

Table S6. Organization of the mitogenome of *G. genistae*.

Name	Location		Size(bp)	Intergenic nucleotides	Codon		Strand
	From	To			Start	Stop	
<i>trnI</i>	1	64	64				+
<i>trnQ</i>	62	129	68	-3			-
<i>trnM</i>	129	195	67	-1			+
<i>nad2</i>	196	1,158	963		ATT	TAG	+
<i>trnW</i>	1,157	1,218	62	-2			+
<i>trnC</i>	1,219	1,278	60				-
<i>trnY</i>	1,279	1,341	63				-
<i>cox1</i>	1,340	2,873	1,534	-2	ATG	T	+
<i>trnL2</i>	2,874	2,939	66				+
<i>cox2</i>	2,940	3,621	682		ATA	T	+
<i>trnK</i>	3,619	3,689	71	-3			+
<i>trnD</i>	3,690	3,751	62				+
<i>atp8</i>	3,752	3,904	153		ATA	TAA	+
<i>atp6</i>	3,898	4,548	651	-7	ATG	TAA	+
<i>cox3</i>	4,549	5,328	780		ATG	TAA	+
<i>trnG</i>	5,327	5,386	60	-2			+
<i>nad3</i>	5,391	5,741	351	4	ATA	TAA	+
<i>trnA</i>	5,739	5,798	60	-3			+
<i>trnR</i>	5,800	5,862	63	1			+
<i>trnN</i>	5,861	5,927	67	-2			+
<i>trnS1</i>	5,927	5,992	66	-1			+
<i>trnE</i>	5,992	6,053	62	-1			+
<i>trnF</i>	6,053	6,115	63	-1			-

Table S6. Cont.

<i>nad5</i>	6,117	7,779	1,663	1	ATA	T	-
<i>trnH</i>	7,782	7,842	61	2			-
<i>nad4</i>	7,845	9,149	1,305	2	ATG	TAA	-
<i>nad4L</i>	9,143	9,418	276	-7	ATG	TAA	-
<i>trnT</i>	9,420	9,478	59	1			+
<i>trnP</i>	9,479	9,544	66				-
<i>nad6</i>	9,548	10,039	492	3	ATT	TAA	+
<i>cytb</i>	10,026	11,162	1,137	-14	ATG	TAG	+
<i>trnS2</i>	11,160	11,224	65	-3			+
<i>nad1</i>	11,219	12,154	936	-6	ATT	TAA	-
<i>trnL1</i>	12,160	12,224	65	5			-
<i>rrnL</i>	12,225	13,395	1,171				-
<i>trnV</i>	13,396	13,457	62				-
<i>rrnS</i>	13,458	14,196	739				-
<i>CR</i>	14,197	15,829	1,633				+