

**Table S4.** Predicted surface-exposed proteins identified in *B. cenocepacia* J2315 by using the “surface shaving” strategy followed by LC-MS/MS (Threshold score:  $\geq 5$  peptides) and their predicted B cell epitopes.

ORF	Description	Peptides identified <sup>1</sup>	Predicted B cell epitopes <sup>2</sup>	B cell epitopes average (predicted peptides) <sup>2</sup>
BCAL0304	VacJ-like lipoprotein	<sup>46</sup> FNDTVDTYALKPVAK <sup>60</sup> <sup>96</sup> IADGVGDIMR <sup>105</sup> <sup>195</sup> ANLLGAGDVLDAAALDK <sup>211</sup> <sup>217</sup> NAYLQR <sup>222</sup> <sup>232</sup> GEAAVTSNNDALPK <sup>245</sup>	<sup>27</sup> VQTPTKGDPLE <sup>37</sup> <sup>125</sup> KLPKHTADF <sup>133</sup> <sup>175</sup> YVKPDG <sup>180</sup> <sup>194</sup> RANLLGAGDV <sup>203</sup>	0.469 (4)
BCAL0342	Type VI secretion system protein TssC	<sup>100</sup> GLDYLVK <sup>106</sup> <sup>132</sup> GASEFDQSALFK <sup>143</sup> <sup>237</sup> YVGLTLPR <sup>244</sup> <sup>304</sup> GVEGGGLVEDLPTHTFK <sup>320</sup> <sup>486</sup> LVADLPKPANS <sup>496</sup>	<sup>5</sup> TAAAQASGAEYAAGTSL <sup>21</sup> <sup>27</sup> EKSKVAKSDSEHAR <sup>40</sup> <sup>54</sup> DGTVIVSDN <sup>62</sup> <sup>90</sup> EFQRLES <sup>96</sup> <sup>109</sup> NTGQT <sup>113</sup> <sup>127</sup> VRDFKGA SEFDQSAL <sup>141</sup> <sup>143</sup> KKVYEEEFGTFGG <sup>155</sup> <sup>167</sup> ISRQPED <sup>173</sup> <sup>250</sup> PFNPKDGQTAENFNFVEDVDGTDH <sup>273</sup> <sup>301</sup> AIRGVEGGGLVED <sup>313</sup> <sup>320</sup> KTDDGEVALKCP <sup>331</sup> <sup>337</sup> TDRREKE <sup>343</sup> <sup>371</sup> KPKKYSTD SANA <sup>382</sup> <sup>411</sup> IGSFASAQNVET <sup>422</sup> <sup>431</sup> YVLLDDNASQEQAQFPLR <sup>449</sup>	0.472 (15)
BCAL1288	Family M23 peptidase	<sup>56</sup> WNQMTNPDAIEVGQVLR <sup>72</sup> <sup>93</sup> ARPAPSAPVESAVK PATSIALIWPAAGNVV <sup>122</sup> <sup>132</sup> GIDIANS PGTPVVAAPGVVVYAGNGLR <sup>159</sup> <sup>160</sup> GYGNLIILK <sup>168</sup> <sup>187</sup> EGQSVTQGQSIAEMGNSDSR <sup>207</sup> <sup>208</sup> VALHFELR <sup>215</sup>	<sup>17</sup> LLVACGSAPVGP <sup>28</sup> <sup>121</sup> VVRTFDGSK <sup>129</sup> <sup>182</sup> ALLVKEGQSVTQ <sup>193</sup> <sup>202</sup> NSDSR <sup>207</sup> <sup>219</sup> RSIDP <sup>223</sup>	0.513 (5)
BCAL1881	Putative lipoprotein	<sup>59</sup> YLFSPVAVGDAVYAAGENG SVEK <sup>81</sup> <sup>95</sup> VGSDLSAGVGS DGNLTAVGALK <sup>116</sup>	<sup>25</sup> SSKDARRVPTPLTEFKPVMDV <sup>45</sup> <sup>51</sup> ASVGKGG <sup>57</sup>	0.444 (8)

