

Supplementary Materials: Samples mtCOI sequences and BLASTs scores

Sample ID	Sequence	GenBank	Seq ID	Identity	E-value
<i>Bactericera cockerelli</i> 1	AGCCAGTCTGATGAGATAGGGTCTCCTCCTCCGGCA GGATCAAAGAAGGAAGTATTTAGATTACGGTCAGT TAAAAGAAATGTGATAGCTCCTGCTAGAACAGGAAG AGCTAGCAAAAGAAAAATTGCAGTGATTAATACAG ATCACACAAATAGTGGTATTTTTCTAATCTACATAT ACATCTTCGTATATTAATAATTGTTGAATAAAATTG ATTGCTCCTAAAATAGAAGAAATTCAGCAAGATGT AGTGAAAAATAACTGTATCTACAGAGTATCCACTA TGAAAAATAGAATTGGATAAAGGAGGATATACAGT TCAACCTGTCCTACACCTTGATCAATTAATCTACTT ATAATTAACAGATACAAAGATGGAATTAGGAGTCA AAATCTTATGTTATTTATTCGGGGGAAATGCAAATT TTTTTTTTTACACTAGGAAAAAGACACGGTTTTTTTT TTGTGGGGGGGGGAACCTAATAAAATTTCTGT	gi 102114 3420 gb  KU501214 .1	KU501214	97.356	0
<i>Bactericera cockerelli</i> 2	GCGGTATGATGAGATAGGGTCTCCTCCTCCGGCAG GATCAAAGAAGGAAGTATTTAGATTACGGTCAGTT AAAAGACTGTGATAGCTCCTGCTAGAACAGGAAGA GCTAGCAAAAGCTAAATTGCAGTGATTAATACAGAT CACACAAATAGTGGTATTTTTCTAATCTACATATAC ATCTTCGTATATCAATAATTGTTGAATAAAATTGAT TGCTCCTAAAATAGAAGAAATTCAGCAAGATGTAG TGAAAAATAGCTGTATCTACAGAGTATCCACTATG AAAAATAGAATTGGATAAAGGAGGATATACAGTTC AACCTGTCCTACACCTTGATCAATTAATCTACTTAT AATTAACAGATACAAAGATGGAATTAGGAGTCAAA ATCTTATGTTATTTATTCGGGGGAAATGCTTTTTTTTT TTTTGAGAAGAGAGGAAAAAACCTTTTTTTTTTTTTG GGGGGGAAACCGATTATTATTTTCTTTTGGTAC	gi 102114 3420 gb  KU501214 .1	KU501214	97.115	0
<i>Bactericera cockerelli</i> 3	ATTTTTTTATGAAAATAGGGTCTCCTCCTCCGGCAG GATCAAAGAAGGAAGTATTTAGATTACGGTCAGTT AAAAGTATTGTGATAGCTCCTGCTAGAACAGGAAG AGCTAGCAAAAGTAAAAATTGCAGTGATTAATACAG ATCACACAAATAGTGGTATTTTTCTAATCTACATAT ACATCTTCGTATATTAATAATTGTTGAATAAAATTG ATTGCTCCTAAAATAGAAGAAATTCAGCAAGATGT AGTGAAAAATAGCTGTATCTACAGAGTATCCACTA TGAAAAATAGAATTGGATAAAGGAGGATATACAGT TCAACCTGTCCTACACCTTGATCAATTAATCTACTT ATAATTAACAGATACAAAGATGGAATTAGGAGTCA AAATCTTATATTATTTATTCGTGGAAATGCAATTTTT TTTTT	gi 102114 3420 gb  KU501214 .1	KU501214	98.551	0

