A
Phormidiaceae	0.00	#N/A
Rhodocyclaceae	0.00	#N/A
Pla1 lineage	0.00	#N/A
Microscillaceae	0.00	#N/A
Betaproteobacteriales	0.00	#N/A
Sporichthyaceae	0.00	#N/A
Marinifilaceae	0.00	#N/A
Acidimicrobia	0.00	#N/A
Atopobiaceae	0.00	#N/A
Nocardiopsaceae	0.00	#N/A
Frankiales	0.00	#N/A
Micromonosporaceae	0.00	#N/A
Microtrichales	0.00	#N/A
ncultured Termite group 1 bacteriu	0.00	#N/A
Streptomycetaceae	0.00	#N/A
Gaiellaceae	0.00	#N/A
Paludibacteraceae	0.00	#N/A
Chitinophagales	0.00	#N/A
Devoxiaceae	0.00	#N/A
Kaistiaceae	0.00	#N/A
Alphaproteobacteria	0.00	#N/A
Archangiaceae	0.00	#N/A
Ectothiorhodospiraceae	0.00	#N/A
Planococcaceae	25.09	1.00
Bifidobacteriaceae	0.08	0.97
Staphylococcaceae	3.60	0.88
Bacillaceae	0.28	0.86
Bogoriellaceae	0.04	0.82
Caulobacteraceae	0.24	0.80
Enterococcaceae	1.32	0.79
Corynebacteriaceae	5.76	0.79
Methylophilaceae	0.03	0.77
Burkholderiaceae	6.28	0.73
Erysipelotrichaceae	0.05	0.72
Solirubrobacteraceae	0.05	0.72
Anaplasmataceae	0.62	0.72
Paenibacillaceae	0.08	0.71
Sphingomonadaceae	0.96	0.71
Micrococcaceae	0.29	0.69
Enterobacteriaceae	17.83	0.69

Halomonadaceae	0.07	0.69
Dermacoccaceae	0.64	0.69
Nocardioidaceae	0.03	0.68
Microbacteriaceae	0.11	0.67
Rhodanobacteraceae	0.20	0.67
Aerococcaceae	0.04	0.67
Moraxellaceae	15.86	0.65
Xanthomonadaceae	1.77	0.64
Propionibacteriaceae	0.03	0.62
Myxococcales	0.02	0.60
Nocardiaceae	0.06	0.59
Hymenobacteraceae	0.02	0.58
Carnobacteriaceae	0.14	0.57
Pseudonocardiaeae	0.03	0.57
Rhizobiaceae	0.44	0.57
Xanthobacteraceae	0.09	0.57
Lactobacillaceae	0.08	0.54
Rickettsiales	0.16	0.53
Oligoflexaceae	0.23	0.53
Clostridiaceae 1	0.07	0.53
Actinomycetaceae	0.10	0.52
Rhodobacteraceae	0.09	0.50
Beijerinckiaceae	0.26	0.49
Pirellulaceae	0.00	0.49
Acetobacteraceae	0.23	0.49
Neisseriaceae	1.62	0.48
Lachnospiraceae	0.30	0.47
Bacillales	0.05	0.46
Gastranaerophilales	0.00	0.46
Bacteroidaceae	0.08	0.45
Thermaceae	0.10	0.43
Alteromonadaceae	0.01	0.43
Prevotellaceae	0.19	0.42
Pseudomonadaceae	5.66	0.42
Peptococcaceae	0.00	0.40
Rickettsiaceae	5.14	0.40
Pleomorphomonadaceae	0.14	0.40
Pasteurellaceae	0.05	0.39
Succinivibrionaceae	0.02	0.39
Rikenellaceae	0.05	0.39
Mollicutes RF39	0.00	0.38
Fusobacteriaceae	0.06	0.38
iammaproteobacteria Incertae Sedis	0.02	0.37
Leptotrichiaceae	0.00	0.36
Desulfovibrionaceae	0.00	0.36
0319-6G20	0.02	0.34
Spirosomaceae	0.01	0.33
Gemmamimonadaceae	0.03	0.32
Weeksellaceae	0.16	0.32
Peptostreptococcaceae	0.01	0.31

Clostridiales vadinBB60 group	0.01	0.31
Legionellaceae	0.01	0.30
Ruminococcaceae	0.16	0.29
Deinococcaceae	0.01	0.29
Anaerolineaceae	0.00	0.29
Proteobacteria	0.00	0.28
Clostridiaceae 2	0.01	0.27
Campylobacteraceae	0.07	0.26
Polyangiaceae	0.00	0.26
Shewanellaceae	0.00	0.26
R7C24	0.00	0.25
A0839	0.00	0.25
Parachlamydiaceae	0.01	0.25
Chitinophagaceae	0.02	0.25
Spirochaetaceae	0.01	0.24
Nitrospiraceae	0.00	0.24
Family XI	1.31	0.23
Family XI	0.01	0.23
Dietziaceae	0.00	0.23
Tannerellaceae	0.00	0.22
JG30-KF-CM45	0.01	0.22
WD260	0.02	0.22
Dysgonomonadaceae	0.00	0.21
Cellvibrionaceae	0.00	0.20
Leuconostocaceae	0.01	0.19