

File S1. Satellite DNA consensus sequences of 101 satellite DNAs identified in species from the *montium* group.

>dmgsat-1_D.asahinai

GAAAATACACGGCTTTTGGCTATCACTTCCTTTTTGGCTATAAGAGGCTCTTAAGAAGACCTTACTTTCTCACATTTTTTTGAATCAAAAAATGTTTCGAAAAATATGATTTTTTT
TTTTAATAATCTAGTATAAAAAACCTTCAAACTATGCCAAAACAGCCTTAATTTCAATTTGGAAAGCTTTTCTGTGTCAGTTTTTTATTAGATTAATAAATCTGCTTATTAAGAT
TAGAAATTTAAACAAATAATTTTTTTGCGATGTTTTGAAAAAACTAAGTTTCCCCCTTATCAAATTTTGAAAAATCGATAAAAAAATGTTTTCTGATATTTTTCAATATTTTGG
TTTTAAGTGTTTACAATTTTAACGACGAATCG

>dmgsat-1_D.rufa

GAAAATACACGGCTTTTGGCTATCACTTCCTTTTTGGCTATAAGAGGCTCTTAAGAAGACCGTACTTTTGATTCAAAAAATGTGTGCGAAAAATGTTTTTTTTTTTTTTGGGAA
ATCTAAGATAAAAAACCTTCATACTAAGCCAAAACAGCCTTAATTTCAATTCGGAAAGCTTTTCTGTGTCAGTTTTTTATTAGATTAATAAATCTGCTTATTAAGATTAGAAATT
TAAGCAAATAAATTTTTCGTGATTTTTTGAAAAAATACTGCCATCCCCCTTATCACATTTTGAAAAATCGATAAAAAAATTTTTCTGATATTTTTCAATATTTTGGTTTTAA
GTGTTTACAATTTTAACGACGAATCG

>dmgsat-1_D.lacteicornis

GAACATACACGGCTTTTGGCTATCACTTCCTTTTTGGCTATAAGAGGCTCTTAGGAAGATTTTACTTTTCCACATTTTTTTGAATCAAAAAATGTTTCGAAAAATATGATTTTTTT
TTTTAATAATCTAGGATAAAAAACCTTCAAACTATGCCAAAACAGCCTTAATTTCAATTCGGAAAGCTTTTCTGTGTCAGTTTTTTATTAGATTAATAAATCTGCTTATTAAGAT
TAGAAATTTAAACAAATAATTTTTTTGCGATTTTTTGAAAAAACTAAGTTTCCCCCTTATCAAATTTTGAAAAATCGATAAAAAAATGTTTTCTGATATTTTTCAATATTTTGG
TTTTAAGTGTTTACAATTTTAACGACGAATCG

>dmgsat-1_D.tani

GAAAATACACGGCTTTTGGCTATCACTCGCTTTTTGGCTATAAGAGGCTCTTAAGAAGACCTCAAATTTTTCACATTTTTTGGGTAAAAAATAAAATTCCAAATATATGATTTTTTT
TTGAAAAATCTAAGATAAAAAATTACCATAACTAAGTCAAAACAGCCTTAAATTTCAATTCGGGAAGCTGTTCTATGTTAGATTTTATTAGCTTATAAATCTGCTTATTTAGTTT
AGAATTCCTTGACAATTAAATTTTTTGCCAATTTTCGACATTTTAAATGATGAAAGTTATGAAAATTTTGAAAAATCGATCAAAATTTTTTTTCTGGAATTTTTTAATATTTTGG
CTTTAAGTGTTTACAATTTTAACGACGAATCC

>dmgsat-1_D.auraria

GAAAATACACGCCTTTTTGCTATCACTCCCTTTTTGCCTATAGGAGGAGCTGAAGAAGACCTTAAATTTTCAAATATTTTTATTTTTTAAATATGATAATTTTTTGAAAAAA
CTTAGACAAAAATAGTCATACTAAGCTAAAACAGCCTTAATTTCAATTTGGAAAGCTGTTCTATGTTAGGTTTTATGAAAATAATAAATCTGCATACTCAGTTTAAAAATTTA
AACAAATAAATTTTATGCCAATTTTTGAACATTTTAACGACCCCCGACCTTCTAACATTTTAAAAAATCAAAAAAAAATTTTTCTGATATTTTTCAATATTTTGGTTTTAAAT
TGTTTGTAATTTTAATGACGAATCC

>dmgsat-1_D.triauraria

GAAAATACACGCCTTTTTGCTATCACTCCCTTTTTGCCTATAGGAGGAGCTGAAGAAGACCTTAAATTTTCAAATATTTTTATTTTTTAAATATGATAATTTTTTGAAAAAA
CTTAGACAAAAATAGTCATACTAAGCTAAAACAGCCTTAATTTCAATTTGGAAAGCTGTTCTATGTTAGGTTTTATGAAAATAATAAATCTGCATACTCAGTTTAAAAATTTA
AACAAATAAATTTTATGCCAATTTTTGAACATTTTAACGACCCCCGACCTTCTAACATTTTAAAAAATCAAAAAAAAATTTTTCTGATATTTTTCAATATTTTGGTTTTAAAT
GTTTGTAATTTTAATGACGAATCC

>dmgsat-2_D.asahinai

TTCTGCCCATAACTTCTAAACGACTTAAGCTACAGAAATGATGTAAGTACTGTTGTCTTCTGGCGTTAAATACGCAGCCAACGACACCACATTCATCCCGATCGGATGCTCCGT
TGAAAAGATATTCAATAAAGATGATTTTACCGTTGTTTTTTTTTGTGTTA

>dmgsat-2_D.rufa

TTCTGCCCATAACTTCTAAACGACTTAAGCTACAGAAATGATGTAAGTACTGTTGTCTTCTGGCGTTAAATACGCAGCCAACGATACCACATTCATCCCGATCTGATGCTCCGT
TGAAAAGATATTCAATAAAGATGATTTTACCGTTGTTTTTTTTTGTGTTA

>dmgsat-2_D.lacteicornis

TTCTGCCCATAACTTCTAAACGACTTAAGCTACAGAAATGATGTAAGTACTGTTGTCTTCTGGCGTTAAATACGCAGCCAACGACACCACATTCATCCCGATCGGATGCTCCGT
TGAAAAGATATTCAATAAAGATGATTTTACCGTGTTTTTTTTTGTGTTA

