

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>0001	dnaA	SAUR0001 (SAR_RS00005)	0.81	0.07	1.10	0.73	0.00	1.03	0.81	0.07	1.10
>0002	dnaN	SAUR0002 (SAR_RS00010)	0.71	0.09	0.27	0.71	0.09	0.27	0.88	0.27	0.44
>0003	yaaA	SAUR0003 (SAR_RS00015)	0.41	0.00	0.41	0.41	0.00	0.41	0.41	0.00	0.41
>0004	recF	SAUR0004 (SAR_RS00020)	0.18	0.09	0.36	0.18	0.09	0.36	0.18	0.09	0.36
>0005	gyrB	SAUR0005 (SAR_RS00025)	0.47	0.00	0.62	0.47	0.00	0.62	0.47	0.00	0.62
>0006	gyrA	SAUR0006 (SAR_RS00030)	0.34	1.27	0.67	1.61	0.07	1.65	1.61	0.07	1.65
>0007	nnrD	SAUR0007 (SAR_RS00035)	0.12	1.68	0.24	1.56	0.00	1.68	1.56	0.00	1.68
>0008	hutH	SAUR0008 (SAR_RS00040)	0.00	1.32	0.62	1.32	0.00	1.32	1.39	0.07	1.39
>0009	serS	SAUR0009 (SAR_RS00045)	0.00	0.62	0.66	0.62	0.00	0.47	0.70	0.08	0.54
>0010	atcYygaZ	SAUR0010 (SAR_RS00050)	0.58	1.58	0.29	1.58	0.00	1.58	1.58	0.00	1.58
>0011	aztD	SAUR0011 (SAR_RS00055)	0.00	1.21	1.21	1.52	0.30	1.52	1.52	0.30	1.52
>0012	metX	SAUR0012 (SAR_RS00060)	0.10	2.27	1.65	2.00	2.17	2.99	2.17	0.00	2.99
>0013	yybS=DUF2232	SAUR0013 (SAR_RS00065)	0.11	0.76	0.54	0.65	0.00	0.43	0.65	0.00	0.43
>0014	gdpP	SAUR0014 (SAR_RS00070)	0.00	1.22	0.66	1.22	0.00	1.27	1.22	0.00	1.27
>0015	rplI	SAUR0015 (SAR_RS00075)	0.00	0.67	0.45	0.67	0.00	0.67	0.67	0.00	0.67
>0016	dnaC	SAUR0016 (SAR_RS00080)	0.00	1.28	0.86	1.28	0.00	1.86	1.28	0.00	1.86
>0017	purA	SAUR0017 (SAR_RS00085)	0.00	2.26	0.47	2.26	0.00	2.57	2.26	0.00	2.57
>0018	walR=yycF=vicR	SAUR0020 (SAR_RS00100)	0.00	1.00	1.00	1.00	0.00	1.14	1.14	0.14	1.28
>0019	walK	SAUR0021 (SAR_RS00105)	0.00	0.71	0.66	0.71	0.00	0.60	0.82	0.11	0.71
>0020	walH=yycH	SAUR0022 (SAR_RS00110)	0.07	1.12	0.75	1.05	0.15	1.12	1.05	0.15	1.12
>0021	walI=yycI	SAUR0023 (SAR_RS00115)	0.13	1.27	0.51	1.39	0.00	1.01	1.39	0.00	1.01
>0022	walJ=yycJ	SAUR0024 (SAR_RS00120)	0.00	0.87	1.12	0.87	0.00	1.00	0.87	0.00	1.00
>0023	asfH=adsA	SAUR0025 (SAR_RS00125)	0.00	2.29	1.29	2.29	0.00	1.90	2.33	0.04	1.94
>0024	orfR	SAUR0026 (SAR_RS00130)	0.00	2.42	2.50	2.42	1.25	2.08	2.71	0.00	2.29
>0031	C1PH96	(N/A)	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0036	lrcP	(N/A)	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.24	>=5.00	>=5.00	0.24	>=5.00
>0037	GOLPRS	(N/A)	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00
>0043	hdsR2_CC22/93/425	(N/A)	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00
>0055	Q6GD44	(N/A)	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0056	DUF81-GI	(N/A)	0.13	0.66	0.26	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0057	cttB-GI	(N/A)	0.15	0.84	0.56	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0058	cttA-GI	(N/A)	1.31	0.84	0.56	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0059	cttB-GI	(N/A)	0.00	0.45	0.37	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0060	sqm=fcB	(N/A)	0.00	1.01	0.67	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0061	dusC	(N/A)	0.00	1.32	1.32	1.42	0.51	1.52	1.52	0.61	1.62
>0062	A6TXM6=DUF6007	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0063	A6QD71	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	4.62	>=5.00	0.00	4.62
>0069	QSHU2	(N/A)	0.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0070	Q6GD34	(N/A)	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00
>0071	A6QD75	(N/A)	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00
>0076	Q6GKK6	(N/A)	0.00	4.08	>=5.00	4.25	0.16	>=5.00	4.25	0.16	>=5.00
>0077	Q7A890	(N/A)	0.00	4.69	2.89	4.66	0.03	3.96	4.72	0.10	4.03
>0079	Q2YU72=yyt2	SAUR2960	0.41	2.48	1.86	2.48	0.00	2.69	2.48	0.00	2.69
>0080	plc	SAUR2961 (plc)	0.00	2.74	3.14	2.74	0.00	4.46	2.74	0.00	4.46
>0081	Q8MYT6	SAUR2962	0.00	3.04	1.52	2.95	0.04	2.95	2.98	0.00	1.82
>0082	Q8MYT5	SAUR2963	0.17	1.53	0.76	1.69	0.24	1.61	1.53	0.17	1.44
>0083	norC	SAUR2964	0.00	3.02	1.37	3.10	0.22	3.10	3.10	0.22	3.10
>0084	nptA	SAUR2965	0.00	0.90	0.36	0.90	0.00	1.14	0.90	0.00	1.14
>0085	Q2YU55	SAUR2966	0.00	3.83	0.79	3.83	0.00	3.66	3.89	0.06	3.72
>0086	DUF1648	SAUR1006 (SAR_RS00530)	0.21	0.84	0.21	0.42	0.21	0.42	0.42	0.21	0.42
>0087	icfP-locus1	SAUR1007 (SAR_RS00535)	0.13	1.13	1.00	1.32	0.06	0.56	1.26	0.00	0.50
>0088	spa	(N/A)	3.53	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0089	sarS	SAUR1009 (SAR_RS00545)	0.13	0.53	0.13	0.65	0.00	0.66	0.66	0.00	0.66
>0090	sirC	SAUR1010 (SAR_RS00550)	0.00	0.40	0.30	0.40	0.30	0.20	0.20	0.10	0.30
>0091	sirB	SAUR1011 (SAR_RS00555)	0.00	0.90	0.20	0.80	0.10	0.80	0.80	0.10	0.80
>0092	sirA	SAUR1012 (SAR_RS00560)	0.00	0.20	0.30	0.20	0.00	0.30	0.20	0.00	0.30
>0093	sbnA=ycyK/L1	SAUR1013 (SAR_RS00565)	0.00	0.41	0.10	0.41	0.00	0.31	0.41	0.00	0.31
>0094	sbnB	SAUR1014 (SAR_RS00570)	0.00	0.99	0.49	0.99	0.00	0.69	0.99	0.00	0.69
>0095	sbnC	SAUR1015 (SAR_RS00575)	0.06	1.60	1.08	1.65	0.11	1.88	1.60	0.06	1.82
>0096	sbnD	SAUR1016 (SAR_RS00580)	0.00	1.35	0.99	1.35	0.99	1.35	1.35	0.99	1.35
>0097	sbnE	SAUR1017 (SAR_RS00585)	0.06	2.01	1.04	1.96	0.00	2.01	2.01	0.06	2.07
>0098	sbnF=ucC	SAUR1018 (SAR_RS00590)	0.06	1.67	0.34	1.78	0.06	1.72	1.78	0.06	1.72
>0099	sbnG	SAUR1019 (SAR_RS00595)	0.00	1.29	0.13	1.42	0.13	1.54	1.29	0.00	1.42
>0100	sbnH	SAUR1020 (SAR_RS00600)	0.00	1.75	0.75	1.75	0.17	2.00	1.75	0.17	2.00
>0101	sbnI	SAUR1021 (SAR_RS00605)	0.13	0.13	0.26	0.26	0.00	0.13	0.26	0.00	0.13
>0102	QSHU3	(N/A)	0.00	>=5.00	0.38	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0103	butA	SAUR1024 (SAR_RS00620)	0.00	0.77	0.13	0.77	0.00	0.90	0.77	0.00	0.90
>0104	QSHIL8=galE	SAUR1026 (SAR_RS00630)	0.00	1.13	0.31	1.03	0.10	0.72	1.03	0.10	0.72
>0105	wcaJ=tsaA	SAUR1027 (SAR_RS00635)	0.00	4.47	0.14	4.62	0.14	4.76	4.76	0.29	4.91
>0106	epsF	SAUR1028 (SAR_RS00640)	0.00	0.86	0.34	0.77	0.09	1.11	0.77	0.09	1.11
>0107	wzy	SAUR1029 (SAR_RS00645)	0.08	2.58	1.41	2.42	0.08	1.94	2.42	0.08	1.94
>0108	wzx	SAUR1030 (SAR_RS00650)	0.07	1.26	1.75	1.33	0.00	2.24	1.33	0.00	2.24
>0109	capB-L1	SAUR1031 (SAR_RS00655)	0.17	1.03	0.63	1.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0110	capD	(N/A)	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0111	QSHJN3	SAUR1033 (SAR_RS00665)	0.00	0.93	0.40	0.93	0.00	1.06	0.93	0.00	1.06
>0112	deoD-L1	SAUR1035 (SAR_RS00675)	0.00	0.71	0.28	0.71	0.00	0.99	0.71	0.00	0.99
>0113	tet(38)=morB2	SAUR1036 (SAR_RS00680)	0.07	1.63	0.52	1.48	0.07	1.48	1.63	0.22	1.55
>0114	deoC-L1	SAUR1039 (SAR_RS00690)	0.30	1.21	0.75	1.06	0.15	1.21	1.06	0.15	1.21
>0115	deoB	SAUR1038 (SAR_RS00690)	0.08	0.59	0.51	0.51	0.00	0.76	0.51	0.00	0.76
>0116	phnE2	SAUR1039 (SAR_RS00695)	0.00	1.47	0.61	1.59	0.12	1.72	1.59	0.12	1.72
>0117	phnE1	SAUR1040 (SAR_RS00700)	0.00	1.75	1.00	1.59	0.62	1.37	1.59	0.62	1.37
>0118	phnC	SAUR1041 (SAR_RS00705)	0.26	1.94	1.03	1.68	0.00	2.45	1.68	0.00	2.45
>0119	phnB	SAUR1042 (SAR_RS00710)	0.00	1.15	0.42	1.15	0.00	1.36	1.15	0.00	1.36
>0120	QSHJM4	SAUR1043 (SAR_RS00715)	0.00	1.17	0.06	1.10	0.06	1.17	1.17	0.13	1.23
>0121	cpdB	SAUR1044 (SAR_RS00720)	0.13	1.43	0.00	1.50	0.20	1.37	1.50	0.20	1.37
>0122	Q1Y489	(N/A)	0.09	>=5.00	0.77	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0123	wdhE	SAUR1047 (SAR_RS00735)	0.00	0.80	0.80	0.77	0.08	0.65	0.61	0.23	0.80
>0124	capL-L1	SAUR1048 (SAR_RS00740)	0.00	0.45	0.00	0.45	0.00	0.45	0.00	0.00	0.15
>0125	capB-L1	SAUR1049 (SAR_RS00745)	0.00	3.06	0.00	3.20	0.15	3.20	0.00	3.06	0.00
>0126	capC-L1	SAUR1050 (SAR_RS00750)	0.00	0.52	0.00	0.39	0.13	0.39	0.13	0.65	0.13
>0127	capD	SAUR1051 (SAR_RS00755)	0.05	1.77	0.49	0.77	0.16	1.10	0.05	0.77	0.49
>0128	capE	SAUR1052 (SAR_RS00760)	0.00	0.97	0.29	0.97	0.00	0.68	0.00	0.97	0.29
>0129	capF	SAUR1053 (SAR_RS00765)	0.00	1.80	0.99	1.80	0.00	1.71	0.00	1.80	0.99
>0130	capG	SAUR1054 (SAR_RS00770)	0.00	1.07	0.44	1.07	0.18	0.80	0.98	0.27	0.71
>0131	capH	(N/A)	0.00	>=5.00	0.74	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0132	capI	(N/A)	0.00	>=5.00	0.64	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00
>0133	capJ	(N/A)	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.26	>=5.00
>0134	capK	(N/A)	0.00								

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>0185	hptA	SAUR0213 (SAR_RS01065)	0.10	1.65	1.24	1.86	0.31	1.55	1.65	0.10	1.34
>0186	pfllB	SAUR0214 (SAR_RS01070)	0.00	0.49	0.44	0.53	0.04	0.40	0.53	0.04	0.40
>0187	pfllA	SAUR0215 (SAR_RS01075)	0.00	0.00	0.26	0.00	0.00	0.26	0.00	0.00	0.26
>0188	Q2YV51	SAUR0216 (SAR_RS01080)	0.00	>5.00	0.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	>5.00	>5.00
>0189	glpQ1	SAUR0217 (SAR_RS01085)	0.00	0.91	0.68	0.85	0.06	1.08	0.85	0.06	1.08
>0190	Q2YV49	SAUR0218 (SAR_RS01090)	0.00	1.16	1.16	1.16	0.00	1.74	1.16	0.00	1.74
>0191	coa	(N/A)	3.87	>5.00	>5.00	>5.00	0.19	>5.00	>5.00	>5.00	>5.00
>0192	fadA	SAUR0222 (SAR_RS01110)	0.00	0.84	1.01	0.84	0.00	1.27	0.84	0.00	1.27
>0193	fadB	SAUR0223 (SAR_RS01115)	0.00	1.02	1.06	1.02	0.00	0.93	1.02	0.00	0.93
>0194	fadD	SAUR0224 (SAR_RS01120)	0.08	1.40	0.66	1.40	0.08	0.99	1.40	0.08	0.99
>0195	fadE	SAUR0225 (SAR_RS01125)	0.00	>5.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00
>0196	fadX	SAUR0226 (SAR_RS01130)	1.01	0.95	0.63	1.08	1.96	1.96	1.96	0.00	1.08
>0197	prfW=prfS	(N/A)	0.09	>5.00	0.79	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00
>0198	nikA	SAUR0229 (SAR_RS01145)	0.07	1.42	0.61	1.56	0.27	1.42	1.42	0.14	1.29
>0199	DUF0488	SAUR0230 (SAR_RS01150)	0.00	1.40	1.96	1.40	0.00	1.68	1.40	0.00	1.68
>0200	QSHJ09	SAUR0231 (SAR_RS01155)	0.00	>5.00	>5.00	>5.00	0.00	2.30	>5.00	0.00	2.30
>0201	hmp	SAUR0232 (SAR_RS01160)	0.00	2.62	0.17	2.53	0.09	2.71	2.53	0.09	2.71
>0202	hct	SAUR0234 (SAR_RS01170)	0.10	0.24	0.10	0.31	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31
>0203	ptsI=ptsIPIBC	SAUR0236 (SAR_RS01180)	0.07	0.65	0.26	0.98	0.07	0.98	0.78	0.07	0.98
>0204	rhlA	SAUR0237 (SAR_RS01185)	0.11	1.39	0.53	1.28	0.00	0.96	1.28	0.00	0.96
>0205	bgIG=licR	SAUR2967	0.00	0.95	0.86	0.95	0.10	0.86	0.91	0.05	0.81
>0206	QSHJ02	(N/A)	0.00	0.64	1.07	0.64	0.00	0.43	0.64	0.00	0.43
>0207	QSHJ01=gatB1	SAUR2968	0.00	0.72	0.00	0.72	0.00	0.72	0.72	0.36	0.72
>0208	Q2GZC=gatC1	SAUR2969	0.00	0.71	0.40	0.79	0.08	1.03	0.71	0.00	0.95
>0209	gutB	SAUR2970 (gutB)	0.00	1.33	0.47	1.33	0.00	1.33	1.33	0.00	1.33
>0210	QSHJ07	SAUR2971	0.00	2.04	1.36	2.04	0.00	0.68	2.04	0.00	0.68
>0211	QSHJ06	SAUR2972	0.00	1.05	1.63	0.86	0.19	1.92	0.86	0.19	1.52
>0212	tarI1=ispD1	(N/A)	0.00	0.84	2.79	0.00	0.84	2.79	0.00	0.84	2.79
>0213	tarJ1	SAUR2973	0.00	0.78	2.14	0.00	0.78	2.14	0.00	0.78	2.14
>0214	tarL1	SAUR2974	0.06	2.30	1.24	0.06	2.30	1.24	0.06	2.30	1.24
>0215	tarF	SAUR2975	0.17	1.62	0.26	0.00	1.45	0.09	0.00	1.45	0.09
>0216	tarJ2=gutB	SAUR2976	0.00	0.24	0.00	0.68	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0217	tarL1=tafB/F	SAUR2977	0.00	0.41	0.06	0.07	0.12	0.06	0.12	0.06	0.12
>0218	tarS	SAUR2940	>5.00	1.16	0.17	>5.00	1.22	0.23	>5.00	1.16	0.17
>0219	lytS	SAUR0256 (SAR_RS01280)	0.00	0.40	>5.00	0.00	0.40	>5.00	0.00	0.40	>5.00
>0220	lytR	SAUR0257 (SAR_RS01285)	0.00	0.94	0.00	0.00	0.94	0.00	0.00	0.94	0.00
>0221	lrgA	SAUR0258 (SAR_RS01290)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0222	lrgA	SAUR0259 (SAR_RS01295)	0.00	0.57	0.14	0.14	0.57	0.14	0.00	0.57	0.14
>0223	QSHJ02	SAUR0261 (SAR_RS01305)	0.00	1.14	0.14	0.00	1.13	0.14	0.13	0.14	0.14
>0224	Q1YAD5=ptsG3	SAUR0262 (SAR_RS01310)	0.13	>5.00	2.02	0.13	0.57	2.02	0.13	>5.00	2.02
>0225	bgIA	SAUR0263 (SAR_RS01315)	0.07	1.60	0.97	0.00	1.53	0.90	0.00	1.53	0.90
>0226	rbxK	SAUR0267 (SAR_RS01335)	0.00	1.09	0.66	0.00	1.09	0.66	0.00	1.09	0.66
>0227	rbxJ	SAUR0268 (SAR_RS01340)	0.00	1.73	1.48	0.00	1.73	1.48	0.00	1.73	1.48
>0228	rbxU	SAUR0269 (SAR_RS01345)	0.00	2.61	1.47	0.00	2.61	1.47	0.00	2.61	1.47
>0229	rbxH=degA	SAUR0270 (SAR_RS01350)	0.00	2.00	1.50	0.00	2.00	1.50	0.00	2.00	1.50
>0230	yyxJ	SAUR0273 (SAR_RS01365)	0.00	1.43	0.80	>5.00	0.80	>5.00	0.00	0.80	0.80
>0231	yyeI	SAUR0274 (SAR_RS01370)	0.00	0.81	0.50	0.00	0.81	0.50	0.00	0.81	0.50
>0232	lytM	SAUR0275 (SAR_RS01375)	0.00	1.47	0.21	0.00	1.47	0.21	0.00	1.47	0.21
>0233	QSHJ98=ybhF	SAUR0276 (SAR_RS01380)	0.00	0.91	0.15	0.00	0.91	0.15	0.00	0.91	0.15
>0234	QSHJ97	SAUR0277 (SAR_RS01385)	0.11	0.76	>5.00	0.00	0.65	>5.00	0.11	0.76	>5.00
>0235	QSHJ96	SAUR0278 (SAR_RS01390)	0.00	1.11	1.03	0.00	1.11	1.03	0.00	1.11	1.03
>0236	QSHJ95	SAUR0279 (SAR_RS01395)	0.13	0.66	0.66	0.20	0.72	0.72	0.26	0.79	0.79
>0237	esaA	SAUR0280 (SAR_RS01400)	0.00	1.00	0.78	0.00	1.00	0.78	0.00	1.00	0.78
>0238	esaA	SAUR0281 (SAR_RS01405)	0.00	0.34	0.00	0.34	0.00	0.00	0.34	0.00	0.00
>0239	esaA	SAUR0282 (SAR_RS01410)	0.03	1.06	0.86	0.03	1.06	0.86	0.03	1.06	0.86
>0240	esaA	SAUR2978	0.00	0.44	0.00	0.00	0.44	0.00	0.00	0.44	0.00
>0241	esaB	SAUR0284 (SAR_RS01420)	0.00	1.23	0.00	0.00	1.23	0.00	0.00	1.23	0.00
>0242	esaB	SAUR0285 (SAR_RS01425)	0.00	0.67	0.60	0.07	0.75	0.67	0.00	0.67	0.60
>0243	essC	SAUR0286 (SAR_RS01430)	0.05	0.92	0.79	0.00	0.88	0.79	0.00	0.88	0.79
>0244	evxH	(N/A)	0.00	0.63	0.63	0.00	0.63	0.63	0.00	0.63	0.63
>0245	Q1YAD5=DUF4467	SAUR2979	>5.00	>5.00	>5.00	1.47	1.47	>5.00	>5.00	>5.00	>5.00
>0246	Q2G173=DUF4064	(N/A)	0.00	1.25	0.50	0.00	1.25	0.50	0.00	1.25	0.50
>0247	focA-L1=mirC	SAUR0301 (SAR_RS01505)	0.00	1.82	2.18	0.12	1.94	2.30	0.00	1.82	2.18
>0248	brnQ2	SAUR0302 (SAR_RS01510)	0.08	>5.00	1.30	0.23	>5.00	1.45	0.23	>5.00	1.45
>0249	Q99W50=sapS	SAUR0303 (SAR_RS01515)	0.00	0.90	0.34	0.00	0.90	0.34	0.00	0.90	0.34
>0250	Q2G168	SAUR0305 (SAR_RS01525)	1.33	1.90	2.10	0.00	0.57	0.76	0.00	0.57	0.76
>0251	ASIP06	SAUR0306 (SAR_RS01530)	0.00	1.03	1.03	0.00	1.03	1.03	0.00	1.03	1.03
>0252	pfvR	SAUR0307 (SAR_RS01535)	0.00	1.45	1.45	0.00	1.45	1.45	0.00	1.45	1.45
>0253	QSHJ57	SAUR0308 (SAR_RS01540)	0.09	0.27	>5.00	0.00	0.18	>5.00	0.00	0.18	>5.00
>0254	psuG	SAUR0309 (SAR_RS01545)	0.00	1.84	>5.00	0.00	1.84	>5.00	0.00	1.84	>5.00
>0255	nupC2	SAUR0310 (SAR_RS01550)	0.00	1.15	>5.00	0.00	1.15	>5.00	0.00	1.15	>5.00
>0256	nanT	SAUR0311 (SAR_RS01555)	0.00	3.39	1.50	0.07	3.46	1.57	0.00	3.39	1.50
>0257	nanA	SAUR0312 (SAR_RS01560)	0.00	1.51	0.12	0.11	1.59	1.13	0.11	1.59	1.13
>0258	nanK	SAUR0313 (SAR_RS01565)	0.00	1.47	0.35	0.00	1.51	0.35	0.00	1.51	0.35
>0259	nanH	SAUR0314 (SAR_RS01570)	0.00	0.87	0.50	0.07	0.87	0.50	0.07	0.87	0.50
>0260	nanE	SAUR0315 (SAR_RS01575)	0.00	1.05	0.60	0.00	1.05	0.60	0.15	1.20	0.75
>0261	QSHJ49	SAUR0316 (SAR_RS01580)	0.08	0.53	0.99	0.08	0.53	0.99	0.08	0.53	0.99
>0262	lip2	SAUR0317 (SAR_RS01585)	>5.00	>5.00	>5.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00
>0263	ASIPQ2	SAUR0318 (SAR_RS01590)	0.00	1.81	>5.00	0.00	1.81	>5.00	0.00	1.81	>5.00
>0264	Q6G1Z4=namA	SAUR0319 (SAR_RS01595)	0.08	1.58	>5.00	0.08	1.58	>5.00	0.08	1.58	>5.00
>0265	limiA	SAUR0321 (SAR_RS01605)	0.10	2.20	1.10	0.10	2.20	2.09	0.10	2.20	2.09
>0266	gcvH1	SAUR0322 (SAR_RS01610)	0.00	0.60	1.20	0.00	0.60	1.20	0.00	0.60	1.20
>0267	UPF0189=yndB	SAUR0323 (SAR_RS01615)	0.12	1.50	1.75	0.12	1.50	1.75	0.12	1.50	1.75
>0268	str2	SAUR0324 (SAR_RS01620)	0.11	2.65	0.21	0.11	2.75	1.06	0.11	2.65	0.95
>0269	lplA1	SAUR0325 (SAR_RS01625)	0.00	3.03	1.27	0.00	3.03	1.27	0.00	3.03	1.27
>0270	ulaA	SAUR0327 (SAR_RS01635)	0.22	1.56	0.89	0.22	1.56	0.89	0.15	1.48	0.82
>0271	QSHW4	SAUR0328 (SAR_RS01640)	0.00	0.35	0.00	0.00	0.35	0.00	0.00	0.35	0.00
>0272	QSHW3	SAUR0329 (SAR_RS01645)	0.00	1.35	0.90	0.23	1.38	1.13	0.23	1.38	1.13
>0273	ASY277=licR2	SAUR0330 (SAR_RS01650)	0.00	2.20	1.18	0.20	2.15	1.12	0.20	2.15	1.12
>0274	mepR	SAUR0331 (SAR_RS01655)	0.00	1.43	0.48	0.00	1.43	0.48	0.00	1.43	0.48
>0275	mepA	SAUR0332 (SAR_RS01660)	0.00	1.77	0.81	0.00	1.77	0.81	0.00	1.77	0.81
>0276	mepB	(N/A)	0.00	2.24	1.79	0.00	2.24	1.79	2.69	3.14	2.69
>0277	glpT	SAUR0334 (SAR_RS01670)	0.00	0.52	0.37	0.07	0.59	0.44	0.07	0.59	0.44
>0278	mhgA-1	SAUR0335 (SAR_RS01675)	0.00	1.73	>5.00	0.00	1.73	>5.00	>5.00	>5.00	0.54
>0279	ssuB=linA	SAUR0336 (SAR_RS01680)	0.00	2.07	1.22	0.00	2.07	1.22	0.00	2.07	1.22
>0280	ssuE	SAUR0337 (SAR_RS01685)	0.00	2.12	1.06	0.00	2.12	1.06	0.00	2.12	1.06
>0281	yeiH	SAUR0338 (SAR_RS01690)	0.00	1.31	0.50	0.00	1.31	0.50	0.00	1.31	0.50
>0282	rimL=lydA	SAUR0340									

