

raw-results

Genus	MOTU	MALT	QIIME1	DADA2	#16S
g__Abiotrophia	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Acetivibrio	NA	0.02	0.00	NA	2
g__Acetobacter	0.00	NA	NA	NA	0
g__Acetobacterium	0.00	0.00	0.00	NA	2
g__Acholeplasma	NA	0.00	NA	NA	1
g__Acidaminococcus	0.00	NA	0.33	0.40	2
g__Acidiphilium	0.00	NA	NA	NA	0
g__Acidovorax	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Acinetobacter	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Actinobacillus	NA	NA	0.03	0.00	2
g__Actinobaculum	0.00	NA	NA	NA	0
g__Actinomyces	0.00	0.01	0.01	0.01	3
g__Actinotignum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Adhaeribacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Adlercreutzia	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Aerococcus	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Aeromonas	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Afipia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Aggregatibacter	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Agromyces	NA	NA	0.00	NA	1
g__Akkermansia	0.01	NA	1.05	0.88	2
g__Alcaligenes	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Alicyclophilus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Alishewanella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Alistipes	0.02	0.49	0.80	0.96	3
g__Alkalibacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Allobaculum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Alloiococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Alloprevotella	NA	0.21	0.24	0.23	3
g__Alloscardovia	0.00	0.00	0.01	0.01	3
g__Anaerobiospirillum	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Anaerococcus	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Anaerofustis	0.00	0.00	0.01	0.01	3
g__Anaeroglobus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Anaeromassilibacillus	0.00	NA	NA	NA	0
g__Anaerostipes	0.02	2.54	3.17	2.66	3
g__Anaerotruncus	0.00	0.39	0.40	0.01	3
g__Anaerovibrio	NA	NA	0.00	NA	1
g__Anaerovorax	NA	0.00	NA	NA	1
g__Anoxybacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Arcobacter	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Arsenophonus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Arthrobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Atopobium	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Atopococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Azoarcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Azorhizobium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Azospirillum	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Bacillus	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Bacteria gen. incertae sedis	0.01	NA	NA	NA	0
g__Bacteroidales gen. [C Bacteroides/Porphyromonas/Parabacteroides]	0.01	NA	NA	NA	0
g__Bacteroides	0.11	4.96	8.83	9.05	3

raw-results					
g__Barnesiella	0.00	0.04	0.01	0.06	3
g__Bavariicoccus	0.00	NA	NA	NA	0
g__Bdellovibrio	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Belnapia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Bergeyella	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Bhargavaea	NA	NA	0.00	NA	1
g__Bibersteinia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Bifidobacterium	0.03	0.98	1.44	1.36	3
g__Bilophila	0.00	0.05	0.07	0.06	3
g__Blastococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Blastomonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Blautia	0.05	6.21	10.37	9.98	3
g__Bosea	NA	NA	0.00	NA	1
g__Brachybacterium	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Brachyspira	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Bradyrhizobium	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Brevibacillus	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Brevibacterium	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Brevundimonas	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Brochothrix	NA	NA	0.00	NA	1
g__Budvicia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Bulleidia	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Burkholderia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Buttiauxella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Butyricoccus	0.00	NA	0.00	0.20	2
g__Butyricimonas	0.00	NA	0.05	0.04	2
g__Butyrivibrio	0.01	0.08	0.83	0.52	3
g__Caldicoprobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Caloramator	NA	NA	0.00	NA	1
g__Campylobacter	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__candidatus Methanomethylophilus	0.00	NA	NA	NA	0
g__Capnocytophaga	NA	NA	0.00	NA	1
g__Cardiobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Carnobacterium	0.00	0.00	0.00	NA	2
g__Caulobacter	NA	0.00	0.01	0.01	3
g__Cedecea	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Cellulosilyticum	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Centipeda	NA	NA	0.00	NA	1
g__Cetobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Chroococcidiopsis	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Chryseobacterium	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Citreicella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Citrobacter	0.00	0.02	0.00	0.01	3
g__Clavibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Clostridiales	0.00	NA	NA	NA	0
g__Clostridiales Family XIII	0.00	NA	NA	NA	0
g__Clostridium	0.08	0.29	0.54	0.49	3
g__Collimonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Collinsella	0.01	NA	0.00	0.00	2
g__Comamonas	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Conchiformibius	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Coprobacillus	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Coproccoccus	0.02	0.85	0.71	1.92	3
g__Coralimargarita	0.00	NA	NA	NA	0
g__Corallococcus	0.00	NA	NA	NA	0