>dmgsat-2_D.tani

TTCTGCCCATAACTTCTAAACGGCTTAAGCTACAGAAATAATGTAAGTACTGTTGTCTTCTGCCGTTAAATACGCAGCCAACGACACCACATTCATCCCGATCTGATGCTCCGT
TGAAAAGATATTCAATAAAGAATAGATATAGATAGTTAAAAAATATGATTTTTTTTCGATGTTTTTTTTTGTGTTA

```
>dmgsat-2_D.auraria
TTCTGCCCATAACTTCTAAACGGCTTAAGTTACAGAAACAGTTTAAATGTTGTTTTGCTCTAGTTTTGAGTACGCGTCGAACAATACCTCAATCATCCCGATCAGATACTCTGT
TAAAAAAAATACTCAACAAAGAAGTTTTTACAGTTTAATTTTTTTTTTAATTAC
>dmgsat-2_D.triauraria
TTCTGCCCATAACTTCTAAACGGCTTAAGTTACAGAAACAGTTTAAATGTTGTTTTGCTCTAGTTTTGAGTACGCGTCGAACAATACCTCAATCATCTCGATCAGATACTCTGT
TGAAAAGATATTCAACAAAGAAGTTTTTACAGTTTAATTTTTTTTTTAATTAC
>dmgsat-3_D.asahinai
TTTTTTTCATGCATGAA
>dmgsat-3_D.rufa
TTTTTTTCATGCATGAA
>dmgsat-3_D.lacteicornis
TTTTTTTCATCGATGAA
>dmgsat-4_D.punjabiensis
AAAAATATATCAAAATATAT
>dmgsat-4_D.watanabei
AAAAATATATAAAAACATGC
>dmgsat-5_D.mayri
TTTTTAGAGTTTCTGGATGGAATTTTTGAGTTTTAAGGGGTTTTAAGGGGGCAAACGTTTGTTATTTTTGTTTTAAGAGTTATTTGATGAAATTGTTTAGTTTTAAGGGGTGGGC
ATTTTAGATTTTGTAGTTTTAAGAGATGGGCAGAAGTTTTTTCTTAAATTTTTTAGTTTTAAGGATTTTTTTTTAT
>dmgsat-5_D.birchii
TTTTTAGTATTTCTCGATGAAAATGTTTAGTTTTAAAGGTGGGCATTTTATATTTTGTAGTTTTAAGAGATGGGCAGAAGTTTTTTTTTTTTAATTTTTTAGTTTTAAGGATT
TTTTTAT
>dmgsat-6_D.serrata
GTCAGAAGTGTCAGTTTCAGATGTGTCAGT
>dmgsat-6_D.bunnanda
GACACTTCTGTCACTGACACTTTTGGCACTGACACTTCTGACACTGACACTTTCACTACTGACACT
>dmgsat-7_D.mayri
ATATTATTCTGAATTTTCGGTTTTAATTTTCATGAAAATCGGCCTACTATATCCTATAGCTTCCATAGGAACAATCAGGAAAATAAAAGAAAACCCCATAAATTTTGTCTAGTTTTT
AACATATTTTCATCAAAGTTGAGATTTAGCCGTTTT
>dmgsat-7_D.serrata
ATATTACTCTACAATTTTGTGTAAAATTTTATGAAAATCGGACTACTATATCATATAGCTCCCATAGGAACGATCGAGAAATTAATACAATTAAAAATTATAACTTTTTTCAGTT
TTCAACAGAATTTTCATCAAATTTGAGATATAGCCATTTT
>dmgsat-8_variant_1_D.truncata
AACATGAAAATCGAAGTTTGGGAATGCCATAAATTGGCCAAAAATCCATCAATTTCAATTTCTGGAAGCACAGAAGTGTTTGTTTTTATTAGCTTAACAACACTGCAAACCAAAT
TTATTAAATTTCCATAGTTTTCAGATTTTTTCGAATTTTTTCACAATTTTGACGACCCCCACCCTTATCTTTTTTTTGGGAATAATGGC
>dmgsat-8_variant_2_D.truncata
AACAAAAAATCGAAGTTGGGAATACCATAAATTGGCCAAAAATCTATCAATTTTAAATCTGAGAGCACAAACAGTATTATTTTTATTAGCTTAACAAACCAGCAAACCCAATTA
AATAATTTTCATTAATATCAAAGATTTTGAATTTTTTCACAATTTTCACGACCCCTTATCATTTTCGAAAAAAAACATC
>dmgsat-8_D.birchii
ATCATGAAAATCAAAATTTTGAATGCCATAAATTGGCTTTAAATAAACTAATTTTAAATCTGTAAGCACAGAAGTGCTTGTTTTTGTAGCTCTACAAAGCTGCAAACCTAAA
TTTATCAATTTATTTAAATTAAAAAATTTGAATTTTTTAAATGGGGTACCCCTTATCTTAAAAAATAA
>dmgsat-9_D.birchii
GAATAAGAATAAGAATAAGAATAA
>dmgsat-9_D.bunnanda
```

GAATAAGAATAAGAATAAGAATAA

>dmgsat-10_D.bocki

AAAAAAGAAGGAGTAGAAGACTAAATAACGAAGAAGAAGGC

>dmgsat-10_D.leontia

AAAAAAGAAGGAGTAGAAGACTAAATAACGAAGAAGAAGGC

>dmgsat-11_D.bocki

TGTAAAACTAATATAAATACAAATTCTGAAGTGGATACATGCATTATTAGCTGAGTTGTGAACTTTTTGTTTACAAATTTACAATTGAGTATGCAAATGTATTAGCCT

>dmgsat-11_D.leontia

TGTAAAACTAATATAAATACAAATTCTGAAGTGGATACATGCATTATTAGCTGAGTTGTGAACTTTTTGTTTACAAATTTACAATTGAGTATGCAAATGTATTAGCCA

>dmgsat-12_D.bocki

TGGTGTCTGCCAGCGGCATTTTCGGCTGCAGAGTCCTCGTCGGTCGTCGATAAGGGAGGACGGCTCGTCGACGGCCCTTCAGGTCGGCGTCGGGCGACGACGGCTGCGTAACC
TCCGGGCGGCTAGGTGTCTGTGCCGGTGACACCTCGGCTGCAGCGCAGCGTATCTGGGGCCCGGCCCGAAGATCTCGTCGGCAACTCCGCGCCGTCTGGTCCGGTGAATCCCC
GAAGAGGTCTGCCATGGACCGGGGCCACTCGCTGATAAAGCGGCGGCGTGGACGTGCTGGGACGAGCGGTCTTCTGCCATCGTGGCGGATTTCGTCGAGCAGGGGCCGGCGTCGG
TGGTGGATAACGGGCCGAGTGTTGCTCCGGACCGGCCAACTGGGGAGGCTCGGTGGATGACGAGCACAGCTCGTCGCACAGCTCCTCGGCTTTCCGTGGGCAGCGGCGGCGGC
GTATTCCCGGGGGTTCGGCAGCGGAGGGCGGCT

>dmgsat-12_D.leontia

TGGTGTCTGCCAGCGGCATTTTCGGCTGCAGAGTCCTCGTCGGTCGTCGATAAGGGAGGACGGCTCGTCGACGGCCCTTCAGGTCGGCGTCGGGCGACGACGGCTGCGTAACC
TCCGGGCGGCTAGGTGTCTGTGCCGGTGACACCTCGGCTGCAGCGCAGCGTATCTGGGGCCCGGCCCGAAGATCTCCTCGGCAACTCCGCGCCGTCTGGTCCGGTGAATCCCC
GAAGAGGTCTGCCATGGACCGGGGCCACTCGCTGATAAAGCGGCGGCGTGGACGTGCTGGGACGAGCGGTCTTCTGCCATCGTGGCGGATTTCGTCGAGCAGGGGCCGGCGTCGG
TGGTCGATTACGGGCCGAGTGTTGCTCCGGACCGGCCAACTGGGGAGGCTCGGTGGATGACGAGCACAGCTCGTCGCACAGCTCCTCGGCTTTCCGTGGGCAGCGGCGGCGGC
GTATTCCCGGGGGTTCGGCAGCGGAGGGCGGCT

>dmgsat-13_D.seguyi

TATTTAGTTATTTAGT

>dmgsat-13_D.vulcana

TATTTAGTTATTTAGT

>dmgsat-13_D.mayri

TATTTAGT

>dmgsat-13_D.bakoue

TATTTAGTTATTTAGT

>dmgsat-13_D.pectinifera

TATCTAGT

>dmgsat-14_variant_1_D.nikananu

AAACTCAACCGATTTTCAGCCTGGTTTTCGTTTTTTCTTCTTAGTTTTTATAGGAGAACATTTCTGCATTCAAACTTGATTTCCAATTTTTTGTCAATTTTGAAAAATTATTATG
ATGAAACCCCTTTTCTTTTTTTTAGTGCCTTAAAAATCGCTCCCCTTTTCTTTAATTTTTTAAATCATAACTTGGCTT