BCAL1893	Family M23 peptidase	<sup>117</sup> GGV FVLGP D G K <sup>127</sup> <sup>153</sup> TIDGQVIAFNAQTGEQK <sup>169</sup> <sup>350</sup> TDGSAITAAPVLAGNTLVVQTK <sup>371</sup>	<sup>91</sup> WRSKVG S <sup>97</sup> <sup>127</sup> KQLWKTSVQ <sup>135</sup> <sup>167</sup> EQKWN YRNRAVPLNLRV <sup>183</sup> <sup>217</sup> QTPVSFPKGVTEVERIND <sup>234</sup> <sup>263</sup> GRPLWEKPFSSRSGLAQ <sup>279</sup> <sup>302</sup> NQLWRNDKLKSR <sup>313</sup>	0.523 (4)
		<sup>51</sup> SGSLGTTATAQPAVPLGPPPPGFYR <sup>75</sup> <sup>95</sup> DIASWNNLANPNQIEVDQLLR <sup>115</sup> <sup>188</sup> GPVLNGFDDAK <sup>198</sup> <sup>199</sup> NKGVNIGGTAGEAVK <sup>213</sup> <sup>220</sup> VVYSGNGLR <sup>228</sup> <sup>238</sup> HDATYLTAYAHNR <sup>250</sup> <sup>266</sup> IAEMGNSDADR <sup>276</sup> <sup>286</sup> QGKPV DPLK <sup>294</sup>	<sup>5</sup> SMLRAMQNNRSREPLTLA <sup>22</sup> <sup>191</sup> LNGFDDAK <sup>198</sup> <sup>251</sup> ALMVKEGDAVTK <sup>262</sup> <sup>287</sup> GKPV DPLKY <sup>295</sup>	
BCAL1985	Putative exported isomerase	<sup>38</sup> ADAMVAQLVQQGQTDGPQLQQAVR <sup>61</sup> <sup>68</sup> EILMQE AIR <sup>76</sup> <sup>87</sup> AQVAVAQQTVVLR <sup>99</sup> <sup>186</sup> AYVPEFAAAAQK <sup>197</sup> <sup>235</sup> AQIAQQLVQQK <sup>245</sup> <sup>246</sup> LQAFEEGLR <sup>254</sup>	<sup>45</sup> LVQQGQTDGPQLQQAVRQELVNRE <sup>68</sup> <sup>78</sup> GIPNRPD <sup>84</sup> <sup>198</sup> LQKGQMTDT <sup>206</sup> <sup>221</sup> DIRDIA PPPF <sup>230</sup> <sup>240</sup> QLVQQKLQAFEEG <sup>252</sup>	0.494 (5)
		<sup>13</sup> GLLNDAADSVQDPSR <sup>27</sup> <sup>35</sup> ELDDSIGR <sup>42</sup> <sup>43</sup> AENSLIEIAQVATQR <sup>58</sup> <sup>78</sup> ALQGGDEALAR <sup>88</sup> <sup>89</sup> EALAAQSNAEAER <sup>101</sup> <sup>150</sup> DVAASALGGIGGK <sup>162</sup>	<sup>20</sup> DSVQDPSRD <sup>28</sup> <sup>156</sup> LGGIGGKNLSEDFQKLEDK <sup>174</sup> <sup>215</sup> AALKKQLD <sup>222</sup>	
BCAL2022	PspA/IM30 family protein	<sup>44</sup> VEAGSVFAYLPIK <sup>56</sup> <sup>111</sup> EFDKDNLT K <sup>119</sup> <sup>152</sup> GFYAAEVK <sup>159</sup> <sup>226</sup> LTGDLEAVR <sup>234</sup> <sup>319</sup> LGEYGYAFATVNAQPDIDQANH K <sup>341</sup> <sup>342</sup> VNLNLVVDPSR <sup>352</sup>	<sup>41</sup> LQRVEAGSV <sup>49</sup> <sup>54</sup> PIKQGD TFTDDKAS <sup>67</sup> <sup>111</sup> EFDKDNL <sup>117</sup> <sup>124</sup> VGLADGRYYDKALVDKAEQ <sup>142</sup> <sup>192</sup> NKAFSTSTLRDE <sup>203</sup> <sup>360</sup> NVVGNT RTRDEV <sup>371</sup> <sup>373</sup> RREM RQLESSWFDSNRL <sup>389</sup>	0.488 (19)