raw-results					
g__Coriobacteriaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__Corynebacterium	0.00	0.00	0.01	0.01	3
g__Cronobacter	NA	0.01	0.01	NA	2
g__Cryptobacterium	0.00	NA	NA	NA	0
g__Curtobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Defluviimonas	NA	NA	2.05	NA	1
g__Delftia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Dermacoccus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Desulfitibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Desulfotomaculum	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Desulfovibrio	0.00	0.26	0.31	0.27	3
g__Desulfurispora	NA	NA	0.00	NA	1
g__Dialister	0.01	NA	0.60	0.57	2
g__Dielma	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Dolosigranulum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Dorea	0.01	0.42	1.09	1.37	3
g__Dyadobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Dysgonomonas	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Eggerthella	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Eggerthia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Eikenella	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Elusimicrobium	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Emticicia	NA	0.00	NA	NA	1
g__Enhydrobacter	NA	NA	NA	0.00	1
g__Enorma	0.00	NA	NA	NA	0
g__Enterobacter	0.00	0.00	0.58	NA	2
g__Enterobacteriaceae	0.01	NA	NA	NA	0
g__Enterococcus	0.00	0.00	0.22	0.17	3
g__Enterorhabdus	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Epulopiscium	NA	NA	0.04	0.03	2
g__Erwinia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Erysipelatoclostridium	0.00	0.01	0.06	0.06	3
g__Erysipelotrichaceae	0.00	NA	1.12	0.94	2
g__Escherichia	0.00	0.01	0.10	0.97	3
g__Ethanoligenens	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Eubacterium	0.05	0.00	5.21	0.02	3
g__Ewingella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Exiguobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Facklamia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Faecalibacterium	0.04	2.81	5.51	4.51	3
g__Faecalicoccus	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Faecalitalea	0.00	0.01	0.01	0.02	3
g__Falsirhodobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Fenollaria	0.00	NA	NA	NA	0
g__Fibrobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Filifactor	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Finegoldia	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Firmicutes	0.00	NA	NA	NA	0
g__Flavobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Flavonifractor	0.00	NA	0.05	0.07	2
g__Fluviicola	NA	NA	0.00	NA	1
g__Fructobacillus	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Fusobacterium	0.00	0.07	0.14	0.12	3
g__Gardnerella	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Gemella	0.00	NA	0.03	0.03	2

raw-results

g__Geminicoccus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Gemmobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Geobacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Geodermatophilus	NA	NA	0.01	0.01	2
g__Glutamicibacter	NA	0.00	NA	NA	1
g__Granulicatella	0.00	0.00	0.00	0.01	3
g__Haemophilus	0.00	0.00	0.00	0.03	3
g__Hafnia	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Helcococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Helicobacter	0.00	NA	NA	NA	0
g__Herbaspirillum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Holdemanella	0.00	0.14	0.18	0.26	3
g__Holdemania	0.00	0.00	0.01	0.01	3
g__Hungatella	0.00	NA	0.01	0.01	2
g__Hymenobacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Hyphomicrobium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Intestinibacter	0.00	0.00	0.02	0.27	3
g__Intestinimonas	0.00	NA	0.01	0.13	2
g__Isoptericola	NA	NA	0.00	NA	1
g__Janibacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Janthinobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Johnsonella	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Kitasatospora	NA	NA	0.00	NA	1
g__Klebsiella	0.00	0.00	0.00	0.02	3
g__Kluyvera	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Knoellia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Kocuria	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Kosakonia	NA	0.00	NA	NA	1
g__Kurthia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Lachnoanaerobaculum	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Lachnoclostridium	0.00	1.36	2.73	1.23	3
g__Lachnospira	NA	0.77	0.76	1.63	3
g__Lachnospiraceae	0.02	NA	2.87	1.91	2
g__Lacticigenium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Lactobacillus	0.00	1.36	0.19	0.26	3
g__Lactococcus	0.00	0.19	0.23	0.19	3
g__Lautropia	0.00	NA	NA	0.00	1
g__Lawsonella	NA	NA	NA	0.00	1
g__Legionella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Leifsonia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Leminorella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Leptothrix	NA	NA	0.00	NA	1
g__Leptotrichia	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Leucobacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Leuconostoc	0.00	0.02	0.02	0.02	3
g__Levyella	0.00	NA	NA	NA	0
g__Libanicoccus	0.00	NA	NA	0.00	1
g__Listeria	NA	NA	0.00	NA	1
g__Luteibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Lysinibacillus	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Lysobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Macrococcus	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Mailhella	0.00	NA	NA	0.02	1
g__Mannheimia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Marinobacter	NA	NA	0.00	NA	1