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>0333	ssl03=set8	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0334	ssl04=set9	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.28	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0335	ssl05=set3	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0336	ssl06=set21	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0337	ssl07=set1	SAUR0426 (SAR_RS02130)	0.14	>=5.00	>=5.00	0.14	>=5.00	>=5.00	0.14	>=5.00	>=5.00
>0338	ssl08=set12	(N/A)	0.14	1.86	>=5.00	0.00	1.72	>=5.00	0.14	1.86	>=5.00
>0339	ssl09=set5	SAUR0428 (SAR_RS02140)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0340	ssl10=set4	SAUR0428 (SAR_RS02140)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0341	hsdM-ssl	(N/A)	0.06	4.11	3.73	0.26	4.17	3.92	0.09	4.30	4.05
>0342	hsdS-ssl	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.08	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0343	ssl11=set2	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.11	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0344	QSHIM7	SAUR0445 (SAR_RS02225)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0345	cobW1	SAUR0446 (SAR_RS02230)	0.08	3.66	0.42	0.00	3.57	0.33	0.00	3.57	0.33
>0346	psmA4	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0347	psmA3	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0348	psmA2	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0349	psmA1	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0350	mpsA-muel	SAUR0448 (SAR_RS02240)	0.00	2.83	1.21	0.00	2.83	1.21	0.00	2.83	1.21
>0351	mpsB-mycC	SAUR0449 (SAR_RS02245)	0.04	2.44	2.18	0.04	2.44	2.18	0.04	2.44	2.18
>0352	mpsC-mycC	SAUR0450 (SAR_RS02250)	0.00	1.65	0.00	0.00	1.65	0.00	0.00	1.65	0.00
>0353	QSHIM2	(N/A)	0.00	2.01	0.86	0.00	2.01	0.86	0.00	2.01	0.86
>0355	QSHIM1	SAUR0452 (SAR_RS02260)	0.15	1.63	>=5.00	0.15	1.63	>=5.00	0.15	1.63	>=5.00
>0356	QSHIM0=est1	SAUR0453 (SAR_RS02265)	0.14	1.50	0.00	0.14	1.50	0.00	0.14	1.50	0.00
>0357	QSHILB-galE	SAUR0126 (SAR_RS00630)	0.07	1.42	0.52	0.00	1.35	0.45	0.00	1.35	0.45
>0358	mccA-war306	SAUR0456 (SAR_RS02280)	0.11	0.15	3.41	0.11	>=5.00	>=5.00	0.11	>=5.00	>=5.00
>0359	mccB	SAUR0457 (SAR_RS02285)	0.00	1.40	0.17	0.00	1.40	0.17	0.09	1.49	0.25
>0360	metN2	SAUR0458 (SAR_RS02290)	0.00	1.17	0.49	0.00	1.17	0.49	0.00	1.17	0.49
>0361	metP2	SAUR0459 (SAR_RS02295)	0.00	1.06	0.61	0.00	1.06	0.61	0.00	1.06	0.61
>0362	metQ2=spn-gmpC	SAUR0460 (SAR_RS02300)	0.00	2.02	0.95	0.00	2.02	0.95	0.12	2.14	1.07
>0363	aaa=sls1	(N/A)	0.00	1.79	1.59	0.00	1.79	1.59	0.10	1.88	1.69
>0364	QSHIL1	SAUR0462 (SAR_RS02310)	0.00	0.74	1.11	0.00	0.74	1.11	0.00	0.74	1.11
>0365	nudG	SAUR0463 (SAR_RS02315)	0.00	0.76	0.25	0.00	0.76	0.25	0.00	0.76	0.25
>0366	btdD	SAUR0464 (SAR_RS02320)	0.00	1.65	2.26	0.00	1.65	2.26	0.00	1.65	2.26
>0367	yibF	SAUR0465 (SAR_RS02325)	0.00	0.89	0.64	0.00	0.89	0.64	0.00	0.89	0.64
>0368	yibE	SAUR0466 (SAR_RS02330)	0.09	1.44	0.63	0.00	1.35	0.54	0.00	1.35	0.54
>0369	glfC	SAUR0467 (SAR_RS02335)	0.00	1.92	1.47	0.00	1.92	1.47	0.00	1.92	1.47
>0370	glfB	SAUR0468 (SAR_RS02340)	0.07	0.80	0.42	0.07	0.80	0.42	0.07	0.80	0.42
>0371	glfD	SAUR0469 (SAR_RS02345)	0.00	0.91	0.75	0.00	0.91	0.75	0.00	0.91	0.75
>0372	treP	SAUR0471 (SAR_RS02355)	0.07	1.12	0.77	0.07	1.12	0.77	0.07	1.12	0.77
>0373	treC	SAUR0472 (SAR_RS02360)	0.06	0.91	0.49	0.06	0.91	0.49	0.06	0.91	0.49
>0374	treR	SAUR0473 (SAR_RS02365)	0.00	1.51	0.69	0.00	1.51	0.69	0.00	1.51	0.69
>0375	QSHIK0	SAUR0475 (SAR_RS02375)	0.19	1.71	0.00	0.19	1.71	0.00	0.19	1.71	0.00
>0376	dnaX	SAUR0476 (SAR_RS02380)	0.06	1.41	0.29	0.12	1.47	0.35	0.12	1.47	0.35
>0377	yaak	SAUR0477 (SAR_RS02385)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0378	reck	SAUR0478 (SAR_RS02390)	0.00	0.67	0.00	0.00	0.67	0.00	0.00	0.67	0.00
>0379	yaaD	SAUR0484 (SAR_RS02430)	0.00	1.25	0.60	0.00	1.49	0.75	0.00	1.49	0.75
>0380	tmk	SAUR0485 (SAR_RS02425)	0.00	0.65	0.49	0.00	0.65	0.49	0.00	0.65	0.49
>0381	darA	SAUR0486 (SAR_RS02430)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0382	holB	SAUR0488 (SAR_RS02440)	0.00	0.65	0.32	0.00	0.65	0.32	0.00	0.65	0.32
>0383	yaaT=tpl	SAUR0489 (SAR_RS02445)	0.12	1.12	0.62	0.12	1.12	0.62	0.12	1.12	0.62
>0384	yabA	SAUR0490 (SAR_RS02450)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0385	yabB	SAUR0491 (SAR_RS02455)	0.00	1.24	0.96	0.00	1.24	0.96	0.00	1.24	0.96
>0386	yaaZ	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0387	rsml	SAUR0493 (SAR_RS02465)	0.00	0.48	0.60	0.00	0.48	0.60	0.00	0.48	0.60
>0388	metS=metG	SAUR0495 (SAR_RS02475)	0.05	0.96	0.86	0.00	0.91	0.81	0.00	0.91	0.81
>0389	tatP=tatD=ycfH	SAUR0496 (SAR_RS02480)	0.00	0.00	0.52	0.00	0.65	0.52	0.00	0.65	0.52
>0390	rnmV	SAUR0497 (SAR_RS02485)	0.00	>=5.00	0.56	0.00	>=5.00	0.56	0.00	>=5.00	0.56
>0391	ksgA=rsmA	(N/A)	0.00	>=5.00	0.56	0.11	>=5.00	0.67	0.11	>=5.00	0.67
>0392	veg	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0393	hpf	SAUR0500 (SAR_RS02500)	0.00	1.06	1.06	0.00	0.94	1.06	0.00	0.94	1.06
>0394	purR	SAUR0501 (SAR_RS02505)	0.00	0.24	2.40	0.12	0.12	0.24	0.12	0.48	0.24
>0395	yabJ=ridA	SAUR0502 (SAR_RS02510)	0.00	2.10	0.26	0.00	2.10	0.26	0.00	2.10	0.26
>0396	spoVG	SAUR0503 (SAR_RS02515)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0397	glmU	SAUR0505 (SAR_RS02525)	0.07	0.89	0.22	0.00	0.81	0.15	0.00	0.81	0.15
>0398	prs	SAUR0506 (SAR_RS02530)	0.00	0.10	0.21	0.00	0.10	0.21	0.00	0.10	0.21
>0399	rlpY	SAUR0508 (SAR_RS02540)	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31	0.31
>0400	pth	SAUR0509 (SAR_RS02545)	0.00	1.05	0.70	0.00	1.05	0.70	0.00	1.05	0.70
>0401	mfd	SAUR0510 (SAR_RS02550)	0.00	>=5.00	0.65	0.06	>=5.00	0.74	0.06	>=5.00	0.74
>0402	yabM	SAUR0511 (SAR_RS02555)	0.00	3.34	1.31	0.00	3.34	1.31	0.00	3.34	1.31
>0403	rmazG	SAUR0512 (SAR_RS02560)	0.00	0.50	0.84	0.08	0.59	0.92	0.08	0.59	0.92
>0404	hslR	SAUR0513 (SAR_RS02565)	0.38	0.38	0.38	0.38	0.38	0.38	0.38	0.38	0.38
>0405	diviC	SAUR0514 (SAR_RS02570)	0.00	0.25	0.51	0.00	0.25	0.51	0.00	0.25	0.51
>0406	yabR	SAUR0515 (SAR_RS02575)	0.00	0.25	0.25	0.00	0.25	0.25	0.00	0.25	0.25
>0407	hgt	SAUR0516 (SAR_RS02580)	0.00	0.69	0.69	0.00	0.69	0.69	0.00	0.69	0.69
>0408	hpt	SAUR0517 (SAR_RS02585)	0.00	0.37	0.56	0.37	0.56	0.56	0.37	0.56	0.56
>0409	ftsH	SAUR0518 (SAR_RS02590)	0.00	0.33	0.33	0.00	0.33	0.33	0.00	0.33	0.33
>0410	hslO	SAUR0519 (SAR_RS02595)	0.00	0.34	0.00	0.00	0.34	0.00	0.00	0.34	0.00
>0411	cysK	SAUR0520 (SAR_RS02600)	0.11	0.64	0.54	0.00	0.54	0.43	0.11	0.64	0.54
>0412	folP	SAUR0521 (SAR_RS02605)	0.00	3.98	0.75	0.12	4.10	0.87	0.00	3.98	0.75
>0413	folB	SAUR0522 (SAR_RS02610)	0.00	0.55	0.27	0.00	0.55	0.27	0.00	0.55	0.27
>0414	foiK	SAUR0523 (SAR_RS02615)	0.00	1.08	1.08	0.00	1.08	1.08	0.00	1.08	1.08
>0415	lys_ leader	(N/A)	0.00	1.08	1.08	0.00	1.08	1.08	0.00	1.08	1.08
>0416	lysS	SAUR0525 (SAR_RS02625)	0.00	0.74	0.47	0.00	0.74	0.47	0.00	0.74	0.47
>0417	pdxR	SAUR0541 (SAR_RS02705)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	4.19	0.58	0.07	4.27	0.65
>0418	pdxS	SAUR0542 (SAR_RS02710)	0.00	3.27	0.45	0.00	3.27	0.45	0.00	3.27	0.45
>0419	pdxT	SAUR0543 (SAR_RS02715)	0.00	0.18	0.00	0.00	0.18	0.00	0.00	0.18	0.00
>0420	nupC1	SAUR0545 (SAR_RS02725)	0.00	0.58	0.25	0.00	0.58	0.25	0.00	0.58	0.25
>0421	ctrK	SAUR0546 (SAR_RS02730)	0.00	1.30	0.43	0.00	1.30	0.43	0.00	1.30	0.43
>0422	mcsA	SAUR0547 (SAR_RS02735)	0.00	0.18	0.35	0.00	0.18	0.35	0.00	0.18	0.35
>0423	mcsB	SAUR0548 (SAR_RS02740)	0.00	0.20	0.20	0.10	0.30	0.30	0.10	0.30	0.30
>0424	clpC	SAUR0549 (SAR_RS02745)	0.08	0.57	0.49	0.00	0.49	0.41	0.00	0.49	0.41
>0425	radA	SAUR0551 (SAR_RS02755)	0.07	0.37	0.37	0.00	0.29	0.29	0.00	0.29	0.29
>0426	pilT	SAUR0552 (SAR_RS02760)	0.00	1.58	0.28	0.09	1.68	0.37	0.09	1.68	0.37
>0427	glfX	SAUR0553 (SAR_RS02765)	0.00	1.03	0.62	0.07	1.10	0.69	0.07	1.10	0.69
>0428	cysE	SAUR0554 (SAR_RS02770)	0.00	0.16	0.31	0.00	0.16	0.31	0.00	0.16	0.31
>0429	cysS	SAUR0555 (SAR_RS02775)	0.00	1.21	0.43	0.00	1.21	0.43	0.00	1.21	0.43
>0430	mmC	SAUR0556 (SAR_RS02780)	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00
>0431											

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>0482	yfnA2	SAUR0607 (SAR_RS03035)	0.07	0.81	0.40	0.00	0.74	0.34	0.07	0.81	0.40
>0483	DUF3815	SAUR0608 (SAR_RS03040)	0.00	>=5.00	0.44	0.00	>=5.00	0.44	0.00	>=5.00	0.44
>0484	DUF1212_L1	SAUR0609 (SAR_RS03045)	0.00	1.44	1.18	0.00	1.44	1.18	0.00	1.44	1.18
>0485	hemQ	SAUR0610 (SAR_RS03050)	0.00	0.66	0.40	0.00	0.66	0.40	0.00	0.66	0.40
>0486	pta	SAUR0611 (SAR_RS03055)	0.20	0.61	0.20	0.00	0.40	0.00	0.10	0.51	0.10
>0487	lipI	SAUR0612 (SAR_RS03060)	0.12	0.60	0.48	0.12	0.60	0.48	0.12	0.60	0.48
>0488	mvaK1	SAUR0613 (SAR_RS03065)	0.00	1.30	0.33	0.00	1.30	0.33	0.00	1.30	0.33
>0489	mvaD	SAUR0614 (SAR_RS03070)	0.20	1.42	0.61	0.10	1.32	0.51	0.20	1.42	0.61
>0490	mvaK2	SAUR0615 (SAR_RS03075)	0.00	0.37	0.46	0.00	0.37	0.46	0.00	0.37	0.46
>0491	DUF1450	SAUR0616 (SAR_RS03080)	0.29	0.29	0.58	0.00	0.00	0.29	0.00	0.00	0.29
>0492	YnfJ	SAUR0617 (SAR_RS03085)	0.00	2.34	0.38	0.00	2.27	0.36	0.00	2.27	0.36
>0493	QSH181	SAUR0618 (SAR_RS03090)	0.00	0.17	0.23	0.00	0.17	0.23	0.00	0.17	0.23
>0494	QSH179	SAUR0620 (SAR_RS03100)	0.07	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0495	QSH167=iolS	SAUR0625 (SAR_RS03125)	0.00	0.64	0.64	0.00	0.64	0.64	0.00	0.64	0.64
>0496	QSH166	SAUR0626 (SAR_RS03130)	0.00	0.37	0.19	0.00	0.37	0.19	0.00	0.37	0.19
>0497	Q8NXU4	SAUR0627 (SAR_RS03135)	0.21	0.21	0.63	0.21	0.21	0.63	0.21	0.21	0.63
>0498	QSH165	SAUR0628 (SAR_RS03140)	0.08	0.69	0.31	0.00	0.62	0.23	0.00	0.62	0.23
>0499	ywhD	SAUR0629 (SAR_RS03145)	0.00	0.30	0.19	0.00	0.00	0.19	0.00	0.00	0.19
>0500	adhA=adhP	SAUR0630 (SAR_RS03150)	0.00	0.49	0.30	0.00	0.49	0.30	0.00	0.49	0.30
>0501	ywhB=DUF1934	SAUR0632 (SAR_RS03160)	0.00	0.70	0.70	0.00	0.70	0.70	0.00	0.70	0.70
>0502	argS	SAUR0633 (SAR_RS03165)	0.00	0.66	0.42	0.00	0.66	0.42	0.00	0.66	0.42
>0503	nth2	SAUR0634 (SAR_RS03170)	0.00	2.83	0.00	0.00	2.83	0.00	0.00	2.83	0.00
>0504	ASIQG3	SAUR0635 (SAR_RS03175)	0.00	0.90	0.34	0.00	0.90	0.34	0.00	0.90	0.34
>0505	yvrF=yibE	SAUR2983	0.00	1.26	1.16	0.00	1.26	1.16	0.11	1.37	1.26
>0506	ppaX2	SAUR0637 (SAR_RS03185)	0.14	0.67	0.83	0.00	0.63	0.87	0.00	0.63	0.87
>0507	ydpJ	SAUR0638 (SAR_RS03190)	0.00	1.12	0.87	0.25	1.12	0.25	0.00	1.37	1.12
>0508	QSH154	SAUR0639 (SAR_RS03195)	0.00	0.99	0.20	0.00	0.99	0.20	0.00	0.99	0.20
>0509	QSH153	SAUR0640 (SAR_RS03200)	0.00	0.28	0.28	0.00	0.28	0.28	0.00	0.28	0.28
>0510	QSH152=piP	SAUR0641 (SAR_RS03205)	0.13	1.14	0.38	0.00	1.01	0.25	0.00	1.01	0.25
>0511	sarA	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0512	Q21SV2	SAUR0643 (SAR_RS03215)	0.00	>=5.00	0.11	0.00	>=5.00	0.11	0.00	>=5.00	0.11
>0513	ASQ11=+DUF2922	SAUR0644 (SAR_RS03220)	0.00	0.44	0.00	0.00	0.44	0.00	0.00	0.00	0.00
>0514	Q7A1N3=DUF1659	SAUR0645 (SAR_RS03225)	0.00	1.43	0.00	0.00	1.43	0.00	0.00	1.43	0.00
>0515	ASIQH4	SAUR0646 (SAR_RS03230)	0.00	1.07	0.53	0.00	1.07	0.53	0.00	1.07	0.53
>0516	mmpA	SAUR0647 (SAR_RS03235)	0.04	2.62	2.87	0.00	2.58	2.83	0.04	2.62	2.87
>0517	mmpB	SAUR0648 (SAR_RS03240)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0518	mmpC	SAUR0649 (SAR_RS03245)	0.00	1.45	0.87	0.29	1.73	1.16	0.00	1.45	0.87
>0519	mmpD	SAUR0650 (SAR_RS03250)	0.00	4.81	4.21	0.00	4.81	4.21	0.00	4.81	4.21
>0520	mmpE	SAUR0651 (SAR_RS03255)	0.00	1.04	0.41	0.00	1.04	0.41	0.00	1.04	0.41
>0521	mmpF	SAUR0652 (SAR_RS03260)	0.00	0.66	0.00	0.00	0.66	0.00	0.00	0.66	0.00
>0522	mmpG	(N/A)	0.00	1.37	0.00	0.00	1.37	0.00	0.00	1.37	0.00
>0523	nhaK1	SAUR0654 (SAR_RS03270)	0.00	0.49	0.34	0.00	0.49	0.34	0.00	0.49	0.34
>0524	mntC	SAUR0658 (SAR_RS03290)	0.11	0.43	0.43	0.00	0.32	0.32	0.00	0.32	0.32
>0525	mntB	SAUR0659 (SAR_RS03295)	0.00	0.12	0.24	0.00	0.12	0.24	0.00	0.12	0.24
>0526	mntA	SAUR0660 (SAR_RS03300)	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.27
>0527	mntR	SAUR0661 (SAR_RS03305)	0.00	1.09	1.09	0.00	1.09	1.09	0.00	1.09	1.09
>0528	QSH133	SAUR0662 (SAR_RS03310)	0.00	0.00	0.13	0.00	0.00	0.13	0.00	0.00	0.13
>0529	tarA=tagA	SAUR0663 (SAR_RS03315)	0.13	1.31	0.26	0.00	1.18	0.13	0.00	1.18	0.13
>0530	tarH=tagH	SAUR0664 (SAR_RS03320)	0.00	0.38	0.00	0.00	0.38	0.00	0.00	0.38	0.00
>0531	tarG=tagG	SAUR0665 (SAR_RS03325)	0.00	0.60	0.00	0.00	0.60	0.00	0.00	0.60	0.00
>0532	tarB=tagB	SAUR0666 (SAR_RS03330)	0.00	1.27	0.91	0.00	1.27	0.91	0.00	1.27	0.91
>0533	tarX	SAUR0667 (SAR_RS03335)	0.09	1.32	0.38	0.09	1.32	0.38	0.09	1.32	0.38
>0534	tarD=tagD	SAUR0668 (SAR_RS03340)	0.00	0.00	0.50	0.00	0.00	0.50	0.00	0.00	0.50
>0535	pbpD=pbp4=dacA	SAUR0669 (SAR_RS03345)	0.00	1.39	0.62	0.00	1.39	0.62	0.00	1.39	0.62
>0536	msbA1	SAUR0670 (SAR_RS03350)	0.00	1.16	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	1.16	0.00
>0537	nupG	SAUR0671 (SAR_RS03355)	0.00	0.57	0.24	0.00	0.57	0.24	0.00	0.57	0.24
>0538	yxkD=yiF=DUF2197	SAUR0673 (SAR_RS03365)	0.00	0.96	0.00	0.00	0.96	0.00	0.00	0.96	0.00
>0539	fluC	SAUR0674 (SAR_RS03370)	0.00	0.75	0.25	0.00	0.75	0.25	0.13	0.88	0.38
>0540	fluB	SAUR0675 (SAR_RS03375)	0.00	1.30	0.00	0.00	0.30	0.00	0.10	0.40	0.10
>0541	fluG	SAUR0676 (SAR_RS03380)	0.00	0.47	0.20	0.00	1.57	0.29	0.00	1.57	0.29
>0542	dakK=dhaK	SAUR0677 (SAR_RS03385)	0.10	1.76	0.76	0.10	1.76	0.76	0.10	1.76	0.76
>0543	dakL=dhaf	SAUR0678 (SAR_RS03390)	0.00	1.20	0.00	0.00	1.20	0.00	0.00	1.20	0.00
>0544	dakP=dhaM	SAUR0679 (SAR_RS03395)	0.00	1.10	0.00	0.55	1.65	0.55	0.28	1.38	0.28
>0545	QSH14	SAUR0680 (SAR_RS03400)	0.00	0.20	0.20	0.00	0.20	0.20	0.00	0.20	0.20
>0546	QSH114	SAUR0681 (SAR_RS03405)	0.00	1.03	0.38	0.00	1.03	0.38	0.00	1.03	0.38
>0547	lipA	SAUR0993 (SAR_RS04515)	0.10	1.44	1.44	0.00	1.34	1.34	0.00	1.34	1.34
>0548	QSH12	SAUR0684 (SAR_RS03410)	0.00	1.17	0.80	0.00	2.80	1.17	0.00	2.80	1.17
>0549	QSH111	SAUR0685 (SAR_RS03425)	0.00	0.20	0.59	0.00	0.59	0.59	0.00	0.20	0.59
>0550	grax	SAUR0686 (SAR_RS03430)	0.00	0.65	0.00	0.00	0.65	0.00	0.00	0.65	0.00
>0551	graR	SAUR0687 (SAR_RS03435)	0.15	2.96	0.44	0.00	2.81	0.30	0.15	2.96	0.44
>0552	graS	SAUR0688 (SAR_RS03440)	0.10	0.48	0.48	0.10	0.48	0.48	0.10	0.48	0.48
>0553	vraF	SAUR0689 (SAR_RS03445)	0.00	>=5.00	0.39	0.00	>=5.00	0.39	0.00	>=5.00	0.39
>0554	vraG	SAUR0690 (SAR_RS03450)	0.00	1.11	0.63	0.11	1.22	0.74	0.05	1.16	0.69
>0555	yhaK=piR	SAUR0691 (SAR_RS03455)	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00
>0556	pitA	SAUR0692 (SAR_RS03460)	0.00	3.08	3.08	0.00	3.08	3.08	0.00	3.08	3.08
>0557	ssaA5	SAUR0693 (SAR_RS03465)	0.00	0.50	0.38	0.00	0.50	0.38	0.13	0.63	0.50
>0558	yetI	SAUR0694 (SAR_RS03470)	0.00	0.47	0.47	0.00	0.47	0.47	0.00	0.47	0.47
>0559	rbf	SAUR0695 (SAR_RS03475)=SAUR0695	0.00	1.72	0.56	0.00	1.72	0.56	0.00	1.72	0.56
>0560	sarX	SAUR0697 (SAR_RS03485)	0.23	0.94	0.00	0.23	0.94	0.00	0.23	0.94	0.00
>0561	yeeI	SAUR0698 (SAR_RS03490)	0.00	0.14	0.70	0.00	0.14	0.70	0.00	0.14	0.70
>0562	DUF0985	SAUR0699 (SAR_RS03495)	0.00	1.48	0.00	0.00	1.48	0.21	0.00	1.48	0.21
>0563	ASIQM5=DUF0402	SAUR0701 (SAR_RS03505)	0.00	1.09	0.16	0.00	1.09	0.16	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0564	ccpE	SAUR0702 (SAR_RS03510)	0.00	2.54	0.23	0.00	2.54	0.23	0.00	2.54	0.23
>0565	A82196=metA	SAUR0703 (SAR_RS03515)	0.00	1.15	0.33	0.00	1.15	0.33	0.00	1.15	0.33
>0566	Q2YSN2=DUF456	(N/A)	0.00	1.23	1.64	0.00	1.23	1.64	0.00	1.23	1.64
>0567	Q2YSQ6=DUF1129	SAUR2984	0.14	1.59	0.72	0.14	1.59	0.72	0.14	1.59	0.72
>0568	ASIQN0	SAUR0740 (SAR_RS03700)	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00
>0569	ARYZU2	SAUR0741 (SAR_RS03705)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0570	QSH742	SAUR0742 (SAR_RS03710)	0.00	1.67	2.00	0.00	1.67	2.00	0.00	1.67	2.00
>0571	ykkB	SAUR0743 (SAR_RS03715)	0.18	0.74	0.55	0.18	0.74	0.55	0.18	0.74	0.55
>0572	yvdD	SAUR0744 (SAR_RS03720)	0.00	1.23	0.88	0.00	1.23	0.88	0.00	1.23	0.88
>0573	yxqD	SAUR0745 (SAR_RS03725)	0.00	1.74	0.22	0.00	1.74	0.22	0.22	1.74	0.44
>0574	QSHHY6	SAUR0746 (SAR_RS03730)	0.00	1.02	0.29	0.00	1.02	0.29	0.15	1.17	0.44
>0575	uppP	SAUR0747 (SAR_RS03735)	0.11	1.94	0.11	0.23	2.05	0.23	0.23	2.05	0.23
>0576	cydD	SAUR0748 (SAR_RS03740)	0.06	1.04	0.12	0.00	0.98	0.06	0.00	0.98	0.06
>0577	cydC	SAUR0749 (SAR_RS03745)	0.00	1.25	0.84	0.00	1.25	0.84	0.06	1.48	0.84
>0578	mrgA	(N/A)	0.00	0.45	0.0						

