

	O103-EH1717	O103-EH1782	O103-EH1831	O103-TIAC1878	O103-TIAC1884	O103-TIAC1885	O113-TIAC1660	O145-EH1533	O145-EH1846	O145-TIAC1200	O145-TIAC1596	O157-TIAC1151	O157-TIAC1152	O157-TIAC1153	O157-TIAC1165	O157-TIAC1169	O157-TIAC1638	beef_B_STEC_O157	beef_C_STEC_O157	beef_D_5_TECO157	beef_E_STEC_O157	beef_A_2_STECO157	beef_A_1_STECO157	beef_A1_3_STECO157	beef_A2_3_STECO157	beef_A3_3_STECO157	beef_isolate_O157-1	beef_isolate_O157-2	beef_isolate_O157-3	goat_O10_3+O145_5_TECO203	goat_O103+O145_STECO145	goat_O10_3_STECO145	goat_O145_STECO145	goat_isolate_O103	goat_isolate_O145	reference	
O103-EH1717	0	28	128	97	85	111	2327	9443	9586	9634	9431	9522	8267	9625	6265	9387	7532	4951	9303	8115	8675	8487	5299	8240	9431	8584	9214	8852	9642	304	10320	70	10242	97	9634	11099	
O103-EH1782	27	0	129	71	61	90	2353	9721	9862	9924	9692	9760	8456	9853	6380	9620	7729	5055	9542	8306	8946	8672	5424	8451	9655	8777	9469	9059	9857	73	10632	46	10561	71	9923	11383	
O103-EH1831	129	133	0	120	104	105	2368	9716	9834	9877	9656	9797	8490	9888	6437	9632	7758	5061	9558	8346	8916	8713	5421	8462	9663	8776	9507	9088	9904	125	10584	84	10499	120	9877	11401	
O103-TIAC1878	99	75	122	0	1	91	2383	9796	9881	9966	9727	9887	8589	9999	6470	9735	7832	5113	9650	8430	8996	8810	5496	8566	9778	8880	9616	9176	10003	2	10697	1	10617	0	9966	11525	
O103-TIAC1884	83	69	113	1	0	85	2340	9501	9608	9669	9450	9324	8100	9407	6190	9179	7412	4822	9082	7916	8478	8261	5171	8063	9204	8351	9047	8689	9412	2	10343	1	10285	1	9669	10826	
O103-TIAC1885	120	100	112	95	83	0	2333	9513	9612	9672	9451	9404	8178	9436	6198	9332	7501	4888	9156	8007	8559	8357	5327	8128	9267	8444	9117	8714	9487	91	10360	66	10289	85	9671	10976	
O113-TIAC1660	4203	4372	4245	4195	3850	3922	0	10474	10565	10589	10399	10809	9521	10897	7322	10654	8825	5663	10448	9164	9798	9527	6092	9254	10638	9633	10525	10098	10833	4420	11309	3050	11271	4195	10589	12343	
O145-EH1533	8824	9343	9011	8921	8087	8275	5418	0	498	489	491	7759	6760	7844	5097	7622	6177	4020	7574	6513	7005	6950	4364	6696	7727	6975	7544	7254	7849	9536	508	6204	508	8921	488	9047	
O145-EH1846	8874	9389	9035	8914	8101	8282	5414	493	0	60	17	7693	6682	7726	5033	7535	6089	3963	7487	6433	6905	6858	4310	6647	7650	6913	7458	7156	7759	9553	57	6210	63	8914	60	8939	
O145-TIAC1200	8902	9420	9047	8964	8138	8309	5410	483	60	0	56	7671	6678	7741	4999	7507	6058	3976	7503	6434	6892	6846	4300	6654	7661	6892	7461	7138	7769	9583	3	6217	1	8963	0	8937	
O145-TIAC1596	8824	9327	8966	8870	8054	8231	5386	491	17	56	0	7581	6610	7635	4970	7434	6011	3908	7406	6366	6802	6782	4245	6559	7551	6795	7369	7054	7677	9491	54	6174	56	8870	56	8825	
O157-TIAC1151	7910	8339	8076	8004	7055	7272	4970	6897	6903	6904	6730	0	0	131	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8613	7712	5924	7707	8004	6904	38
O157-TIAC1152	7890	8300	8041	7988	7041	7265	5036	6903	6889	6906	6742	0	0	131	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8578	7704	5975	7708	7988	6907	37
O157-TIAC1153	8064	8490	8271	8164	7179	7361	5054	7032	6993	7029	6836	132	115	0	95	132	301	68	128	109	126	116	80	130	128	116	130	127	136	8745	7843	6009	7836	8163	7029	144	
O157-TIAC1165	7727	8094	7879	7777	6954	7115	4999	6727	6706	6680	6552	0	0	140	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8359	7472	6039	7487	7776	6681	37
O157-TIAC1169	7915	8333	8060	7999	7049	7245	4973	6877	6863	6858	6699	0	0	133	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8591	7669	5931	7681	7998	6858	40