>dmgsat-14_variant_2_D.nikananu

AAACTCAACCGATTTTGAGTCTGGATTTCGTTTTTTCTTCTTAGCTTTAATAGAAGAACTTTTCTGCATTTAAAACTCGATTTCTCATTTTTTTGCCAAGTTTTGTAAAAAATGATG
AGAAAACCCCTTGCAATTTGTTTTTTTAAATAGGTCATATTTTTTGGCCTAAAAATCGCTAAAACCTCCAAGGATTTTGATCATAACTTGGCTT

>dmgsat-14_variant_3_D.nikananu

AAACTCAACCGATTTTCAGTCTGGTTTGGTTTTTTCTTCTTGGTTTTTAAATGGAGAACATTTCTGCATTTAAAACTCGATTTCTAATTTTTTGGCCAATTTTTGAGAATTTTGACG
ATGTAACCCCTTTAATTTTTTTTGGCTCAAAAATCGCGAACTTCTTCTGTGGTTTTTTGATCGTAACCTTGGCTT

>dmgsat-14_D.jambulina

AAACTCAACCGATTTTCAGTCTGGTTTGTCTGTTTTCTTCTTGGTTTTTAAATGCGAACATTTCTGCATTTAAAACTCGATTTCTAATTTTTTGGCCAATTTTTGACAATTTTAACG
ATGTAACCCCTTACATTTTTTTTCAAAAATTGGGTCAAATTTTTTGGCTGAAAAATACTAAAACCCCTCATTGGTTTTATGATCATAACTTGGCTA

>dmgsat-14_D.seguyi

AAACTCAACCGATTTTCAGTCCGGTTTTGGTTTTTCTTCTTGGTTTTCAAAGGAGAACATTTCTGCATTCAAAAATTTAATTTCTAAATTTTTCCCAATTTTTTTAAATTTTGAC
GATGTAACCCCTTAAATTTTTGTTTGTCCCAAAATCGCATGGTTTTTTGATCATAACTTGGCTT

>dmgsat-15_D.jambulina
ATATGAAATATATGAAAT

>dmgsat-15_D.bunnanda
ATATGAAATATATGAAAT

>dmgsat-15_D.serrata
ATATGAAATATATGAAAT

>dmgsat-15_variant_1_D.seguyi
ATATGAAATATATGAAATATATGAAAT

>dmgsat-15_variant_2_D.seguyi
ATATGAA

>dmgsat-16_D.mayri
TGTATATTTGTATATT

>dmgsat-16_D.punjabiensis
TGTATATTTGTATATT

>dmgsat-16_D.bakoue
TGTATATTTGTATATT

>dmgsat-16_D.bocki
TGTATATTTGTATATT

>dmgsat-16_D.birchii
TGTATATT

>dmgsat-16_D.pectinifera
TATATAGTTA

>dmgsat-17_D.bakoue
TTATTATTGTTATTATTG

>dmgsat-17_D.punjabiensis
TTATTATTGTTATTATTG

>dmgsat-18_D.pectinifera
TAAATCGGCATTTTTATATCCTAATTTTTGGACAAATCAAACCTTAAGAATAACCATAAATTGGCCAAAACAGCCTTAAAAACAGCGATTCCGAATATATATGGCATTGGCTGT
CATTCATTTTTGGCCAAATTATGCTCTTCAGAAGACATCAAATGCGGATTTTTGGGTCCCT

>dmgsat-19_D.birchii
CATTTATTAGCCTATTTTCATGAAATAGACCAATAATTCAAATTATTACACGAAATATTTTTTGATTATTATTGTTAACAAAAATGTGTCTAGTTATTGAGGAAAATGTAATTT
AATACATAAAAACAGGTTTTAAATTACACAAATAAAC

>dmgsat-20_D.bunnanda
AATTTTAACGATGAGATCCCTTAAAAAATTTGAAAAAATTTTAAAAATTTATTTTTCTTTTAAATATAGCTAGATCGATTGCGCTGTTGATTCTGATTAGAATATATATGGA
TTACAGGGTCGGAAATAACTCCTTCACAGCGTTACAAGCTTCTGGGTAAATTACAATATCATTCTTGATCGATATTTATCTATAATTTTATTGAACAATTGTTCAAAAAATCA
AAAAATAAAAAATCTCGGAATTCGGAAAGCTTTTCTATGTTAGTTTTTCTTAGGTTAATAAATCTGCATACTAAATTTCAAATTTTTAAAAATTTAAATTTTTATCAATTTTTTT
TTTT

>dmgsat-21_D.serrata
GTAAACTAAATATTTTACCGAGTTAAGCATACTTAATAAAACAAAACATCATTTGTACCGCGTTTTAAATATATATTTTGC GTTCGTCCAGCTTCTTAAATAAAATAGTTTAT
TTAAAGTAGACCAAGTAATACTGTTGGGGCGCCCTTAAAGCATAAATTATATTGTTTTCCCAACCACGTATTCAATTTATAAAAAATAACAATGCCCACTGAATAATATGAA
TATAACAACCCTCAATAATAAATCAAATTGCTTCTAAACCGA

>dmgsat-22_D.bunnanda

CAGTGAAGGAGTCATTTCCGACCCTATAAATCATATATATTCTTGATCAGCATCAACAGCCGAATCGATCTAGCCATCTCCGGACGAAACTAAAATTTTCAAAAATTGGCCAA
AAATTGAATTTTTTTAAGTTTTAACTGAGTATGCAGATTTATTAACCTACTAAAACTAGCATAGAACAGCTTTCCGAATTAATAATGCTTTTTTGGCTTAGTTATGAGA
TTTTTAAATCTTGATTTGTGCGAAAAATACTCATATAAAAAATATCGAAAAATGTACTAAAAAATGGTATTATACTTTTTATTTCAGAAGCTTGTAACG

>dmgsat-22_D.serrata

CAGTGAAGGAGCCATTTCCGACCCTATAAATCATATATATTCTTGATCAGCATCAACAGGCGAATCTTTCTGGCCATCTCAGGTTGCAAAACAGACATTTTCAATTTTTTCTAA
AAAATTAAGGGGTACATCATTAATAATTTGCAAAAAAGGCCAAATCTTAACAAGTTAAATGGAGTATGCAGATTTGTTAAGCGCCAAACAAC TAACACAGAACCCTTTCCG
AATTGAAATTAATGCATTTTTTGGCAAAGTTATGAGATTTTTAAACTTTTGACTTTCCCAAAAAATAC TAAAACAATTATGAAATAAAAAATTTTCGGTTTCAGGAATCGTAGAGGAA
AATATAATTTTTAT

>dmgsat-23_D.kanapiae

TGGTCTGATGACCTGATCTGGTAAACAGACC

>dmgsat-24_D.bunnanda

CATGGCTGCTGCATGGCTGCTG

>dmgsat-25_D.seguyi

CAAGTGTGACTTTTTCATCCTCAATAGCCCATTTCCGGTCCCTTTACAGTGGCCATGGGCGGCAATGCGACGGGAGGCGTACGGTGCCTCTCAACTGATCGGTCTCCTTCCTGACC
ATGTGTCTCACAGTGGCTACTTCTGTGTTGAACTAGTGGTTACTAAAGATAAAGCAAATTTGTGGCTAAGTATATTTACCACATTGACGACTGCCTTGCGGGGCGCTGTCTAGA
TGGGAGCTGCCTAAGTAGGCGTACCTCACCCGATCACCGTCGGACGAGGAGTGAAATTC AAGGCTCTGGCCCGCTTATATAGGGGCTGACGATATTTAGTGTGCCCGCCG
CTTTAAGAAATTTGT CATATTAGAGTGGCCAACCCCATTTTT