<i>Bactericera cockerelli</i> i 4	GKRGSGGCTGATGAKATAGGGTCTCCTCCTCCGGCA GGATCAAAGAAGGAAGTATTTAGATTACGGTCAGT TAAAAGTATTGTGATAGCTCCTGCTAGAACAGGAA GAGCTAGCAAAAGTAAAATTGCAGTGATTAATACA GATCACACAAATAGTGGTATTTTTCTAATCTACATA TACATCTTCKTATATTAATAATTGTTGTAATAAAATT GATTGCTCCTAAAATAGAAGAAATTCCAGCAAGATG TAGTGAAAAATAACTGTATCTACAGAGTATCCACT ATGAAAAATAGAATTGGATAAAGGAGGATATACAG TTCAACCTGTCCCTACACCTTGATCAATTAATCTACT TATAATTAACAGATACAAAGATGGAATTAGGAGTC AAAATCTTATATTATTTATTCGTGGAAATTTTTTTTT TT	gi 102114 KU501214 3420 gb  .1 KU501214 .1	98.526	0
<i>Nesidiocoris tenuis</i> Spain_1	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGGTCAATTTATCGGAAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAACTGCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTTCGGAAATTGATTAGTTCTCTAATGATTGGG GCCCCTGACATAGCTTTCCCTCGAATRAATAATATA AGATTTTGACTTCTACCCCTTCACTAACTCTTCTAA CTATAAGAAGTATAGTAGAAAGA	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	99.291	0
<i>Nesidiocoris tenuis</i> Spain_2	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGRTCAATTTATCGGAAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAACTGCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTTCGGGAAATTGATTAGTTCTCTAATGATTGG GGCCCCTGACATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATAT AAGATTTTGACTTCTACCCCTTCACTAACTCTTCTA ACTATAAGAAGTATAGTAGAAAGAGGGGCAGGGA CAGGATGAACAGTATACCCTCCTCTGTCGGGGAATC TAA	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	98.943	0
<i>Nesidiocoris tenuis</i> Spain_3	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGGTCAATTTATCGGAAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAACTGCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTTCGGGAAATTGATTAGTTCTCTAATGATTGG GCCCCTGACATAGCTTYSCTCGAATAAATAATATAA GATTTTGACTTCTACCCCTTCACTAACTCTTCTAAC TATAARAAGTATAGTAGAAAGAGGGGCAGGGACA GGATGAACA	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	98.874	0

<i>Nesidiocoris tenuis</i> Spain_4	GTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAAT TTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAAC AAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGGT ACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCATG TTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGAA TTAGGAATACCCGGGTCAATTCGGAATGATCAG ACATATAATGTAATAGTAAGTCTCACGCATTTGTA ATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGAG GGTTCGGAATGATTAGTTCCTCTAATGATTGGGG CCCCTGACATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATAA GATTTTGACTTCTACCCCTTCACTAACTCTTCTAAC TATAAGAAGTATAGTAGAAAGAGGGGCAGGGACA GGATGAACAGTATACCTCCTCTGTCGGG	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	99.353	0
<i>Nesidiocoris tenuis</i> Texas_1	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGGTCAATTCGGAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAAGTCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTTCGGAATGATTAGTTCCTCTAATGATTGGG GCCCCGACATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATA AGATTTTGACTTCTACCCCTTCACTAACTCTTCTAA CTATAAGAAGTATAGTAGA	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	99.523	0
<i>Nesidiocoris tenuis</i> Texas_2	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGGTCAATTCGGAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAAGTCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTTCGGAATGATTAGTTCCTCTAATGATTGGG GCCCCGACATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATA AGATTTTGACTTCTACC	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	99.211	0
<i>Nesidiocoris tenuis</i> Texas_3	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGGTCAATTCGGAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAAGTCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTTCGGAATGATTAGTTCCTCTAATGATTGGG GCCCCGACATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATA AGATTTTGACTTCTAC	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	99.472	0

<i>Nesidiocoris tenuis</i> Texas_4	TGTGAAAAGGGGTATCCACCATAAATAAATTTACAA TTTATCGCCTAAATTAATTCAGCCACCTTTTCATGAA CAAATGATTATTATCAACCAATCACAAAGACATTGG TACTTTATACTTCATATTAGGTATATGAGCAGGCAT GTTAGGAACATCTATAAGATGGATTATTCGAATTGA ATTAGGAATACCCGGGTCATTTATCGGAAATGATCA GACATATAATGTAATAGTAACTGCTCACGCATTTGT AATAATTTTTTTCATAGTTATACCTATTATAATCGGA GGGTTCGGAAATTGATTAGTTCCTCTAATGATTGGG GCCCCYGACATAGCTTTCCCTCGAATAAATAATATA AGATTTTGACTTCTACCCCCTTCACTAACTCTTCTAA CTATAAGAAGTATAGTAGAAAGAGGGGCAGGGAC AGGATGAACAGTATACCCTCCTCTGTCGGGGAATCT AAGA	gi 385252 JQ806057. 529 gb JQ 1 806057.1	99.156	0
------------------------------------	---	--	--------	---

---