raw-results

g__Marinococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Marinomonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Marmoricola	NA	NA	0.00	NA	1
g__Marvinbryantia	NA	0.05	0.85	0.13	3
g__Massilia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Massiliomicrobiota	0.00	NA	NA	NA	0
g__Megamonas	0.00	NA	0.39	0.34	2
g__Megasphaera	0.00	NA	0.66	0.68	2
g__Melissococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Merdibacter	0.00	NA	NA	0.00	1
g__Mesorhizobium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Methanobacterium	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Methanobrevibacter	0.01	0.69	1.08	0.93	3
g__Methanomassiliicoccus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Methanosphaera	0.00	0.01	0.06	0.06	3
g__Methylobacillus	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Methylobacterium	NA	0.00	0.01	0.00	3
g__Methylovorus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Microbacterium	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Micrococcus	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Microvirga	NA	NA	NA	0.00	1
g__Mitsuokella	0.00	NA	0.17	0.13	2
g__Mobiluncus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Modestobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Mogibacterium	0.00	0.07	0.08	0.07	3
g__Moraxella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Morganella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Mucilaginibacter	NA	NA	NA	0.00	1
g__Mucispirillum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Mycetocola	NA	NA	0.00	NA	1
g__Mycobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Mycoplasma	0.00	NA	NA	NA	0
g__Neglecta	0.00	NA	NA	NA	0
g__Neisseria	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Nesterenkonia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Niabella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Niameybacter	0.00	NA	NA	NA	0
g__Nitrobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Nocardioides	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Novosphingobium	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Oceanobacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Ochrobactrum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Odoribacter	0.00	NA	0.09	0.09	2
g__Olsenella	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Oribacterium	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Ornithinibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Oscillibacter	0.01	NA	0.02	0.14	2
g__Ottowia	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Oxalobacter	NA	NA	0.01	0.01	2
g__Paenibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Paeniclostridium	NA	0.00	NA	0.00	2
g__Paenirhodobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Paenisporosarcina	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pantoea	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Parabacteroides	0.00	0.58	0.45	0.41	3