>dmgsat-26_D.nikananu

ATTATTAACACGGATGTGTACGGGTGAAAAGCTGCGGAGAGACTGAGGCTGCTGCGGCGAGTCGCCTCTATTTATAGGTATGAAAGATGGAGAGATTATATAAATAAATAGATT
TTTTGCGCTTACCGATCGGTCCCTTTAGCTTTATATATAGGATATGTATATGATAATAGTCTTGGTTCGAACTTACCCGTATTAGAGGACACTAGTTACCTTTTCGTTGCAACAC
CGCAGACTTGGCCGAGATTTCATCGATGATTAAGTCTTTTTGAGTGCAGAGGTTCTTTACCCAGTTATTAACACACTTGTTTACACACTTTTTTAACACGTG

>dmgsat-27_D.truncata

TGATATGTACTTAAGCTCAGCTGCTAACTTAAGAACGACCATGGAAATCCTGGATTGTGACGTCATAAGATCGCCCTTCTCTGCGCTTCTCA

>dmgsat-28_D.pectinifera

CAACCAGTATCCAGGAATCTCCTCCACCAACAATTAGGTGCCAACATTATCACTGTTTTAGCATGACCCAGTTTCAGGATACACATTTTCCCGCAAAACGAGTGGCCAATCCCGGC
CAGAATAGAGCCAATCCTCTCCAGAATCGCATATTGGGGAAAGATGAGCATAGCAATGCATCCAAAAATGTACAATTGCCACCCATCTTATTTGGAGCCACCTTAAGAGCCTGG
GACTTGTCTTTTAGCATACACCTAGCTGCCACAATTTACCCGATTTAATGGGGGAGAGTCCATGAACAATCATTGCCAACGATATAGAGCCAATTATGGACCAATCCTCTCCAG
AATTCCACCTGATCCCGGCCAGAAATTGGCCAAGTATCAACAAACTCGCCAGTTGCCGCTCTCATTTACAGCCCTCACTCCTCCATGCATGACCCCTGGCCAATAAACATGACCC
GCCATGGGAGCAGTGGCCAATCCTTTCCAGAATTTACCACAATTTCTCAGCATTTCTAGCAAAATTTGGGAGAAATTTACCATTG CATATTTATAACCTTCAATCCATATCGGCGG
AGGAGGGTCCATTATCCCTCAGAAGCGACCAGTTCCAGCCATCCAAGGCCTAATCCTCTCCAGAAACAGCCGATCCCGGCCAGAAATA

>dmgsat-29_D.bunnanda

ATCACCGAGCTATCACA

>dmgsat-30_D.kanapiae

ATTTAAGGCTTTTTACTGCTTTTGC ACTTAAGCGCTTTT TAGTCGACAGCAGTTTTT TAGTTTTTATTTTACAAATAATATGAAAGCTAGGTGCGCCAGCATTTGTGTAAAATGTTTT
TTTACCTAAAAAGCTTTTCCAATATGGTCATATAAATTGAAAAAGTAAAATATAGCTGCGCCATCTATAGTGTAAATTTTTCTTACAATGTATATTTTAAGTAACGTCAAATGTG
ATTTAACTAATACTAACAGCTAGCTGCGCCATCTATTGTGTAAAATGTGTGTATCATGTAAAATGTAGCAAGTACACATTATATTTCTTGACAATATGACAGTAGCGTTTAGGT
AGTGGTCTGGAGCTGATGTATACGCGTTTCGGCTCCCGCGATCATACGACAAAATTGGTCAACAACGTATAATGGACACATGTGTATTGTGACAAGTATATCATTGTGACATGGG
ATCAATGGCAGAAGATAGGTGCAGTGGTAAATACTTTACCCACAGCATAGCGGGAAAGTGAATAGTGGAGTGGTGTGGTTTTAGAAAGTTCCGCGGGTGTGGCCGAGTGGGAGA
TATGCCAAATGTGCGCAACACAGTCATTTTAAAGTATGCATGTGTGTTTTATACCAAATAAAGCTAGATAGTAAAAATATAAAATTTATATTTAATCTTTTTTATTGCAGGTTGA
GTATGCAACTTACAAAGTTTGTTTTACGCGTGGACAGTAGAGAAACAACAATAAAATATAGTGAAAATAAACGCAAATATGAGACAGCGGCAGCATTTTGGTAATATTTTTTTA
CA

>dmgsat-31_D.burlai

GACGCCATTTTGTCCCAATATTGCAACACAGCGATGGCGGTAGTAA

>dmgsat-32_D.bunnanda

AAAAAGCGCCACTAATTCGGGGTTTTGAACTATTATGTGGCGCCAATTCGCGGGCACATACGGCAACTATACATTTTATACGTGTAAAACCTATTTTACTACGTAAATCAAAAA

ATATCAAAAACGCGCCACTAATATGGTTTTTTGAACTATTATGTGGCTCCATTTTCGCGGCCGCATACGGTAAACATACAATTTATACGTGTAGAGCATATTTTACCATAATTTT
CCTAATTTTGCTAAAATTGCCAAAATTCAAAAATTCTCTTATTATTAGCATTGCTCAGCGTCGTAAAGCTGATAAAACCGCTAGAAATCAAAAAATACATACAATTTATACGTG
TAAAACATATTTTCTATGTATTTCTTAATTTTGCTAAAATGGCCAAAATCACAACATTTATATTATTATTAGCATTGCTCAGCGTCCTAAAGCTCATAAACTGTTAGAAACA
CAAAAAATCGAAAAGCGCCACTTTTTGGTTTTTTGAACTATTACGTGGCGCCAAGTCGCGGCCGCATACGGCAACTATACAATTTACACGTGTAAAACGTATTTACTACGTAA
ATCAAAAAATC