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>0630	murB	SAUR0806 (SAR_RS04030)	0.00	0.65	0.43	0.00	0.65	0.43	0.00	0.65	0.43
>0631	grpB	SAUR0807 (SAR_RS04035)	0.00	1.16	0.19	0.00	1.16	0.19	0.00	1.16	0.19
>0632	QSHHT0	SAUR0808 (SAR_RS04040)	0.00	0.91	0.68	0.00	0.91	0.68	0.11	1.02	0.80
>0633	ytuI	SAUR0809 (SAR_RS04045)	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31	0.00	0.00	0.00	0.00
>0634	glxI2	SAUR0810 (SAR_RS04050)	0.00	1.07	>=5.00	0.00	1.07	>=5.00	0.00	1.07	>=5.00
>0635	pepT	SAUR0811 (SAR_RS04055)	0.00	0.65	0.81	0.00	0.65	0.81	0.00	0.65	0.81
>0636	QSHHS6	SAUR0812 (SAR_RS04060)	0.00	0.81	0.20	0.00	0.81	0.20	0.00	0.81	0.20
>0637	DUF1212_L2=yjIP	SAUR0813 (SAR_RS04065)	0.00	0.79	0.79	0.00	0.79	0.79	0.13	0.92	0.92
>0638	gdpS	SAUR0814 (SAR_RS04070)	0.00	0.84	0.47	0.09	0.93	0.56	0.19	1.03	0.65
>0639	tarO	SAUR0815 (SAR_RS04075)	0.00	1.04	0.28	0.09	1.14	0.38	0.00	1.04	0.28
>0640	QSHHS2	SAUR0816 (SAR_RS04080)	0.12	0.19	0.78	0.00	0.93	0.62	0.00	0.62	0.62
>0641	degV1-fakB1	(N/A)	0.00	0.16	0.46	0.12	0.58	0.23	0.00	0.58	0.69
>0642	comFA	SAUR0818 (SAR_RS04090)	0.00	1.39	0.28	0.00	1.39	0.28	0.00	1.39	0.28
>0643	comFC	SAUR0819 (SAR_RS04095)	0.00	0.29	0.88	0.00	0.88	0.00	0.00	0.29	0.88
>0644	yfiA-traiA	SAUR0820 (SAR_RS04100)	0.17	0.35	0.35	0.00	0.17	0.17	0.00	0.17	0.17
>0645	secA1	SAUR0821 (SAR_RS04105)	0.00	0.71	0.67	0.00	0.71	0.67	0.00	0.71	0.67
>0646	prfB	SAUR0823 (SAR_RS04115)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0647	yyxM	SAUR0825 (SAR_RS04125)	0.00	2.24	0.24	0.00	2.24	0.24	0.00	2.24	0.24
>0648	yfbR	SAUR0826 (SAR_RS04130)	0.00	1.07	0.15	0.00	1.07	0.15	0.00	1.07	0.15
>0649	DUF2198	SAUR0827 (SAR_RS04135)	0.00	1.68	2.52	0.00	1.68	2.52	0.00	1.68	2.52
>0650	uvrB	SAUR0828 (SAR_RS04140)	0.00	1.96	0.25	0.00	1.96	0.25	0.05	2.01	0.30
>0651	uvrA	SAUR0829 (SAR_RS04145)	0.00	1.54	0.67	0.11	1.65	0.77	0.04	1.58	0.70
>0652	hpr-hprK	SAUR0831 (SAR_RS04155)	0.00	0.86	0.43	0.11	0.96	0.54	0.11	0.96	0.54
>0653	igt	SAUR0832 (SAR_RS04160)	0.00	0.95	0.12	0.00	0.95	0.12	0.00	0.95	0.12
>0654	yycF	SAUR0833 (SAR_RS04165)	0.00	1.68	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0655	yycD	SAUR0834 (SAR_RS04170)	0.07	1.39	0.76	0.14	1.46	0.83	0.14	1.46	0.83
>0656	trxR	SAUR0835 (SAR_RS04175)	0.00	0.64	0.32	0.00	0.64	0.32	0.00	0.64	0.32
>0657	yycI-rapZ	SAUR0836 (SAR_RS04180)	0.00	1.43	0.11	0.11	1.54	0.22	0.00	1.43	0.11
>0658	mglK-yycK	SAUR0837 (SAR_RS04185)	0.00	0.90	0.90	0.00	0.90	0.90	0.00	0.90	0.90
>0659	whiA	SAUR0838 (SAR_RS04190)	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00
>0660	clpP	SAUR0840 (SAR_RS04200)	0.00	0.51	0.17	0.00	0.51	0.17	0.00	0.51	0.17
>0661	yfiC	SAUR0842 (SAR_RS04210)	0.00	1.11	0.89	0.11	1.11	1.00	0.00	1.11	0.89
>0662	QSHHP8=DUF4887	SAUR0843 (SAR_RS04215)	0.00	0.63	0.32	0.00	0.63	0.32	0.00	0.63	0.32
>0663	gapR	SAUR0844 (SAR_RS04220)	0.00	0.69	0.39	0.10	0.79	0.49	0.10	0.79	0.49
>0664	gapA	SAUR0845 (SAR_RS04225)	0.00	0.30	0.10	0.10	0.40	0.20	0.10	0.40	0.20
>0665	pgk	SAUR0846 (SAR_RS04230)	0.08	1.01	0.50	0.00	0.92	0.42	0.00	0.92	0.42
>0666	tpi	SAUR0847 (SAR_RS04235)	0.00	0.79	0.79	0.13	0.92	0.92	0.00	0.79	0.79
>0667	gpmI	SAUR0848 (SAR_RS04240)	0.00	1.25	0.72	0.07	1.32	0.79	0.00	1.25	0.72
>0668	eno	SAUR0849 (SAR_RS04245)	0.00	0.23	0.23	0.00	0.23	0.23	0.00	0.23	0.23
>0669	QZYSE7	SAUR0850 (SAR_RS04250)	0.00	1.31	0.44	0.00	1.31	0.44	0.22	1.53	0.65
>0670	secG	SAUR0851 (SAR_RS04255)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0671	est	SAUR0852 (SAR_RS04260)	0.00	>=5.00	0.13	0.00	>=5.00	0.13	0.00	>=5.00	0.13
>0672	rnr	SAUR0853 (SAR_RS04265)	0.00	>=5.00	1.26	0.00	>=5.00	1.26	0.00	>=5.00	1.26
>0673	ssrP-rapZ	SAUR0854 (SAR_RS04270)	0.00	3.01	0.22	0.00	3.01	0.22	0.00	3.01	0.22
>0674	Q1YB79=DUF5067	SAUR0856 (SAR_RS04280)	0.13	1.96	0.92	4.58	>=5.00	>=5.00	4.58	>=5.00	>=5.00
>0675	QSHS0	SAUR0858 (SAR_RS04290)	0.00	1.77	0.77	0.14	1.84	0.96	0.14	1.84	0.96
>0676	Q1XJ21	SAUR0859 (SAR_RS04295)	0.00	1.69	0.94	0.00	1.69	0.94	0.00	1.69	0.94
>0677	cifA	(N/A)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	4.61	>=5.00	>=5.00
>0678	vwb	(N/A)	0.07	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.07	>=5.00	>=5.00
>0679	emp	SAUR0862 (SAR_RS04310)	0.00	4.01	1.08	0.00	4.01	1.08	0.00	4.01	1.08
>0680	vwb2	SAUR0862 (SAR_RS04310)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.19	>=5.00	>=5.00
>0681	nucI	SAUR0864 (SAR_RS04320)	0.00	1.02	0.00	0.00	1.02	0.00	0.00	1.02	0.00
>0682	cspK-L1	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0683	Q1Y1Z8	SAUR0866 (SAR_RS04330)	0.00	0.91	0.46	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	0.91	0.46
>0684	Q2G007	SAUR0867 (SAR_RS04335)	0.00	1.05	0.35	0.00	1.05	0.35	0.00	1.05	0.35
>0685	Q1YB69	SAUR0868 (SAR_RS04340)	0.00	0.88	0.53	0.00	0.88	0.53	0.00	0.88	0.53
>0686	Q6GIJ6	SAUR0869 (SAR_RS04345)	0.00	3.17	1.59	0.00	3.17	1.59	0.00	3.17	1.59
>0687	Q6GIJ5	SAUR0870 (SAR_RS04350)	0.00	0.38	0.38	0.00	0.38	0.38	0.00	0.38	0.38
>0688	DUF1250	SAUR0871 (SAR_RS04355)	0.00	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49
>0689	Q6GIJ9	SAUR0872 (SAR_RS04360)	0.00	0.12	0.00	0.00	0.42	0.00	0.00	0.42	0.00
>0690	gpmA1-cobC	SAUR0873 (SAR_RS04365)	0.00	0.85	0.85	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0691	yliU1	SAUR0874 (SAR_RS04370)	0.00	1.62	1.94	0.00	1.62	1.94	0.00	1.62	1.94
>0692	QSHHL4	SAUR0875 (SAR_RS04375)	0.00	0.40	0.20	0.00	0.40	0.20	0.00	0.40	0.20
>0693	ohrB	SAUR0876 (SAR_RS04380)	0.00	0.95	1.18	0.00	0.95	1.18	0.00	0.95	1.18
>0694	aroD	SAUR0877 (SAR_RS04385)	0.00	1.67	1.12	0.00	1.67	1.12	0.00	1.67	1.12
>0695	ntrA	SAUR0878 (SAR_RS04390)	0.19	0.37	0.00	0.19	0.37	0.00	0.19	0.37	0.00
>0696	trxI-2	SAUR0879 (SAR_RS04395)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0697	yusI	SAUR0880 (SAR_RS04400)	0.00	1.12	0.56	0.00	1.12	0.56	0.00	1.12	0.56
>0698	gcvH2	SAUR0881 (SAR_RS04405)	0.00	0.52	0.26	0.00	0.52	0.26	0.00	0.52	0.26
>0699	ywqG	SAUR0883 (SAR_RS04415)	0.00	1.71	0.57	0.00	1.71	0.57	0.11	1.82	0.68
>0700	yusF	SAUR0884 (SAR_RS04420)	0.00	1.29	1.03	0.00	1.29	1.03	0.00	1.29	1.03
>0701	yusE	SAUR0885 (SAR_RS04425)	0.00	1.01	0.67	0.00	1.01	0.67	0.00	1.01	0.67
>0702	metN1	SAUR0886 (SAR_RS04430)	0.00	0.68	0.29	0.00	0.68	0.29	0.10	0.78	0.39
>0703	metP1	SAUR0887 (SAR_RS04435)	0.00	0.86	0.72	0.00	0.86	0.72	0.00	0.86	0.72
>0704	metQ1	SAUR0888 (SAR_RS04440)	0.00	1.22	0.97	0.00	1.22	0.97	0.00	1.22	0.97
>0705	csbD-L1	SAUR0889 (SAR_RS04445)	0.00	0.51	0.51	0.00	0.51	0.51	0.00	0.51	0.51
>0706	DUF0368	SAUR0890 (SAR_RS04450)	0.35	1.53	0.59	0.23	1.41	0.47	0.23	1.41	0.47
>0707	sufC-yurV	SAUR0891 (SAR_RS04455)	0.00	0.52	0.26	0.00	0.52	0.26	0.00	0.52	0.26
>0708	sufD	SAUR0892 (SAR_RS04460)	0.15	0.92	0.69	0.15	0.92	0.69	0.15	0.92	0.69
>0709	sufS	SAUR0893 (SAR_RS04465)	0.00	0.72	0.24	0.00	0.72	0.24	0.00	0.72	0.24
>0710	sufR-ywqE	SAUR0894 (SAR_RS04470)	0.00	0.00	0.00	0.22	0.22	0.22	0.22	0.22	0.22
>0711	sufB	SAUR0895 (SAR_RS04475)	0.00	0.29	0.36	0.00	0.29	0.36	0.00	0.29	0.36
>0712	Q2YWM5	SAUR0897 (SAR_RS04485)	0.00	1.27	0.32	0.32	1.59	0.63	0.32	1.59	0.63
>0713	corB	SAUR0898 (SAR_RS04490)	0.00	1.06	0.38	0.00	1.06	0.38	0.00	1.06	0.38
>0714	npd	SAUR0899 (SAR_RS04495)	0.00	>=5.00	0.26	0.00	>=5.00	0.26	0.00	>=5.00	0.26
>0715	yusF-yecE	SAUR0900 (SAR_RS04500)	0.00	0.47	0.94	0.00	0.47	0.94	0.00	0.47	0.94
>0716	yunE	SAUR0901 (SAR_RS04505)	0.00	>=5.00	2.29	0.00	>=5.00	2.29	0.00	>=5.00	2.29
>0717	yunD	SAUR0902 (SAR_RS04510)	0.00	0.98	0.61	0.00	0.98	0.61	0.08	1.06	0.68
>0718	lipA	SAUR0903 (SAR_RS04515)	0.00	0.22	0.00	0.00	0.22	0.00	0.00	0.22	0.00
>0719	utp-yutD=DUF1027	SAUR0904 (SAR_RS04520)	0.25	0.51	0.00	0.25	0.51	0.00	0.25	0.51	0.00
>0720	DUF3055	(N/A)	0.00	0.39	1.16	0.00	0.39	1.16	0.00	0.39	1.16
>0721	utp-yutE=DUF0086	SAUR2986	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46
>0722	utp-yutF	SAUR0907 (SAR_RS04535)	0.00	1.54	0.26	0.00	1.54	0.26	0.00	1.54	0.26
>0723	gyrA	SAUR0908 (SAR_RS04540)	0.42	1.67	0.83	0.10	1.35	0.52	0.10	1.35	0.52
>0724	dtwX	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0725	ditA	SAUR0911 (SAR_RS04555)	0.00	0.46	0.34	0.00	0.46	0.34	0.00	0.46	0.34
>0726	ditB	SAUR0912 (SAR_RS04560)	0.00	0.33							

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>0778	oppF	SAUR0968 (SAR_RS04840)	0.11	>=5.00	0.42	0.00	>=5.00	0.32	0.00	>=5.00	0.32
>0779	oppA	SAUR0969 (SAR_RS04845)	0.00	2.78	1.63	0.00	2.78	1.63	0.00	2.78	1.63
>0780	appA	(N/A)	0.12	1.98	0.12	0.12	1.98	0.12	0.17	2.04	0.17
>0781	appD	(N/A)	0.00	1.82	0.61	0.10	1.93	0.71	0.00	1.82	0.61
>0782	appF	(N/A)	0.10	3.06	0.10	0.00	2.96	0.00	0.00	2.96	0.00
>0783	appB	(N/A)	0.00	3.84	0.10	0.10	3.84	0.21	0.10	3.84	0.21
>0784	appC	(N/A)	0.00	0.57	0.34	0.11	0.68	0.45	0.00	0.57	0.34
>0785	trpS	SAUR0980 (SAR_RS04900)	0.00	2.83	0.40	0.10	2.93	0.51	0.10	2.93	0.51
>0786	spxA	SAUR0981 (SAR_RS04905)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0787	trfA	SAUR0982 (SAR_RS04910)	0.00	0.83	0.14	0.00	0.83	0.14	0.00	0.83	0.14
>0788	trb	SAUR0983 (SAR_RS04915)	0.00	1.62	0.41	0.00	1.62	0.13	0.00	1.62	0.41
>0789	pepF1	SAUR0984 (SAR_RS04920)	0.00	0.06	0.06	0.00	0.06	0.06	0.00	0.06	0.06
>0790	yibH	SAUR0985 (SAR_RS04925)	0.12	0.37	>=5.00	0.00	0.25	>=5.00	0.00	0.25	>=5.00
>0791	yibI	SAUR0986 (SAR_RS04930)	0.00	0.55	0.55	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0792	yibK	SAUR0987 (SAR_RS04935)	0.17	1.52	0.84	0.00	1.35	0.67	0.00	1.35	0.67
>0793	yibL	SAUR0988 (SAR_RS04940)	0.29	0.86	0.86	0.00	0.57	0.57	0.00	0.57	0.57
>0794	relQ	SAUR0989 (SAR_RS04945)	0.00	0.31	0.16	0.10	0.31	0.16	0.00	0.31	0.16
>0795	ppnK	SAUR0990 (SAR_RS04950)	0.12	0.25	0.12	0.00	0.12	0.00	0.00	0.12	0.00
>0796	rue	SAUR0991 (SAR_RS04955)	0.12	1.64	0.00	0.12	1.64	0.00	0.12	1.64	0.00
>0797	mgfE	SAUR0992 (SAR_RS04960)	0.00	1.44	0.22	0.07	1.52	0.29	0.07	1.52	0.29
>0798	cpaA	SAUR0993 (SAR_RS04965)	0.00	0.43	0.22	0.00	0.43	0.22	0.00	0.43	0.22
>0799	fabi	(N/A)	0.00	0.91	0.78	0.00	0.91	0.78	0.00	0.91	0.78
>0800	UFF0118=cozEa	(N/A)	0.09	0.28	0.64	0.18	0.37	0.74	0.18	0.37	0.74
>0801	yrbD	SAUR0996 (SAR_RS04980)	0.06	1.15	0.96	0.00	1.08	0.89	0.00	1.08	0.89
>0802	yrcI	SAUR0997 (SAR_RS04985)	0.00	1.98	0.13	0.00	1.98	0.13	0.00	1.98	0.13
>0803	UFF0477	SAUR1000 (SAR_RS05000)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.20	0.20	0.00	0.20	0.00
>0804	ItaA	SAUR1001 (SAR_RS05005)	0.00	0.92	0.67	0.00	0.92	0.67	0.00	0.92	0.67
>0805	ugtP	SAUR1002 (SAR_RS05010)	0.00	0.68	0.60	0.00	0.68	0.60	0.00	0.68	0.60
>0806	murE	SAUR1003 (SAR_RS05015)	0.00	0.81	0.47	0.07	0.88	0.54	0.00	0.81	0.47
>0807	yueH	SAUR1004 (SAR_RS05020)	0.00	2.38	1.59	0.00	2.38	1.59	0.00	2.38	1.59
>0808	priC	SAUR1005 (SAR_RS05025)	0.00	0.70	0.83	0.00	0.70	0.83	0.00	0.70	0.83
>0809	trcC	SAUR1006 (SAR_RS05030)	0.00	0.62	0.50	0.00	0.62	0.50	0.00	0.62	0.50
>0810	htrAdegP	SAUR1007 (SAR_RS05035)	0.39	1.39	1.26	0.13	1.39	1.13	0.13	1.39	1.39
>0811	ktxD=trkH	SAUR1008 (SAR_RS05040)	0.00	0.59	0.59	0.07	0.66	0.66	0.07	0.66	0.66
>0812	Q1KY52=yfkN3	SAUR1009 (SAR_RS05045)	0.00	0.86	0.13	0.00	0.86	0.13	0.00	0.86	0.13
>0813	comK	SAUR1012 (SAR_RS05060)	0.00	0.53	0.18	0.00	0.53	0.18	0.00	0.53	0.18
>0814	Q6GI58	SAUR1013 (SAR_RS05065)	0.00	0.44	0.44	0.00	0.44	0.44	0.00	0.44	0.44
>0815	ipkA2	SAUR1014 (SAR_RS05070)	0.00	1.22	1.01	0.00	1.22	1.01	0.00	1.22	1.01
>0816	Q6QI65	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.56	0.56	0.00	0.56	0.56
>0817	Q5HH56	SAUR1016 (SAR_RS05080)	0.00	0.50	0.33	0.00	0.50	0.33	0.00	0.50	0.33
>0818	txpA-var1	(N/A)	0.00	0.93	>=5.00	0.00	0.93	>=5.00	0.00	0.93	>=5.00
>0819	Q7A194	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00
>0820	yujE=DUF1430	SAUR1019 (SAR_RS05095)	0.00	1.42	0.61	0.00	1.42	0.61	0.00	1.42	0.61
>0821	yxeA	SAUR1020 (SAR_RS05100)	0.00	1.25	0.93	0.00	1.25	0.93	0.00	1.25	0.93
>0822	yujJ	SAUR1021 (SAR_RS05105)	0.00	1.25	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	1.25	0.00
>0823	Q6QI49	SAUR1022 (SAR_RS05110)	0.00	0.34	0.00	0.00	0.69	0.34	0.00	0.69	0.34
>0824	Q6QI46	SAUR1026 (SAR_RS05130)	0.00	0.84	0.00	0.00	0.84	0.00	0.00	0.84	0.00
>0825	Q5HH47	SAUR1027 (SAR_RS05135)	0.00	>=5.00	0.73	0.00	>=5.00	0.73	0.00	>=5.00	0.73
>0826	shpA	SAUR1028 (SAR_RS05140)	0.00	0.85	0.85	0.00	0.85	0.85	0.00	0.85	0.85
>0827	Q7A191-(291 bp)	SAUR1029 (SAR_RS05145)	0.00	0.34	0.00	0.00	0.34	0.00	0.00	0.34	0.00
>0828	Q6GAH2	SAUR1030 (SAR_RS05150)	0.00	1.09	0.91	0.18	1.27	1.09	0.18	1.27	1.09
>0829	menA	SAUR1031 (SAR_RS05155)	0.00	1.64	0.85	0.00	0.64	0.85	0.00	0.64	0.85
>0830	menF	SAUR1032 (SAR_RS05160)	0.00	0.25	0.22	0.00	1.25	0.22	0.00	1.25	0.22
>0831	menD	SAUR1033 (SAR_RS05165)	0.00	2.27	1.18	0.00	2.27	1.18	0.00	2.27	1.18
>0832	menH	SAUR1034 (SAR_RS05170)	0.00	0.87	0.75	0.00	0.87	0.75	0.12	0.75	0.87
>0833	menB	SAUR1035 (SAR_RS05175)	0.00	0.36	0.73	0.00	0.36	0.73	0.00	0.36	0.73
>0834	sspC	SAUR1036 (SAR_RS05180)	0.00	0.91	0.61	0.00	0.91	0.61	0.00	0.91	0.61
>0835	sspB	SAUR1037 (SAR_RS05185)	0.08	1.35	1.95	0.00	1.27	1.86	0.00	1.27	1.86
>0836	sspA	SAUR1038 (SAR_RS05190)	0.29	>=5.00	0.87	0.10	>=5.00	0.67	0.00	>=5.00	0.58
>0837	spcC	SAUR1040 (SAR_RS05200)	0.00	1.21	1.04	0.00	1.21	1.04	0.00	1.21	1.04
>0838	ykrP	SAUR1041 (SAR_RS05205)	0.00	0.69	0.59	0.00	0.69	0.59	0.20	0.69	0.79
>0839	Q5HH32	SAUR1042 (SAR_RS05210)	0.00	0.48	0.00	0.00	0.48	0.00	0.00	0.48	0.00
>0840	atl	SAUR1906 (SAR_RS05305)	0.05	1.79	1.39	0.03	1.76	1.37	0.03	1.76	1.37
>0841	UFF0039	SAUR1045 (SAR_RS05225)	0.00	1.61	0.92	0.00	1.61	0.92	0.00	1.61	0.92
>0842	Q5HH29=DUF2538	SAUR1046 (SAR_RS05230)	0.00	2.76	0.42	0.00	2.76	0.42	0.00	2.76	0.42
>0843	tagY=lcgB=ywfF	SAUR1047 (SAR_RS05235)	0.00	>=5.00	0.48	0.00	>=5.00	0.48	0.00	>=5.00	0.48
>0844	fmfA	SAUR1048 (SAR_RS05240)	0.48	4.48	1.42	0.00	4.48	1.34	0.00	4.48	1.34
>0845	qxoD	SAUR1049 (SAR_RS05245)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0846	qxoC	SAUR1050 (SAR_RS05250)	0.00	0.33	0.00	0.00	0.33	0.00	0.00	0.33	0.00
>0847	qxoB	SAUR1051 (SAR_RS05255)	0.05	0.25	0.10	0.00	0.20	0.05	0.00	0.20	0.05
>0848	qxoA	SAUR1052 (SAR_RS05260)	0.00	0.27	0.36	0.00	0.27	0.36	0.00	0.27	0.36
>0849	iraE	(N/A)	0.00	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31
>0850	fold	SAUR1056 (SAR_RS05280)	0.00	1.63	0.93	0.00	1.63	0.93	0.12	1.74	1.05
>0851	purE	SAUR1057 (SAR_RS05285)	0.00	1.04	0.00	0.00	1.04	1.86	0.00	1.04	1.86
>0852	purK	SAUR1058 (SAR_RS05290)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0853	purC	SAUR1059 (SAR_RS05295)	0.00	4.26	0.57	0.00	4.26	0.57	0.00	4.26	0.57
>0854	purS=yxeA	SAUR1060 (SAR_RS05300)	0.00	0.38	0.00	0.00	0.38	0.00	0.00	0.38	0.00
>0855	purQ	SAUR1061 (SAR_RS05305)	0.00	2.07	0.59	0.00	2.07	0.59	0.00	2.07	0.59
>0856	purL	SAUR1062 (SAR_RS05310)	0.05	1.05	0.59	0.00	1.00	0.55	0.05	1.05	0.59
>0857	purF	SAUR1063 (SAR_RS05315)	0.00	1.21	0.88	0.00	1.21	0.88	0.00	1.21	0.88
>0858	purG	SAUR1064 (SAR_RS05320)	0.10	1.65	0.87	0.10	1.65	0.87	0.10	1.65	0.87
>0859	purN	SAUR1065 (SAR_RS05325)	0.00	0.88	0.18	0.00	0.88	0.18	0.00	0.88	0.18
>0860	purH	SAUR1066 (SAR_RS05330)	0.00	0.61	0.20	0.00	0.61	0.20	0.00	0.61	0.20
>0861	purD	SAUR1067 (SAR_RS05335)	0.16	0.80	0.48	0.16	0.80	0.48	0.24	0.80	0.56
>0862	ykoC	SAUR1068 (SAR_RS05340)	0.00	1.36	0.12	0.00	1.36	0.12	0.00	1.36	0.12
>0863	ykoD	SAUR1069 (SAR_RS05345)	0.07	1.00	0.64	0.00	0.93	0.57	0.00	0.93	0.57
>0864	ykoE	SAUR1070 (SAR_RS05350)	0.00	1.04	0.17	0.00	1.04	0.17	0.17	1.22	0.35
>0865	grf	SAUR1072 (SAR_RS05360)	0.00	0.74	0.00	0.00	0.74	0.00	0.00	0.74	0.00
>0866	Q5HH05	SAUR1073 (SAR_RS05365)	0.00	0.46	0.31	0.00	0.46	0.31	0.00	0.46	0.31
>0867	ywbD	SAUR1074 (SAR_RS05370)	0.00	1.11	0.09	0.00	1.11	0.09	0.00	1.11	0.09
>0868	Q5HH03=DUF0697	SAUR1075 (SAR_RS05375)	0.00	>=5.00	0.92	0.00	>=5.00	0.92	0.00	>=5.00	0.92
>0869	ptsh	SAUR1076 (SAR_RS05380)	0.00	0.37	0.00	0.00	0.37	0.00	0.00	0.37	0.00
>0870	ptsl=ptslP	SAUR1077 (SAR_RS05385)	0.00	0.70	0.47	0.00	0.70	0.47	0.00	0.70	0.47
>0871	rrdH	SAUR1078 (SAR_RS05390)	0.00	0.85	1.28	0.00	0.85	1.28	0.00	0.85	1.28
>0872	cydA	SAUR1079 (SAR_RS05395)	0.15	0.66	0.73	0.15	0.66	0.73	0.15	0.66	0.73
>0873	cydB	SAUR1080 (SAR_RS05400)	0.00	0.88	0.69	0.00	0.88	0.69	0.00	0.88	0.69
>0874	ktrA	SAUR1081 (SAR_RS05405)	0.15	0.45	0.45	0.15	0.45	0.45	0.15	0.45	0.45
>0875	rmjA	SAUR1083 (SAR_RS05415)	0.00	0.59	0.12	0.00					

