

Table S4. An average level of expression of novel miRNAs identified in the tested seed samples [Rc - renewed seeds; Hv - seeds with high viability; Lv - seeds with low viability]

name	mature sequence miRNA	averaged level of expression RPM		
		Rc	Hv	Lv
hvu-new1	AAGCTCAGGAGGGATAGCGCC	0.09	0.06	0.00
hvu-new2	AAGTCCTCGTGTTCATTCT	0.00	2.00	3.43
hvu-new3	ACACGCGTGATGTGGTCTCTT	0.48	0.12	0.50
hvu-new4	ACTGTTGTCGGCCGCGTCGGT	0.98	0.99	1.17
hvu-new5	AGTCCTCGTGTTCATTCT	3.70	1.80	0.76
hvu-new6	AGTGGTGATGAAAATGCTCT	0.41	0.16	0.73
hvu-new7	ATGCGGGATGAACCGGAAGT	0.14	0.00	0.05
hvu-new8	ATGGAGGTAGACGGAAACGGA	0.11	0.00	0.00
hvu-new9	ATGGGACTGAAGTTTACCTCT	0.05	0.00	0.08
hvu-new10	ATGGGACTGAAGTTTACCTCTT	0.04	0.04	0.18
hvu-new11	ATTTGTAGTGTTCGGATTGAGT	0.14	0.16	0.21
hvu-new12	CAGTTCTTCTGTCCACATCG	0.03	0.06	0.00
hvu-new13	CATGACTCTCGGCAACGGATA	0.10	0.31	0.39
hvu-new14	CCCATGTGCGCACGGATTCTGA	3.98	2.36	3.15
hvu-new15	CCTGGGAAGTCCTCGTGTTA	0.05	0.12	0.09
hvu-new16	CCTGTTTGTCTATTAAATTTCTT	0.09	0.05	0.05
hvu-new17	CGAAAGATGGTGAACATATGT	0.00	0.18	0.24
hvu-new18	CGGCAGTGAGGAGAGACAGA	0.09	0.06	0.07
hvu-new19	CGGGGTGTGGACTGTTGTCA	0.27	0.80	0.26
hvu-new20	CTCGCGAGCAACGGATGAATC	0.07	0.08	0.26
hvu-new21	CTGGCAACAAATTAGAGTCTC	0.00	0.05	0.00
hvu-new22	CTGGCAACAAATTAGAGTCTCT	0.06	0.00	0.30
hvu-new23	CTGTTGAGCTTGACTCTAGTCT	1.90	1.12	1.88
hvu-new24	CTTCCCAACGGGCGGTGGGCTA	0.00	0.16	0.00
hvu-new25	GACTGTTGTCGGCCGCGTCA	0.04	0.10	0.00
hvu-new26	GAGGGCGGCGATAACATTTTC	0.28	0.29	0.09
hvu-new27	GCCAGGACTGTAACCATGTGT	0.03	0.00	0.00
hvu-new28	GCCGACCTAGCTCAGTGGTA	1.24	1.16	0.60
hvu-new29	GCGGAACGGCTCTTGCTGGTT	0.14	0.00	0.12
hvu-new30	GGTGTGGACTGTTGTCGGCG	0.19	0.29	0.16
hvu-new31	GTTGCCGTCGTCGACATGGT	0.19	0.16	0.09
hvu-new32	TAAGGACTTAAAGTGGGCATT	0.05	0.00	0.00
hvu-new33	TAATAAGCATGTCTTCAGATG	0.63	0.50	0.47
hvu-new34	TAATGATCTTATCTCGGTGTTG	0.52	0.00	0.00
hvu-new35	TATAAGTCTTTGTAGAGATC	0.06	0.11	0.00
hvu-new36	TATTGGCTCGGCTCACTCAGG	0.19	0.09	0.04
hvu-new37	TCAAGTGATGAGGAATAAACT	0.29	0.30	0.18
hvu-new38	TCAGACTTCGCTGGGACATC	0.95	0.40	0.51
hvu-new39	TCAGTGCGATCCCTCTGGAAT	0.17	0.04	0.05

