

Table S2. Detection of atypical CPB2 on strain culture supernatants genotyped as consensus *cpb2*+. sELISA with 5C11E6, 2G3G6, 4E10E11 and conformation-dependent 23E6E6 Mabs. OD₄₅₀ values are shown.

	MAbs			
Strain number	5C11E6	2G3G6	4E10E11	23E6E6
C27	0,058	0,053	0,056	ND
C28	0,58	0,24	0,31	0,156
C29	0,062	0,064	0,055	0,055
C30	0,068	0,058	0,061	0,056
C31	0,072	0,076	0,073	0,064
C32	0,073	0,059	0,1	0,066
C33	0,059	0,104	0,071	0,066
C34	0,063	0,074	0,13	0,064
C35	0,058	0,093	0,074	0,07
C36	0,064	0,078	0,122	0,095
C37	0,061	0,11	0,083	0,058
C38	0,06	0,049	0,085	0,055
C39	0,058	0,051	0,1	0,053
C40	0,053	0,056	0,054	0,057
C41	0,05	0,056	0,06	0,063
C42	0,069	0,068	0,088	0,077
C43	0,057	0,056	0,055	0,057
C44	0,051	0,045	0,05	0,051
C45	0,047	0,058	0,057	0,056
C46	0,049	0,064	0,066	0,054
C47	0,055	0,054	0,075	0,07
C48	0,048	0,053	0,054	0,05
C49	0,047	0,047	0,05	0,057
C50	0,052	0,06	0,069	0,063
C51	0,054	0,066	0,075	0,07
C52	0,053	0,067	0,072	0,074
C53	0,054	0,053	0,062	0,065