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17C51042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17C51042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17C51042 vs. duck isolate V482
>0926	poIX	SAUR1140 (SAR_RS05700)	0.00	0.70	0.76	0.00	0.70	0.76	0.00	0.70	0.76
>0927	mutS2	SAUR1141 (SAR_RS05705)	0.09	0.81	0.60	0.00	0.81	0.60	0.00	0.81	0.60
>0928	traA1	SAUR1142 (SAR_RS05710)	0.00	0.43	0.00	0.00	0.63	0.00	0.00	0.63	0.00
>0929	uvrC	SAUR1144 (SAR_RS05720)	0.11	2.08	0.79	0.00	1.96	0.79	0.06	1.96	0.73
>0930	sdhC	SAUR1145 (SAR_RS05725)	0.00	0.49	0.33	0.33	0.81	0.65	0.16	0.65	0.49
>0931	sdhA	SAUR1146 (SAR_RS05730)	0.00	0.45	0.40	0.00	0.45	0.40	0.00	0.45	0.40
>0932	sdhB	SAUR1147 (SAR_RS05735)	0.25	1.23	1.59	0.12	1.10	1.47	0.12	1.10	1.47
>0933	muri1	SAUR1148 (SAR_RS05740)	0.00	1.12	0.12	0.00	1.12	0.12	0.12	1.25	0.25
>0934	ntpA	SAUR1149 (SAR_RS05745)	0.00	0.85	0.85	0.00	0.85	0.85	0.00	0.85	0.85
>0935	ynfB	SAUR1150 (SAR_RS05750)	0.00	0.79	0.60	0.00	0.79	0.60	0.00	0.79	0.60
>0936	ecb	SAUR1152 (SAR_RS05760)	0.00	1.64	>=5.00	0.00	1.64	>=5.00	0.00	1.64	>=5.00
>0937	flr	(N/A)	0.25	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>0938	QZYXB9	SAUR1155 (SAR_RS05775)	0.00	0.39	1.18	0.00	0.39	1.18	0.00	0.39	1.18
>0939	efb- <i>flb</i>	SAUR1156 (SAR_RS05780)	0.00	2.01	1.61	0.00	2.01	1.61	0.00	2.01	1.61
>0940	scs	SAUR1157 (SAR_RS05785)	0.00	>=5.00	0.28	0.00	>=5.00	0.28	0.00	>=5.00	0.28
>0941	AS1545	SAUR1158 (SAR_RS05790)	0.00	1.07	1.07	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	1.07	1.07
>0942	Q6GH55	(N/A)	0.00	>=5.00	0.40	0.40	>=5.00	0.80	0.00	>=5.00	0.40
>0943	AS1547	0	0.00	0.65	0.85	0.00	0.65	0.85	0.00	0.65	0.85
>0944	hla	SAUR1161 (SAR_RS05805)	0.00	0.63	0.42	0.00	0.63	0.42	0.00	0.63	0.42
>0945	AGU0Y3	SAUR1162 (SAR_RS05810)	0.00	1.36	0.68	0.00	1.36	0.68	0.00	1.36	0.68
>0946	QZF2B4	SAUR1163 (SAR_RS05815)	0.00	0.51	0.51	0.00	0.51	0.51	0.00	0.51	0.51
>0947	setB3	SAUR1165 (SAR_RS05825)	0.00	1.12	0.56	0.00	1.12	0.56	0.00	1.12	0.56
>0948	setB2	SAUR1166 (SAR_RS05830)	0.00	1.79	>=5.00	0.00	1.79	>=5.00	0.00	1.79	>=5.00
>0949	setB1	SAUR1167 (SAR_RS05835)	0.00	1.24	0.96	0.00	1.24	0.96	0.00	1.24	0.96
>0950	arcD-L1	SAUR1168 (SAR_RS05840)	0.00	1.40	>=5.00	0.00	1.40	>=5.00	0.00	1.40	>=5.00
>0951	arcC-L1	SAUR1169 (SAR_RS05845)	>=5.00	>=5.00	0.00	0.32	0.43	0.00	0.32	0.43	0.00
>0952	arcD-L1	SAUR1170 (SAR_RS05850)	0.00	1.03	0.64	0.00	1.03	0.64	0.00	1.03	0.64
>0953	AS1557	SAUR1171 (SAR_RS05855)	0.00	1.75	1.75	0.00	1.75	1.75	0.00	1.75	1.75
>0954	per	SAUR1172 (SAR_RS05860)	0.00	1.69	0.63	0.00	1.69	0.63	0.00	1.69	0.63
>0955	psmB1	SAUR1175 (psmB1)	0.00	1.48	0.74	0.00	1.48	0.74	0.00	1.48	0.74
>0956	Q172B3- <i>ynfB</i>	SAUR1176 (SAR_RS05880)	0.29	1.15	0.57	0.43	1.29	0.72	0.43	1.29	0.72
>0957	Q91172	SAUR1177 (SAR_RS05885)	0.23	0.00	0.45	0.00	0.45	0.00	0.23	0.45	0.00
>0958	bshC	SAUR1178 (SAR_RS05890)	0.00	0.68	0.50	0.00	0.68	0.50	0.12	0.68	0.74
>0959	mraZ	SAUR1179 (SAR_RS05895)	0.00	>=5.00	0.23	0.00	>=5.00	0.23	0.00	>=5.00	0.23
>0960	mraW- <i>rsrM</i> H	(N/A)	0.00	0.43	2.46	0.00	0.43	2.46	0.00	0.43	2.46
>0961	ftsI	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>0962	pbpA- <i>ftsI</i> 1	SAUR1182 (SAR_RS05910)	0.00	0.54	0.31	0.09	0.63	0.40	0.09	0.63	0.40
>0963	mraY	SAUR1183 (SAR_RS05915)	0.00	0.83	0.83	0.00	0.83	0.83	0.00	0.83	0.83
>0964	murD	SAUR1184 (SAR_RS05920)	0.00	0.81	0.30	0.00	0.81	0.30	0.00	0.81	0.30
>0965	ftsQ- <i>divB</i>	SAUR1185 (SAR_RS05925)	0.00	0.76	0.23	0.00	0.76	0.23	0.00	0.76	0.23
>0966	ftsA	SAUR1186 (SAR_RS05930)	0.00	0.78	0.14	0.00	0.78	0.14	0.00	0.78	0.14
>0967	ftsZ	SAUR1187 (SAR_RS05935)	0.00	0.51	0.00	0.00	0.51	0.00	0.00	0.51	0.00
>0968	ylmD- <i>pgeF</i>	SAUR1188 (SAR_RS05940)	0.00	0.76	0.51	0.00	0.76	0.51	0.00	0.76	0.51
>0969	ylmE- <i>yggS</i>	SAUR1189 (SAR_RS05945)	0.00	0.44	0.15	0.00	0.44	0.15	0.00	0.44	0.15
>0970	sepF	SAUR1190 (SAR_RS05950)	0.00	0.00	0.18	0.00	0.00	0.18	0.00	0.00	0.18
>0971	ylmG	SAUR1191 (SAR_RS05955)	0.00	0.69	0.00	0.00	1.03	0.69	0.00	1.03	0.69
>0972	ylmH	SAUR1192 (SAR_RS05960)	0.00	0.74	0.37	0.12	0.87	0.59	0.00	0.74	0.37
>0973	divIVA	SAUR1193 (SAR_RS05965)	0.00	0.49	0.81	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0974	ileS	SAUR1194 (SAR_RS05970)	0.00	0.73	0.69	0.07	0.80	0.70	0.07	0.80	0.76
>0975	PF00903- <i>catE</i>	SAUR1196 (SAR_RS05980)	0.00	0.75	0.38	0.00	0.75	0.38	0.13	0.88	0.50
>0976	lspA	SAUR1197 (SAR_RS05985)	0.20	0.41	0.00	0.20	0.41	0.00	0.20	0.41	0.00
>0977	ylfB	SAUR1198 (SAR_RS05990)	0.00	1.76	0.22	0.00	1.76	0.22	0.00	1.76	0.22
>0978	pyrR	SAUR1199 (SAR_RS05995)	0.19	0.00	0.38	0.19	0.38	0.38	0.19	0.38	0.38
>0979	pyrP	SAUR1200 (SAR_RS06000)	0.07	1.07	0.61	0.07	1.07	0.61	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>0980	pyrB	SAUR1201 (SAR_RS06005)	0.23	0.45	0.23	0.11	0.34	0.11	0.23	0.45	0.23
>0981	pyrC	SAUR1202 (SAR_RS06010)	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55
>0982	pyrAA	SAUR1203 (SAR_RS06015)	0.09	0.18	0.27	0.09	0.18	0.27	0.18	0.27	0.36
>0983	pyrAB	SAUR1204 (SAR_RS06020)	0.00	0.82	0.25	0.00	0.82	0.25	0.00	0.82	0.25
>0984	pyrF	SAUR1205 (SAR_RS06025)	0.00	1.44	0.58	0.00	1.44	0.58	0.00	1.44	0.58
>0985	pyrE	SAUR1206 (SAR_RS06030)	0.00	0.49	>=5.00	0.00	0.49	>=5.00	0.00	0.49	>=5.00
>0986	QSHGM6	SAUR1207 (SAR_RS06035)	0.00	0.47	0.47	0.00	0.47	0.47	0.00	0.47	0.47
>0987	QSHGM5	SAUR1208 (SAR_RS06040)	0.00	1.49	0.25	0.00	1.49	0.25	0.00	1.49	0.25
>0988	lfpA	SAUR1209 (SAR_RS06045)	0.06	1.18	0.59	0.06	1.18	0.59	0.06	1.18	0.59
>0989	gmK	SAUR1210 (SAR_RS06050)	0.00	1.12	0.32	0.00	1.12	0.32	0.00	1.12	0.32
>0990	rpoZ	SAUR1211 (SAR_RS06055)	0.00	0.46	0.00	0.00	0.46	0.00	0.00	0.46	0.00
>0991	coxB1	SAUR1212 (SAR_RS06060)	0.00	0.58	0.00	0.00	0.58	0.00	0.00	0.58	0.00
>0992	prfA	SAUR1213 (SAR_RS06065)	0.04	0.94	0.54	0.04	0.94	0.54	0.04	0.94	0.54
>0993	QSHGL9	SAUR1214 (SAR_RS06070)	0.00	1.85	1.85	0.00	1.85	>=5.00	0.00	1.85	>=5.00
>0994	QSHGLB- <i>aynA</i>	SAUR1215 (SAR_RS06075)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	3.58	0.36	0.00	3.58	0.36
>0995	defA- <i>def2</i>	SAUR1216 (SAR_RS06080)	0.00	0.61	1.23	0.00	0.61	1.23	0.00	0.61	1.23
>0996	fnt	SAUR1217 (SAR_RS06085)	0.00	0.85	1.07	0.11	0.96	1.18	0.00	0.85	1.07
>0997	rsmB- <i>sun</i>	SAUR1218 (SAR_RS06090)	0.00	1.53	0.92	0.00	1.53	0.92	0.08	1.61	0.99
>0998	rsmN	SAUR1219 (SAR_RS06095)	0.00	0.37	0.37	0.00	0.37	0.37	0.00	0.37	0.37
>0999	prpC- <i>cpnB</i>	SAUR1220 (SAR_RS06100)	0.00	0.67	0.00	0.13	0.81	0.13	0.13	0.81	0.13
>1000	prpC- <i>cpnB</i>	SAUR1221 (SAR_RS06105)	0.30	1.30	0.45	0.00	1.35	0.45	0.15	1.35	0.45
>1001	cpbA- <i>engC</i> rrgA	SAUR1222 (SAR_RS06110)	0.11	1.26	0.46	0.23	1.37	0.57	0.34	1.48	0.68
>1002	rpe	SAUR1223 (SAR_RS06115)	0.00	1.09	0.47	0.00	0.93	0.31	0.00	0.93	0.31
>1003	thiN	SAUR1224 (SAR_RS06120)	0.00	0.47	0.16	0.16	0.62	0.31	0.00	0.47	0.16
>1004	rpmB	SAUR1225 (SAR_RS06125)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1005	ylpU	SAUR1226 (SAR_RS06130)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1006	ylpV- <i>fabA</i>	SAUR1227 (SAR_RS06135)	0.06	0.97	0.67	0.00	0.91	0.61	0.12	1.13	0.73
>1007	recG	SAUR1228 (SAR_RS06140)	0.05	1.12	0.73	0.02	1.12	0.73	0.13	1.12	0.73
>1008	lspR	SAUR1229 (SAR_RS06145)	0.00	0.36	0.54	0.00	0.36	0.54	0.00	0.36	0.54
>1009	plxX	SAUR1230 (SAR_RS06150)	0.00	0.71	0.30	0.00	0.71	0.30	0.10	0.81	0.41
>1010	fabD	SAUR1231 (SAR_RS06155)	0.00	1.94	0.22	0.11	2.05	0.32	0.00	1.94	0.22
>1011	fabG1	SAUR1232 (SAR_RS06160)	0.00	0.54	0.82	0.00	0.54	0.82	0.14	0.68	0.95
>1012	acpP- <i>hmrB</i>	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1013	rnc	SAUR1235 (SAR_RS06175)	0.00	0.41	0.27	0.00	0.41	0.27	0.00	0.41	0.27
>1014	rnc	SAUR1236 (SAR_RS06180)	0.00	1.09	1.15	0.00	1.15	0.34	0.06	1.15	0.34
>1015	ftsY	SAUR1237 (SAR_RS06185)	0.00	0.48	0.72	0.08	0.56	0.80	0.16	0.64	0.88
>1016	ylxM	SAUR1238 (SAR_RS06190)	0.00	1.20	0.90	0.00	1.20	0.90	0.00	1.20	0.90
>1017	flh	SAUR1239 (SAR_RS06195)	0.07	0.88	0.15	0.07	0.88	0.15	0.07	0.88	0.15
>1018	rpsP	SAUR1240 (SAR_RS06200)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1019	rsmM	SAUR1241 (SAR_RS06205)	0.00	4.56	0.60	0.00	4.56	0.60	0.00	4.56	0.60
>1020	rsmD	SAUR1242 (SAR_RS06210)	0.00	4.07	1.08	0.00	4.07	1.08	0.00	4.07	1.08
>1021	pilS	SAUR1243 (SAR_RS06215)	0.00	0.28	0.57	0.00	0.28	0.57	0.00	0.28	0.57
>1022											

Number/ Position in figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1074	mutL	(N/A)	0.05	0.80	0.40	0.10	0.85	0.45	0.05	0.80	0.40
>1075	glpP	(N/A)	0.00	2.62	0.75	0.00	2.62	0.75	0.37	3.00	1.12
>1076	glpF	SAUR1303 (SAR_R506515)	0.12	0.85	0.73	0.24	0.98	0.85	0.24	0.98	0.85
>1077	glpK	SAUR1304 (SAR_R506520)	0.00	0.73	0.40	0.00	0.73	0.40	0.00	0.73	0.40
>1078	glpD	SAUR1305 (SAR_R506525)	0.00	1.51	0.17	0.00	1.51	0.17	0.00	1.51	0.17
>1079	pldB2	SAUR1306 (SAR_R506530)	0.11	1.31	0.87	0.00	1.20	0.77	0.00	1.20	0.77
>1080	miaA	SAUR1307 (SAR_R506535)	0.00	2.35	0.21	0.00	2.35	0.21	0.00	2.35	0.21
>1081	hflq	SAUR1308 (SAR_R506540)	0.00	0.85	0.43	0.00	0.85	0.43	0.00	0.85	0.43
>1082	gpxA-L1-bsaA1	SAUR1309 (SAR_R506545)	0.00	1.05	0.42	0.00	1.05	0.42	0.00	1.05	0.42
>1083	ynbA-HfX	SAUR1310 (SAR_R506550)	0.08	0.56	0.81	0.16	0.65	0.89	0.16	0.65	0.89
>1084	ynbB	SAUR1311 (SAR_R506555)	0.08	1.69	1.61	0.00	1.69	1.61	0.00	1.69	1.61
>1085	glnR-femC	(N/A)	0.00	0.81	0.00	0.00	0.81	0.00	0.00	0.81	0.00
>1086	glnA	SAUR1313 (SAR_R506565)	0.00	3.06	0.45	0.00	3.06	0.45	0.07	3.13	0.52
>1087	A6U1C8	(N/A)	0.00	2.02	2.02	0.00	2.02	2.02	0.00	2.02	2.02
>1088	Q2FY4	(N/A)	0.00	2.22	3.56	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>1089	AS15J3	(N/A)	0.00	>=5.00	0.48	0.00	>=5.00	0.48	0.00	>=5.00	0.48
>1090	Q2YXQ4	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1091	A6OGJ8	SAUR1352 (SAR_R506760)	0.00	1.66	1.36	0.10	1.66	1.36	0.10	1.66	1.36
>1092	AS15I9	(N/A)	0.00	2.02	1.01	0.00	2.02	1.01	0.00	2.02	1.01
>1093	ds1	SAUR1354 (SAR_R506770)	0.00	>=5.00	0.54	0.00	>=5.00	0.54	0.00	>=5.00	0.54
>1094	Q99UF3	SAUR1359 (SAR_R506795)	0.00	0.53	2.12	0.00	0.53	2.12	0.00	0.53	2.12
>1095	nuc2=nucH	SAUR1360 (SAR_R506800)	0.00	0.37	0.56	0.00	0.37	0.56	0.00	0.37	0.56
>1096	QSHG96	SAUR1361 (SAR_R506805)	0.00	0.70	0.23	0.00	0.70	0.23	0.00	0.70	0.23
>1097	QSHG95	SAUR1362 (SAR_R506810)	0.34	0.85	1.02	0.17	0.68	0.85	0.17	0.68	0.85
>1098	thrA	SAUR1363 (SAR_R506815)	0.00	0.65	0.43	0.00	0.65	0.43	0.00	0.65	0.43
>1099	hom-rhoM	SAUR1364 (SAR_R506820)	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55
>1100	thrC	SAUR1365 (SAR_R506825)	0.00	0.94	>=5.00	0.00	0.94	>=5.00	0.00	0.94	>=5.00
>1101	thrB	SAUR1366 (SAR_R506830)	0.00	1.75	0.98	0.00	1.75	0.98	0.00	1.75	0.98
>1102	yyeH	SAUR1367 (SAR_R506835)	0.00	2.24	2.24	0.00	2.24	2.24	0.00	2.24	2.24
>1103	QSHG88	SAUR1368 (SAR_R506840)	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00
>1104	lypZ-QSHG87	SAUR1370 (SAR_R506850)	0.07	0.69	0.76	0.07	0.69	0.76	0.07	0.69	0.76
>1105	katJ	SAUR1371 (SAR_R506855)	0.07	1.29	0.13	0.00	1.91	0.13	0.00	1.91	0.13
>1106	rpmG	SAUR1372 (SAR_R506860)	0.00	0.00	0.66	0.00	0.00	0.66	0.00	0.66	1.32
>1107	rpsN	SAUR1373 (SAR_R506865)	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00
>1108	guaC	SAUR1374 (SAR_R506870)	0.00	0.61	0.10	0.00	0.61	0.10	0.00	0.61	0.10
>1109	ylibC1	SAUR1376 (SAR_R506880)	0.00	1.85	1.27	0.00	1.85	1.27	0.00	1.85	1.27
>1110	lexA	SAUR1377 (SAR_R506885)	0.00	1.12	0.48	0.00	1.12	0.48	0.00	1.12	0.48
>1111	QSHG79	(N/A)	0.00	1.28	0.85	0.00	1.28	0.85	0.00	1.28	0.85
>1112	DUF896	SAUR1379 (SAR_R506895)	0.00	0.41	0.41	0.00	0.41	0.41	0.00	0.41	0.41
>1113	hkt	SAUR1380 (SAR_R506900)	0.00	1.16	0.15	0.00	1.16	0.15	0.10	1.26	0.25
>1114	UPPF0154	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1115	ccdC	SAUR1383 (SAR_R506915)	0.00	0.21	0.00	0.21	0.43	0.21	0.00	0.43	0.21
>1116	sbcD	SAUR1384 (SAR_R506920)	0.09	1.43	1.07	0.09	1.43	1.07	0.18	1.52	1.16
>1117	sbcC	(N/A)	0.00	1.65	0.73	0.00	1.65	0.73	0.03	1.68	0.76
>1118	mscL	SAUR1388 (SAR_R506940)	0.00	0.00	0.28	0.00	0.00	0.28	0.00	0.00	0.28
>1119	opuA1	SAUR1389 (SAR_R506945)	0.07	1.03	0.91	0.00	1.03	0.91	0.00	1.03	0.91
>1120	acnA-citB	SAUR1390 (SAR_R506950)	0.00	0.78	0.31	0.07	0.85	0.41	0.07	0.85	0.41
>1121	yneP	SAUR1391 (SAR_R506955)	1.27	1.48	1.27	0.00	0.21	0.00	0.21	0.42	0.21
>1122	yneR	SAUR1392 (SAR_R506960)	0.00	1.01	0.00	0.00	1.01	0.00	0.00	1.01	0.00
>1123	plsV	SAUR1393 (SAR_R506965)	0.00	0.83	0.33	0.00	0.83	0.33	0.00	0.83	0.33
>1124	grlB=gyrB=parE	SAUR1394 (SAR_R506970)	0.00	0.95	0.55	0.00	0.95	0.55	0.00	0.95	0.55
>1125	lcpA=parC	SAUR1395 (SAR_R506975)	0.08	0.50	0.54	0.04	0.54	0.50	0.04	0.54	0.50
>1126	alsT	SAUR1397 (SAR_R506985)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1127	glcT	SAUR1398 (SAR_R506990)	0.00	1.29	0.82	0.11	1.41	0.84	0.11	1.51	0.94
>1128	yubA=cozEb=yyhT2	SAUR1400 (SAR_R507000)	0.00	0.83	0.08	0.00	0.83	0.08	0.00	0.83	0.08
>1129	mprF	SAUR1401 (SAR_R507005)	0.08	3.01	1.11	0.08	3.01	1.11	0.12	3.05	1.15
>1130	msrA1	SAUR1402 (SAR_R507010)	0.00	0.39	0.00	0.20	0.59	0.20	0.00	0.39	0.00
>1131	lcpA=tagT=msrR	SAUR1403 (SAR_R507015)	0.00	0.41	0.10	0.00	0.41	0.10	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>1132	dmpI	SAUR1405 (SAR_R507025)	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.54
>1133	lucW	SAUR1406 (SAR_R507030)	0.00	1.03	1.11	0.16	1.19	1.27	0.16	1.27	1.35
>1134	lyrA	SAUR1407 (SAR_R507035)	0.00	1.01	1.19	0.00	1.19	1.19	0.00	1.01	1.19
>1135	yhIE	SAUR1408 (SAR_R507040)	0.00	0.78	0.48	0.10	0.87	0.58	0.00	0.78	0.48
>1136	trpE	SAUR1409 (SAR_R507045)	0.07	2.63	1.07	0.00	2.56	0.99	0.07	2.63	1.07
>1137	trpG	SAUR1410 (SAR_R507050)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1138	trpD	(N/A)	0.00	3.90	3.20	0.00	3.90	3.20	0.00	3.90	3.20
>1139	trpC	SAUR1412 (SAR_R507060)	0.13	2.55	1.78	0.25	2.68	1.91	0.13	2.55	1.78
>1140	trpI	(N/A)	0.00	1.90	2.05	0.00	2.05	0.00	0.00	2.05	0.00
>1141	trpB	SAUR1414 (SAR_R507070)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>1142	trpA	SAUR1415 (SAR_R507075)	0.00	1.23	0.69	0.00	1.23	0.69	0.00	1.23	0.69
>1143	femA	SAUR1416 (SAR_R507080)	0.00	3.30	3.30	3.07	0.38	0.38	3.07	0.38	0.38
>1144	femB	SAUR1417 (SAR_R507085)	0.08	0.56	0.79	0.00	0.48	0.71	0.00	0.48	0.71
>1145	cof	(N/A)	0.00	>=5.00	2.45	0.00	>=5.00	2.45	0.00	>=5.00	2.45
>1146	QSHG42	SAUR1419 (SAR_R507095)	0.00	1.90	1.27	0.00	1.90	1.27	0.00	1.90	1.27
>1147	nikR	SAUR1420 (SAR_R507100)	0.00	1.85	0.57	0.28	2.14	0.85	0.28	2.14	0.85
>1148	nikH=ngsIA	SAUR1421 (SAR_R507105)	0.00	2.33	0.26	0.00	2.33	0.26	0.00	2.33	0.26
>1149	nikC	SAUR1422 (SAR_R507110)	0.00	2.28	0.24	0.00	2.28	0.24	0.12	2.40	0.36
>1150	nikB	SAUR1423 (SAR_R507115)	0.00	1.62	0.30	0.00	1.62	0.30	0.00	1.62	0.30
>1151	QSHG37	SAUR1425 (SAR_R507125)	0.00	1.16	1.16	0.00	1.16	1.16	0.00	1.16	1.16
>1152	pepF2	SAUR1426 (SAR_R507130)	0.00	0.72	0.44	0.00	0.72	0.44	0.06	0.77	0.50
>1153	phoU	SAUR1427 (SAR_R507135)	0.00	0.78	0.93	0.00	0.78	0.93	0.00	0.78	0.93
>1154	psvB	SAUR1428 (SAR_R507140)	0.00	1.76	0.23	0.12	1.88	0.35	0.12	1.88	0.35
>1155	pstA	SAUR1429 (SAR_R507145)	0.00	0.65	0.65	0.00	0.65	0.65	0.00	0.65	0.65
>1156	pstC	SAUR1430 (SAR_R507150)	0.00	1.19	1.40	0.00	1.19	1.40	0.00	1.19	1.40
>1157	pstS	SAUR1431 (SAR_R507155)	0.20	0.71	0.81	0.10	0.61	0.71	0.30	0.81	0.91
>1158	cvfB	SAUR1432 (SAR_R507160)	0.00	1.77	0.50	0.11	1.88	0.66	0.11	1.88	0.66
>1159	ykpA	SAUR1433 (SAR_R507165)	0.00	4.24	0.55	0.00	4.24	0.50	0.12	4.37	0.62
>1160	lysC	SAUR1434 (SAR_R507170)	0.00	0.75	0.41	0.00	0.75	0.41	0.00	0.75	0.41
>1161	adp	SAUR1435 (SAR_R507175)	0.10	3.33	0.30	0.10	3.33	0.30	0.10	3.33	0.30
>1162	dapA	SAUR1436 (SAR_R507180)	0.00	3.27	2.25	0.00	3.27	2.25	0.00	3.27	2.25
>1163	dapB	SAUR1437 (SAR_R507185)	0.00	2.77	0.69	0.14	2.90	0.83	0.14	2.90	0.83
>1164	dapD	SAUR1438 (SAR_R507190)	0.14	1.81	0.83	0.14	1.81	0.83	0.14	1.81	0.83
>1165	hipO=yneP	SAUR1439 (SAR_R507195)	0.00	1.04	0.61	0.00	1.04	0.61	0.00	1.04	0.61
>1166	alr2	SAUR1440 (SAR_R507200)	0.18	1.38	1.01	0.00	1.20	0.83	0.00	1.20	0.83
>1167	lysA	SAUR1441 (SAR_R507205)	0.08	1.34	0.79	0.08	1.34	0.79	0.08	1.34	0.79
>1168	cspC-L2=msaB=cspA	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1169	msaB	SAUR1445 (SAR_R507225)	0.00	0.32	0.32	0.00	0.32	0.32	0.00	0.32	0.32
>1170	acyP	SAUR1446 (SAR_R507230)	0.00	0.37	0.37	0.00	0.37	0.37	0.00	0.37	0.37</