raw-results

g__Paraclostridium	NA	0.00	NA	NA	1
g__Paracoccus	NA	1.77	NA	1.96	2
g__Paraprevotella	0.00	0.28	0.29	0.27	3
g__Parascardovia	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Parasutterella	0.00	NA	0.00	0.20	2
g__Parvimonas	0.00	NA	0.12	0.10	2
g__Pasteurella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Patulibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pectobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pediococcus	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Pedobacter	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Peptoclostridium	NA	0.00	0.12	NA	2
g__Peptoniphilus	0.00	NA	0.01	0.01	2
g__Peptostreptococcaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__Peptostreptococcus	0.00	0.00	0.05	0.04	3
g__Phascolarctobacterium	0.01	NA	1.05	1.30	2
g__Phenylobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Phocaeicola	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Photorhabdus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Phyllobacterium	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Planococcus	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Planomicrobium	NA	NA	0.01	NA	1
g__Pleomorphomonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Polaromonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Porphyromonadaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__Porphyromonas	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Prevotella	0.05	0.11	4.15	5.28	3
g__Prevotellaceae	NA	NA	0.11	0.10	2
g__Prochlorococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Propionibacterium	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Proteiniclasticum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Proteus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Providencia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pseudobutyrvibrio	NA	0.01	1.76	NA	2
g__Pseudoclavibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pseudoflavonifractor	0.00	NA	NA	0.00	1
g__Pseudomonas	0.00	0.00	0.25	0.00	3
g__Pseudoramibacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Pseudoxanthomonas	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Psychrobacter	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Pyramidobacter	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Rahnella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Ralstonia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Raoultella	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Rheinheimera	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rhizobium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rhodobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rhodococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rhodopseudomonas	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Rhodovulum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rikenella	NA	0.00	NA	0.00	2
g__Robinsoniella	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Roseburia	0.02	2.35	1.69	0.81	3
g__Roseobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Roseomonas	NA	NA	0.00	0.00	2

raw-results

g__Roseovarius	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rothia	0.00	0.01	0.01	0.01	3
g__Rubellimicrobium	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Rubrivivax	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rubrobacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Ruminiclostridium	0.01	0.08	1.44	0.79	3
g__Ruminococcaceae	0.00	NA	5.54	5.94	2
g__Ruminococcus	0.08	5.25	7.03	7.55	3
g__Salmonella	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Scardovia	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Segetibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Selenomonas	0.00	NA	0.00	0.01	2
g__Senegalimassilia	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Serratia	0.00	NA	0.07	NA	1
g__Shewanella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Shimwellia	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Shuttleworthia	NA	NA	0.00	0.01	2
g__Simplicispira	NA	NA	0.00	NA	1
g__Slackia	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Smithella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sodalis	NA	NA	0.00	NA	1
g__Solibacillus	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Solobacterium	0.00	0.02	0.03	0.02	3
g__Sphingobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sphingobium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sphingomonas	NA	4.69	4.05	4.97	3
g__Sphingopyxis	NA	NA	0.00	NA	1
g__Spirosoma	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Sporosarcina	0.00	0.00	0.00	NA	2
g__Staphylococcus	0.00	0.00	0.01	0.01	3
g__Stenotrophomonas	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Stomatobaculum	0.00	NA	0.00	0.00	2
g__Streptococcus	0.03	3.24	4.44	4.04	3
g__Streptomyces	NA	NA	0.00	NA	1
g__Subdoligranulum	0.00	2.40	2.09	2.30	3
g__Succinatimonas	0.00	0.00	0.01	0.01	3
g__Succinivibrio	0.00	0.24	0.00	0.25	3
g__Sulfitobacter	NA	6.77	NA	NA	1
g__Sutterella	0.00	NA	0.20	0.15	2
g__Synergistes	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Tatumella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Terrisporobacter	0.00	NA	0.04	0.06	2
g__Tetragenococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Tetrasphaera	NA	NA	0.00	NA	1
g__Thalassospira	NA	NA	0.06	NA	1
g__Thauera	NA	NA	0.00	NA	1
g__Thermicanus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Tissierella	0.00	NA	NA	NA	0
g__Trabulsiella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Treponema	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Tropheryma	0.00	NA	0.00	NA	1
g__Truepera	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Turicibacter	0.00	0.05	0.00	0.06	3
g__Tyzzerella	0.00	0.06	0.07	0.12	3
g__unknown	0.02	NA	NA	NA	0