hvu-new40	TCCACAGGCTTTCTTGAAGCTG	8.79	7.06	5.77
hvu-new41	TCCCAACGGGCGGTGGGCTA	0.04	0.00	0.14
hvu-new42	TCCGTTGTAGTCTAGGTGGTT	0.11	0.07	0.04
hvu-new43	TCGCTTGGTGCAGATCGGGAC	1.83	1.34	0.96
hvu-new44	TCGGACCAGGCTTCAATCCCT	2.76	1.79	1.91
hvu-new45	TCGGACCAGGCTTCATTCCCC	74.93	63.18	62.37
hvu-new46	TCGGACCAGGCTTCATTCCCT	7.29	5.45	5.73
hvu-new47	TCTGGATGTTGATTAGATGTT	0.17	0.03	0.00
hvu-new48	TCTTATGTTGTGGGACGGAGG	0.32	0.10	0.00
hvu-new49	TGAAGCTGCCAGCATGATCT	1.50	0.40	0.00
hvu-new50	TGAAGCTGCCAGCATGATCTA	0.59	0.46	0.90
hvu-new51	TGAAGCTGCCAGCATGATCTG	0.83	0.48	0.21
hvu-new52	TGAAGCTGCCAGCATGATCTGA	13.83	11.33	12.29
hvu-new53	TGAAGCTGCCAGCATGATCTGC	0.00	0.04	0.13
hvu-new54	TGACAGAAGAGAGTGAGCAC	43.49	31.99	25.08
hvu-new55	TGAGCTTGACTCTAGTCCGACC	0.15	0.12	0.09
hvu-new56	TGAGGAAGGACTGCATCATCT	0.05	0.13	0.10
hvu-new57	TGCAGCGCCGGTGAACCGCTCC	0.00	0.11	0.08
hvu-new58	TGCGGTGATGAATTATGAATT	0.10	0.18	0.12
hvu-new59	TGCTGTGATGAATCGCAAGGAC	0.03	0.04	0.10
hvu-new60	TGGAAGGGGCATGCAGAGGAG	0.66	0.00	0.00
hvu-new61	TGGACGTGGAGGTGCAGCTGC	0.20	0.00	0.00
hvu-new62	TGGACTGAAGGGAGCTCCCTC	7.18	7.32	5.93
hvu-new63	TGGAGAAGCAGGGCACGTGCT	0.00	0.07	0.04
hvu-new64	TGGAGGTAGACGGAAACGGAG	0.31	0.18	0.00
hvu-new65	TGGCCTGTCAAGTACGCGTGC	0.07	0.00	0.00
hvu-new66	TTAAATTTCTCCATAGCATCA	0.25	0.58	0.75
hvu-new67	TTACGGATGTAGTATCATACT	0.03	0.06	0.00
hvu-new68	TTCATCGGTGAGTAAGGTCC	0.06	0.08	0.00
hvu-new69	TTCCACAGCTTTCTTGAAGCTG	0.60	0.08	0.42
hvu-new70	TTGAACTGTTTCTCTGAAAT	0.09	0.07	0.08
hvu-new71	TTGAGCCGTGCCAATATCTCT	0.10	0.06	0.03
hvu-new72	TTGAGGAAGGACTGCATCATC	0.05	0.00	0.00
hvu-new73	TTGAGTGCAGCGTTGATGAAC	0.62	0.00	0.00
hvu-new74	TTGATTCGCGGCTCATCTTGC	26.79	16.75	15.93
hvu-new75	TTGGACGTGGAGGTGCAGCTG	0.10	0.06	0.03
hvu-new76	TTGGCATTCTGTCCACCTCC	0.60	0.40	0.38
hvu-new77	TTGTCTAGAAATGAATGTATTT	0.05	0.00	0.09
hvu-new78	TTGTCTAGATATGAATGTTC	0.04	0.00	0.07
hvu-new79	TTGTCTAGATATGAATGTTT	0.43	0.30	0.18
hvu-new80	TTTGATTGAAGGGAGCTCTG	124.76	103.36	97.81
hvu-new81	TTTGACACCTTGAAACTGGGA	0.60	0.37	0.37