

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

G-tract	-----	0
YAP	AGCCCTCAGGCAGACTGAATTCTAAATCTGTGAAGGATCTAAGGAGACACATGCACCGGA	60
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	0
LATS2	-----atgggggccaggcacccccaccactcgc	28
G-tract	-----	0
YAP	AATTTCCATAAGCCAGTTGCAGTTTTTCAGGCTAATACAGAAAAAGATGAACAAACGTCCA	120
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	0
LATS2	tgctcccagggtcagggtcccg----gagccggtgccctcacaggccaa---tagggaa	80
G-tract	-----	0
YAP	GCAAGATACTTTAATCCTCTATTTTGCTCTTCCTTGCCATTGCTGCTGTTAATGTATTG	180
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	0
LATS2	gccgagggtgt----tttgttttaattagtcgctcgattacttcacttgaaattctg	135
G-tract	-----	0
YAP	CTGACCTCTTTCACAGTTGGCTCTAAAGAATCAAAAGAAAAAACTTTTTATTTCTTTTG	240
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----tat	3
LATS2	ctcttcaccaagaaaacccaacaggacacttttgaaaacaggactcagcatcgct--t-	192
G-tract	-----	0
YAP	CTATTAATACTACTGTTTCATTTTGGGGGCTGGGGGAAGTGAGCCTGTTTGGATGATGGAT	300
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	atgtttaacacactagtaa-----	22
LATS2	----tcaataggcttttcaggaccttcactgcattaaaacaatatTTTTgaaaatttagt	248
G-tract	-----	0
YAP	GCCATTCCTTTTGCCAGTTAAATGT----TCACCAATCATTTTAACTAAATACTCAGAC	356
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	22
LATS2	acagtttagaaagagcacttatTTTgtttatatccatttttcttactaaattataggga	308
G-tract	-----	0
YAP	TTAGAAGTCAGATGCTTCATGTACAGCATTTAGTTTGTTCAACAGTTGTTCTTCAGCT	416
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	22
LATS2	ttaactttg--a---caaatcatgctgctgttatTTTctacatttgatTTtatccatag	363
G-tract	-----	0
YAP	TCCTTTGTCCAGTGGAACCATGATTTACTGGTCTGACAAGCCAAAAATGTTATATCTG	476
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	22
LATS2	cactt-----attcacatttaggaaaagacataaaaaactgaagaac	404
G-tract	-----	0

YAP	ATATT---AAATACTTAATGCTGATTTGAAGAGATAGCTGAAACCAAGGCTGAAGACTGT	533
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----ataaatgtaatgaggatttgtaaaagggcctgaa-----	56
LATS2	attgatgagaaatctctgtgcaataatgtaaaaaaaaaaaaagataacactctgctcaat	464

G-tract	-----	0
YAP	TTTACTTTCAGTATTTTCTTTCCTCCTAGTGCTATCATTAGTCACATAATGACCTTGAT	593
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	56
LATS2	gtca-----cggagaccattttatccacacaatggtttttgt	501

G-tract	-----	0
YAP	TTTATTTTAGGAGCTTATAAGGCATGAGACAATTTCCATATAAATATATTAATTATTGCC	653
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	56
LATS2	tt-----tttattttttcccatgtttcaaaattgtgatataatgat-----	542

G-tract	-----TTGTGGGTGTGC-----	12
YAP	ACATACTCTAATATAGATTTTGGTGGATAATTTTGTGGGTGTGCATTTTGTCTGTTTTG	713
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----atg	59
LATS2	-----ataatggt-----aaaagctgctttt	563

G-tract	-----	12
YAP	TTGGGTTTTTTGTTTTTTTG--TTTTTGGCAGGGTCGGTGGGGGGGTGGTTGGTTGGT	771
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	cgaggtgtttt-----gaggt	75
LATS2	tttggctttttgcatacttagtataataggaagtgtgagc---aaggtgatgatgtggc	619

