

Table S1 - Uncorrected p-distances for all sequenced gene regions.

	<i>E. syriaca</i>	<i>E. zoufali</i>	<i>E. ? quadr.</i>	<i>E. aenea</i>	<i>E. rioloides</i>	<i>E. bosnica</i>
<i>E. syriaca</i>	(a) 0,0058					
	(b) 0,0015					
	(c) 0,0005					
	(d) 0,001					
<i>E. zoufali</i>	(a) 0,038	(a) 0,0023				
	(b) 0,008	(b) 0,00				
	(c) 0,011	(c) 0,00				
	(d) 0,015	(d) 0,006				
<i>E. ? quadr.</i>	(a) 0,046	(a) 0,044	(a) 0,0032			
	(b) 0,045	(b) 0,037	(b) n.a.			
	(c) n.a.	(c) n.a.	(c) n.a.			
	(d) n.a.	(d) n.a.	(d) n.a.			
<i>E. aenea</i>	(a) 0,126	(a) 0,127	(a) 0,126	(a) n.a.		
	(b) 0,17	(b) 0,165	(b) 0,167	(b) n.a.		
	(c) 0,05	(c) 0,043	(c) n.a.	(c) n.a.		
	(d) 0,052	(d) 0,058	(d) n.a.	(d) n.a.		
<i>E. rioloides</i>	(a) 0,117	(a) 0,116	(a) 0,112	(a) 0,038	(a) n.a.	
	(b) 0,184	(b) 0,183	(b) 0,184	(b) 0,044	(b) n.a.	
	(c) 0,044	(c) 0,037	(c) n.a.	(c) 0,048	(c) n.a.	
	(d) 0,04	(d) 0,054	(d) n.a.	(d) 0,012	(d) n.a.	
<i>E. bosnica</i>	(a) 0,114	(a) 0,111	(a) 0,112	(a) 0,069	(a) 0,054	(a) n.a.
	(b) 0,171	(b) 0,167	(b) 0,165	(b) 0,048	(b) 0,066	(b) n.a.
	(c) 0,044	(c) 0,037	(c) n.a.	(c) 0,035	(c) 0,046	(c) n.a.
	(d) n.a.	(d) n.a.	(d) n.a.	(d) n.a.	(d) n.a.	(d) n.a.

For each species-pair, p-distances are noted consecutively for COI (a), ITS1 (b), CAD (c) and H3 (d).

Within-species p-distances are in bold font; n.a. stands for "not applicable".