raw-results					
g__unknown Atopobiaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Bacillales	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Bacilli	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Bacteria	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Bacteroidaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Bacteroidales	0.01	NA	NA	NA	0
g__unknown Burkholderiales	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown candidatus Saccharibacteria	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown cellular organisms	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Clostridia	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Clostridiaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Clostridiales	0.13	NA	NA	NA	0
g__unknown Clostridiales Family XIII. Incertae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Comamonadaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Dehalococcoidales	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Eggerthellaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Eggerthellales	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Enterobacterales	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Erysipelotrichaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Firmicutes	0.03	NA	NA	NA	0
g__unknown Flavobacteriia	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Lachnospiraceae	0.01	NA	NA	NA	0
g__unknown Lactobacillales	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Lentisphaerae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Methanomicrobia	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Pasteurellaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Peptostreptococcaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Prevotellaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Rhodospirillaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Ruminococcaceae	0.01	NA	NA	NA	0
g__unknown Sutterellaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Synergistaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Tenericutes	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Veillonellaceae	0.00	NA	NA	NA	0
g__unknown Verrucomicrobia	0.00	NA	NA	NA	0
g__Ureibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Vagococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Varibaculum	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Variovorax	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Veillonella	0.00	NA	0.10	0.10	2
g__Vibrio	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Virgibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Weissella	0.00	0.00	0.00	0.00	3
g__Xanthobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Xanthomonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Xenorhabdus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Yersinia	NA	NA	0.00	NA	1
	196	NA	NA	0.00	1
	306	NA	NA	0.00	1
	822	NA	NA	0.00	1
g__	NA	NA	0.24	NA	1
g__28-4	NA	NA	NA	0.03	1
g__Acetanaerobacterium	NA	0.00	0.00	0.01	3
g__Acetatifactor	NA	0.00	NA	NA	1
g__Acetitomaculum	NA	0.00	0.01	NA	2

raw-results

g__Aeribacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Aeriscardovia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Agathobacter	NA	NA	NA	1.63	1
g__Albidovulum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Allisonella	NA	NA	0.01	0.01	2
g__alpha-proteobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Altererythrobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Amaricoccus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Anaerofilum	NA	0.01	0.01	0.05	3
g__Anaeroplasma	NA	0.00	NA	0.09	2
g__Anaerosporeobacter	NA	0.03	0.00	NA	2
g__Angelakisella	NA	NA	NA	0.02	1
g__Arabidopsis	NA	NA	0.00	NA	1
g__Artemisia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Asaccharospora	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Asteroleplasma	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Atlantibacter	NA	NA	NA	0.00	1
g__bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Bergeriella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Blastocatella	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Blastocystis	NA	NA	0.00	NA	1
g__CAG-352	NA	NA	NA	0.21	1
g__CAG-56	NA	NA	NA	0.12	1
g__CAG-873	NA	NA	NA	0.00	1
g__Candidatus	NA	NA	0.01	NA	1
g__Candidatus_Soleaferrea	NA	0.00	NA	0.01	2
g__Candidatus_Stoquefichus	NA	NA	NA	0.00	1
g__Caproiciproducens	NA	0.04	NA	0.01	2
g__Carica	NA	NA	0.00	NA	1
g__Caryophanon	NA	NA	0.00	NA	1
g__Catabacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Catenibacterium	NA	0.00	0.27	0.22	3
g__Catenisphaera	NA	0.07	NA	0.13	2
g__CENA359	NA	NA	NA	0.00	1
g__Cerasicoccus	NA	0.00	NA	NA	1
g__CHKCI002	NA	NA	NA	0.00	1
g__Chlorochromatium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Christensenella	NA	0.00	0.00	0.89	3
g__Christensenellaceae	NA	NA	1.38	NA	1
g__Chryseomicrobium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Chungangia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Cloacibacillus	NA	0.04	0.07	0.05	3
g__Cloacibacterium	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Clostridiales-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Coproacter	NA	0.03	0.03	0.04	3
g__Coriobacteriaceae_UCG	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Cuneatibacter	NA	NA	NA	0.00	1
g__Defluviitaleaceae	NA	NA	0.04	0.02	2
g__Domibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Donghicola	NA	NA	0.00	NA	1
g__DTU089	NA	NA	NA	0.01	1
g__Eisenbergiella	NA	0.03	0.01	0.05	3
g__Eutrema	NA	NA	0.00	NA	1
g__Extensimonas	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Ezakiella	NA	NA	0.00	0.00	2