G-tract	-----	12
YAP	TGGTTTTGTCCGAACCTAGGCAAATGACCATATTAGTGAATCTGTTAATAGTTGTAGCTT	831
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	t-----ctgagagtaaaattatgcaaatatgacagagct---atatatgtgtgc---	121
LATS2	tgtgatttccgacgtctgggtgtgt-----ggagagtactgcatg	658

G-tract	-----	12
YAP	GGGATGGTTATTGTAGTTGTTTTGGTAAATCTTCATTTCTGGTTTTTTTACCACCTT	891
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----tctg-----	125
LATS2	agcagagtcttct-----tcta-ttataaaattaccatatcttgcc-attcacagcaggtc	710

G-tract	-----	12
YAP	ATTTAAATCTCGATTATCTGCTCTCTCTTTTATATACATACACACCCCAAACATAACAT	951
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	125
LATS2	ctgtgaatacgtttttac-tgagtgtctt----taaagaggtgttctagacagtgtgc	764

G-tract	-----	12
YAP	TTATAATAGTGTGGTAGTGAATGTATCCTTTTTAGGTTTCCTGCTTCCAGTTAATT	1011
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	125
LATS2	tgat---aatgtattgtgcgggtgacctcttcgctatgattgtatctcttactgttttgt	821

G-tract	-----	12
YAP	TTTAAATGGTAGCGCTTTGTATGCATTTAGAATACATGACTAGTAGTTTATATTTCACT	1071
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	125
LATS2	taaagaaatgcag--atgt-----gtaactgagaagtgatttgtgtgtgtgt	866
G-tract	-----	12
YAP	GGTAGTT-----TAAATCTG---GTTGGGGCAGTCTGCAGATGTTTGAAGTAGTTTAGT	1122
TAZ	-----	0
MST1	-----	0
LATS1	-----	125
LATS2	cttggttgtgattggattccttggggggggggaactgaaacatttgtcatatactgaact	926
G-tract	-----	12
YAP	GTTCTAGA--AAGAGCTATTACTGTGGATAGTGCCTAGGGGAGTGCTCCA-----CG	1172
TAZ	-----	0
MST1	-----gcaaggccagg-----ctgtgagggccccagct	28
LATS1	-----	125
LATS2	tatatacatcaaagggattaatacacgcga-tgccaaaaagttaatacacggacacatgt	985
G-tract	-----	12
YAP	CCCTCTGGGCATACGGTAGATATTATCTGATGAATTGGAAAGGAGCA--AACCAGAA---	1227
TAZ	-----	0
MST1	ccaccaggtcttgggtgaattctggatg--gcttgctcatgtttgttagccagcacct	85
LATS1	-----	125
LATS2	ccgtttctgtagtccgta--tgctctttcattcttggtagagct-gg--tatgtgga---	1037
G-tract	-----	12
YAP	ATGGCTTTATTTCTCCCTTGGACTAAT-----TTTTAAGT	1263
TAZ	-----tactacc-----	8
MST1	tctgctctgtcgtctctccacagcacct--t-----tgtgaact	122
LATS1	-----	125
LATS2	atgccatacctctgaccctactacttacctttttactgacagactgccacactgaaagc	1097
G-tract	-----	12
YAP	CTCGATTGGAATTCAGTGAGTAGGTTTCATAATGTGCATGACAGAAATAAGCT--TTATAG	1321
TAZ	-----	8
MST1	caggaatgtgcgccagtggaagggtctctcttgaca-----gtcagcgtgccatct	173
LATS1	-----	125
LATS2	ttcagtgaatgttcttagtcctgttttcttctgttactgtcaggaaactgagtgatctaa	1157
G-tract	-----	12
YAP	TGGTTTACCTTCATTTAGCTTTGGAAGTTTCTTTGCCTTAGTTTGGGAAGTAAATTCTA	1381
TAZ	-----	8
MST1	tga-----tgtgt-----	181
LATS1	-----tgtacaatatatttattttcctaaattatgggaaatcctttta	167
LATS2	tggttctc--tcacttttttttggttcttttagt-----gtactttgaa	1199
G-tract	-----	12
YAP	GTTTGTAGTTCTCATTTGTAATGAACACATTAACGACTAGATTAAATATTGCCTTCAAG	1441
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	a-----	168
LATS2	gtatcaaactctaa-----cttggtttaacaatac-----	1230
G-tract	-----	12
YAP	ATTGTTCTTACTTACAAGACTTGCTCCTACTTCTATGCTGAAAATTGACCCTGGATAGAA	1501
TAZ	-----	8

MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	----atattcctaacc-tttgtaaaaagcaaagattcttcaaatgacattgaaataaa	1285
G-tract	-----	12
YAP	TACTATAAGGTTTTGAGTTAGCTGGAAAAGTGATCAGATTAATAAATGTATATTGGTAGT	1561
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	aagtaagccatacgt-----atittccttagaagtatagatgtatgtgcgtgta	1333
G-tract	-----	12
YAP	TGAATT---TAGCAAAGAAATAGAGATAATCATGATTATACCTTTATTTTTACAGGAAGA	1618
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	tacacacacacacacacacagagataaacacaatattccttatttcaaattagtatga	1393
G-tract	-----	12
YAP	GATGATGTAAGTAGAGTATGTGTCTACAGGAGTAATAATGGTTTCAAAGAGTATTTTTT	1678
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	-ttcc--tatttaaag-tgatttatatttgagtaaaaagttcaattcttttttgcttttt	1449
G-tract	-----	12
YAP	AAAGGAACAAACGAGCATGAATTA-----ACTCTTCAATATAA--GCTATGAAGT-A	1728
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	aaaaaatctgatgcttcataattttcattatattattccacatatttttccttgaagtgc	1509
G-tract	-----	12
YAP	ATAGT-----TGGTTGTGAATTAAAGTGGCACCAGCTAGCACCTCTGTGTTTAAAGGGT	1782
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	ttagcataatgtatccattacttagtatatatctaggcaacaacac-----ttagaagt	1563
G-tract	-----	12
YAP	CTTTCAATGTTTCTAGAATAAGCCCTTATTTTCAAGGGTTCATAACAGGCATAAAATCTC	1842
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	ttatcagtggttaactaaaaaataaagattcctgtgta-----ctggtttacatttg	1617
G-tract	-----	12
YAP	TTCTCCTGGCAAAAGCTGCTATGAAAAGCCTCAGCTTGGGAAGATAGATTTTTTCCCCC	1902
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----	168
LATS2	tgtgagtggcataactcaagtctgctgtgcctgtcgtcgtga-----	1658
G-tract	-----	12
YAP	CAATTACAAAATCTAAGTATTTTGGCCCTTCAATTTGGAGGAGGGCAAAAGTTGGAAGTA	1962
TAZ	-----	8
MST1	-----	181
LATS1	-----aatgttaattttattccagccgtttaaat-----	196
LATS2	-----ctgtcagtatctcgtctatttt---atagtcgtgccat-ggttg-----	1697

G-tract	-----	12
YAP	AGAAGTTTTATTTTAAGTACTTTCAGTGCTCAAAAAATGCAATCACTGTGTTGTATATA	2022
TAZ	-----	8
MST1	-----gtatgtacattggtca-----	197
LATS1	-----cagtatttagaaaaaa	212
LATS2	-----ttactcacagcgctct-----gacatactttcatgtg	1729

G-tract	-----	12
YAP	ATAGTTCATAGGTTGATCACTCATAATAATTGACTCTAAGGCTTTTATTAAGAAAACAGC	2082
TAZ	-----	8
MST1	-----ggtatattatctcaaag-----	214
LATS1	at-----tggtataaggaaagtaaa	232
LATS2	gtag-----gttctttctcaggaactcagt	1754

G-tract	-----	12
YAP	AGAAAGATTAAATCTTGAATTAAGTCTGGGGGGAAATGGCCACTGCAGATGGAGTTTTAG	2142
TAZ	-----	8
MST1	-----	214
LATS1	ttatgaactg-----	242
LATS2	ttaactattatttattgatatatcattacctttgaaaagcttctactggcacaattta--	1812