>dmgsat-33_D.pectinifera

ATACAAACACATGTAGAAAAACAT

>dmgsat-34_D.jambulina

GAATAGAGGA

>dmgsat-35_D.triauraria

TTAT

>dmgsat-36_D.watanabei

TGATATGATATGATATGATA

>dmgsat-37_D.pectinifera

TGTGATATTGTGATATATGTGATATT

>dmgsat-38_D.birchii

AATTTCAAAAATTTCAAA

>dmgsat-39_D.serrata

AGATATAGATATAGATAT

>dmgsat-40_D.bakoue

TGATATATTGATATAT

>dmgsat-41_D.bocki

CCCCCAATATTTCTTTAAAAAATTTTTAAAAATTTTGGGTAAATATAAAGGCAAACTGAGTACGCAGTTTTGTGAGCGTAGAAATCCCAATTCAGAACAGCTTCCGCATTG

AATTTTCATGCGTTTTTGGCCGAGTTATGAATTTTCTAAAATGGTTATTTCCCCCGAAAAATTATCACAATAAATGGCACCCATTTTTTT

>dmgsat-42_D.vulcana

GAAGGAACAAGGAACAAGGAAGAAGGAA

>dmgsat-43_D.watanabei

GTTTGATTTGTTTGATTTGTTTGATTTATTTGATTTATTTGATTTCTTTGATTTCTTTGATTTCTTTGATTT

>dmgsat-44_D.birchii

GAAAAGATTT

>dmgsat-45_D.truncata

TGAAAA

>dmgsat-46_D.jambulina

TACTTAATACTTACTACTTAC

>dmgsat-47_D.burlai

AATATATC

>dmgsat-48_D.bakoue

CTGT

>dmgsat-49_D.tani

GTTTCCTTGAGACGGCGATGACGATGATGTGGCCGTGGCGGCCCTTGGAGCCGATGGCGACGACGATGCGGCCGTGGTGGCCCTTGGAGACGGCAGCGACGATGATGTGGCCGT

GGTGGCCCTTGGCGACGATGACGATGGCGACGAGGATGCACCCGTGGTGGTTCTTGATGACGATGACGTGGCCCCGAGAGCCCAGATGCTGTGGTGACCGGTC

>dmgsat-50_D.jambulina

ATAAATGATAAATGATAAATG

>dmgsat-51_D.burlai

ACGAAAAATACGAAAAAT
>dmgsat-52_D.bakoue
GTTTATT
>dmgsat-53_D.seguyi
ACAATAAAT
>dmgsat-54_D.pectinifera
TGTGATAGATAT
>dmgsat-55_D.truncata
GTTCAAAAATTTGTCCAAAATTTT
>dmgsat-56_D.bunnanda
CAACATCATCATCAG
>dmgsat-57_D.pectinifera
AAGCATGAAAGCATGA
>dmgsat-58_D.mayri
AAAATTTTGAAAAATTG
>dmgsat-59_D.bunnanda
TTACGTTACACTACACTACA
>dmgsat-60_D.boeki
TTTTGAAAAAATTTAAAAA
>dmgsat-61_D.burlai
ATTCCACCCCTTAGTGTGACCGTATTGGCAACTTTGTTAGGTGTGACCATATTGGCAAAAGTCGTATTTGTCTATCGATTAAGATCTGGCGTTGCCAGACTTTTCGAACGCAAG
CCGATGGTGTGCCAGACTTTTAACTTTTGAGGGATTTTCGGCGTCTTTGTGTGCCCATCCGCCGTGGAGGCGGAAATGTTTTGTGTATTGCCAATGTTGTTGTAGGCAAAA
CAAGGTCTTAATACCGCCTTTTAGCAGTACAAAATCATCAAATGCTGGATTTTCATGCACCAGGCGCGCAGAAGCAGCAGCAAGTAGATAATAAAAAA
>dmgsat-62_D.mayri
GTTAAATAGTTAAATA
>dmgsat-63_D.burlai
TTCCCTACATGGGATTTGGACGTGCCCCAAATTGGCCAAAATTTGACTAAAAAATTGGGCCACGTATTTGAGCCTGGGACATCAACTAGATAAAGGTCCTAACTATTAGTATGC
TTAAACTATACTTGTAAGTGAAGGATGCCAAAGTTAAGTAAATTCACGGAAGGGTCTGCTGCTGATGGCTGGCGGCAGCGCAGTCGGCGTCAATAAAAAATGACCTCTACCA
AAAAGGGTCGAAATTGGCCTATAAATTCCTGCCACGATCTCGGACTTGATGGTGTCCACAAGAGGATGGTCTGAGCTACCTGTGTGCCCTAGTTTGAGATATATAGCTGCATGGA
TGAAGGAGTTATGCGATCCTGCCAATTGACGATTTCTGACGAAATTTTTCTCTCATCGTAATAATTCCAATCAAATCCGTTAAAATCCAAATGTAAATTGACGATGCGGAGA
AATGTAAACAAAACGTGCACTTACCCTGGAAAAGAGAAGAAAATATTAATAAATATTTCTAAAGACTGATTTATATTTAAATTAATCACCCTTTGCATATAGATGTAACCGGATGGT
GATGATAAAACAAACGTTGTTGGCTGCAATTTCCGGGTATTATTGCCTGCTTGCCCTTTGGAAATAAAATATATCATTATTAGCTAAATGAATTAATTAATGTTTTAACAAATA
TTTTAATAAATGTCAAATGTCTGTCAATAATTATCATAAAATTAACAATAACTTAAATAAATAATATAAATAATCTTAATTAATTAATAGCGACGTGGGATAAAACCAGCAAG
CAGTCAATAAATAAAACAATAATAAAAAACCAACTCATTAATATCTTGCATACAAAACGACATATTTAAAGATCCAATAAATTAATTAATAAATTTATAAAAACTTAAATATT
TAAAAATTAAATATTTAAAACGCATTTAAATTGGTAGACTTAGTACGGAGGTGCCCAAAAACCTATCAAAAGGGGGATTAAAACTTGGATACACATCTGGGGTCAATCATAGC
CAATAGATAAAGGCCCTTGGCTAGTTGGTTGCTTAAATGAGGTCCGTAACCTCAAGGATGCCGAAGGTATGCATTTGTGCAATTGGAATCGATTATGCTGGCTGTTGTAAGCG
CCGTCCGCGCTAAGTTTTGTATGGTTTTCCAAAAAAGGTCAAAACACAAAGAATTTCTTGGACCACGCCCTTCTCACCTTTTGGGTGGCATTAGTAAGGCTTAAGCTAACATATG
TACACAAACTCAGGTCACTGGCTTCGAGGATGAGGGAGATCTCACCTTTCGCTGAATTGTCAAAAACCGCACATATGCACGATCCGTGCGTCAGTATGGAGGCCCCCAAAATCGG
CGAAAATCTGACTTAAACACGCTTTTTACGCTATTCTGACAAGATGGTCGCCATGAGGGAGGTTCAAGCTAGTTATGAACAAAAAATTCAAGTCCCTAGCCCCAAGGACGAAGG
AGATCTCACTTTGCGCAAATTGGGTAGACAATCACACAAATGCACCGTCCGTGCGTGTGTATGGAGGTGCCCAAAAATGGCCAAAAAAGGCTTAAAAAACCGTCCACGCAATCG
GGCCTGGGGCTACTATTTGATAAAGGTCCAATCTAATTGTATGCAAAAAAGTAGTCTGTAACTGCAAGGATGCCTGTTATGACAATCTACAGGTCTTGCTGCCCGTATATGAC
GGCAGTCTGTGCCGTAGTACAAAAATTACAAAAAATGGTCTTCGCCAAAAATGGCCAAAAACCGACAAGTTTTTGGGCCACGCCTTCGAGCCTTTTTGGGTGCCATTAGGAT
GGACTAACTAACTGGCTACATAAATTCAGACCACTAGCTCTAAGGACATTGGAGAAATCTTGACGCGTAGCA
>dmgsat-64_D.seguyi

ACAAATA

>dmgsat-65_D.pectinifera

ATATCACCAATATCACCA

>dmgsat-66_D.bakoue

TCTTGATATCTTGTTA

>dmgsat-67_D.bunnanda

TGAAATCGGTTGAGTTTAAGCAAAGTTATGATGAAAAAAGTATTTTCATATGAAGCTCGATTTTTTTCATTTTTTGATAAGGGGTACATCATTTAAATTTGTCAAAAATTGGAAAT
CGAGATTTGAATGCAGAAATGATCTCCTATAAAAAACCAAGAAGAACACACCAAACCGAAC

>dmgsat-68_D.seguyi

CAACAACAG

>dmgsat-69_D.mayri

AAGTATATAAGTTTAT

>dmgsat-70_D.mayri

AAAACGTCCAAAACTATCGC

>dmgsat-71_D.bakoue

TGATATGG

>dmgsat-72_D.mayri

TGTTGCAGCCTGCCAATCTACGAAATTTGTGTAGCACAGAATTGGCGCTCTTCGACTGCACCTCCGTACAAAATATTTTTCTTGTTGTTCTAGCAGTCAAATTTCTGTGTCTCAC
TGCTTTACCGCTATATAGTTGTTGCTGTTATTGCAGCCTACCTAATCTACGACCTCTGTGTTGCTCAGAATTGGCGGTCTTCGACTGCGACTCGCTCGCCGATGTCATGCTTGC
TGTTCTAGCAGTCGACCTCTGTGTGCGCACTGCTTTAGCGCTCGCTTGTTGTTGCTGT