raw-results

g_F0332	NA	NA	NA	0.00	1
g_Family	NA	NA	0.28	NA	1
g_Family_XIII_AD3011_group	NA	NA	NA	0.24	1
g_Family_XIII_UCG-001	NA	NA	NA	0.04	1
g_Fastidiosipila	NA	0.00	0.00	NA	2
g_Flavisolibacter	NA	NA	NA	0.00	1
g_Fournierella	NA	NA	NA	0.03	1
g_Fretibacterium	NA	0.00	0.00	0.00	3
g_Frigoribacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g_Fusicatenibacter	NA	0.65	0.88	0.67	3
g_Gallicola	NA	NA	0.00	NA	1
g_GCA-900066225	NA	NA	NA	0.04	1
g_GCA-900066575	NA	NA	NA	0.05	1
g_GCA-900066755	NA	NA	NA	0.00	1
g_Gelria	NA	0.00	0.00	NA	2
g_Georgenia	NA	NA	0.00	NA	1
g_Gordonibacter	NA	NA	0.00	0.00	2
g_Hafnia-Obesumbacterium	NA	NA	NA	0.05	1
g_Harryflintia	NA	NA	NA	0.00	1
g_Hedyosmum	NA	NA	0.00	NA	1
g_Herbinix	NA	NA	NA	0.00	1
g_Hespellia	NA	NA	0.00	NA	1
g_Howardella	NA	NA	0.05	0.06	2
g_Hydrogenoanaerobacterium	NA	NA	0.00	0.00	2
g_Ideonella	NA	NA	0.00	NA	1
g_Incertae	NA	NA	1.64	NA	1
g_Isobaculum	NA	NA	0.00	NA	1
g_Jeotgalibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g_Lactonifactor	NA	NA	0.02	0.00	2
g_Lupinus	NA	NA	0.00	NA	1
g_Lutispora	NA	NA	0.00	NA	1
g_Marinilactibacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g_Marinovum	NA	NA	0.00	NA	1
g_Metascardovia	NA	NA	0.00	NA	1
g_methanogenic	NA	NA	0.01	NA	1
g_Microbacter	NA	NA	0.00	NA	1
g_Mobilitalea	NA	0.00	0.00	NA	2
g_Moryella	NA	0.08	0.01	0.00	3
g_Murdochiella	NA	NA	0.00	0.00	2
g_Musa	NA	NA	0.00	NA	1
g_NA	NA	42.27	NA	10.60	2
g_Natranaerovirga	NA	NA	0.00	NA	1
g_Negativibacillus	NA	NA	NA	0.11	1
g_Negativicoccus	NA	NA	0.00	NA	1
g_Noviherbaspirillum	NA	NA	0.00	NA	1
g_Oenothera	NA	NA	0.00	NA	1
g_Oscillospira	NA	0.20	0.01	0.02	3
g_Paenalcaligenes	NA	NA	0.00	NA	1
g_Panax	NA	NA	0.00	NA	1
g_Pantalaninema_CENA516	NA	NA	NA	0.00	1
g_Papillibacter	NA	0.01	0.00	0.00	3
g_Paracoccus	NA	NA	0.03	NA	1
g_Paraeggerthella	NA	NA	0.00	NA	1
g_Paraherbaspirillum	NA	NA	NA	0.00	1
g_Parasporobacterium	NA	NA	0.00	NA	1