BCAL2645	OmpA family protein	79LAPSAAQTGTQVTEQPDGSLK <sup>99</sup>	410VPVDGTN <sup>416</sup>	0.502 (4)
		161AQSVVNALVQR <sup>171</sup>	426DEKPTGA <sup>432</sup>	
		178LSAQGMGASNPIADNATEAGR <sup>198</sup>	454DNVFGSGT <sup>461</sup>	
		203RVEIYLR <sup>209</sup>	484YFTVDGIKR <sup>492</sup>	
		204VEIYLR <sup>209</sup>	498YRTYQPLYYSTSSSFR <sup>513</sup>	
BCAL2958	OmpA family protein	93ITYQADALFDFDK <sup>105</sup>	574WSRDARDSALIPSRG <sup>588</sup>	0.512 (3)
		93ITYQADALFDFDKATLKPLGK <sup>113</sup>	595IEYGVPVVGKIQ <sup>605</sup>	
		114QKLDELASK <sup>122</sup>	611LQAQYYYSFS <sup>620</sup>	
		116LDELASK <sup>122</sup>	634GNGIGNPYP <sup>642</sup>	
		123IEGMNTEVVVATGYTDR <sup>139</sup>	657GYEPSSLGPRDTKTNDPI <sup>674</sup>	
BCAL3204	Putative OmpA family lipoprotein	203RVEVEVVGTTQQVQK <sup>216</sup>	712GNAPGGTSTGANG <sup>724</sup>	0.507 (3)
		204VEVEVVGTTQQVQK <sup>216</sup>	751QKHEGDQYQ <sup>759</sup>	
		31ANNAGAVSTQPSADNVAQNVNDPLNDPNSPLAK <sup>63</sup>	88TQVTEQ <sup>93</sup>	
		65SIYDFDYSYSVK <sup>76</sup>	109ATNQYAITPA <sup>118</sup>	
		97HVLIQGNTER <sup>107</sup>	145DSTGSAQLNQTL <sup>156</sup>	
BCAL3311	BcnA	108GTSEYNLALGQK <sup>119</sup>	183MGASNPIADNATEAGRAQN <sup>201</sup>	0.455 (3)
		127AMALLGVNDSQMEAVSLGK <sup>145</sup>	101FDFDKATLKPLGKQ <sup>114</sup>	
		146EKPQATGHDEASWAQNR <sup>162</sup>	139RIGSDKYNDRL <sup>149</sup>	
		41QMNVPTEGAFFK <sup>52</sup>	211TQQVQKTTV <sup>219</sup>	
		41QMNVPTEGAFFK <sup>51</sup>	67YDFDYSYSVKDEYQP <sup>81</sup>	
		64AAQGSAQMTIDVASFDLGDK <sup>83</sup>	105DERGTSEYNLAL <sup>116</sup>	
			143LGKEKPQATGHDEASWAQN <sup>161</sup>	
			21SGAAHADV <sup>28</sup>	
			78FDLGDKMYNDQVAGKDWFDAK <sup>98</sup>	
			158AFNVGTGEWKDTSIVA <sup>173</sup>	