>dmgsat-73_D.bakoue

TCTTTATTCTTTAT

>dmgsat-74_D.mayri

ATGATAAA

>dmgsat-75_D.seguyi

TATTTGTACATTTGTA

>dmgsat-76_D.mayri

GTAGACTTGCGAGTCCGCCTCTCTCTGAAGACTTTTCGAGTCCGCAAAC

>dmgsat-77_D.seguyi

TGATTCTCTTGCTCTTGCGGCTGACCTAGCGGTCCCCAAG

>dmgsat-78_D.seguyi

ATAAGTAAATAAGTAA

>dmgsat-79_D.boeki

TACCTATAATTTATAAGAAATTGGCGGAACAACAATCGGCGGAAATCTCATAGCTCAGCCAAAAATGCATGAAATCCAATTCGGAAAGCTGTTCTGAATAGGTTTTTCTAAGC
TTAACAAAACCTACATACTCAGTTTTGCTAAAATACTTACCTATAATTTATAAAAAATATTTAACCTATTGTT

>dmgsat-80_D.mayri

GTTTTAAAAATAAATCAAAATCAGCAGCAATTCAATTATCATAGTACACAGAGTCAGAGAAAGAGAGTGCGGGGAGAGCGCAGTCTGTTAGTTCAATGGGGTCATAAAATTTGGTT
TTAGCTGTGCGTTGATTTCTTAGTTTTTAATAAAGGGTAGTTCAATGCTTGTGTATAAATTTGAATGAATTATTATTTTCGTCTTTAGGTTTCATGTATTTTTTTTTTAATTTACCTA
GAGCTTCAGGAAAACCATATGAATCCTTAAAGTATCTGGATTCCCTCGAAAAAATTTCTTATGGCTTATTGACTTAAATCAGTGTTTTTTTACTGTGAGAAGAAAATGGGGA
AGTTTTACAGATTTTTTCAAAGCGATAAAAAATAGTAATTTTTTAATTTATTGTTAAGTTTAATTTTATTTTAAATTTTAA

>dmgsat-81_D.leontia

TGAACCTGGCGCCTCCACCGGAGCCGGGCACCTCCGCCGGAGCCGGACGCCACCGCGGGAACCGGACGCCTCCACCGGATCCAGGCGCCACCGCGGGAAACGGGCAGGACCGCG
TGAGCCGGGCGCTTTTCATCAATTTCTTATAAATTATAGGTAACAATAGGTTAAATTTTTTAAATAAATTATAGGTAAGTATTTTAGCAAACTGAGTATTCAGAACAGCTTTC
CGAATTGGATTTTCATGCATTTTTTGGCTGAGCTATGAGATTTTCCGGCGATTTTTTCCCGCCATTTTTTTTATAAATATAGGTAAAAAATCCGAGCGACCAAAGTACCAGATCGT

CAGAAATATATATCGGCCAAAAAATTCAGAAATTAGTTGGCTATGAAAATATCGATACTTGGTATTTCTCAAATATATTCTCTTGGTCACACTAAGCCTCGCCTCGGCCCTATA
AAAGACGGGCCACAGCAGTGGGGAAGCCATTGCGCTGTTGACCGGCGATCGGTCAAGTACTCCGAGGGAGGAGTAACCAAGGAGTCATCCCGTGGAGTGGATCGCCGGATCAAT
GCGTCCATGTCCCGGGCACCACGCGGGAGCCGGGCGCTACCACCGGAGCCGGTCACCTCTGACGAAACCGGGCGCCACC GCG

>dmgsat-82_D.nikananu

TTTCTTTGCTCGTTTTCTTTTTTTCTTTTGTCTCTTCTAGTTCTCCCTCTTCCTTTTGTCTCTCTTTCTTTCTGCTCTCTTTCTTTTTCTTTCTTCCTTTTGTCTGCTCTTTCTT
CTTTCTTTCTCTCCGTCTTCCTTCTGTCTCTTCTTTGGCTCCCTTTCTTCCTTTTGCCTTCCTTTCTTCTTTTTCTCTTCTTCCTTTTGTCTCTCTTTTAGTTCTCTCTTC
CTTTTTCTCTC

>dmgsat-83_D.seguyi

TACTTTTTGATTTTCAAAAATGTTTGAAAATTTTCGAAGTTTCATATTTTCGAAACGGGACGTGGTAAAAAATGAAAGAAGGGCAAACATGGTCAAACGAAGGGTAAAGA
TGGTCAACTTTCAAATTTCAAAAATTCAAATTTTGATAGAACACTTTTGAATATTTTCTGAATTTGGAAAATTTTCAAATTTCTAAAGGTGGGCAAACGTGGTCAAACAATTC
TAATGCGATTTCCAAAAAATTTTGAAAAAGTT

>dmgsat-84_D.mayri

TTTTTTGGGAATTTCAATTATCATAACTTGGCCAACAGGAACTAATTTTGAATCGGAAAGCTGTTCTATGCTAGTTTTCAAAGGCTAACAAATCTGCATACTTACTTTTTTCA
ATAAACAAACGATTTAATTTTTTTGAATTTTGACGATGCAACCCCTTACAAAATTTGAAAAATTTTTTTGGCTCA

>dmgsat-85_D.burlai

AAAAAAAACGAACAAAAATCAACTTTTGAAATCTGGCATTTAAGTATGCAATTTCATAGATACAGAAAGAAATAGCACAGAAAAGCTGTGGAATCAAAATTAAGCATT
TTGACGGAATTGTAACCTCTC

>dmgsat-86_D.kanapiae

GACAAAATTATATCTAACATGCCATCAGAGATGCTCATCTAGCTATATTGCATTATTGG

>dmgsat-87_D.pectinifera

TATCACCAATATATCACGAATA

>dmgsat-88_D.birchii

AGATTTACA

>dmgsat-89_D.jambulina

TCGTTACAGGCGACGGTCACACTGAACTTCGCCAGGGCCCTATATAAGGCGGGCGACACTCTTGGAATTTCACTCGGCGTCCGACAGCGATCCGATGAGGTAGCTTATATCCAG
AGAACAACCCGCCAGGCAGCTGCCAGTGTGGTGAATATACTAAGCAACAAATTTGCTTGATTTGTAGTAACCTAATCTTACTCAACAGGAAGTAGCTACCCCTGAGGCACATGTT
CAGGATGAAGGCCGAGGATTGAGAGCACCTGCACCTCCTGTGCGATAACCGCGCACAGCCACAGTATAGGAAAAATAACATAAAGAATTCGAGTCATAAGAAAAATATTTGA
ATTTAATGCGCGAGCGCAATTGATCGTAAACGCCAGGTACACTGGATCGAACAGGCGTTGGCCACACTAATACGGCAATT

>dmgsat-90_D.vulcana

GTGAAAAGACTACCCATGATAGGGTTG

>dmgsat-91_D.punjabiensis

GAAGCCTTTCTCTCTAACGGTCTGGCAACCCTGAAAATATGGATGAGAATCGCAGAGAAGGGCGCTTCACCTTAACAGTATGTAATTTGCAGAGGAAGGCCTACCTTAAGTACA
CAGTATGAGAATCGCAGAGAATTTGCGTTGCAAATTTCTGCCTGAAATTATAATACCCTGCAAGGTATAAAAAGTGTAACCCCGAGTTAAGTATAGAAAGCTAATATTTTTAT
GGCTGCCATATTTCAATTTGATTAAAGTCTATCAACCGCCAAACATTAGATTAGTTGGTTTTAAACAAAGTTTGGAGTTTCTAGCCTTGACAACATCTATATGTGAATATCTATG
CAAAAAGAAAATTATACATAAAGAGGAAATGACAAGTGCAAAAAGGGAATTGCTTAGGTATGTAAATCGAAAAGAGAGGCACCTTACCAACAGAGTATGTAGAATCGCAGAGG