O157-TIAC1638	7745	8174	7917	7849	6942	7180	5023	6796	6764	6750	6605	41	35	127	28	99	0	21	38	33	35	35	34	33	38	30	39	36	43	8412	7523	5978	7556	7849	6750	69	
beef_B_STECO157	7605	7985	7724	7656	6745	6988	4817	6607	6575	6617	6412	0	0	125	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8551	7371	5701	7387	7655	6646	37
beef_C_STECO157	8042	8484	8200	8129	7150	7367	4999	7007	6991	7027	6843	0	0	132	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8763	7839	5863	7832	8129	7028	37
beef_D_5_TECO157	8103	8530	8271	8203	7199	7442	5065	6959	6939	6961	6794	0	0	130	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8815	7800	6004	7799	8202	6961	35
beef_E_STECO157	8065	8458	8226	8150	7179	7407	5043	6970	6935	6942	6759	0	0	140	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8750	7775	5995	7754	8156	6942	37
beef_A_2_STECO157	7894	8296	8042	7988	7236	7495	4905	6917	6891	6999	6742	0	0	129	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8579	7722	5818	7730	7985	6899	36
beef_A_1_STECO157	7658	8062	7775	7740	6806	7031	4873	6748	6729	6732	6556	1	0	137	0	1	34	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8318	7454	5797	7459	7740	6732	43
beef_A1-3_STECO157	7853	8283	8003	7956	7000	7210	4882	6829	6843	6871	6680	0	0	125	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8555	7655	5833	7657	7955	6870	37
beef_A2-3_STECO157	7864	8180	7996	7943	6986	7192	4910	6894	6900	6921	6728	0	0	128	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8336	7733	5801	7727	7945	6930	37
beef_A3-3_STECO157	7880	8287	7996	7943	6983	7216	4895	6852	6856	6855	6666	0	0	127	0	0	27	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	8527	7648	5788	7648	7944	6855	34
beef_isolate_O157-1	7890	8340	8080	8025	7057	7267	4989	6913	6899	6923	6744	0	0	133	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8620	7722	5822	7733	8024	6923	40
beef_isolate_O157-2	7911	8327	8063	7992	7074	7249	4996	6938	6909	6912	6738	0	0	136	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8607	7729	5953	7729	7992	6912	39
beef_isolate_O157-3	7914	8320	8067	8001	7036	7255	4922	6894	6879	6909	6734	0	0	133	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8599	7704	5911	7703	8001	6910	42
goat_O103+O145_STECO103	105	76	125	-2	-2	86	2466	10286	10402	10407	10224	10451	9062	10521	6831	10271	8246	5415	10207	8899	9486	9298	5802	9049	10320	9363	10146	9707	10561	0	11238	1	11177	2	10467	12169	
goat_O103+O145_STECO145	8976	9511	9136	9067	8194	8387	5445	473	54	2	50	8075	7020	8142	5269	7911	6364	4174	7887	6794	7273	7220	4486	6986	8066	7246	7843	7522	8164	9696	0	6263	0	9067	2	9425	
goat_O103_STECO103	108	73	130	1	1	96	2628	10333	10442	10484	10270	11099	9744	11162	7621	10949	9048	5777	10736	9358	10036	9738	6243	9526	10829	9813	10764	10367	11210	-2	11208	0	11176	1	10484	12643	
goat_O145_STECO145	8985	9533	9146	9082	8322	8406	5476	477	60	0	53	8144	7089	8209	5338	7996	6449	4221	7952	6856	7320	7295	4530	7052	8134	7312	7826	7590	8238	9732	0	6303	0	9067	0	9486	
goat_isolate_O103	100	75	123	0	1	91	2383	9797	9882	9966	9728	9887	8588	9999	6470	9735	7833	5113	9650	8429	8996	8810	5496	8566	9778	8880	9615	9176	10003	2	10697	1	10618	0	9966	11524	
goat_isolate_O145	8891	9419	9047	8964	8128	8309	5410	482	60	0	55	7671	6679	7743	5000	7507	6059	3976	7503	6434	6892	6846	4299	6654	7660	6891	7461	7137	7770	9583	3	6217	1	8963	0	8937	
reference	7328	7730	7471	7416	6511	6747	4512	6392	6375	6393	6227	30	25	114	20	31	44	16	28	23	27	25	19	25													

Table S3: SNP distances matrix (per million genomic position) for STEC phylogenetic tree