raw-results

g__Parvibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Paucibacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Paucimonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pectinatus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pelomonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pelospora	NA	NA	NA	0.00	1
g__Peptococcus	NA	0.00	0.05	0.03	3
g__Phoceia	NA	NA	NA	0.00	1
g__Phreatobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Phytophthora	NA	NA	0.00	NA	1
g__Plesiomonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__PMMR1	NA	NA	NA	0.00	1
g__Porphyromonadaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__possible	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pragia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Prunus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pseudacidovorax	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pseudochrobactrum	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pseudoscandia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Psychrobacillus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Pygmaibacter	NA	NA	NA	0.00	1
g__Raoultibacter	NA	NA	NA	0.00	1
g__Rarobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__RB41	NA	NA	NA	0.00	1
g__Rikenellaceae	NA	NA	0.08	0.05	2
g__Romboutsia	NA	NA	0.58	0.54	2
g__Rosenbergiella	NA	0.00	NA	0.00	2
g__Roseococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__Rubrivirga	NA	NA	NA	0.00	1
g__Salinibacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sanguibacteroides	NA	NA	NA	0.00	1
g__Sarcina	NA	NA	0.08	NA	1
g__Schwartzia	NA	NA	0.00	NA	1
g__Scytonema_UTEX_2349	NA	NA	NA	0.00	1
g__Sellimonas	NA	0.02	NA	0.14	2
g__Shigella	NA	0.00	NA	NA	1
g__Solirubrobacter	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sphingaurantiacus	NA	NA	NA	0.00	1
g__Sphingomonadaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sphingosinicella	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sporacetigenium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Sporobacter	NA	0.00	0.00	0.00	3
g__Stakelama	NA	NA	0.00	NA	1
g__Succinoclasticum	NA	NA	0.00	0.00	2
g__Sulfurifustis	NA	0.00	NA	NA	1
g__Syntrophococcus	NA	0.00	0.00	0.02	3
g__Tepidimonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__Thiopropfundum	NA	0.00	NA	NA	1
g__Trichococcus	NA	0.00	0.00	NA	2
g__Tropicimonas	NA	NA	0.00	NA	1
g__UBA1819	NA	NA	NA	0.10	1
g__UC5-1-2E3	NA	NA	NA	0.00	1
g__uncultured	NA	NA	1.97	NA	1
g__uncultured-alpha-proteobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-archaeon	NA	NA	0.00	NA	1

raw-results					
g__uncultured-bacterium	NA	NA	0.33	NA	1
g__uncultured-Bacteroidales-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-endolithic-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Enterococcaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Enterococcus	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Firmicutes-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Fusobacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Klebsiella	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Lachnospira	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Lactobacillales-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-organism	NA	NA	0.02	NA	1
g__uncultured-Porphyromonadaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Prevotellaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-rumen-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Sphingomonadaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Streptococcaceae-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__uncultured-Thermoanaerobacterales-bacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__Undibacterium	NA	NA	0.00	NA	1
g__unidentified	NA	NA	0.00	NA	1
g__Victivallis	NA	0.01	0.02	0.01	3
g__Zea	NA	NA	0.00	NA	1
s__[Eubacterium] brachy	NA	0.00	NA	NA	1
s__[Eubacterium] infirmum	NA	0.00	NA	NA	1
s__[Eubacterium] sulci	NA	0.00	NA	NA	1
s__Lachnospiraceae bacterium 8_1_57FAA	NA	0.33	NA	NA	1
s__Lachnospiraceae bacterium 9_1_43BFAA	NA	0.01	NA	NA	1
s__Peptostreptococcaceae bacterium canine oral taxon 333	NA	0.00	NA	NA	1
s__Peptostreptococcaceae bacterium feline oral taxon 064	NA	0.01	NA	NA	1
s__Prevotellaceae bacterium DJF_CR21k6	NA	0.06	NA	NA	1
s__Prevotellaceae bacterium DJF_CR25	NA	0.03	NA	NA	1
s__Prevotellaceae bacterium DJF_RP17	NA	1.08	NA	NA	1
s__uncultured Christensenellaceae bacterium	NA	0.38	NA	NA	1
s__uncultured Clostridiales Family XIII bacterium	NA	0.01	NA	NA	1
s__uncultured Erysipelotrichaceae bacterium	NA	0.00	NA	NA	1
s__uncultured Eubacteriaceae bacterium	NA	0.00	NA	NA	1
s__uncultured Lachnospiraceae bacterium	NA	0.01	NA	NA	1
s__uncultured Peptococcaceae bacterium	NA	0.00	NA	NA	1
s__uncultured Prevotellaceae bacterium	NA	0.84	NA	NA	1
s__uncultured Ruminococcaceae bacterium	NA	0.37	NA	NA	1