

Supplementary table S1. Genes used for gene-expression profile

A All 96 genes in the gene-expression panel (including 3 reference genes)				
<i>ABCC4</i>	<i>CDK12</i>	<i>FZD7</i>	<i>NTS</i>	<i>STYK1</i>
<i>ACPP</i>	<i>CDK4</i>	<i>GUCY1A3</i>	<i>PCGEM1</i>	<i>TACC2</i>
<i>ADRA2C</i>	<i>CEACAM5</i>	<i>HNF1A</i>	<i>PIK3CA</i>	<i>TBX3</i>
<i>AGR2</i>	<i>COL18A1</i>	<i>IGFBP4</i>	<i>PIK3CB</i>	<i>TCF7L2</i>
<i>AKR1C3</i>	<i>CREB3L4</i>	<i>IGFBP5</i>	<i>PLAU</i>	<i>TMPRSS2</i>
<i>APC</i>	<i>CRISP3</i>	<i>ITGA6</i>	<i>PMEPA1</i>	<i>TMPRSS2_ERG</i>
<i>APP</i>	<i>CYP11A1</i>	<i>KIT</i>	<i>PPAP2A</i>	<i>UGT2B15</i>
<i>AR</i>	<i>CYP17A1</i>	<i>KLK2</i>	<i>PPARG</i>	<i>WNT11</i>
<i>AR_V1</i>	<i>DDC</i>	<i>KLK3</i>	<i>PRKACB</i>	<i>WNT4</i>
<i>AR_V3</i>	<i>DHCR24</i>	<i>KRT8</i>	<i>PTEN</i>	<i>WNT5A</i>
<i>AR_V7</i>	<i>DKK1</i>	<i>LAD1</i>	<i>PTPN1</i>	<i>ZBTB16</i>
<i>AR_V9</i>	<i>DRG1</i>	<i>LEF1</i>	<i>RAD51B</i>	
<i>AR_WT_fl</i>	<i>EAF2</i>	<i>LRIG1</i>	<i>RAD51C</i>	Reference genes
<i>AXIN2</i>	<i>ELL2</i>	<i>MALAT1</i>	<i>RB1</i>	<i>GUSB</i>
<i>BMP7</i>	<i>EPCAM</i>	<i>MED12</i>	<i>S100A16</i>	<i>HMBS</i>
<i>BRCA2</i>	<i>EZH2</i>	<i>MKI67</i>	<i>SLC45A3</i>	<i>HPRT1</i>
<i>CAV1</i>	<i>FAT1</i>	<i>MSMB</i>	<i>SLCO1B3</i>	
<i>CCND1</i>	<i>FKBP5</i>	<i>MYC</i>	<i>SOX9</i>	
<i>CDH1</i>	<i>FOLH1</i>	<i>NDRG1</i>	<i>SP5</i>	
<i>CDH10</i>	<i>FOXA1</i>	<i>NKX3_1</i>	<i>SRD5A2</i>	
B CTC-specific genes				
<i>AGR2</i>	<i>BMP7</i>	<i>FKBP5</i>	<i>MSMB</i>	<i>TACC2</i>
<i>AR</i>	<i>CCND1</i>	<i>FOLH1</i>	<i>NKX3_1</i>	<i>TBX3</i>
<i>AR-V1</i>	<i>CDH1</i>	<i>FOXA1</i>	<i>PPAP2A</i>	<i>TMPRSS2</i>
<i>AR-V3</i>	<i>CRISP3</i>	<i>KLK2</i>	<i>PPARG</i>	<i>TMPRSS2_ERG</i>
<i>AR-V7</i>	<i>DKK1</i>	<i>KLK3</i>	<i>SOX9</i>	<i>UGT2B15</i>
<i>AR-V9</i>	<i>EPCAM</i>	<i>KRT8</i>	<i>SP5</i>	<i>WNT5A</i>
<i>AR_WT_fl</i>	<i>FAT1</i>	<i>LAD1</i>	<i>STYK1</i>	

A) All 96 genes that were measured in the samples with available RNA. B) The 34 genes with higher expression in CTC samples compared to the background of leukocytes.