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMILT cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1222	ypjD	SAUR1503 (SAR_RS07515)	0.00	0.63	0.31	0.00	0.63	0.31	0.31	0.94	0.63
>1223	yugP	SAUR1504 (SAR_RS07520)	0.00	0.56	0.56	0.00	0.56	0.56	0.00	0.56	0.56
>1224	ypjA=DUF1405	SAUR1505 (SAR_RS07525)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1225	ypjB	SAUR1506 (SAR_RS07530)	0.00	1.04	0.87	0.00	1.04	0.87	0.00	1.04	0.87
>1226	ypjA	SAUR1507 (SAR_RS07535)	0.08	0.72	0.88	0.08	0.72	0.88	0.08	0.72	0.88
>1227	aroA	SAUR1508 (SAR_RS07540)	0.00	4.46	0.69	0.00	4.46	0.69	0.00	4.46	0.69
>1228	aroB	SAUR1509 (SAR_RS07545)	0.00	3.38	1.03	0.09	3.47	1.13	0.00	3.38	1.03
>1229	aroC	SAUR1510 (SAR_RS07550)	0.00	>=5.00	0.43	0.00	>=5.00	0.43	0.00	>=5.00	0.43
>1230	ndk	SAUR1511 (SAR_RS07555)	0.00	0.89	0.67	0.00	0.89	0.67	0.00	0.89	0.67
>1231	gerCChepT	SAUR1512 (SAR_RS07560)	0.10	1.25	0.94	0.10	1.25	0.94	0.10	1.25	0.94
>1232	ubjB	SAUR1513 (SAR_RS07565)	0.00	1.10	0.41	0.00	1.10	0.41	0.00	1.10	0.41
>1233	gerCA	SAUR1514 (SAR_RS07570)	0.00	0.00	0.87	0.00	1.05	0.87	0.00	1.05	0.87
>1234	hup	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1235	gpdA	SAUR1517 (SAR_RS07585)	0.00	1.40	0.50	0.10	1.50	0.60	0.00	1.40	0.50
>1236	engA=der	SAUR1518 (SAR_RS07590)	0.00	1.30	0.76	0.08	1.37	0.84	0.00	1.30	0.76
>1237	rpsA	SAUR1519 (SAR_RS07595)	0.00	0.60	0.26	0.00	0.60	0.26	0.00	0.60	0.26
>1238	QZFYH8	SAUR1520 (SAR_RS07600)	0.00	3.13	2.60	0.00	3.13	2.60	0.00	3.13	2.60
>1239	cmk	SAUR1523 (SAR_RS07615)	0.00	>=5.00	0.76	0.00	>=5.00	0.76	0.00	>=5.00	0.76
>1240	ansA	SAUR1524 (SAR_RS07620)	0.00	1.96	1.55	0.00	1.96	1.55	0.00	1.96	1.55
>1241	ypdA=czcO	SAUR1525 (SAR_RS07625)	0.00	0.91	0.10	0.00	0.91	0.10	0.00	0.91	0.10
>1242	ebpS	SAUR2991	0.00	1.16	1.98	0.00	1.16	1.98	0.00	1.16	1.98
>1243	recQ2	SAUR1528 (SAR_RS07640)	0.00	3.26	0.58	0.00	3.26	0.58	0.00	3.26	0.58
>1244	ASIT10	SAUR1529 (SAR_RS07645)	0.00	1.05	2.10	0.00	1.05	2.10	0.00	1.05	2.10
>1245	fer	SAUR1530 (SAR_RS07650)	0.00	0.80	0.00	0.00	0.80	0.00	0.00	0.80	0.00
>1246	rhuJ	SAUR1531 (SAR_RS07655)	0.00	1.28	0.92	0.00	1.28	0.92	0.00	1.28	0.92
>1247	ASIT17	SAUR1313 (SAR_RS06565)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1248	srhB	SAUR1605 (SAR_RS08025)	0.00	1.20	1.03	0.00	1.20	1.03	0.00	1.20	1.03
>1249	srhA	SAUR1606 (SAR_RS08030)	0.00	0.13	2.55	0.00	0.13	2.55	0.00	0.13	2.55
>1250	rhuB	SAUR1607 (SAR_RS08035)	0.14	3.66	2.44	0.14	3.66	2.44	0.14	3.66	2.44
>1251	scpB	SAUR1608 (SAR_RS08040)	0.00	>=5.00	0.37	0.00	>=5.00	0.37	0.00	>=5.00	0.37
>1252	scpA	SAUR1609 (SAR_RS08045)	0.00	1.23	0.27	0.00	1.23	0.27	0.00	1.23	0.27
>1253	QZFYH8=DUF0309	SAUR1610 (SAR_RS08050)	0.00	0.79	0.39	0.00	0.79	0.39	0.00	0.79	0.39
>1254	verD	SAUR1611 (SAR_RS08055)	0.11	1.13	1.24	0.23	1.24	1.24	0.23	1.24	0.34
>1255	fur	SAUR1612 (SAR_RS08060)	0.00	0.67	0.22	0.00	0.67	0.22	0.00	0.67	0.22
>1256	nudF	SAUR1613 (SAR_RS08065)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55
>1257	yhdN	SAUR1614 (SAR_RS08070)	0.11	1.21	0.55	0.00	1.10	0.44	0.00	1.10	0.44
>1258	QSHF51	SAUR1615 (SAR_RS08075)	0.00	0.40	0.80	0.00	0.40	0.80	0.00	0.40	0.80
>1259	yqjQ	SAUR2992	0.00	1.85	0.93	0.00	1.85	0.93	0.00	1.85	0.93
>1260	proC	SAUR1617 (SAR_RS08085)	0.00	0.12	0.61	0.00	0.12	0.61	0.00	0.12	0.61
>1261	rmz	SAUR1618 (SAR_RS08090)	0.00	0.54	1.09	0.11	0.65	1.19	0.00	0.54	1.09
>1262	zwf	SAUR1619 (SAR_RS08095)	0.00	1.08	0.74	0.00	1.08	0.74	0.00	1.08	0.74
>1263	graE=marA	(N/A)	0.12	0.23	0.00	0.12	0.23	0.00	0.12	0.23	0.00
>1264	malA=yugT	SAUR1621 (SAR_RS08105)	0.00	1.58	0.73	0.00	1.58	0.73	0.00	1.58	0.73
>1265	malR=kdgR	SAUR1622 (SAR_RS08110)	0.00	2.45	2.65	0.00	2.45	2.65	0.00	2.45	2.65
>1266	QSHFR3	SAUR1624 (SAR_RS08120)	0.00	1.88	0.81	0.00	1.88	0.81	0.27	2.15	1.08
>1267	OSI184	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00
>1268	gnd	SAUR1627 (SAR_RS08135)	0.14	0.92	0.64	0.07	0.85	0.57	0.00	0.85	0.57
>1269	QSHFR1=pepT2	SAUR1628 (SAR_RS08140)	0.00	1.68	1.15	0.00	1.68	1.15	0.00	1.68	1.15
>1270	yqjA	SAUR1630 (SAR_RS08150)	0.00	>=5.00	0.41	0.00	>=5.00	0.41	0.00	>=5.00	0.41
>1271	yqjW=fadE	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.13	0.13	>=5.00	0.13	0.13
>1272	bfmBB	SAUR1632 (SAR_RS08160)	0.00	3.06	0.08	0.00	3.06	0.08	0.00	3.06	0.08
>1273	bfmBAA	SAUR2994	0.10	4.57	0.71	0.10	4.57	0.71	0.20	4.57	0.71
>1274	bfmBA7	SAUR1634 (SAR_RS08170)	0.00	1.61	0.60	0.00	1.61	0.60	0.00	1.61	0.60
>1275	lpgA	SAUR1635 (SAR_RS08175)	0.00	0.98	0.28	0.08	0.98	0.28	0.08	0.98	0.28
>1276	recN	SAUR1636 (SAR_RS08180)	0.00	0.95	0.60	0.00	0.95	0.60	0.00	0.95	0.60
>1277	ahrC=argR	SAUR1637 (SAR_RS08185)	0.00	0.44	0.44	0.00	0.44	0.44	0.00	0.44	0.44
>1278	ispA	SAUR1638 (SAR_RS08190)	0.00	1.02	1.02	0.00	1.02	1.02	0.11	1.13	1.13
>1279	xseB	SAUR1639 (SAR_RS08195)	0.00	0.43	0.00	0.00	0.43	0.00	0.00	0.43	0.00
>1280	xseA	SAUR1640 (SAR_RS08200)	0.07	0.52	0.30	0.00	0.45	0.22	0.00	0.45	0.22
>1281	nuoB	SAUR1641 (SAR_RS08205)	0.00	0.26	0.77	0.00	0.26	0.77	0.00	0.26	0.77
>1282	yqjY	SAUR1642 (SAR_RS08210)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1283	accC=ctfB	SAUR1643 (SAR_RS08215)	0.00	0.52	0.81	0.00	0.52	0.81	0.00	0.52	0.81
>1284	accB	SAUR1644 (SAR_RS08220)	0.00	0.43	0.43	0.00	0.43	0.43	0.00	0.43	0.43
>1285	efp	SAUR1645 (SAR_RS08225)	0.18	0.18	0.18	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1286	yqjT	SAUR1646 (SAR_RS08230)	0.00	3.64	0.09	0.09	3.73	0.18	0.00	3.64	0.09
>1287	QSHFM8	SAUR1647 (SAR_RS08235)	0.00	0.17	>=5.00	0.17	>=5.00	0.00	0.17	>=5.00	>=5.00
>1288	QSHFM7	SAUR1648 (SAR_RS08240)	0.00	0.46	0.91	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46
>1289	lipM	SAUR1649 (SAR_RS08245)	0.00	0.86	0.12	0.06	0.86	0.06	0.00	0.84	0.48
>1290	yqjH	SAUR1650 (SAR_RS08250)	0.00	0.77	0.00	0.00	0.77	0.00	0.25	1.03	0.26
>1291	gcvPB	SAUR1651 (SAR_RS08255)	0.00	1.43	1.09	0.07	1.49	1.15	0.00	1.43	1.09
>1292	gcvPA	SAUR1652 (SAR_RS08260)	0.00	1.11	1.04	0.07	1.19	1.11	0.07	1.19	1.11
>1293	gcvT	SAUR1653 (SAR_RS08265)	0.00	0.46	0.82	0.00	0.46	0.82	0.00	0.46	0.82
>1294	arok	SAUR1654 (SAR_RS08270)	0.00	0.95	0.57	0.00	0.95	0.57	0.00	0.95	0.57
>1295	comGE	SAUR1656 (SAR_RS08280)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>1296	comGE	SAUR1657 (SAR_RS08285)	0.00	0.67	1.67	0.67	1.67	1.67	0.00	1.67	1.67
>1297	comGD	(N/A)	0.22	3.80	0.45	0.00	3.58	0.22	0.00	3.58	0.22
>1298	comGC	SAUR1659 (SAR_RS08295)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>1299	comGB	SAUR1660 (SAR_RS08300)	0.00	1.12	0.56	0.09	1.21	0.65	0.09	1.21	0.65
>1300	comGA	SAUR1661 (SAR_RS08305)	0.00	0.72	0.62	0.00	0.72	0.62	0.00	0.72	0.62
>1301	yqgX	SAUR1662 (SAR_RS08310)	0.00	0.64	>=5.00	0.64	>=5.00	0.00	0.64	>=5.00	>=5.00
>1302	yqgV	SAUR1663 (SAR_RS08315)	0.00	0.30	0.91	0.00	0.30	0.91	0.00	0.30	0.91
>1303	qk	SAUR1664 (SAR_RS08320)	0.10	0.41	0.10	0.10	0.41	0.10	0.10	0.41	0.20
>1304	yqgQ	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1305	gluP	SAUR1666 (SAR_RS08330)	0.07	0.55	0.14	0.07	0.55	0.14	0.07	0.55	0.14
>1306	yqgN	(N/A)	0.00	1.11	0.19	0.00	1.11	0.19	0.00	1.11	0.19
>1307	rpmG	SAUR1372 (SAR_RS06860)	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00
>1308	pbpC=pbp3=fts3	SAUR1669 (SAR_RS08345)	0.00	0.58	0.67	0.05	0.63	0.72	0.00	0.58	0.67
>1309	sofA=L2	SAUR1670 (SAR_RS08350)	0.00	0.50	0.30	0.00	0.50	0.17	0.00	0.50	0.17
>1310	zur	SAUR1671 (SAR_RS08355)	0.00	0.24	0.04	0.04	0.24	0.04	0.00	0.24	0.04
>1311	znuB=mrnB	SAUR1672 (SAR_RS08360)	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46
>1312	znuC	SAUR1673 (SAR_RS08365)	0.00	0.64	0.64	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.13	0.76	0.76
>1313	nfo	SAUR1674 (SAR_RS08370)	0.00	0.56	0.11	0.00	0.56	0.11	0.00	0.56	0.11
>1314	csxB	SAUR1675 (SAR_RS08375)	0.00	0.82	0.22	0.00	0.82	0.22	0.07	0.89	0.30
>1315	ybgJ	SAUR1676 (SAR_RS08380)	0.00	0.92	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.09	0.00	0.91	>=5.00
>1316	trmX	SAUR1677 (SAR_RS08385)	0.00	1.62	1.18	0.00	1.62	1.18	0.00	1.62	1.18
>1317	sigE=rrpD	SAUR1678 (SAR_RS08390)	0.00	0.54	0.45	0.54	0.54	0.45	0.00	0.45	0.45
>1318	dnaG=var1800	SAUR1679 (SAR_RS08395)	0.00	1.33	0.56	0.06	1.39	0.61			

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1370	yrzL	SAUR1735 (SAR_RS08675)	0.00	0.77	0.00	0.00	0.77	0.00	0.00	0.77	0.00
>1371	alaS	SAUR1736 (SAR_RS08680)	0.00	0.42	0.19	0.04	0.46	0.23	0.04	0.46	0.23
>1372	recD	SAUR1737 (SAR_RS08685)	0.04	1.45	>5.00	0.09	1.41	>5.00	0.00	1.41	>5.00
>1373	yrzB	SAUR1738 (SAR_RS08690)	0.00	1.49	0.45	0.00	1.49	0.45	0.00	1.49	0.45
>1374	mmnAstrmU	SAUR1739 (SAR_RS08695)	0.09	0.63	0.36	0.09	0.63	0.36	0.09	0.63	0.36
>1375	csd1	SAUR1740 (SAR_RS08700)	0.17	0.79	0.00	0.17	0.79	0.00	0.17	0.79	0.00
>1376	limB2	SAUR1741 (SAR_RS08705)	0.00	1.48	0.20	0.00	1.48	0.20	0.00	1.48	0.20
>1377	QSHFD8	SAUR1742 (SAR_RS08710)	0.68	2.04	2.04	0.00	1.36	1.36	0.00	1.36	1.36
>1378	csbD-L2	(N/A)	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55	0.00	0.55	0.55
>1379	cymK	SAUR1744 (SAR_RS08720)	0.00	0.24	0.24	0.00	0.24	0.24	0.00	0.24	0.24
>1380	rrnA	SAUR1745 (SAR_RS08725)	0.08	0.78	0.63	0.08	0.78	0.63	0.08	0.78	0.63
>1381	yyrVM	SAUR1746 (SAR_RS08730)	0.05	0.65	0.13	0.05	0.65	0.13	0.05	0.65	0.13
>1382	aspS	SAUR1748 (SAR_RS08740)	0.00	1.08	0.68	0.00	1.08	0.68	0.00	1.08	0.68
>1383	hisS	SAUR1749 (SAR_RS08745)	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00
>1384	lytH	SAUR1750 (SAR_RS08750)	0.11	1.03	0.23	0.00	0.91	0.11	0.00	0.91	0.11
>1385	dtb	SAUR1751 (SAR_RS08755)	0.00	1.32	0.44	0.00	1.32	0.44	0.00	1.32	0.44
>1386	relA	SAUR1752 (SAR_RS08760)	1.00	0.90	0.27	1.04	0.95	0.32	1.04	0.95	0.32
>1387	apt	SAUR1753 (SAR_RS08765)	0.19	0.58	0.19	0.00	0.39	0.00	0.00	0.39	0.00
>1388	recJ	SAUR1754 (SAR_RS08770)	0.05	1.45	0.40	1.50	1.50	0.44	0.04	1.50	0.44
>1389	secDF	SAUR1755 (SAR_RS08775)	0.00	0.70	0.26	0.00	0.70	0.26	>5.00	>5.00	>5.00
>1390	yajC	SAUR1756 (SAR_RS08780)	0.00	0.00	0.77	0.00	0.00	0.77	0.00	0.77	0.00
>1391	tgt	SAUR1757 (SAR_RS08785)	0.00	0.26	0.00	0.09	0.35	0.09	0.09	0.35	0.09
>1392	queA	SAUR1758 (SAR_RS08790)	0.00	0.88	0.58	0.00	0.88	0.58	0.00	0.88	0.58
>1393	rvuB	SAUR1759 (SAR_RS08795)	0.10	1.09	0.60	0.00	1.00	0.50	0.20	1.09	0.70
>1394	rvuA	SAUR1760 (SAR_RS08800)	0.00	0.33	0.17	0.00	0.33	0.17	0.00	0.33	0.17
>1395	pheB	SAUR1761 (SAR_RS08805)	0.22	0.22	0.66	0.00	0.66	0.44	0.44	0.66	0.44
>1396	obgE<cgfA	SAUR1762 (SAR_RS08810)	0.00	1.01	0.23	0.00	1.01	0.23	0.08	1.08	0.31
>1397	rpmA	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1398	DUF0464	SAUR1764 (SAR_RS08820)	0.00	0.00	0.00	0.31	0.31	0.31	0.31	0.31	0.31
>1399	rplU	SAUR1765 (SAR_RS08825)	0.00	0.32	0.32	0.00	0.32	0.32	0.00	0.32	0.32
>1400	mreD	SAUR1766 (SAR_RS08830)	0.00	1.32	0.19	0.00	1.32	0.19	0.00	1.32	0.19
>1401	mreC	SAUR2996 (mreC)	0.84	1.30	0.47	1.07	1.07	0.24	0.12	1.07	0.24
>1402	QSHF83-DUF4930	SAUR2997	0.00	0.84	0.00	0.84	0.84	0.00	0.00	0.84	0.00
>1403	QSHF82	SAUR2998	0.00	1.05	1.40	0.00	1.05	1.40	0.00	1.05	1.40
>1404	radC	(N/A)	0.15	>5.00	0.29	0.15	>5.00	0.29	0.15	>5.00	0.29
>1405	comC<outO	SAUR1778 (SAR_RS08890)	0.28	1.69	0.71	0.14	1.55	0.56	0.14	1.55	0.56
>1406	folC	SAUR1780 (SAR_RS08900)	0.16	0.63	0.24	0.08	0.55	0.16	0.08	0.55	0.16
>1407	valS	SAUR1781 (SAR_RS08905)	0.04	0.72	0.65	0.08	0.76	0.68	0.04	0.72	0.65
>1408	tig	SAUR1782 (SAR_RS08910)	0.00	1.60	1.07	0.00	1.60	1.07	0.00	1.60	1.07
>1409	abrB	SAUR1783 (SAR_RS08915)	0.00	1.49	0.80	0.00	1.49	0.84	0.00	1.49	0.84
>1410	gsaA	SAUR1785 (SAR_RS08925)	0.00	1.17	0.47	0.00	1.17	0.47	0.00	1.17	0.47
>1411	hemB	SAUR1786 (SAR_RS08930)	0.00	1.23	1.13	0.00	1.23	1.13	0.10	1.33	1.23
>1412	hemD	SAUR1787 (SAR_RS08935)	0.00	0.59	1.19	0.15	0.74	1.33	0.15	0.74	1.33
>1413	hemC	SAUR1788 (SAR_RS08940)	0.00	0.43	0.86	0.00	0.43	0.86	0.00	0.43	0.86
>1414	hemX	SAUR1789 (SAR_RS08945)	0.00	0.86	0.49	0.00	0.86	0.49	0.00	0.86	0.49
>1415	hemA	SAUR1790 (SAR_RS08950)	0.00	0.20	0.52	0.00	0.20	0.59	0.00	0.20	0.59
>1416	engB<yhA	SAUR1791 (SAR_RS08955)	0.00	0.85	0.17	0.00	0.85	0.17	0.00	0.85	0.17
>1417	clpX	SAUR1792 (SAR_RS08960)	0.00	0.63	0.08	0.00	0.63	0.08	0.00	0.63	0.08
>1418	tig	SAUR1793 (SAR_RS08965)	0.15	0.92	0.23	0.15	0.92	0.23	0.15	0.92	0.23
>1419	ysaA	SAUR1795 (SAR_RS08975)	0.00	1.29	0.32	0.00	1.29	0.32	0.00	1.29	0.32
>1420	ymaB	SAUR1796 (SAR_RS08980)	0.00	0.66	0.00	0.16	0.82	0.16	0.00	0.66	0.00
>1421	rplT	SAUR1798 (SAR_RS08990)	>5.00	>5.00	>5.00	0.28	0.84	0.28	0.28	0.84	0.28
>1422	rplM	SAUR1799 (SAR_RS08995)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1423	hmcC	SAUR1800 (SAR_RS09000)	0.00	0.19	0.00	0.00	0.19	0.00	0.00	0.19	0.00
>1424	lysP1	SAUR1801 (SAR_RS09005)	0.00	>5.00	0.47	0.13	>5.00	0.60	0.07	>5.00	0.54
>1425	thrS	SAUR1802 (SAR_RS09010)	0.00	1.65	0.05	0.00	1.65	0.05	0.00	1.65	0.05
>1426	dnal	SAUR1804 (SAR_RS09020)	0.11	0.33	0.43	0.11	0.33	0.43	0.22	0.43	0.54
>1427	dnab	SAUR1805 (SAR_RS09025)	0.00	0.79	0.14	0.07	0.86	0.21	0.00	0.79	0.14
>1428	rrdR	SAUR1806 (SAR_RS09030)	0.00	0.42	0.21	0.00	0.42	0.21	0.00	0.42	0.21
>1429	gspB	SAUR1807 (SAR_RS09035)	0.00	0.78	0.29	0.00	0.78	0.29	0.00	0.78	0.29
>1430	coqE	SAUR1808 (SAR_RS09040)	0.00	0.80	0.32	0.00	0.80	0.32	0.16	0.96	0.48
>1431	mutM	SAUR1809 (SAR_RS09045)	0.00	1.37	0.34	0.00	1.37	0.34	0.00	1.37	0.34
>1432	polA	SAUR1810 (SAR_RS09050)	0.08	0.91	0.42	0.00	0.84	0.34	0.04	0.87	0.38
>1433	Q2YTE9=DUF6056	SAUR1811 (SAR_RS09055)	0.07	1.68	0.78	0.13	1.75	0.94	0.13	1.75	0.94
>1434	phoR	SAUR1812 (SAR_RS09060)	0.00	1.68	1.38	0.00	1.68	1.38	0.00	1.68	1.38
>1435	phoP	SAUR1813 (SAR_RS09065)	0.00	0.43	0.28	0.00	0.43	0.28	0.00	0.43	0.28
>1436	chr<icd	SAUR1815 (SAR_RS09075)	0.00	0.79	0.55	0.00	0.79	0.55	0.00	0.79	0.55
>1437	chzP	SAUR1816 (SAR_RS09080)	0.00	0.89	0.53	0.00	0.89	0.62	0.00	0.89	0.62
>1438	cycA<aapA	SAUR1817 (SAR_RS09085)	0.00	0.95	0.59	0.00	0.95	0.59	0.07	1.03	0.66
>1439	pykA	SAUR1818 (SAR_RS09090)	0.00	0.57	0.34	0.00	0.57	0.34	0.00	0.57	0.34
>1440	prfA	SAUR1819 (SAR_RS09095)	0.00	0.31	0.21	0.00	0.31	0.21	0.00	0.31	0.21
>1441	accA	SAUR1820 (SAR_RS09100)	0.11	1.16	0.32	0.11	1.16	0.32	0.00	1.06	0.21
>1442	accD	SAUR1821 (SAR_RS09105)	0.00	0.70	0.00	0.00	0.70	0.00	0.00	0.70	0.00
>1443	mreB	SAUR1822 (SAR_RS09110)	0.08	0.90	0.49	0.00	0.89	0.41	0.00	0.98	0.41
>1444	dnaE	SAUR1823 (SAR_RS09115)	0.03	3.50	2.78	0.00	3.47	2.75	0.00	3.47	2.75
>1445	rrnA	SAUR1824 (SAR_RS09120)	0.11	2.23	0.96	0.00	2.12	0.85	0.00	2.12	0.85
>1446	ytol	SAUR1825 (SAR_RS09125)	0.00	1.00	0.92	0.00	1.00	0.92	0.00	1.00	0.92
>1447	uspA	SAUR1826 (SAR_RS09130)	0.00	0.24	0.00	0.00	0.24	0.00	0.00	0.24	0.00
>1448	ytKL	SAUR1827 (SAR_RS09135)	0.00	0.72	1.01	0.00	0.72	1.01	0.00	0.72	1.01
>1449	pepQ	SAUR1828 (SAR_RS09140)	0.00	2.79	2.51	0.00	2.79	2.51	0.00	2.79	2.51
>1450	pld2	SAUR1830 (SAR_RS09150)	0.00	0.54	0.00	0.00	0.54	0.00	0.00	0.63	0.09
>1451	yyzE	SAUR1831 (SAR_RS09155)	0.00	0.60	0.20	0.00	0.60	0.20	0.00	0.60	0.20
>1452	ackA	SAUR1832 (SAR_RS09160)	0.00	0.75	0.33	0.00	0.75	0.33	0.08	0.83	0.42
>1453	ytxK	SAUR1833 (SAR_RS09165)	0.11	0.74	>5.00	0.11	0.74	>5.00	0.21	0.84	>5.00
>1454	tpx	SAUR1834 (SAR_RS09170)	0.00	1.21	0.00	0.00	1.21	0.00	0.00	1.21	0.00
>1455	ytmM	SAUR1835 (SAR_RS09175)	0.13	1.82	0.00	0.13	1.82	0.00	0.13	1.82	0.00
>1456	thiI	SAUR1836 (SAR_RS09180)	0.00	3.35	2.37	0.00	3.35	2.37	0.00	3.35	2.37
>1457	codZ<ics5	SAUR1837 (SAR_RS09185)	0.00	2.46	0.00	0.00	>5.00	2.46	0.00	>5.00	2.46
>1458	ozrA	SAUR1839 (SAR_RS09195)	0.00	0.88	0.12	0.00	0.88	0.12	0.00	0.88	0.12
>1459	ytSP<mnrC	SAUR1840 (SAR_RS09200)	0.00	>5.00	0.86	0.00	>5.00	0.86	0.00	>5.00	0.86
>1460	rpsD	SAUR1841 (SAR_RS09205)	0.00	0.17	0.17	0.17	0.33	0.33	0.17	0.33	0.33
>1461	ugpQ2	SAUR1843 (SAR_RS09215)	0.00	1.08	0.54	0.00	1.08	0.54	0.00	1.08	0.54
>1462	osmC	SAUR1844 (SAR_RS09220)	0.22	1.34	0.45	0.00	1.12	0.22	0.00	1.12	0.22
>1463	pucG	(N/A)	0.09	1.21	0.69	0.00	1.12	0.60	0.00	1.12	0.60
>1464	serA	SAUR1846 (SAR_RS09230)	0.06	0.87	0.62	0.00	0.81	0.56	0.00	0.81	0.56
>1465	QSHF49	SAUR1848 (SAR_RS09240)	0.00	0.62	0.27	0.00	0.62	0.27	0.00	0.62	0.27
>1466	nagE	SAUR1849 (SAR_RS09245)	0.07	1.50	0.75	0.00	1.43	0.68	0.07	1.50	0.75
>1467	plcC	SAUR1850 (SAR_RS09250)	0.00	0.32	0.97	0.00	0.32	0.97	0.00	0	