>dmgsat-92_D.burlai

TGGCGCGAGGACCGCGTCTACCATTGACAATTTCTGGCCCAACATTGTGAGCGGATTGCATGGGATCGCAGCAGAAGATCCAGCTCATCCAGCAAGTGGTGACGCCCAAGGGC
GAGCTGACGAATGTCCCGTGAGTGTAAGCAGGGATATATTCAACCGAAAGTCAAACCTAACGAGCAACTTCTTTCCCTCAGATCGCCACCAATGCCAATGAAAAAATCTCGC
ACATGTGTGCATATAATTCTCAACTGGTTCTAACCTCCCGGTATGAAGACACGGCCAAGTCGCAGGTGAACAATGTGATTTAAGGAGATTGTGGAGCGCGCCAAGCCGCTGTC
GATCCGCTGACTAACCCCAACGATCGTCTGAGTGGTGAACTGAGCTCGGCCGTGCGCCAGTCGTACGCCGTGGCAAGGGCCAGGCTTCAACGCCG

>dmgsat-93_D.tani

CATCAGATAGGAATAAATGTGGTGTGCTTTGCTCCGTATTTAACACCAGAAGACAACAGTACCTACATCGTTTCTGTTGCTTAAGCCTTTTAAAAGTTATGGGCAGATTATTTT
TTATTGAATATATTTTGAACCGAG

>dmgsat-94_D.kanapiae

TGAAAAATTTGAAAAATT

>dmgsat-95_D.punjabiensis

CAAGAAGAAGAACAAGGAGAAATGGTTCCCCGCCCTCGTTGTGACGCCTACTACACAGGTGAGCTGAGAATTTGTTTTTCATACAGGATATAATAATGATTGATTGCTTTTCTAC
ACAGGCCACAGTCCGCATCCGCGTGAAGGACGAGTACCTGGTACATTTCGTCCAAGGACGGCCGTTACTATATGGTCCCGAAGAAGGAGGCCACCGAGTACACCCGCGCAGTGGC
AAGTTGCGTTTACCGCCTCCAGTCAGCGGTTGGAGTGGGAGCAGCAGCCCCGGAGCAGTAGTTGCC'TTGGTAATTACCGCTGTGTTGCCGCCAACAGCGGGTGCAGGATCAG
GCGCATCCGGAACGGGTTTCGGCCACAGCAACGGCCACTACCTCAGGTGGCGCTGCTGTCTGTGGTAAGCTCGGCGGCCAGGAAGCAGGCCCTCAAGGCAAGCGCCATTCAGCATA
GCCTAAAAGGACGACTGACGCCCTCGGCCGTGGCCAATCCAGTCAAGATGCACACGCCACGAGGAGCAGAAGCAGCGTCTGCCAAGGAGGTGGTCAACGAGAAGGAGAAGAATA
TCGGCAAGGTGGTGTGCGTGGAGACAGAGTC

>dmgsat-96_D.punjabiensis

CTTATTCTCAATCTCAATCTGAATCTCATT

>dmgsat-97_D.bunnanda

TTAAAATTTAAATTTTTTG

>dmgsat-98_D.bunnanda

GAATGAGGAGGAATGAGGAG

>dmgsat-99_D.truncata

AAATATACCA

>dmgsat-100_D.seguyi

GAAAGATGAT

>dmgsat-101_D.bunnanda

ACAATGTAACAACAATA

Figure S1. Graph layouts of dmgsat-1 clusters retrieved by TAREAN. (A). *D. asahinai* dmgsat-1 cluster. **(B)** *D. tani* dmgsat-1 cluster. **(C).** *D. lacteicornis* dmgsat-1 cluster. **(D).** *D. rufa* dmgsat-1 cluster. **(E).** *D. auraria* dmgsat-1 cluster. **(F)** *D. triauraria* dmgsat-1 cluster.

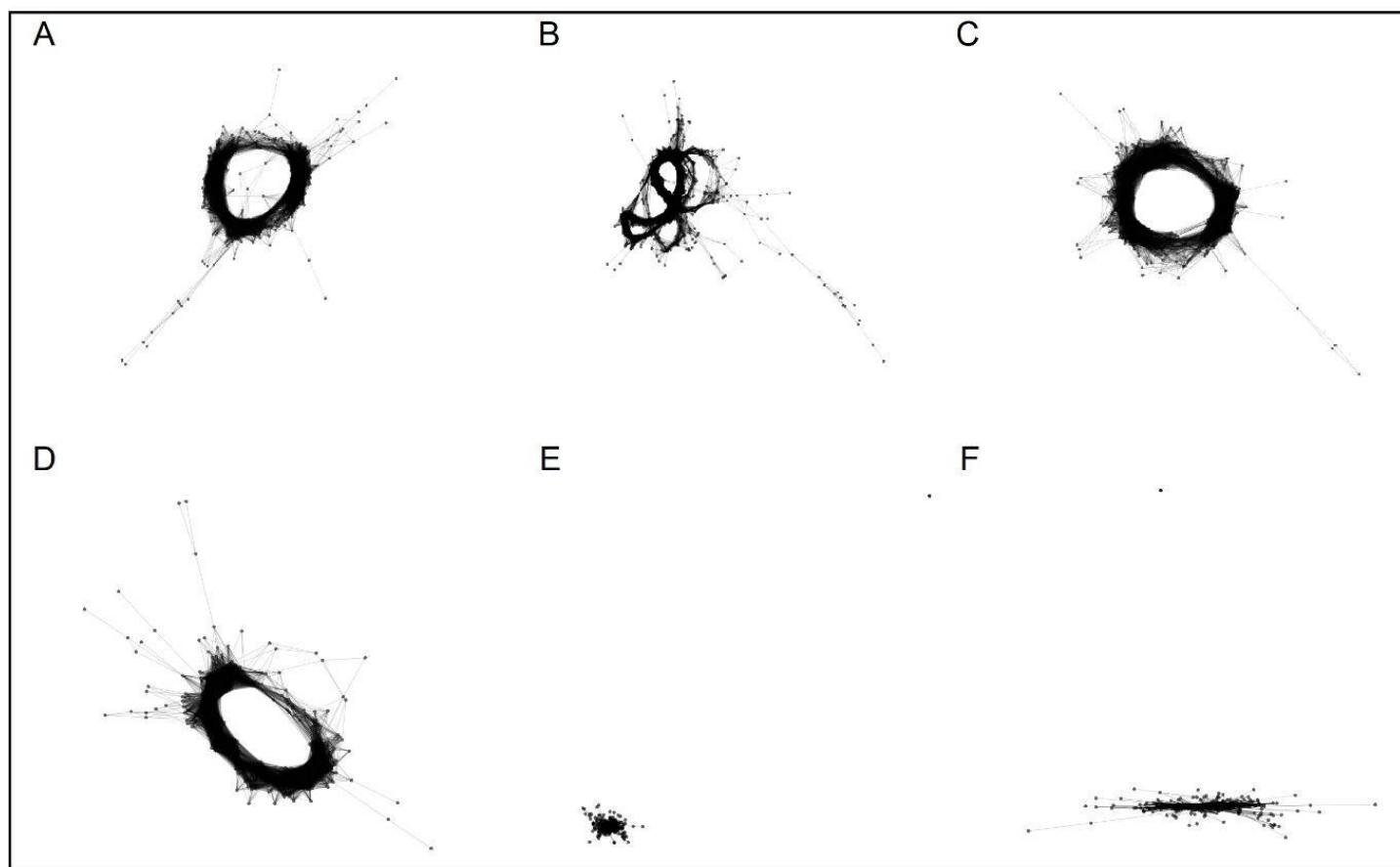


Figure S2: Correlation test between genome size and contribution to genome of the 397 initial clusters retrieved by TAREAN (see Figure 2) from the 23 analyzed species from the *montium* group. The p-value was obtained with Spearman’s correlation test. The colors are based on subgroup classification proposed by Yassin (2018) [29].

