

SORE6 ⁺ /SORE6 ⁻ No Ara-C		SORE6 ⁺ /SORE6 ⁻ With 10 nM Ara-C	
Gene	Fold Up- or Down- Regulation	Gene	Fold Up- or Down- Regulation
<i>ESR1</i>	10.90	<i>ULK2</i>	13.90
<i>FAS</i>	9.19	<i>INS</i>	9.03
<i>PTEN</i>	9.08	<i>SNCA</i>	8.37
<i>SNCA</i>	8.55	<i>IFNG</i>	7.89
<i>MAPK14</i>	8.47	<i>APP</i>	7.61
<i>APP</i>	8.07	<i>TMEM74</i>	7.20
<i>IFNG</i>	7.26	<i>DAPK1</i>	5.03
<i>CTSS</i>	6.83	<i>TGM2</i>	4.37
<i>ATG10</i>	6.79	<i>IGF1</i>	3.42
<i>BNIP3</i>	6.76	<i>ESR1</i>	3.41
<i>MAP1LC3B</i>	6.73	<i>ATG9B</i>	3.15
<i>TMEM74</i>	6.65	<i>BNIP3</i>	2.51
<i>AKT1</i>	6.62	<i>CTSS</i>	2.44
<i>DAPK1</i>	6.26	<i>MAP1LC3A</i>	2.25
<i>ULK2</i>	5.67	<i>ATG10</i>	2.15
<i>INS</i>	5.09	<i>RAB24</i>	2.14
<i>TGM2</i>	5.04	<i>PIK3R4</i>	1.99
<i>CDKN2A</i>	4.60	<i>BAK1</i>	1.87
<i>RAB24</i>	4.19	<i>HTT</i>	1.76
<i>ATG9B</i>	4.01	<i>ATG16L2</i>	1.69
<i>CTSB</i>	3.90	<i>CTSD</i>	1.68
<i>MTOR</i>	3.76	<i>SQSTM1</i>	1.67
<i>GABARAPL2</i>	3.51	<i>NFKB1</i>	1.60
<i>MAP1LC3A</i>	3.28	<i>HSPA8</i>	1.56
<i>BAK1</i>	3.26	<i>EIF4G1</i>	1.55
<i>PIK3R4</i>	3.10	<i>GABARAPL1</i>	1.51
<i>MAPK8</i>	3.02	<i>DRAM1</i>	1.48
<i>ATG7</i>	2.89	<i>AMBRA1</i>	1.46
<i>HSP90AA1</i>	2.35	<i>UVRAG</i>	1.46
<i>BID</i>	2.32	<i>MAPK14</i>	1.46
<i>ATG4B</i>	2.25	<i>CTSB</i>	1.45
<i>HSPA8</i>	2.09	<i>GAA</i>	1.44
<i>IGF1</i>	2.06	<i>BCL2L1</i>	1.43
<i>EIF4G1</i>	2.04	<i>RPS6KB1</i>	1.42
<i>ATG12</i>	1.99	<i>TGFB1</i>	1.42
<i>CASP8</i>	1.98	<i>NPC1</i>	1.41
<i>ATG5</i>	1.94	<i>CASP8</i>	1.41

<i>EIF2AK3</i>	1.87	<i>IRGM</i>	1.41
<i>AMBRA1</i>	1.87	<i>LAMP1</i>	1.40
<i>BCL2L1</i>	1.79	<i>PIK3C3</i>	1.40
<i>DRAM1</i>	1.70	<i>ATG4C</i>	1.37
<i>RPS6KB1</i>	1.65	<i>PRKAA1</i>	1.37
<i>GABARAPL1</i>	1.63	<i>HSP90AA1</i>	1.36
<i>WIPI1</i>	1.62	<i>HDAC1</i>	1.36
<i>PRKAA1</i>	1.51	<i>BECN1</i>	1.35
<i>ATG16L1</i>	1.51	<i>ATG4B</i>	1.34
<i>ATG16L2</i>	1.50	<i>ATG7</i>	1.34
<i>PIK3C3</i>	1.49	<i>MAP1LC3B</i>	1.34
<i>CASP3</i>	1.49	<i>PIK3CG</i>	1.33
<i>PIK3CG</i>	1.41	<i>PTEN</i>	1.33
<i>FADD</i>	1.38	<i>MTOR</i>	1.32
<i>IRGM</i>	1.37	<i>ATG16L1</i>	1.30
<i>NPC1</i>	1.35	<i>TP53</i>	1.29
<i>ATG4D</i>	1.33	<i>ATG9A</i>	1.29
<i>HTT</i>	1.30	<i>CLN3</i>	1.28
<i>SQSTM1</i>	1.30	<i>EIF2AK3</i>	1.26
<i>ATG3</i>	1.28	<i>FADD</i>	1.25
<i>NFKB1</i>	1.22	<i>ATG5</i>	1.25
<i>ATG4C</i>	1.20	<i>TNFSF10</i>	1.24
<i>BECN1</i>	1.17	<i>HGS</i>	1.22
<i>DRAM2</i>	1.14	<i>WIPI1</i>	1.21
<i>GAA</i>	1.14	<i>GABARAPL2</i>	1.20
<i>ATG4A</i>	1.14	<i>CASP3</i>	1.20
<i>BAD</i>	1.10	<i>ATG12</i>	1.19
<i>CXCR4</i>	1.09	<i>ATG4A</i>	1.18
<i>TP53</i>	1.08	<i>ULK1</i>	1.16
<i>UVRAG</i>	1.08	<i>HDAC6</i>	1.14
<i>HDAC1</i>	1.07	<i>BID</i>	1.13
<i>RB1</i>	1.06	<i>RB1</i>	1.12
<i>HDAC6</i>	1.01	<i>MAPK8</i>	1.07
<i>BAX</i>	-1.02	<i>BCL2</i>	1.07
<i>LAMP1</i>	-1.03	<i>AKT1</i>	1.06
<i>ULK1</i>	-1.08	<i>CXCR4</i>	1.06
<i>CLN3</i>	-1.08	<i>BAX</i>	1.05
<i>CTSD</i>	-1.14	<i>DRAM2</i>	1.05
<i>ATG9A</i>	-1.15	<i>ATG3</i>	1.05
<i>TNFSF10</i>	-1.21	<i>BAD</i>	1.02
<i>GABARAP</i>	-1.26	<i>RGS19</i>	1.01

<i>CDKN1B</i>	-1.33	<i>ATG4D</i>	-1.02
<i>BCL2</i>	-1.35	<i>CDKN1B</i>	-1.02
<i>TGFB1</i>	-1.35	<i>GABARAP</i>	-1.03
<i>HGS</i>	-1.36	<i>TNF</i>	-1.42
<i>RGS19</i>	-1.38	<i>CDKN2A</i>	-1.46
<i>TNF</i>	-1.42	<i>FAS</i>	-3.32

Table S1. List of differential gene expression for all genes analyzed by the oligonucleotide array. The fold up- and down- regulation is indicated for MOLM-13 SORE6⁺ compared to SORE6⁻ cells, with and without Ara-C treatment.