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1518	QSHEZ5-sdpA_core	(N/A)	0.00	1.10	1.89	0.00	1.10	1.89	0.00	1.10	1.89
>1519	tal	SAUR1913 (SAR_RS09565)	0.00	0.56	0.70	0.00	0.56	0.70	0.00	0.70	0.84
>1520	Q7A500	SAUR1914 (SAR_RS09570)	0.33	2.31	1.65	0.00	1.98	1.32	0.00	1.98	1.32
>1521	crbB1	SAUR1915 (SAR_RS09575)	0.00	1.13	0.45	0.00	1.13	0.45	0.00	1.13	0.45
>1522	crbB2	SAUR1916 (SAR_RS09580)	0.00	2.82	2.26	0.00	2.82	2.26	0.00	2.82	2.26
>1523	ytbE-yyvgH	SAUR1917 (SAR_RS09585)	0.00	0.84	1.44	0.00	0.84	1.44	0.00	0.84	1.44
>1524	nrd	SAUR1918 (SAR_RS09590)	0.00	0.99	0.77	0.00	0.99	0.77	0.11	1.10	0.88
>1525	metK	SAUR1919 (SAR_RS09595)	0.00	0.84	0.17	0.00	0.84	0.17	0.00	0.84	0.17
>1526	pckA	SAUR1920 (SAR_RS09600)	0.00	0.69	0.75	0.00	0.69	0.75	0.06	0.75	0.82
>1527	ytmA	SAUR1921 (SAR_RS09605)	0.00	3.63	3.50	0.00	3.63	3.50	0.00	3.63	3.50
>1528	typhH-nudH-ytykD	SAUR1922 (SAR_RS09610)	0.00	0.42	0.39	0.00	0.42	0.42	0.00	0.42	0.42
>1529	ytlA-ytlD	SAUR1923 (SAR_RS09615)	0.00	0.42	0.39	0.00	0.39	0.39	0.00	0.39	0.39
>1530	menC	SAUR1924 (SAR_RS09620)	0.00	2.50	2.79	0.00	2.50	2.79	0.00	2.50	2.79
>1531	menE	SAUR1925 (SAR_RS09625)	0.00	2.57	1.42	0.00	2.57	1.42	0.00	2.57	1.42
>1532	QSHEY1-DUF4909	SAUR1926 (SAR_RS09630)	0.00	1.24	2.48	0.00	1.24	2.48	0.00	1.24	2.48
>1533	QSHEY0-yokF	SAUR1927 (SAR_RS09635)	0.15	4.61	0.31	0.00	4.45	0.15	0.00	4.45	0.15
>1534	DUF4352	SAUR1928 (SAR_RS09640)	0.00	3.31	1.20	0.10	3.41	1.31	0.00	3.31	1.20
>1535	QSHEX0	(N/A)	0.00	>5.00	3.03	0.00	>5.00	3.03	0.00	>5.00	3.03
>1536	QSHEX7-DUF3969	(N/A)	0.00	>5.00	1.16	0.00	>5.00	1.16	0.00	>5.00	1.16
>1537	ASITW8	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1539	hdsS-spl	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1540	hdsM-spl	(N/A)	1.28	4.69	4.56	0.26	4.05	4.11	0.19	4.11	4.05
>1541	splF	(N/A)	0.00	4.58	2.36	0.00	4.58	2.36	0.00	4.58	2.36
>1543	splD2	(N/A)	0.00	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00
>1545	spcC	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1546	splB	(N/A)	0.14	>5.00	2.35	0.00	>5.00	2.35	0.14	>5.00	2.49
>1547	splA	(N/A)	0.00	2.54	0.42	0.00	2.54	0.42	0.00	2.54	0.42
>1548	Q2FXD0-rear2	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1549	epiG-bsaG	(N/A)	0.00	2.29	>5.00	0.00	2.29	>5.00	0.00	2.29	>5.00
>1550	epiE	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1551	epiF	(N/A)	0.00	4.62	>5.00	0.00	4.62	>5.00	0.00	4.62	>5.00
>1552	epiP	(N/A)	0.00	4.22	>5.00	0.00	4.22	>5.00	0.00	4.22	>5.00
>1553	epiD	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1554	epiC	(N/A)	0.08	>5.00	>5.00	0.08	>5.00	>5.00	0.08	>5.00	>5.00
>1555	epiB	(N/A)	0.10	3.74	>5.00	0.07	3.70	>5.00	0.10	3.74	>5.00
>1556	epiA-bstA1	(N/A)	0.00	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00
>1557	bsaX	(N/A)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1558	lukD	(N/A)	0.00	1.93	1.73	0.00	1.93	1.73	0.00	1.93	1.73
>1559	lukE	(N/A)	0.00	2.35	1.71	0.00	4.06	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1560	ASU1Z57	(N/A)	0.00	0.84	0.42	0.00	0.84	0.42	0.00	0.84	0.42
>1561	Q7A4X2-DUF1828	(N/A)	0.00	1.54	0.13	0.00	1.54	0.13	0.00	1.54	0.13
>1568	ydeN	SAUR1973 (SAR_RS09865)	0.00	1.62	0.90	0.00	1.62	0.90	0.00	1.62	0.90
>1569	hemY-hemG	SAUR1975 (SAR_RS09875)	>5.00	2.86	0.79	>5.00	2.78	0.71	>5.00	2.86	0.79
>1570	hemH	SAUR1976 (SAR_RS09880)	0.00	1.41	0.65	0.00	1.41	0.65	0.00	1.41	0.65
>1571	hemE	SAUR1977 (SAR_RS09885)	0.00	0.77	0.19	0.10	0.87	0.29	0.10	0.87	0.29
>1572	trfJ	SAUR1979 (SAR_RS09895)	0.00	0.60	0.60	0.00	>5.00	0.60	0.00	>5.00	0.60
>1573	ecsB	SAUR1980 (SAR_RS09900)	0.08	2.21	1.14	0.08	2.21	1.14	0.08	2.21	1.14
>1574	ecsA	SAUR1981 (SAR_RS09905)	0.13	1.21	0.27	0.13	1.21	0.27	0.27	1.35	0.40
>1575	hit	SAUR1982 (SAR_RS09910)	0.00	0.24	0.00	0.00	0.24	0.00	0.00	0.24	0.00
>1576	gvpP	SAUR1983 (SAR_RS09915)	0.00	0.27	1.09	0.00	0.27	1.09	0.00	0.27	1.09
>1577	yhaJ	SAUR1984 (SAR_RS09920)	0.00	0.54	1.08	0.00	0.54	1.08	0.00	0.54	1.08
>1578	prsA2	SAUR1985 (SAR_RS09925)	0.00	0.93	0.00	0.00	0.93	0.00	0.00	0.93	0.00
>1579	dbr-yhaM	SAUR1986 (SAR_RS09930)	0.11	0.74	0.64	0.00	0.64	0.53	0.00	0.64	0.53
>1580	QSHE72	SAUR1987 (SAR_RS09935)	0.00	0.65	0.34	0.00	0.65	0.34	0.00	0.65	0.37
>1581	QSHE71-yhaO	SAUR1988 (SAR_RS09940)	0.08	0.58	0.25	0.00	0.50	0.17	0.00	0.50	0.17
>1582	UPF0342	SAUR1990 (SAR_RS09950)	0.00	0.29	0.00	0.00	0.29	0.00	0.00	0.29	0.00
>1583	UPF0754-DUF0445	SAUR1991 (SAR_RS09955)	0.00	0.98	0.98	0.09	1.07	1.07	0.09	1.07	1.07
>1584	xdrA	SAUR1992 (SAR_RS09960)	0.00	0.22	0.00	0.00	0.22	0.00	0.00	0.22	0.00
>1585	alkR-rvraR-yhcR	SAUR1993 (SAR_RS09965)	0.16	0.16	0.16	0.16	0.16	0.16	0.32	0.32	0.32
>1586	alkR-rvraS-yhcS	SAUR1994 (SAR_RS09970)	0.00	0.81	0.54	0.00	0.81	0.54	0.00	0.81	0.54
>1587	rluA2	SAUR1995 (SAR_RS09975)	0.00	0.49	1.46	0.00	0.49	1.46	0.00	0.49	1.46
>1588	fumC-citG	SAUR1996 (SAR_RS09980)	0.00	0.79	0.29	0.00	0.79	0.29	0.00	0.79	0.29
>1589	QSHE53	SAUR1997 (SAR_RS09985)	0.00	0.25	0.00	0.00	0.25	0.00	0.00	0.25	0.00
>1590	QSHE51	SAUR1999 (SAR_RS09995)	0.00	1.31	0.65	0.00	1.31	0.65	0.00	1.31	0.65
>1591	QSHE50	SAUR2000 (SAR_RS10000)	0.00	0.83	0.17	0.00	0.83	0.17	0.00	0.83	0.17
>1592	cspR-trmL	SAUR2001 (SAR_RS10005)	0.00	0.62	0.21	0.00	0.62	0.21	0.00	0.62	0.21
>1593	queB	SAUR2002 (SAR_RS10010)	0.00	0.68	0.27	0.00	0.68	0.27	0.00	0.68	0.27
>1594	atrB-glnQ	SAUR2003 (SAR_RS10015)	0.00	0.69	0.14	0.00	0.69	0.14	0.00	0.69	0.14
>1595	artQ	SAUR2004 (SAR_RS10020)	0.00	0.69	0.34	0.00	0.69	0.34	0.00	0.69	0.34
>1596	Q1Y9N4	SAUR2005 (SAR_RS10025)	0.00	>5.00	0.47	0.00	>5.00	0.47	0.09	>5.00	0.56
>1597	perR	SAUR2036 (SAR_RS10180)	0.00	0.22	0.22	0.22	0.45	0.45	0.22	0.45	0.45
>1598	QSHER2-ghrB2	SAUR2037 (SAR_RS10185)	0.00	2.00	1.26	0.00	2.00	1.26	0.00	2.00	1.26
>1599	bcp	SAUR2038 (SAR_RS10190)	0.00	0.66	>5.00	0.00	0.66	>5.00	0.00	0.66	>5.00
>1600	gspB-hemL	SAUR2039 (SAR_RS10195)	0.00	1.24	0.47	0.00	1.24	0.47	0.00	1.24	0.47
>1601	DUF0939-L1	SAUR2040 (SAR_RS10200)	0.00	0.37	0.09	0.00	0.27	0.09	0.00	0.27	0.09
>1602	msbA2	SAUR2042 (SAR_RS10210)	0.06	1.04	0.35	0.12	1.09	0.40	0.06	1.04	0.35
>1603	DUF0402	SAUR2043 (SAR_RS10215)	0.00	0.18	0.00	0.00	0.18	0.00	0.00	0.18	0.00
>1604	mutY	SAUR2044 (SAR_RS10220)	0.10	1.64	0.87	0.10	1.64	0.87	0.10	1.64	0.87
>1605	DUF0457	SAUR2045 (SAR_RS10225)	0.00	0.10	0.00	0.20	0.31	0.20	0.20	0.31	0.20
>1606	tagG	SAUR2047 (SAR_RS10235)	0.24	0.72	0.12	0.24	0.72	0.12	0.24	0.72	0.12
>1607	tagH	SAUR2048 (SAR_RS10240)	0.07	0.53	0.46	0.00	0.59	0.40	0.00	0.59	0.40
>1608	yhlH	SAUR2049 (SAR_RS10245)	0.00	0.32	0.32	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00
>1609	recX	SAUR2050 (SAR_RS10250)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>1610	sgtB	SAUR2051 (SAR_RS10255)	0.12	0.74	0.12	0.00	0.62	0.00	0.12	0.74	0.12
>1611	ptpI	SAUR2052 (SAR_RS10260)	0.00	0.00	0.19	0.00	0.00	0.19	0.00	0.00	0.19
>1612	QSHEP8	SAUR2053 (SAR_RS10265)	0.00	1.85	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	1.85	0.00
>1613	ASU43-yyrAB	SAUR2054 (SAR_RS10270)	1.99	0.98	>5.00	1.99	0.78	>5.00	2.08	0.87	>5.00
>1614	ASU44	SAUR2055 (SAR_RS10275)	0.00	0.94	0.94	0.00	0.94	0.94	0.00	0.94	0.94
>1615	ampS-mpgS	SAUR2056 (SAR_RS10280)	0.00	1.04	1.04	1.04	1.04	1.04	0.00	1.04	1.04
>1616	QSHEP4-DUF1128	SAUR2057 (SAR_RS10285)	0.00	0.97	0.97	0.00	0.97	0.97	0.00	0.97	0.97
>1617	ptpA	SAUR2058 (SAR_RS10290)	0.00	0.22	0.00	0.00	0.22	0.22	0.00	0.22	0.22
>1618	QSHEP2	SAUR2059 (SAR_RS10295)	0.00	0.36	0.00	0.00	0.36	0.00	0.00	0.36	0.00
>1619	rhn	SAUR2060 (SAR_RS10300)	0.00	0.90	1.23	0.00	0.90	1.23	0.00	0.90	1.23
>1620	vraT	SAUR2061 (SAR_RS10305)	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00	0.00	0.32	0.00
>1621	vraE	SAUR2062 (SAR_RS10310)	0.00	0.29	0.57	0.00	0.29	0.57	0.00	0.38	0.67
>1622	vraJ-llaF	SAUR2063 (SAR_RS10315)	0.00	0.43	0.57	0.00	0.57	0.43	0.00	0.57	0.43
>1623	vraU	SAUR2064 (SAR_RS10320)	0.00	0.78	0.52	0.00	0.78	0.52	0.00	0.78	0.52
>1624	ampM	SAUR2065 (SAR_RS10325)	0.00	1.05	0.13	0.00	1.05	0.13</			

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1675	lukK-lukG	SAUR2191 (SAR_RS10955)	0.10	4.33	0.49	0.00	4.23	0.39	0.00	4.23	0.39
>1676	lukY-lukH	SAUR2192 (SAR_RS10960)	0.00	1.70	0.38	0.00	1.70	0.38	0.09	1.79	0.47
>1677	dapE	SAUR2193 (SAR_RS10965)	0.00	0.65	0.25	0.00	0.65	0.25	0.00	0.65	0.25
>1678	atrB	SAUR2194 (SAR_RS10970)	0.00	1.07	0.23	0.00	1.07	0.23	0.00	1.07	0.23
>1679	grol-igroEL	SAUR2199 (SAR_RS10995)	0.00	3.28	1.48	0.00	3.28	1.48	0.00	3.28	1.48
>1680	groS	SAUR2200 (SAR_RS11000)	0.00	1.40	0.70	0.00	1.40	0.70	0.00	1.40	0.70
>1681	ydIL-mroQ	SAUR2201 (SAR_RS11005)	0.00	>=5.00	1.21	0.00	>=5.00	1.21	0.13	>=5.00	1.34
>1682	sdriH	SAUR2202 (SAR_RS11010)	0.08	>=5.00	4.80	3.12	4.40	>=5.00	3.20	4.48	>=5.00
>1683	QSHG68	SAUR3001	0.16	2.71	2.55	0.16	2.71	2.55	0.00	2.55	2.39
>1684	mtmU-ramA	SAUR2204 (SAR_RS11020)	0.00	0.64	0.51	0.00	0.64	0.51	0.13	0.76	0.64
>1685	hid	SAUR3002 (hid)	0.00	0.74	0.74	0.00	0.74	0.74	0.00	0.74	0.74
>1686	agrB-I	SAUR2953 (agrB)	0.00	2.63	0.00	0.00	2.63	0.00	0.00	2.63	0.00
>1687	agrD-I	SAUR2956 (agrD3)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1688	agrC-I	SAUR2958 (agrC)	0.00	>=5.00	0.08	0.00	>=5.00	0.08	0.00	>=5.00	0.08
>1689	agrA	SAUR2959 (agrA)	0.00	0.84	0.00	0.00	0.84	0.00	0.00	0.84	0.00
>1690	scrK-frk	SAUR2210 (SAR_RS11050)	0.00	1.15	0.42	0.00	1.15	0.42	0.10	1.25	0.52
>1691	scrB	SAUR2211 (SAR_RS11055)	0.00	1.28	0.67	0.00	1.28	0.67	0.07	1.35	0.74
>1692	scrR	SAUR2212 (SAR_RS11060)	0.11	1.07	0.53	0.00	1.27	0.42	0.00	1.07	0.42
>1693	nrgA	SAUR2213 (SAR_RS11065)	0.00	3.60	0.96	0.00	3.52	0.88	0.16	3.68	1.04
>1694	QSHF7-tusA	SAUR2214 (SAR_RS11070)	0.00	>=5.00	0.40	0.00	>=5.00	0.40	0.00	>=5.00	0.40
>1695	yeeE-DUF395	SAUR2215 (SAR_RS11075)	0.00	1.40	0.47	0.00	1.40	0.47	0.00	1.40	0.47
>1696	rex	SAUR2216 (SAR_RS11080)	0.00	0.16	0.47	0.00	0.16	0.47	0.00	0.16	0.47
>1697	yheS	SAUR2217 (SAR_RS11085)	0.00	0.78	0.26	0.00	0.78	0.26	0.05	0.83	0.31
>1698	mutS3	SAUR3003	0.00	1.74	0.87	0.06	1.80	0.93	0.06	1.80	0.93
>1699	tsaD-gcp	SAUR2220 (SAR_RS11100)	0.10	0.50	0.68	0.00	>=5.00	0.68	0.10	>=5.00	0.68
>1700	rmiI	SAUR2221 (SAR_RS11105)	0.00	0.86	0.43	0.00	0.86	0.43	0.00	0.86	0.43
>1701	tsaB	SAUR2222 (SAR_RS11110)	0.00	1.06	0.15	0.00	1.06	0.15	0.30	1.06	0.45
>1702	tsaE-ryjeE	(N/A)	0.00	1.15	0.00	0.23	1.38	0.23	0.23	1.38	0.23
>1703	ilvD	SAUR2225 (SAR_RS11125)	0.06	1.12	0.30	0.12	1.18	0.36	0.12	1.18	0.36
>1704	ilvB	SAUR2226 (SAR_RS11130)	0.06	0.73	0.73	0.06	0.73	0.73	0.06	0.73	0.73
>1705	ilvH	SAUR2227 (SAR_RS11135)	0.39	2.35	0.39	0.39	2.35	0.39	0.39	2.35	0.39
>1706	ilvC	SAUR2228 (SAR_RS11140)	0.00	0.50	0.20	0.00	0.50	0.20	0.00	0.50	0.20
>1707	leuA1	SAUR2229 (SAR_RS11145)	0.00	0.46	>=5.00	0.00	0.46	>=5.00	0.00	0.46	>=5.00
>1708	leuB	SAUR2230 (SAR_RS11150)	0.10	1.05	0.19	0.10	1.05	0.19	0.10	1.05	0.19
>1709	leuC	SAUR2231 (SAR_RS11155)	0.00	1.24	0.22	0.00	1.24	0.22	0.00	1.24	0.22
>1710	leuD	SAUR2232 (SAR_RS11160)	0.00	>=5.00	0.70	0.00	>=5.00	0.70	0.00	>=5.00	0.70
>1711	ilvA2	SAUR2233 (SAR_RS11165)	0.00	2.99	0.47	0.00	2.99	0.47	0.00	2.99	0.47
>1712	sprC	SAUR2240 (SAR_RS11200)	0.00	1.54	1.10	0.00	1.54	1.10	0.00	1.54	1.10
>1713	phoF	SAUR2241 (SAR_RS11205)	0.00	1.44	0.46	0.00	1.44	0.46	0.00	1.44	0.46
>1714	sigB	SAUR2242 (SAR_RS11210)	0.00	1.56	0.13	0.00	1.56	0.13	0.00	1.56	0.13
>1715	rsbW	SAUR2243 (SAR_RS11215)	0.00	0.63	0.21	0.00	0.63	0.21	0.21	0.63	0.42
>1716	rsbV	SAUR2244 (SAR_RS11220)	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31	0.31
>1717	rsbU	SAUR2245 (SAR_RS11225)	0.00	0.10	0.00	0.00	0.10	0.00	0.00	0.10	0.00
>1718	mazF	SAUR2247 (SAR_RS11235)	0.00	0.28	0.28	0.00	0.28	0.28	0.00	0.28	0.28
>1719	mazE-ydcD	SAUR2248 (SAR_RS11240)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1720	alc	SAUR2249 (SAR_RS11245)	0.00	1.48	0.87	0.00	1.48	0.87	0.00	1.48	0.87
>1721	acpS	SAUR2250 (SAR_RS11250)	0.00	1.39	0.56	0.00	1.39	0.56	0.00	1.39	0.56
>1722	ASIU8	SAUR2251 (SAR_RS11255)	0.00	2.24	0.81	0.00	2.24	0.81	0.00	2.24	0.81
>1723	DUF0304	SAUR2252 (SAR_RS11260)	0.00	2.78	0.57	0.00	2.78	0.57	0.00	2.78	0.57
>1724	Q9ZAH9	SAUR2253 (SAR_RS11265)	0.00	2.71	0.63	0.00	2.71	0.63	0.00	2.71	0.63
>1725	kdpC-chr	SAUR2254 (SAR_RS11270)	0.00	1.07	1.25	0.00	1.07	1.25	0.00	1.07	1.25
>1726	kdpB-chr	SAUR2255 (SAR_RS11275)	0.00	1.48	0.49	0.00	1.48	0.49	0.05	1.52	0.54
>1727	kdpA-chr	SAUR2256 (SAR_RS11280)	0.00	1.60	0.59	0.78	3.26	2.37	0.38	3.26	2.37
>1728	kdpF-chr	SAUR2257 (SAR_RS11285)	0.00	2.70	2.70	0.00	2.70	2.70	0.00	2.70	2.70
>1729	kdpD-chr	SAUR2258 (SAR_RS11290)	0.00	1.13	0.30	0.00	1.13	0.30	0.08	1.20	0.38
>1730	kdpE-chr	SAUR2259 (SAR_RS11295)	0.14	1.44	1.01	0.14	1.44	1.01	0.14	1.44	1.01
>1731	csbA	SAUR2260 (SAR_RS11300)	0.00	0.99	0.33	0.00	0.99	0.33	0.00	0.99	0.33
>1732	murF	SAUR2261 (SAR_RS11305)	0.00	0.88	0.00	0.00	0.88	0.00	0.00	0.88	0.00
>1733	ddlA	SAUR2262 (SAR_RS11310)	0.00	0.37	0.75	0.09	0.47	0.84	0.09	0.47	0.84
>1734	flvW1-rsdA	SAUR2263 (SAR_RS11315)	0.00	0.91	0.58	0.00	0.91	0.58	0.00	0.91	0.58
>1735	QSHB5	(N/A)	0.00	0.00	0.72	0.00	0.00	0.72	0.00	0.00	0.72
>1736	cszO	SAUR2266 (SAR_RS11330)	0.00	0.95	1.43	0.00	0.95	1.43	0.00	0.95	1.43
>1737	cszR	SAUR2267 (SAR_RS11335)	0.00	0.68	1.02	0.34	1.02	1.36	0.00	0.68	1.02
>1738	clsZ	SAUR2268 (SAR_RS11340)	0.13	0.61	0.20	0.07	0.54	0.13	0.07	0.54	0.13
>1739	yedJ	SAUR2269 (SAR_RS11345)	0.15	1.70	1.08	0.15	1.70	1.08	0.15	1.70	1.08
>1740	yidC-oxaA	SAUR2271 (SAR_RS11355)	0.00	1.34	0.23	0.11	0.34	0.23	0.11	0.34	0.23
>1741	thiC	SAUR2272 (SAR_RS11360)	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31	0.31	0.00	0.31	0.31
>1742	thiM	SAUR2273 (SAR_RS11365)	0.13	1.01	0.13	0.00	0.88	0.00	0.00	0.88	0.00
>1743	thiD2	SAUR2274 (SAR_RS11370)	0.00	1.32	0.24	0.00	1.32	0.24	0.12	1.44	0.36
>1744	tenA	SAUR2275 (SAR_RS11375)	0.14	0.58	0.14	0.00	0.43	0.00	0.00	0.43	0.00
>1745	sceD	SAUR2277 (SAR_RS11385)	0.00	0.71	1.28	0.00	0.71	1.28	0.00	0.71	1.28
>1746	QSHEA3	SAUR2278 (SAR_RS11390)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1747	ywpF	SAUR2279 (SAR_RS11395)	0.00	0.23	0.00	0.00	0.23	0.00	0.00	0.23	0.00
>1748	fabI	SAUR2280 (SAR_RS11400)	0.23	1.13	0.45	0.23	1.13	0.45	0.23	1.13	0.45
>1749	murA	SAUR2281 (SAR_RS11405)	0.00	4.34	0.32	0.00	4.34	0.32	0.00	4.34	0.32
>1750	ywcB	SAUR2282 (SAR_RS11410)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1751	atpE	SAUR2284 (SAR_RS11420)	0.00	0.25	0.25	0.25	0.49	0.49	0.25	0.49	0.49
>1752	atpD	SAUR2285 (SAR_RS11425)	0.00	0.42	0.42	0.00	0.42	0.42	0.00	0.42	0.42
>1753	atpG	SAUR2286 (SAR_RS11430)	0.00	0.23	0.00	0.12	0.35	0.12	0.00	0.23	0.00
>1754	atpA	SAUR2287 (SAR_RS11435)	0.00	0.07	0.07	0.00	0.07	0.07	0.00	0.07	0.07
>1755	atpH	SAUR2288 (SAR_RS11440)	0.00	0.56	0.19	0.00	0.56	0.19	0.00	0.56	0.19
>1756	atpF	SAUR2289 (SAR_RS11445)	0.00	0.19	0.00	0.00	0.37	0.38	0.19	0.38	0.19
>1757	atpL-utpE	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1758	atpB	SAUR2291 (SAR_RS11455)	0.00	0.27	0.00	0.00	0.27	0.00	0.00	0.27	0.00
>1759	atpI	SAUR2292 (SAR_RS11460)	0.00	1.13	3.67	0.28	1.41	3.95	0.28	1.41	3.95
>1760	mnaA-wecB	SAUR2293 (SAR_RS11465)	0.00	0.53	0.53	0.00	0.53	0.53	0.00	0.53	0.53
>1761	upp	SAUR2294 (SAR_RS11470)	0.00	0.63	0.16	0.00	0.63	0.16	0.00	0.63	0.16
>1762	glyA	SAUR2295 (SAR_RS11475)	0.08	0.32	0.40	0.16	0.40	0.56	0.08	0.56	0.48
>1763	ywG	SAUR2296 (SAR_RS11480)	0.13	0.95	0.95	0.05	0.95	0.76	0.05	0.76	0.76
>1764	ptpB	SAUR2297 (SAR_RS11485)	0.00	0.24	1.19	0.00	0.24	1.19	0.00	0.24	1.19
>1765	tsaCrimN	SAUR2298 (SAR_RS11490)	0.00	0.85	1.33	0.00	0.85	1.33	0.00	0.85	1.33
>1766	prnC-hemK	SAUR2299 (SAR_RS11495)	0.00	0.36	0.48	0.00	0.36	0.48	0.00	0.36	0.48
>1767	prfA	SAUR2300 (SAR_RS11500)	0.00	1.02	0.46	0.00	1.02	0.46	0.00	1.02	0.46
>1768	tdk	SAUR2301 (SAR_RS11505)	0.00	0.83	0.67	0.00	0.83	0.67	0.00	0.83	0.67
>1769	rpmE	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1770	rpo	SAUR2304 (SAR_RS11520)	0.00	0.76	0.38	0.00	0.76	0.38	0.00	0.76	0.38
>1771	aldA3	SAUR2305 (SAR_RS11525)	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.		