BCAM1931	Putative porin	84MYNDQVAGK <sup>92</sup>		
		93DWFDAK <sup>98</sup>		
		99TYPQATFVSSAIAPAGGNK <sup>117</sup>		
		128GKAETVTVPTVAQNGATQTFDGVLPK <sup>155</sup>		
		128GKAETVTVPTVAQNGATQTFDGVLPK <sup>156</sup>		
		130AETVTVPTVAQNGATQTFDGVLPK <sup>155</sup>		
		157SAFNVTGEWK <sup>167</sup>		
		168DTSIVADEVQIK <sup>179</sup>		
		180FHLVATK <sup>186</sup>		
		44SLWSMGSGIDQSR <sup>56</sup>		
BCAM2549	Multidrug efflux system outer membrane protein OpcM	61GSEDLGGLK <sup>70</sup>		
		86LGNNGGMFNR <sup>95</sup>		
		96QAFVGLSSQYGTVTLGK <sup>112</sup>		
		144LSTNGDVALNNSIK <sup>157</sup>		
		185AYSGGLSYQFQGLK <sup>198</sup>		
		199LGAAYSQANLGDGTNANGATNIAAQGR <sup>225</sup>		
		263ADNYEVNAK <sup>271</sup>		
		272YNLTPALGLGAAYTYTNAK <sup>290</sup>		
		313TDVYAQAVYQR <sup>323</sup>		
		327NAGGASIYNGDLSTAPSSSINQTAATVGLR <sup>356</sup>		
BCAM2761	Giant cable pilus	80LATAPALKNQTSFGAAEIPLSVK <sup>102</sup>		
		88NQTSFGAAEIPLSVK <sup>102</sup>		
		36YQSNVASKSLWSMGSGID <sup>53</sup>		
		63EDLGGG <sup>68</sup>		
		79FNIGNGRLGNNGGMF <sup>93</sup>		
		173SFSNNQNFGNNRA <sup>185</sup>		
		192YQFQG <sup>196</sup>	0.503 (10)	
		205QANLGDGTNANGATNIAAQGRV <sup>226</sup>		
		248QSRIDNRAAGVPSLRADN <sup>265</sup>		
		272YNLTPA <sup>277</sup>		
BCAM2761	Giant cable pilus	287TNAKVDGSSAHW <sup>298</sup>		
		323RASKNAGGASIYNGDLSTAPSSSI <sup>346</sup>		
		4DRKMDNMHNTNGLMR <sup>18</sup>		
		175RVGRNVEASRADQAQSEAL <sup>193</sup>		
		264AVGVARRRAA <sup>273</sup>		
		286PADFAFKETPIVPVAVKIPPGL <sup>307</sup>		
		316PDVSA <sup>320</sup>		
		332IGLAKSAYFPK <sup>342</sup>	0.521 (11)	
		346TGSFGYEASTLGNLFLWSSRTFLG <sup>370</sup>		
		421ADLRLDDQIRAQEA AVNASRRAAT <sup>445</sup>		
BCAM2761	Giant cable pilus	448RTQYQEGEVAYL <sup>459</sup>		
		466RSVLQSQLQANQ <sup>477</sup>		
		495GGWGNAPAPTAVGDAASGKAD <sup>515</sup>		
		67IFTNDKAKD <sup>75</sup>		
		85ALKNQTSFGAA <sup>95</sup>	0.501 (2)	

<sup>103</sup>LGETELTTTAATLK<sup>116</sup>

<sup>117</sup>TAEFPGELAQQSNVLALSIGQK<sup>139</sup>

<sup>140</sup>KVEAVTASGSYQGLVSVIVTQSAASGS<sup>166</sup>

---

<sup>1</sup> Peptides identified using surface-shaving with trypsin and LC-MS/MS analysis. <sup>2</sup> <http://tools.iedb.org/bcell/>. Threshold used of 0.5. Peptides shorter than 5 or larger than 25 amino acids were not considered. At bold are the predicted B cell epitopes found by the Surface-shaving approach.