

Table S2. Complete descriptive statistics and statistical analysis of redox-focused profiling in C9orf72 ALS-patients vs. healthy controls.

Gene	Ensembl Gene ID	Mean log ₂ FC	SD	Wilcoxon test p-value
<i>DHCR24</i>	ENSG00000116133	-0.72	0.37	0.0023
<i>TRAPPC6A</i>	ENSG00000007255	-0.58	0.27	0.0041
<i>GPX3</i>	ENSG00000211445	-0.59	0.21	0.0041
<i>GSR</i>	ENSG00000104687	-0.44	0.32	0.0070
<i>FHL2</i>	ENSG00000115641	-0.96	0.75	0.0111
<i>CYBB</i>	ENSG00000165168	0.53	0.45	0.0175
<i>NUDT1</i>	ENSG00000106268	-0.35	0.27	0.0262
<i>CCS</i>	ENSG00000173992	-0.67	0.50	0.0262
<i>DUOX2</i>	ENSG00000140279	-1.79	1.63	0.0262
<i>FOXM1</i>	ENSG00000111206	-0.49	0.19	0.0379
<i>PRDX5</i>	ENSG00000126432	-0.20	0.21	0.0728
<i>PRDX6</i>	ENSG00000117592	-0.43	0.24	0.0728
<i>DUOX1</i>	ENSG00000137857	-0.59	0.60	0.0728
<i>PTGS1</i>	ENSG00000095303	-0.53	0.54	0.0973
<i>SIRT2</i>	ENSG00000068903	-0.32	0.39	0.1280
<i>PDLIM1</i>	ENSG00000107438	-0.43	0.51	0.1280
<i>SRXN1</i>	ENSG00000271303	-0.46	0.58	0.1280
<i>UCP2</i>	ENSG00000175567	-0.16	0.22	0.1650
<i>ALOX12</i>	ENSG00000108839	-0.39	0.41	0.1650
<i>CYGB</i>	ENSG00000161544	-0.56	1.12	0.1650
<i>GLA</i>	ENSG00000102393	-0.41	0.45	0.1810
<i>TPO</i>	ENSG00000115705	1.11	2.06	0.2090
<i>LPO</i>	ENSG00000167419	0.52	0.84	0.2400
<i>NQO1</i>	ENSG00000181019	0.19	0.25	0.2590
<i>GPX4</i>	ENSG00000167468	-0.11	0.19	0.2590
<i>RNF7</i>	ENSG00000114125	-0.12	0.21	0.2590
<i>HMOX1</i>	ENSG00000100292	-0.22	0.57	0.2590
<i>SFTPD</i>	ENSG00000133661	-0.39	0.53	0.2590
<i>CAT</i>	ENSG00000121691	-0.42	0.62	0.2590
<i>EPX</i>	ENSG00000121053	-0.50	0.86	0.2590
<i>PRNP</i>	ENSG00000171867	0.22	0.26	0.3180

<i>EPHX2</i>	ENSG00000120915	-0.52	0.77	0.3180
<i>DUSP1</i>	ENSG00000120129	0.21	0.56	0.3830
<i>HSP90AA1</i>	ENSG00000080824	0.14	0.32	0.3830
<i>FTH1</i>	ENSG00000167996	0.12	0.19	0.3830
<i>BAG2</i>	ENSG00000112208	-0.23	0.42	0.3830
<i>NOS2</i>	ENSG00000007171	-0.31	0.66	0.3940
<i>GSTP1</i>	ENSG00000084207	-0.05	0.46	0.4560
<i>MPV17</i>	ENSG00000115204	-0.08	0.17	0.4560
<i>GCLM</i>	ENSG00000023909	-0.09	0.32	0.4560
<i>TXNRD2</i>	ENSG00000184470	-0.13	0.28	0.4560
<i>PRDX2</i>	ENSG00000167815	-0.26	0.52	0.4560
<i>SELENOS</i>	ENSG00000131871	-0.35	0.76	0.4560
<i>SOD2</i>	ENSG00000112096	-0.11	0.37	0.5340
<i>NCOA7</i>	ENSG00000111912	-0.12	0.35	0.5350
<i>PRDX4</i>	ENSG00000123131	-0.17	0.40	0.5350
<i>NCF1</i>	ENSG00000158517	-0.20	0.53	0.5350
<i>SLC7A11</i>	ENSG00000151012	0.09	0.47	0.6200
<i>SOD1</i>	ENSG00000142168	-0.11	0.44	0.6200
<i>TTN</i>	ENSG00000155657	0.18	0.90	0.7100
<i>SELENOP</i>	ENSG00000250722	0.12	0.62	0.7100
<i>LHPP</i>	ENSG00000107902	0.06	0.29	0.7100
<i>PTGR1</i>	ENSG00000106853	0.04	0.75	0.7100
<i>MPO</i>	ENSG00000005381	0.01	1.10	0.7100
<i>GPX1</i>	ENSG00000233276	-0.04	0.32	0.7100
<i>KRT1</i>	ENSG00000167768	-1.01	4.50	0.7100
<i>MSRA</i>	ENSG00000175806	0.05	0.32	0.8050
<i>ATOX1</i>	ENSG00000177556	-0.01	0.21	0.8050
<i>TXNRD1</i>	ENSG00000198431	-0.05	0.25	0.8050
<i>BNIP3</i>	ENSG00000176171	-0.10	0.44	0.8050
<i>HSPA1A</i>	ENSG00000204389	-0.10	0.60	0.8050
<i>CCL5</i>	ENSG00000271503	-0.20	0.91	0.8050
<i>AKR1C2</i>	ENSG00000151632	-0.25	2.10	0.8050
<i>GCLC</i>	ENSG00000001084	0.30	0.59	0.9020

<i>PRDX1</i>	ENSG00000117450	0.05	0.51	0.9020
<i>GSS</i>	ENSG00000100983	-0.03	0.27	0.9020
<i>GPX2</i>	ENSG00000176153	-0.05	0.36	0.9020
<i>NCF2</i>	ENSG00000116701	-0.08	0.27	0.9020
<i>PTGS2</i>	ENSG00000073756	-0.09	0.90	0.9020
<i>TXN</i>	ENSG00000136810	0.01	0.28	1.0000
<i>GSTZ1</i>	ENSG00000100577	-0.04	0.32	1.0000
<i>SQSTM1</i>	ENSG00000161011	-0.05	0.29	1.0000
<i>PRDX3</i>	ENSG00000165672	-0.07	0.51	1.0000