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1823	rhbC2-sfaD	SAUR2373 (SAR_R511865)	0.05	0.91	0.35	0.05	0.91	0.35	0.05	0.91	0.35
>1824	asp23	SAUR2374 (SAR_R511870)	0.00	2.16	0.20	0.00	2.16	0.20	0.00	2.16	0.20
>1825	QSH2273	SAUR2375 (SAR_R511875)	0.00	1.67	0.42	0.00	1.67	0.42	0.00	1.67	0.42
>1826	QSH21-ramaP	SAUR2376 (SAR_R511880)	0.00	0.36	1.46	0.00	0.36	1.46	0.00	0.36	1.46
>1827	opusD2	SAUR2377 (SAR_R511885)	0.13	1.60	0.96	0.13	1.60	0.96	0.13	1.60	0.96
>1828	QSH219	SAUR2378 (SAR_R511890)	0.00	1.49	0.79	0.00	1.49	0.79	0.00	1.49	0.79
>1829	qorA-curA	SAUR2379 (SAR_R511895)	0.10	1.59	1.29	0.30	1.79	1.49	0.10	1.59	1.29
>1830	DUF0915	(N/A)	0.00	0.80	1.49	0.00	0.80	1.49	0.00	0.80	1.49
>1831	lacG	SAUR2381 (SAR_R511905)	0.00	1.34	0.85	0.00	1.34	0.85	0.00	1.34	0.85
>1832	lacE	SAUR2382 (SAR_R511910)	0.58	1.28	1.05	0.58	1.28	1.05	0.58	1.28	1.05
>1833	lacF	SAUR2383 (SAR_R511915)	0.00	1.28	1.28	0.00	1.28	1.28	0.00	1.28	1.28
>1834	lacD	SAUR2384 (SAR_R511920)	0.00	0.82	0.41	0.00	0.82	0.41	0.00	0.82	0.41
>1835	lacC	SAUR2385 (SAR_R511925)	0.00	2.47	0.64	0.00	2.47	0.64	0.00	2.47	0.64
>1836	lacB	SAUR2386 (SAR_R511930)	0.00	0.78	0.00	0.00	0.78	0.00	0.00	0.78	0.00
>1837	lacA	SAUR2387 (SAR_R511935)	0.23	0.47	0.47	0.00	0.23	0.23	0.00	0.23	0.23
>1838	lacR	SAUR2388 (SAR_R511940)	0.26	2.65	0.00	0.26	2.65	0.00	0.26	2.65	0.00
>1839	cobB	SAUR2389 (SAR_R511945)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	2.46	1.50
>1840	QSH205	(N/A)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1841	yvgN2	SAUR2394 (SAR_R511970)	0.00	1.06	1.06	0.00	1.06	1.06	0.00	1.06	1.06
>1842	adhR	SAUR2395 (SAR_R511975)	0.00	0.96	0.96	0.00	0.96	0.96	0.00	0.96	0.96
>1843	hysA-L1.8	(N/A)	0.04	>=5.00	>=5.00	0.04	>=5.00	>=5.00	0.08	>=5.00	>=5.00
>1844	eap-L2-eapH-1	SAUR2400 (SAR_R512000)	0.00	3.29	0.47	0.00	3.29	0.47	0.00	3.29	0.47
>1845	alsD-L1-budA	SAUR2401 (SAR_R512005)	0.14	2.55	1.13	0.14	2.55	1.13	0.14	2.55	1.13
>1846	alsS	SAUR2402 (SAR_R512010)	0.00	3.24	0.54	0.00	3.24	0.54	0.00	3.24	0.54
>1847	rpiJ	SAUR2406 (SAR_R512030)	0.25	0.25	0.00	0.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1848	rpiM	SAUR2407 (SAR_R512035)	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46	0.00	0.46	0.46
>1849	truA	SAUR2408 (SAR_R512040)	0.00	2.99	2.24	0.00	2.99	2.24	0.00	2.99	2.24
>1850	ecfT	SAUR2409 (SAR_R512045)	0.00	1.49	0.99	0.00	1.49	0.99	0.00	1.49	0.99
>1851	ecfA1	SAUR2410 (SAR_R512050)	0.00	>=5.00	0.93	0.00	>=5.00	0.93	>=5.00	0.00	>=5.00
>1852	ecfA2	SAUR2411 (SAR_R512055)	0.12	1.11	0.49	0.12	1.11	0.49	0.12	1.11	0.49
>1853	rpiQ	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1854	rpoA	SAUR2415 (SAR_R512075)	0.00	0.11	0.00	0.00	0.11	0.00	0.00	0.00	0.00
>1855	rpsK	SAUR2416 (SAR_R512080)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1856	rpsM	(N/A)	0.00	0.27	0.55	0.00	0.27	0.55	0.00	0.27	0.55
>1857	rpmJ	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1858	infA	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1859	adk	SAUR2420 (SAR_R512100)	0.00	0.15	0.15	0.00	0.15	0.15	0.00	0.15	0.15
>1860	secY1	SAUR2421 (SAR_R512105)	0.00	0.15	0.08	0.00	0.15	0.08	0.08	0.23	0.15
>1861	rpiO	SAUR2422 (SAR_R512110)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1862	rpmD	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1863	rpsE	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1864	rpiR	SAUR2425 (SAR_R512125)	0.00	0.28	0.00	0.28	0.56	0.28	0.00	0.28	0.00
>1865	rpiF	SAUR2426 (SAR_R512130)	0.00	0.19	0.19	0.00	0.19	0.19	0.00	0.19	0.19
>1866	rpsH	SAUR2427 (SAR_R512135)	0.00	0.25	0.25	0.00	0.25	0.25	0.25	0.50	0.50
>1867	rpsZ	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1868	rpiE	(N/A)	0.00	0.37	0.37	0.00	0.37	0.37	0.00	0.37	0.37
>1869	rpiX	SAUR2430 (SAR_R512150)	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31	0.00
>1870	rpiN	SAUR2431 (SAR_R512155)	0.00	0.54	0.54	0.00	0.54	0.54	0.00	0.54	0.54
>1871	rpsQ	SAUR2432 (SAR_R512160)	0.00	0.00	0.38	0.00	0.00	0.38	0.00	0.00	0.38
>1872	rpmC	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1873	rpiP	SAUR2434 (SAR_R512170)	0.00	0.23	0.00	0.00	0.23	0.00	0.00	0.23	0.00
>1874	rpsC	SAUR2435 (SAR_R512175)	0.15	0.31	0.46	0.00	0.15	0.31	0.00	0.15	0.31
>1875	rpiY	(N/A)	0.00	0.00	0.00	2.82	0.00	0.00	2.82	0.00	0.00
>1876	rpsS	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1877	rpiB	SAUR2438 (SAR_R512190)	0.00	0.24	0.24	0.12	0.36	0.36	0.00	0.24	0.24
>1878	rpiW	SAUR2439 (SAR_R512195)	0.00	0.72	0.72	0.00	0.72	0.72	0.00	0.72	0.72
>1879	rpiD	SAUR2440 (SAR_R512200)	0.00	0.16	0.00	0.00	0.16	0.00	0.00	0.16	0.00
>1880	rpiC	SAUR2441 (SAR_R512205)	0.00	0.00	0.30	0.00	0.00	0.30	0.00	0.00	0.30
>1881	rpsJ	SAUR2442 (SAR_R512210)	0.00	0.65	0.00	0.00	0.65	0.00	0.00	0.65	0.00
>1882	QSHDV6	SAUR2443 (SAR_R512215)	0.00	1.03	0.51	0.00	1.03	0.51	0.00	1.03	0.51
>1883	pbuG	SAUR2444 (SAR_R512220)	0.00	0.67	0.45	0.00	0.67	0.45	0.07	0.75	0.52
>1884	topB	SAUR2445 (SAR_R512225)	0.05	0.89	0.70	0.14	0.98	0.80	0.09	0.94	0.75
>1885	QSHDV3	SAUR2447 (SAR_R512235)	0.00	1.46	2.03	0.00	1.46	2.03	0.00	1.46	2.03
>1886	glcU	SAUR2448 (SAR_R512240)	0.00	0.58	0.23	0.12	0.69	0.35	0.00	0.58	0.23
>1887	Q1Y7Y7	SAUR2449 (SAR_R512245)	0.00	1.21	>=5.00	0.00	1.21	>=5.00	0.00	1.21	>=5.00
>1888	QSHDU8+mspA	SAUR2451 (SAR_R512255)	0.00	0.63	0.63	0.00	0.63	0.63	0.00	0.63	0.63
>1889	acrB	SAUR2452 (SAR_R512260)	0.00	0.66	0.66	0.00	0.66	0.66	0.00	0.66	0.66
>1890	fmbB-femX	SAUR2453 (SAR_R512265)	0.00	0.87	0.95	0.39	0.47	0.47	0.00	0.87	0.39
>1891	QSHDU5	SAUR2455 (SAR_R512275)	0.00	0.92	0.78	0.00	0.92	0.78	0.00	0.92	0.78
>1892	QSHDU4	SAUR2456 (SAR_R512280)	0.00	0.91	0.68	0.00	0.91	0.68	0.00	0.91	0.68
>1893	ybfD	SAUR2457 (SAR_R512285)	0.00	0.33	0.41	0.00	0.33	0.41	0.00	0.33	0.41
>1894	sarV	SAUR2458 (SAR_R512290)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1895	mosA	SAUR2461 (SAR_R512305)	0.00	0.78	1.29	0.00	0.78	1.29	0.00	0.78	1.29
>1896	mobA	SAUR2462 (SAR_R512310)	0.00	0.67	0.00	0.00	0.67	1.00	0.00	0.67	1.00
>1897	mosD	SAUR2463 (SAR_R512315)	0.00	1.21	0.00	1.21	>=5.00	>=5.00	1.21	>=5.00	>=5.00
>1898	mosE	SAUR2464 (SAR_R512320)	0.00	0.89	0.45	0.00	0.89	0.45	0.00	0.89	0.45
>1899	mobB	SAUR2465 (SAR_R512325)	0.00	>=5.00	0.82	0.00	>=5.00	0.82	0.00	>=5.00	0.82
>1900	moeA	SAUR2466 (SAR_R512330)	0.00	1.43	0.40	0.00	1.43	0.40	0.00	1.43	0.40
>1901	mosC	SAUR2467 (SAR_R512335)	0.00	1.40	1.21	0.20	0.61	1.41	0.00	0.40	1.21
>1902	mosB	SAUR2468 (SAR_R512340)	0.00	1.18	0.59	0.00	1.18	0.59	0.00	1.18	0.59
>1903	mosB	SAUR2469 (SAR_R512345)	0.00	1.19	0.40	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1904	modC	SAUR2470 (SAR_R512350)	0.00	0.83	0.50	0.00	0.83	0.50	0.00	0.83	0.50
>1905	modB	SAUR2471 (SAR_R512355)	0.15	0.15	0.60	0.15	0.15	0.60	0.15	0.15	0.60
>1906	modA	SAUR2472 (SAR_R512360)	0.00	2.04	0.26	0.00	2.04	0.26	0.00	2.04	0.26
>1907	fdhD-narQ	SAUR2473 (SAR_R512365)	0.00	1.50	0.88	0.13	1.63	1.00	0.00	1.50	0.88
>1908	QSHDS6	SAUR2474 (SAR_R512370)	0.00	0.78	0.13	0.00	0.78	0.13	0.00	0.78	0.13
>1909	bioY	SAUR2475 (SAR_R512375)	0.00	0.72	0.54	0.00	0.72	0.54	0.00	0.72	0.54
>1910	rnbA	SAUR2476 (SAR_R512380)	0.00	1.70	1.57	0.00	0.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>1911	fhuD2	SAUR2477 (SAR_R512385)	0.00	0.55	0.44	0.00	0.55	0.44	0.00	0.55	0.44
>1912	calA	SAUR2478 (SAR_R512390)	0.00	0.95	0.52	0.00	0.95	0.52	0.00	0.95	0.52
>1913	utp-yut	SAUR2479 (SAR_R512395)	0.00	4.19	0.77	0.00	4.19	0.77	0.00	4.19	0.77
>1914	ureA	(N/A)	0.33	0.66	0.66	0.33	0.66	0.66	0.33	0.66	0.66
>1915	ureB	SAUR2481 (SAR_R512405)	0.00	0.73	0.24	0.00	0.73	0.24	0.00	0.73	0.24
>1916	ureC	SAUR2482 (SAR_R512410)	0.00	1.22	0.35	0.00	1.22	0.35	0.06	1.28	0.41
>1917	ureF	SAUR2483 (SAR_R512415)	0.00	1.32	1.10	0.00	1.32	1.10	0.00	1.32	1.10
>1918	ureF	SAUR2484 (SAR_R512420)	0.00	1.01	1.01	0.00	1.01	1.01	0.00	1.01	1.01
>1919	ureG	SAUR2485 (SAR_R512425)	0.00	0.98	0.65	0.00	0.98	0.65	0.16	1.14	0.81
>1920	ureD	SAUR2486 (SAR_R512430)	0.00	0.60	0.48	0.00	0.60				

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>1971	fnl-idl2	SAUR2543 (SAR_RS12715)	0.00	0.95	0.38	0.00	0.95	0.38	0.00	0.95	0.38
>1972	corA	SAUR2544 (SAR_RS12720)	0.00	0.74	0.63	0.00	0.74	0.63	0.00	0.74	0.63
>1973	QSHDK8	SAUR2545 (SAR_RS12725)	0.20	0.39	0.39	0.20	0.39	0.39	0.20	0.39	0.39
>1974	QSHDK7	SAUR2546 (SAR_RS12730)	0.00	1.19	>5.00	0.00	1.19	>5.00	0.00	1.19	>5.00
>1975	mlhA	(N/A)	0.00	0.66	0.33	0.00	0.66	0.33	0.00	0.66	0.33
>1976	QSHDK5	SAUR2548 (SAR_RS12740)	0.16	1.10	0.78	0.16	1.10	0.78	0.16	1.10	0.78
>1977	semB	SAUR2549 (SAR_RS12745)	0.00	>5.00	0.16	0.00	>5.00	0.16	0.00	>5.00	0.16
>1978	semA	SAUR2550 (SAR_RS12750)	0.00	>5.00	0.31	0.00	>5.00	0.31	0.00	>5.00	0.31
>1979	QSHDK2	SAUR2551 (SAR_RS12755)	0.00	1.26	0.00	0.00	1.26	0.00	0.00	1.26	0.00
>1980	lcaB	SAUR2553 (SAR_RS12765)	0.08	1.32	0.66	0.00	1.24	0.58	0.00	1.24	0.58
>1981	lcaA	SAUR2555 (SAR_RS12775)	0.22	0.66	0.72	0.22	0.72	0.36	0.20	0.72	0.36
>1982	lcaR	SAUR2557 (SAR_RS12785)	0.00	0.22	0.00	0.22	0.22	0.00	0.22	0.22	0.00
>1983	QSHDJ7	SAUR2558 (SAR_RS12790)	0.00	0.72	0.00	0.00	0.72	0.00	0.00	0.72	0.00
>1984	hrtA	SAUR2559 (SAR_RS12795)	0.15	1.05	>5.00	0.15	1.05	>5.00	0.15	1.05	>5.00
>1985	hrtB	SAUR2560 (SAR_RS12800)	0.00	1.23	0.47	0.19	1.42	0.66	0.00	1.23	0.47
>1986	hssR	SAUR2561 (SAR_RS12805)	0.00	0.89	0.59	0.00	0.89	0.59	0.00	0.89	0.59
>1987	hssS	SAUR2562 (SAR_RS12810)	0.07	1.24	0.87	0.07	1.24	0.87	0.07	1.24	0.87
>1988	hstT	SAUR2563 (SAR_RS12815)	0.00	1.59	0.23	0.00	1.59	0.23	0.00	1.59	0.23
>1989	QSHDI1+DUF3021	SAUR2564 (SAR_RS12820)	0.00	4.64	0.88	0.00	4.64	0.88	0.00	4.64	0.88
>1990	mgo	SAUR2568 (SAR_RS12840)	0.00	1.08	0.14	0.00	1.08	0.14	0.00	1.08	0.14
>1991	lctP-locus2	SAUR2569 (SAR_RS12845)	0.00	0.63	0.00	0.00	0.63	0.00	0.00	0.63	0.00
>1992	tagF	(N/A)	0.00	0.72	0.66	0.00	0.72	0.66	0.00	0.72	0.66
>1993	QSHDI7	SAUR2571 (SAR_RS12855)	0.00	0.63	0.32	0.16	0.79	0.48	0.00	0.63	0.32
>1994	galA	SAUR2572 (SAR_RS12860)	0.19	1.16	0.78	0.00	0.97	0.58	>5.00	>5.00	>5.00
>1995	yHfP-A1KWx9	(N/A)	0.00	0.70	0.20	0.00	0.70	0.20	>5.00	>5.00	>5.00
>1996	QSHDI4	SAUR2574 (SAR_RS12870)	0.00	>5.00	1.99	0.25	>5.00	2.24	0.00	>5.00	1.99
>1997	iruO	SAUR2575 (SAR_RS12875)	0.19	1.06	0.58	0.10	0.97	0.48	0.10	0.97	0.48
>1998	QSHDI2	SAUR2577 (SAR_RS12885)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>1999	pip	SAUR2579 (SAR_RS12895)	0.00	0.94	0.23	0.00	0.94	0.23	0.00	0.94	0.23
>2000	QSHDH9+tetR21	SAUR2580 (SAR_RS12900)	0.00	0.64	0.48	0.00	0.64	0.48	0.00	0.64	0.48
>2001	colB	SAUR2581 (SAR_RS12905)	0.00	0.42	0.00	0.00	0.42	0.00	0.00	0.42	0.00
>2002	scrA	SAUR2582 (SAR_RS12910)	0.00	1.04	0.35	0.00	1.04	0.35	0.00	1.04	0.35
>2003	DUF1722	SAUR2583 (SAR_RS12915)	0.26	1.04	0.52	0.26	1.04	0.52	0.52	1.30	0.78
>2004	rspnaraC	SAUR2584 (SAR_RS12920)	0.05	1.28	0.14	0.00	1.23	0.09	0.05	1.28	0.14
>2005	ydaG	SAUR2585 (SAR_RS12925)	0.00	>5.00	0.47	0.00	>5.00	0.47	0.00	>5.00	0.47
>2006	QSHDH2+DUF4889	(N/A)	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00	0.00
>2007	glfT	SAUR2588 (SAR_RS12940)	0.00	0.39	0.39	0.00	0.39	0.39	0.00	0.39	0.39
>2008	DUF3139	SAUR2589 (SAR_RS12945)	0.27	1.37	0.82	0.00	1.09	0.55	0.27	1.37	0.82
>2009	narJ	SAUR2590 (SAR_RS12950)	0.00	1.40	0.93	0.00	1.17	0.70	0.00	1.17	0.70
>2010	hsp20	(N/A)	0.23	1.40	0.93	0.00	1.17	0.70	0.00	1.17	0.70
>2011	narK	SAUR2592 (SAR_RS12960)	0.00	1.71	0.17	0.00	1.71	0.17	0.00	1.71	0.17
>2012	nreC	SAUR2595 (SAR_RS12975)	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31	0.00	0.00	0.31	0.00
>2013	nreB	SAUR2596 (SAR_RS12980)	0.00	0.48	0.00	0.00	0.48	0.00	0.00	0.48	0.00
>2014	nreA	SAUR2597 (SAR_RS12985)	0.00	0.44	0.22	0.00	0.44	0.22	0.00	0.44	0.22
>2015	narI	SAUR2598 (SAR_RS12990)	0.00	1.18	0.29	0.00	1.18	0.29	0.00	1.18	0.29
>2016	narJ	SAUR2599 (SAR_RS12995)	0.17	0.17	0.00	0.00	0.17	0.00	0.00	0.17	0.00
>2017	narH	SAUR2600 (SAR_RS13000)	0.00	0.96	0.56	0.00	0.96	>5.00	0.06	1.02	>5.00
>2018	narG	SAUR2601 (SAR_RS13005)	0.00	0.89	1.00	0.03	0.92	1.03	0.00	0.89	1.00
>2019	nasFrcobA	SAUR2602 (SAR_RS13010)	0.00	1.64	0.92	0.00	1.64	0.92	0.00	1.64	0.92
>2020	nasE-nirD	SAUR2603 (SAR_RS13015)	0.00	0.63	0.32	0.00	0.63	0.32	0.00	0.63	0.32
>2021	nasD-nirB	SAUR2604 (SAR_RS13020)	0.00	0.96	0.21	0.00	0.96	0.21	0.00	0.96	0.21
>2022	nirK-nasR-rchbX	SAUR2605 (SAR_RS13025)	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>2023	QSHDI4-ytmI	SAUR2606 (SAR_RS13030)	0.00	>5.00	1.47	0.00	>5.00	1.47	0.00	>5.00	1.47
>2024	focA-L2-nirC	SAUR2607 (SAR_RS13035)	0.00	>5.00	0.48	0.00	>5.00	0.48	0.00	>5.00	0.48
>2025	Q8NV18	(N/A)	0.00	1.09	0.00	0.00	1.09	0.00	0.00	1.09	0.00
>2026	QSHDF2	SAUR2609 (SAR_RS13045)	0.00	1.71	0.64	0.00	1.71	0.64	0.00	1.71	0.64
>2027	zinT-adiC	SAUR2610 (SAR_RS13050)	0.26	0.90	0.58	0.19	0.90	0.51	0.19	0.90	0.51
>2028	yoeB1	(N/A)	0.00	1.87	2.25	0.37	2.25	2.62	0.00	1.87	2.25
>2029	yefM1	(N/A)	0.00	1.40	1.59	0.00	0.40	1.59	0.00	0.40	1.59
>2030	shbA	SAUR2614 (SAR_RS13070)	0.17	1.00	0.83	0.00	0.83	0.67	0.00	0.83	0.67
>2031	DUF4467	SAUR2615 (SAR_RS13075)	>5.00	>5.00	>5.00	0.00	0.26	0.26	0.00	0.26	0.00
>2032	fmbA	SAUR2616 (SAR_RS13080)	0.00	1.60	0.40	0.08	1.68	0.48	0.00	1.60	0.40
>2033	tcyC	SAUR2617 (SAR_RS13085)	0.00	0.27	0.14	0.00	0.27	0.14	0.00	0.27	0.14
>2034	tcyB	SAUR2618 (SAR_RS13090)	0.14	0.27	0.41	0.00	0.14	0.27	0.00	0.14	0.27
>2035	tcyA	SAUR2619 (SAR_RS13095)	0.51	1.15	1.28	0.00	0.64	0.77	0.00	0.64	0.77
>2036	mdcA	SAUR2620 (SAR_RS13100)	0.00	1.32	0.90	0.00	1.32	0.90	0.07	1.39	0.97
>2037	gpmA2	SAUR2621 (SAR_RS13105)	0.00	1.73	0.29	0.00	1.73	0.29	0.00	1.73	0.29
>2038	cdff	SAUR2623 (SAR_RS13115)	0.58	0.58	0.69	0.12	0.58	0.58	0.00	0.58	0.46
>2039	shl	SAUR2625 (SAR_RS13125)	0.00	>5.00	>5.00	3.38	3.24	3.53	0.00	>5.00	>5.00
>2040	hlgA	SAUR2627 (SAR_RS13135)	0.11	0.54	0.11	0.11	0.54	0.11	0.11	0.54	0.11
>2041	lukS-hlgC	SAUR2628 (SAR_RS13140)	0.00	0.52	0.21	0.00	0.52	0.21	1.15	1.67	1.36
>2042	lukF-hlgB	SAUR2629 (SAR_RS13145)	0.00	0.82	0.10	0.00	0.82	0.10	0.00	0.82	0.10
>2043	bioX	SAUR2630 (SAR_RS13150)	0.00	1.28	0.64	0.00	1.28	0.64	0.00	1.28	0.64
>2044	bioW	SAUR2631 (SAR_RS13155)	0.00	1.30	1.15	0.00	1.30	1.15	0.00	1.30	1.15
>2045	bioF	SAUR2632 (SAR_RS13160)	0.00	1.17	1.17	0.00	1.17	1.17	0.00	1.17	1.17
>2046	bioB	SAUR2633 (SAR_RS13165)	0.00	1.09	0.99	0.00	1.09	0.99	0.00	1.09	0.99
>2047	bioA	SAUR2634 (SAR_RS13170)	0.00	1.69	1.47	0.00	1.69	1.47	0.00	1.69	1.47
>2048	bioD	SAUR2635 (SAR_RS13175)	0.00	3.97	1.42	0.00	3.97	1.42	0.00	3.97	1.42
>2049	QSHDC6-L1	SAUR2637 (SAR_RS13185)	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00	0.00	0.00	>5.00	0.00
>2050	msbA3	(N/A)	0.00	2.48	>5.00	0.00	2.48	>5.00	0.00	2.48	>5.00
>2051	msbA4	(N/A)	0.06	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00	0.00	>5.00	>5.00
>2052	QSHDC6-L2	SAUR2640 (SAR_RS13200)	0.00	0.93	0.00	0.00	0.93	0.00	0.00	0.93	0.00
>2053	ldr_fst_L2	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>2054	gtrA+gtxA	SAUR2642 (SAR_RS13210)	0.26	2.84	0.26	0.52	3.10	0.52	0.26	2.84	0.26
>2055	glxK1	SAUR2643 (SAR_RS13215)	0.00	0.52	0.96	0.09	0.61	1.05	0.00	0.52	0.96
>2056	QSHDC0	SAUR2644 (SAR_RS13220)	0.00	1.97	0.91	0.15	2.12	1.06	0.00	1.97	0.91
>2057	bcr	SAUR2645 (SAR_RS13225)	0.00	1.32	0.41	0.00	1.32	0.41	0.00	1.32	0.41
>2058	narP	SAUR2646 (SAR_RS13230)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.21	0.00	0.00	0.21
>2059	QSHDB7	SAUR2647 (SAR_RS13235)	0.15	1.07	1.22	0.46	1.22	0.61	1.22	1.22	0.61
>2060	QSHDB6	SAUR2648 (SAR_RS13240)	0.00	>5.00	0.25	0.00	>5.00	0.25	0.00	>5.00	0.25
>2061	aapA3+cyxA	SAUR2649 (SAR_RS13245)	0.00	1.06	0.57	0.07	1.13	0.64	0.00	1.06	0.57
>2062	nhaK2	SAUR2650 (SAR_RS13250)	0.00	1.25	0.43	0.00	1.25	0.43	0.05	1.30	0.48
>2063	ydaO	SAUR2652 (SAR_RS13260)	0.00	0.98	0.16	0.00	0.98	0.16	0.00	0.98	0.16
>2064	flp-fmtA2	SAUR2654 (SAR_RS13270)	0.00	4.00	2.00	0.00	4.00	2.00	0.00	4.00	2.00
>2065	rhdA	SAUR2655 (SAR_RS13275)	0.00	0.59	0.70	0.00	0.59	0.70	0.00	0.59	0.70
>2066	panE1	SAUR2657 (SAR_RS13285)	0.20	1.29	1.11	0.00	1.29	1.11	0.00	1.29	1.11
>2067	mmr-norB	SAUR2658 (SAR_RS13290)	0.07	1.14	0.21	0.00	1.07	0.14	0.00	1.07	0.14
>2068	opuCD	SA									

