

Table S6. MEDIUM-SIZED PEPTIDES (FRACTION 3) BIOACTIVITY PREDICTION BY PEPTIDERANKER

rank	sequence
0.829165	WQEQQDEDEDEDEDEDEQIPSHPPRRPSHG
0.78413	WQEQQDEDEDEDEDEDEQIPSHPPRRPS
0.597538	HGGKGSEEEQDEREHPRPHQPH
0.475004	QNQLDQMPR
0.459632	SGFEGDNMIER
0.395137	KPEDWDDKEFIPDPEDKKPEG
0.351856	ENQLDQMPR
0.323857	HDKSSPSYHR
0.316052	KSQSDNFEYV
0.273056	PRPPHQKEER
0.270425	SAMPGHGTGQPTGH
0.257461	SPQLENLRD
0.257193	NALEPDHR
0.249465	EEFFGPGGRDPESV
0.245269	NNQLDQNPR
0.239882	HFNEGDVL
0.234141	NALKPDNR
0.226605	DRIYDYDV
0.222875	NNQLDQTPR
0.210959	HDKSSPSYH
0.190933	SEFEEINRV
0.182809	GKGGGIEVDSTGK
0.172989	KTNDRPSIGN
0.171477	KAADQIAGQT
0.171255	MELENLEERW
0.167042	RPSYTNGPQEI
0.156414	KTISSSEDPF
0.155249	VNPESQQGSPR
0.144776	ERIYDYDV
0.142142	SVVGGDGLPDTVEK
0.135155	GINAENNQRN
0.133299	NHGDQILDEANKA
0.127302	SYDTKFEEIN
0.124885	STGHVPSSGGESSA
0.121697	VVAEQAGEQGFE
0.119904	LEHGGIATDDDYP
0.115885	YGTNTADTGTGPR
0.115207	LAASAGETAKE
0.109199	RQNIGQNSSPDI
0.108575	RAELSEDDVFV
0.101717	NEGEANIEL
0.0960369	KLQGENEEEEKGAIVT
0.0960217	TSVGHMPSTKEEGH
0.0936312	GHGHHTTGTGTGTAT
0.09185	KESDITAGKDTPQGSIEA

0.0897102 KEDVKVEVEDGRV
0.0875467 EKLQDIASEAGQ
0.0854157 GLVSESETEKI
0.0849549 DLTEDDLIEK
0.0847615 IKETVVGKDDDDDDHGDGH
0.0838137 NTNEDIAEKL
0.0837387 HNIGQTSSPD
0.0809551 GEEEEQRQQEGVIVEL
0.0798314 DTKFEEIN
0.079601 KIEAEGTQSGTPK
0.0770362 RHNIGQTSSPD
0.0763415 EITPEKNPQ
0.072587 RNLQGENEEEDSGAIV
0.0713902 KHHDVTVKDEK
0.0699062 KVDEYGNVEK
0.0659821 KEEVKVEVEDGRV
0.0525346 QKIMENQSEELEEK
0.0518491 TLVNNDDRDS
0.0453637 KIMENQSEELEEK
0.0443023 QKIMENQSEELEEKQ
0.0441246 IMENQSEELEEK