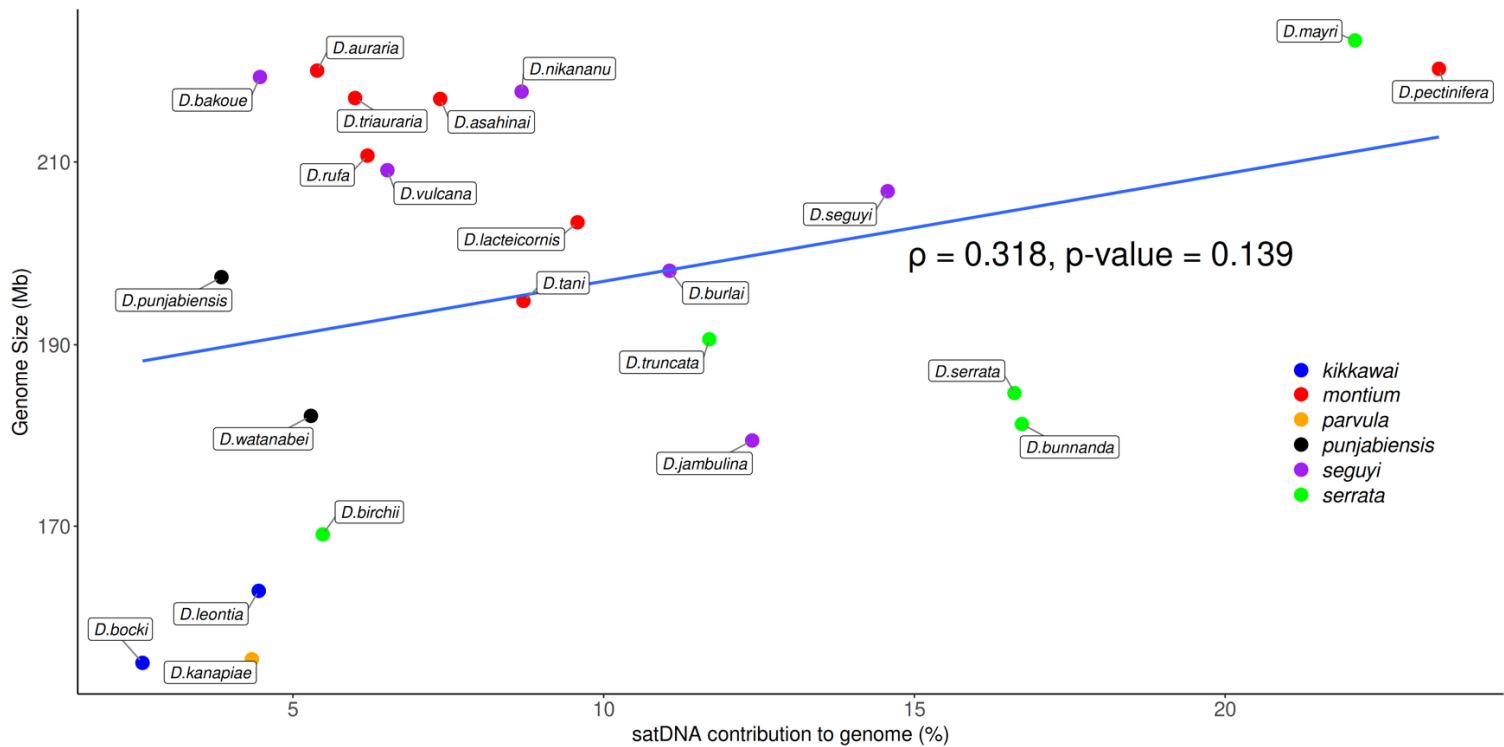


Table S2. SatDNA families in the *montium* group sharing homology with Helitron transposable elements.

SatDNA Family	Species	Consensus size (in bp)	Helitron Hit (s) (Rebase search)	SatDNA hit fragment (From/To) "bp"	Correspondent fragment on Helitron sequence (From/To) "bp"	Similarity value between 2 aligned fragments
dmgsat-1	<i>D. asahinai</i>	374	DNA4-1_DK#RC/Helitron	19-201	126-312	0.7845
dmgsat-1	<i>D. rufa</i>	368	DNA4-1_DK#RC/Helitron	23-212	117-312	0.7720
dmgsat-1	<i>D. lacteicornis</i>	374	DNA4-1_DK#RC/Helitron	134-316	126-312	0.7889
dmgsat-1	<i>D. tani</i>	374	DNA4-1_DK#RC/Helitron	50-230	137-320	0.7337
dmgsat-1	<i>D. auraria</i>	367	DNA4-1_DK#RC/Helitron	1-97	223-320	0.7959
dmgsat-1	<i>D. triauraria</i>	366	DNA4-1_DK#RC/Helitron	227-359	187-320	0.8000
dmgsat-7	<i>D. mayri</i>	150	Helitron-N4_DSer	25-150	435-562	0.7795
dmgsat-7	<i>D. serrata</i>	153	Helitron-N4_DSer	1-149	344-491	0.9195
dmgsat-8	<i>D. truncata</i>	198	DNA4-1_DK#RC/Helitron	49-191	174-315	0.7413
dmgsat-8	<i>D. truncata</i>	194	DNA4-1_DK#RC/Helitron	28-191	146-315	0.7305
dmgsat-14	<i>D. jambulina</i>	208	DNA4-1_DK#RC/Helitron;	24-190	138-313	0.7193
dmgsat-14	<i>D. seguyi</i>	178	DNA4-1_DK#RC/Helitron	13-178	132-313	0.7229
dmgsat-20	<i>D. bunnanda</i>	346	DNA4-1_DK#RC#Helitron	1-175 229-340	10-184 188-299	0.7543 0.7857
dmgsat-22	<i>D. bunnanda</i>	324	DNA4-1_DK#RC/Helitron	48-314	10-322	0.8303
dmgsat-22	<i>D. serrata</i>	356	DNA4-1_DK#RC/Helitron	21-291	42-322	0.8168
dmgsat-41	<i>D. bocki</i>	202	DNA4-1_DK#RC/Helitron	54-148	223-320	0.7396
dmgsat-67	<i>D. bunnanda</i>	174	DNA4-1_DK#RC/Helitron	56-107	131-193	0.9259
dmgsat-79	<i>D. bocki</i>	186	DNA4-1_DK#RC/Helitron	46-138	223-315	0.7634
dmgsat-81	<i>D. leontia</i>	653	DNA4-1_DK#RC/Helitron	216-267	264-315	0.8269
dmgsat-84	<i>D. mayri</i>	189	DNA4-1_DK#RC/Helitron	19-177	145-314	0.7546
dmgsat-91	<i>D. punjabiensis</i>	455	Helitron-N4_DSer	138-186	1-49	0.9796

Table S3. Top ten contigs (sorted by total score) containing copies of dmgsat-7 in *D. serrata*.

Species	NCBI Accession	Accession length (bp)	Largest number of uninterrupted repeats found
<i>Drosophila serrata</i>	MTTC01000695.1*	82,685	540
	MTTC01000697.1*	54,943	359
	MTTC01001044.1	93,247	428
	MTTC01000698.1*	44,750	292
	MTTC01000455.1	32,409	180
	MTTC01000722.1	44,489	229
	MTTC01000425.1	48,635	172
	MTTC01000872.1	59,640	162
	MTTC01000440.1	155,132	319
	MTTC01000910.1	164,193	138

* Contigs containing only CTR sequences