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMLST cg scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>2120	Q1Y5K2	SAUR2726 (SAR_R513630)	0.00	1.85	0.74	0.00	1.85	0.74	0.09	1.94	0.83
>2121	Q1Y5K1	SAUR2727 (SAR_R513635)	0.00	2.53	1.01	0.17	2.69	1.18	0.00	2.53	1.01
>2122	mhgA-2	SAUR2728 (SAR_R513640)	0.10	2.27	1.44	0.00	2.17	1.34	0.10	2.27	1.44
>2123	mhgR	SAUR2729 (SAR_R513645)	0.23	0.46	0.23	0.23	0.46	0.23	0.23	0.46	0.23
>2124	QSHD32	SAUR2730 (SAR_R513650)	0.00	2.81	0.00	0.00	2.81	0.00	0.00	2.81	0.00
>2125	catE	SAUR2731 (SAR_R513655)	0.25	1.49	1.49	0.00	1.24	1.24	0.00	1.24	1.24
>2126	frp	SAUR2732 (SAR_R513660)	0.15	1.19	1.04	0.15	1.19	1.04	0.15	1.19	1.04
>2127	ldhD-ddh_L1	SAUR2733 (SAR_R513665)	0.10	0.60	0.60	0.10	0.60	0.60	0.10	0.60	0.60
>2128	ywtE	SAUR2736 (SAR_R513680)	0.00	3.00	1.62	0.00	3.00	1.62	0.00	3.00	1.62
>2129	srfA	SAUR2737 (SAR_R513685)	0.00	0.48	0.00	0.00	0.48	0.00	0.00	0.48	0.00
>2130	ywhHymcA	SAUR2738 (SAR_R513690)	0.20	1.63	0.61	0.20	1.62	0.61	0.20	1.61	0.61
>2131	sdaA	SAUR2741 (SAR_R513705)	0.00	0.78	0.56	0.00	0.78	0.56	0.00	0.78	0.56
>2132	sdaB	SAUR2742 (SAR_R513710)	0.00	0.44	0.00	0.00	0.44	0.00	0.00	0.44	0.00
>2133	ptsEIIc	SAUR2743 (SAR_R513715)	0.00	0.29	0.67	0.00	0.29	0.67	0.00	0.29	0.67
>2134	QSHD18	SAUR2744 (SAR_R513720)	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00	0.00	0.49	0.00
>2135	ydeD-yicL	(N/A)	0.00	0.86	1.40	0.22	1.08	1.62	0.00	0.86	1.40
>2136	acpA	SAUR2746 (SAR_R513730)	0.00	1.55	0.52	0.10	1.65	0.62	0.00	1.55	0.52
>2137	QSHD15	SAUR2747 (SAR_R513735)	0.00	0.28	0.28	0.00	0.28	0.28	0.00	0.28	0.28
>2138	QSHD14	SAUR2748 (SAR_R513740)	0.00	1.46	0.49	0.00	1.46	0.49	0.00	1.46	0.49
>2139	glcB-ptsG	SAUR2749 (SAR_R513745)	0.00	1.16	0.87	0.15	1.31	1.02	0.00	1.16	0.87
>2140	cidC-pox	SAUR2750 (SAR_R513750)	0.06	4.37	0.40	0.11	4.43	0.46	0.06	4.37	0.40
>2141	cidB	SAUR2751 (SAR_R513755)	0.00	0.72	4.06	0.00	0.72	4.06	0.00	0.72	4.06
>2142	cidA	SAUR2752 (SAR_R513760)	0.00	0.76	>=5.00	0.00	0.76	>=5.00	0.00	0.76	>=5.00
>2143	cdhA	SAUR2753 (SAR_R513765)	0.00	0.46	0.11	0.00	0.46	0.11	0.11	0.57	0.23
>2144	Q2FV82	(N/A)	0.00	0.23	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>2145	ssaA4	SAUR2755 (SAR_R513775)	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23
>2146	mmaA	SAUR2756 (SAR_R513780)	0.00	4.76	0.70	0.00	4.76	0.70	0.08	4.84	0.78
>2147	mmaS	SAUR2757 (SAR_R513785)	0.09	2.74	0.00	0.09	2.74	0.00	0.09	2.74	0.00
>2148	adaB	SAUR2758 (SAR_R513790)	0.00	2.49	1.34	0.00	2.49	1.34	0.00	2.49	1.34
>2149	clpL	SAUR2759 (SAR_R513795)	0.09	>=5.00	1.66	0.05	>=5.00	1.61	0.05	>=5.00	1.61
>2150	A8Z3E9	(N/A)	0.00	4.07	1.74	0.00	4.07	1.74	0.00	4.07	1.74
>2151	feoB	(N/A)	0.00	1.15	0.35	0.00	1.15	0.35	0.00	1.15	0.35
>2152	feoA	SAUR3013	0.08	0.88	0.88	0.08	0.88	0.88	0.44	1.32	1.32
>2153	mmpL-ufarE	SAUR3014	0.00	>=5.00	>=5.00	0.04	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>2154	Q8NUR3=farR	SAUR2764 (SAR_R513820)	0.00	>=5.00	0.73	0.00	>=5.00	0.73	0.00	>=5.00	>=5.00
>2155	QSHC27	SAUR2765 (SAR_R513825)	0.00	1.19	2.38	0.00	1.19	2.38	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>2156	rocA-pruA	SAUR2766 (SAR_R513830)	0.00	1.29	0.71	0.00	1.29	0.71	0.00	1.29	0.71
>2157	mpa	SAUR2767 (SAR_R513835)	0.00	>=5.00	2.00	0.00	>=5.00	2.00	0.00	>=5.00	2.00
>2158	cwiA	SAUR2768 (SAR_R513840)	0.00	3.13	0.00	0.00	3.13	0.00	0.00	3.13	0.00
>2159	caa	SAUR2769 (SAR_R513845)	0.08	0.87	0.46	0.08	0.86	0.46	0.12	0.91	0.50
>2160	copZ	SAUR2770 (SAR_R513850)	0.00	0.97	0.48	0.00	0.97	0.48	0.00	0.97	0.48
>2161	ldhD-ddh_L2	SAUR2771 (SAR_R513855)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.10	0.60	0.70	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>2162	ywfG	SAUR2772 (SAR_R513860)	0.00	1.99	0.61	0.00	1.99	0.61	0.00	1.99	0.61
>2163	crfN	SAUR2773 (SAR_R513865)	0.00	1.72	0.66	0.00	1.72	0.66	0.00	1.72	0.66
>2164	crfM	SAUR2774 (SAR_R513870)	0.12	0.93	0.46	0.00	0.81	0.35	0.00	0.81	0.35
>2165	crfQ	SAUR2775 (SAR_R513875)	0.06	1.06	0.35	0.00	1.06	0.35	0.00	1.06	0.35
>2166	crfP	SAUR2776 (SAR_R513880)	0.00	1.14	0.33	0.00	1.14	0.33	0.07	1.20	0.40
>2167	crfO	SAUR2777 (SAR_R513885)	0.00	2.61	1.00	0.00	2.61	1.00	0.00	2.61	1.00
>2168	ssaA1	SAUR2778 (SAR_R513890)	0.00	1.69	0.52	0.00	1.69	0.52	0.00	1.69	0.52
>2169	oatA	SAUR2779 (SAR_R513895)	0.00	1.88	0.94	0.00	1.88	0.94	0.00	1.88	0.94
>2170	isaA	SAUR2780 (SAR_R513900)	0.00	0.71	0.00	0.14	0.85	0.14	0.00	0.71	0.00
>2171	QSHCY0	SAUR2781 (SAR_R513905)	0.00	1.14	0.09	0.00	1.14	0.09	0.00	1.14	0.09
>2172	acpA	(N/A)	0.00	1.23	0.53	0.18	1.40	0.70	0.00	1.23	0.53
>2173	QSHCX8	SAUR2784 (SAR_R513920)	0.00	3.28	1.00	0.00	3.28	1.00	0.00	3.28	1.00
>2174	yznYc	SAUR2785 (SAR_R513925)	0.00	0.87	1.30	0.43	1.30	1.73	0.00	0.87	1.30
>2175	QSHCX6	SAUR2786 (SAR_R513930)	0.00	0.79	0.26	0.00	0.79	0.26	0.00	0.79	0.26
>2176	nmrA	SAUR2787 (SAR_R513935)	0.00	0.85	0.24	0.00	0.85	0.24	0.00	0.85	0.24
>2177	QSHCX4=DUF2316	SAUR2788 (SAR_R513940)	0.00	2.00	0.33	0.00	2.00	0.33	0.00	2.00	0.33
>2178	gbaA	SAUR2789 (SAR_R513945)	0.00	>=5.00	0.18	0.00	>=5.00	0.18	0.00	>=5.00	0.18
>2179	gbaB	SAUR2790 (SAR_R513950)	0.00	2.27	3.95	0.00	2.13	3.40	0.00	2.13	3.40
>2180	QSHCX0	SAUR2791 (SAR_R513955)	0.00	1.19	1.78	0.00	1.19	1.78	0.00	1.19	1.78
>2181	yrak	SAUR2792 (SAR_R513960)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00	1.20	0.36	0.00	1.20	0.36
>2182	cobW3	SAUR2793 (SAR_R513965)	0.00	2.69	0.79	0.11	2.81	0.90	0.67	2.92	1.23
>2183	Q6GDL8=fcoB	SAUR2794 (SAR_R513970)	0.15	>=5.00	>=5.00	0.15	>=5.00	>=5.00	>=5.00	1.41	0.59
>2184	QSHCW6	SAUR2795 (SAR_R513975)	0.00	1.17	0.90	0.09	1.26	0.99	0.81	0.72	0.09
>2185	DUF4176=esaC	SAUR2796 (SAR_R513980)	0.00	0.34	1.01	0.00	0.34	1.01	1.01	1.35	0.00
>2186	Q8NUP1	SAUR2797 (SAR_R513985)	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00	0.00	>=5.00	>=5.00
>2187	Q8NUP0	SAUR2798 (SAR_R513990)	0.00	4.35	0.36	0.00	4.35	0.36	0.00	4.35	0.36
>2188	Q8NUN9	SAUR2799 (SAR_R513995)	0.00	2.54	1.04	0.12	2.65	1.15	1.04	1.96	0.00
>2189	pyrD	SAUR2800 (SAR_R514000)	0.00	0.75	0.09	0.00	0.75	0.09	0.19	0.75	0.09
>2190	QSHCW0	SAUR2801 (SAR_R514005)	0.00	0.72	0.72	0.00	0.72	0.72	0.72	0.00	0.00
>2191	DUF0208=queH	SAUR2802 (SAR_R514010)	0.00	0.14	0.00	0.14	0.28	0.14	0.00	0.14	0.00
>2192	QSHCV8	SAUR2803 (SAR_R514015)	0.00	1.33	0.44	0.00	1.33	0.44	0.04	0.89	0.00
>2193	pepX	SAUR2806 (SAR_R514030)	0.00	1.07	0.59	0.00	1.07	0.59	0.59	0.44	0.12
>2194	panD	SAUR2807 (SAR_R514040)	0.00	0.52	0.00	0.00	0.52	0.00	0.00	0.52	0.00
>2195	panC	SAUR2808 (SAR_R514040)	0.00	0.35	0.12	0.12	0.47	0.23	0.35	0.70	0.23
>2196	panB	SAUR2809 (SAR_R514045)	0.00	4.15	3.41	0.00	4.15	3.41	0.00	4.15	3.41
>2197	panE2	SAUR2810 (SAR_R514050)	0.00	1.28	0.00	0.00	1.28	0.00	0.00	1.28	0.00
>2198	alsD-L2=budA	SAUR2811 (SAR_R514055)	0.14	0.14	0.28	0.14	0.14	0.28	0.43	0.43	0.28
>2199	ldhZ	SAUR2812 (SAR_R514060)	0.00	0.42	0.21	0.00	0.42	0.21	0.21	0.63	0.21
>2200	yfmI=phgP	SAUR2814 (SAR_R514070)	0.00	0.69	0.25	0.07	0.69	0.35	0.47	0.83	0.07
>2201	yshA=gabT	SAUR2815 (SAR_R514075)	0.00	1.49	1.49	0.00	1.49	0.67	0.67	1.12	0.00
>2202	QSHCU7	SAUR2816 (SAR_R514080)	0.00	1.44	2.16	>=5.00	>=5.00	>=5.00	2.16	1.68	0.00
>2203	lda	SAUR2817 (SAR_R514085)	0.11	2.92	>=5.00	0.11	2.92	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.00
>2204	lqo	SAUR2818 (SAR_R514090)	0.07	0.60	0.47	0.07	0.60	0.47	0.53	0.27	0.00
>2205	acsA2-bclA	SAUR2820 (SAR_R514100)	0.00	0.94	0.56	0.00	0.94	0.56	0.56	1.25	0.00
>2206	QSHCU3	SAUR2821 (SAR_R514105)	0.00	2.70	2.03	0.00	2.70	2.03	0.03	1.58	0.00
>2207	QSHCU2	SAUR2822 (SAR_R514110)	0.00	0.47	0.47	0.00	0.47	0.47	0.47	0.00	0.00
>2208	betA	SAUR2823 (SAR_R514115)	0.00	0.53	0.29	0.00	0.53	0.29	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>2209	betB	SAUR2824 (SAR_R514120)	0.07	0.60	0.27	0.07	0.60	0.27	0.27	0.67	0.07
>2210	A8Z5A6	SAUR2825 (SAR_R514125)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>2211	Q792X2=ccdC	SAUR2826 (SAR_R514130)	0.00	0.18	0.53	0.00	0.18	0.53	0.53	0.71	0.00
>2212	cutD	SAUR2827 (SAR_R514135)	0.00	1.48	1.17	1.23	0.49	0.18	0.00	1.48	1.17
>2213	nrdG	SAUR2830 (SAR_R514150)	0.00	0.56	0.00	0.00	0.56	0.00	0.00	0.56	0.00
>2214	mrdD	SAUR2831 (SAR_R514155)	0.05	1.08	0.32	0.00	1.03	0.27	0.00	1.08	0.11
>2215	ctfM	SAUR2832 (SAR_R514160)	0.00	1.97	0.00	0.00					

Number/ Position in the figures	Gene ID	ID in PubMedLST qc scheme	ED133 vs. swan isolate 15V8707	X22 vs. swan isolate 15V8707	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. swan isolate 15V8707	ED133 vs. duck isolate V315	X22 vs. duck isolate V315	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V315	ED133 vs. duck isolate V482	X22 vs. duck isolate V482	CC522 goat isolate 17CS1042 vs. duck isolate V482
>2268	lip1	SAUR2893 [SAR_RS14465]	0.10	1.27	0.59	0.64	1.13	0.15	0.69	1.17	0.20
>2269	his1	SAUR2895 [SAR_RS14475]	0.00	0.95	1.26	0.00	0.95	0.00	1.26	0.95	0.00
>2270	hisF	SAUR2896 [SAR_RS14480]	0.13	2.61	1.58	1.71	2.64	0.00	1.84	2.77	0.13
>2271	hisA	SAUR2897 [SAR_RS14485]	0.00	2.98	5.13	1.13	2.13	0.00	1.13	2.13	0.00
>2272	hisH	SAUR2898 [SAR_RS14490]	0.00	0.00	0.13	0.35	0.00	0.46	0.35	0.42	0.00
>2273	hisB	SAUR2899 [SAR_RS14495]	1.21	3.28	>=5.00	1.38	3.11	>=5.00	1.38	3.11	>=5.00
>2274	hisC1	SAUR2900 [SAR_RS14500]	2.17	2.96	0.00	2.17	2.96	0.00	2.17	2.96	0.00
>2275	hisD	SAUR2901 [SAR_RS14505]	1.52	1.76	0.16	1.52	1.76	0.16	1.44	1.68	0.08
>2276	hisG	SAUR2902 [SAR_RS14510]	0.81	>=5.00	0.16	0.81	>=5.00	0.16	0.81	>=5.00	0.16
>2277	hisZ	SAUR2903 [SAR_RS14515]	0.85	1.22	0.00	0.85	1.22	0.00	0.98	1.34	0.12
>2278	QSHCL6	SAUR2904 [SAR_RS14520]	0.53	1.16	0.09	0.53	1.16	0.09	0.53	1.16	0.09
>2279	QSHCL5	(N/A)	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00	>=5.00	0.00	0.00
>2280	ycel	SAUR2910 [SAR_RS14550]	1.16	>=5.00	0.00	1.16	>=5.00	0.00	1.16	>=5.00	0.00
>2281	drp35	(N/A)	2.57	4.63	0.10	2.57	4.63	0.10	2.88	4.94	0.41
>2282	QSHCK8	SAUR2912 [SAR_RS14560]	1.15	2.30	0.00	1.15	2.30	0.00	1.15	2.30	0.00
>2283	pcp	SAUR2913 [SAR_RS14565]	0.63	>=5.00	0.31	0.47	>=5.00	0.16	0.47	>=5.00	0.16
>2286	QZFUS3-bstA	SAUR2914 [SAR_RS14570]	1.51	2.37	0.00	1.51	2.37	0.00	1.51	2.37	0.00
>2287	cna	(N/A)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	0.43	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>2288	Q7WS08-cdtF	SAUR2916 [SAR_RS14580]	1.27	>=5.00	0.00	1.27	>=5.00	0.00	1.27	>=5.00	0.00
>2289	vraD	SAUR2917 [SAR_RS14585]	1.21	1.76	0.11	1.21	1.65	0.16	1.16	1.76	0.11
>2290	QSHCK1	SAUR2918 [SAR_RS14590]	2.60	1.04	0.17	2.60	1.04	0.17	2.60	1.04	0.17
>2291	nixA	(N/A)	0.29	1.57	0.39	0.29	1.57	0.39	0.29	1.57	0.39
>2292	QSHC9-mhoA	SAUR2920 [SAR_RS14600]	3.66	>=5.00	0.12	3.54	>=5.00	0.00	3.54	>=5.00	0.00
>2293	hdeD	SAUR2921 [SAR_RS14605]	0.39	>=5.00	0.00	0.39	>=5.00	0.00	0.39	>=5.00	0.00
>2294	vraO	SAUR2922 [SAR_RS14610]	0.92	0.79	0.00	0.92	0.79	0.00	0.92	0.79	0.00
>2295	vraE	SAUR2923 [SAR_RS14615]	1.38	2.82	0.05	1.38	2.82	0.05	1.38	2.82	0.05
>2296	QSHCS-mvraH	(N/A)	2.60	0.00	0.00	2.60	>=5.00	0.00	2.60	>=5.00	0.00
>2297	cspG-L3-cspB	(N/A)	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>2298	QSHC9-nimmR	SAUR2930 [SAR_RS14650]	1.23	>=5.00	0.00	1.23	>=5.00	0.00	1.23	>=5.00	0.00
>2299	DUF3147_L1	(N/A)	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00	>=5.00
>2300	DUF3147_L2	SAUR2932 [SAR_RS14660]	0.85	3.67	0.56	0.56	3.39	0.28	0.56	3.39	0.28
>2301	noc-parB2	SAUR2934 [SAR_RS14670]	0.36	0.95	0.12	0.48	1.07	0.24	0.36	0.95	0.12
>2302	rsmG-gidB	SAUR2935 [SAR_RS14675]	0.00	0.00	0.00	0.14	0.14	0.14	0.14	0.14	0.14
>2303	mmmG-gidA	SAUR2936 [SAR_RS14680]	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
>2304	mmmE-trmE	SAUR2937 [SAR_RS14685]	0.22	0.58	0.07	0.14	0.27	0.05	0.27	0.58	0.07
>2305	rnpA	SAUR2938 [SAR_RS14690]	0.00	0.00	0.00	0.29	0.29	0.29	0.29	0.29	0.29
>2306	rnpH	SAUR2939 [SAR_RS14695]	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00