G-tract	-----	12
YAP	AGTAGTAATGAAATTCTACCTAGAATGCAAAATTGGGTATATGAATTACATAGCATGTTG	2202
TAZ	-----attgtaacttggatgtagccatgaccttacatttcc	44
MST1	-----	214
LATS1	-----aatattatagtcagttc	259
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TTGGGATTTTTTTTAATGTGCAGAAGATCAAAGCTACTTGGAAGGAGTGCCTATAATTTG	2262
TAZ	t-----	45
MST1	-----	214
LATS1	ttggtact-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	CCAGTAGCCACAGATTAAGATTATATCTTATATATCAGCAGATTAGCTTTAGCTTAGGGG	2322
TAZ	-----	45
MST1	-----	214
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	GAGGGTGGGAAAGTTTGGGGGGGGGTTGTGAAGATTTAGGGGGACCTTGATAGAGAACT	2382
TAZ	-----	45
MST1	-----	214
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TTATAAACTTCTTTCTCTTTAATAAAGACTTGTCTTACACCGTGCTGCCATTAAAGGCAG	2442
TAZ	-----	45
MST1	-----	214
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	CTGTTCTAGAGTTTCAGTCACCTAAGTACACCCACAAAACAATATGAATATGGAGATCTT	2502
TAZ	-----	45
MST1	-----	214
LATS1	-----	267

LATS2	-----	1812
-------	-------	------

G-tract	-----	12
YAP	CCTTTACCCCTCAACTTTAATTTGCCAGTTATACCTCAGTGTTGTAGCAGTACTGTGAT	2562
TAZ	-----	45
MST1	-----gatttatattgggcgacttttaactcagagttttaaacccagg-----	258
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	ACCTGGCACAGTGCTTTGATCTTACGATGCCCTCTGTACTGACCTGAAGGAGACCTAAGA	2622
TAZ	-----	45
MST1	-----aacagag-----actcctagttgagtgatagctggga	290
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	GTCCTTTCCCTTTTTGAGTTGAATCATAGCCTTGATGTGGTCTCTTGTTTTATGTCCTT	2682
TAZ	-----	45
MST1	aagttttacattgt-----ctg-----t	308
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	GTTCTAATGTAAAAGTGCTTAAGTCTTCTTGTTGTATTGGGTAGCATTGGGATAAGA	2742
TAZ	-----	45
MST1	ttttcttc-----tcccaatagc	326
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TTTAACTGGGTATTCTTGAATTGCTTTTACAATAAACCAATTTTATAATCTTTAAATTT	2802
TAZ	-----	45
MST1	tttcaattgttctttctggaagacttttaaaaaaatataaatatgcatat-----atat	380
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	ATCAACTTTTTACATTTGTGTTATTTTCAGTCAGGGCTTCTTAGATCTACTTATGGTTGA	2862
TAZ	-----gggcctcttggaag-----tga	65
MST1	atataaat-----	388
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TGGAGCACATTGATTTGGAGTTTCAGATCTTCAAAGCACTATTTGTTGTAATAACTTTT	2922
TAZ	tggagcagagcaagtctgcagggtgcaccacttcccgctccatgactcgtgctccctcct	125
MST1	-----	388
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	CTAAATGTAGTGCCTTTAAAGGAAAAATGAA-----CACAGGGAAGTGACTTTGCTAC	2975
TAZ	ttttatgttgccagtttaatcattgcctggttttgattgagagtaacttaagttaaacad	185
MST1	-----tataaatagattcccca-----cgcaggttggtggcatctctgt	427
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	AAATAATGTTGCTGTGTTAAGTATTCATATTAAATACATGCCTTCTATATGGAACATGGC	3035

TAZ	aaataaatattctatttttcattttcaaaaaaaaaaaaaa-----aa	225
MST1	-----	427
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	AGAAAGACTGAAAAATAACAGTAATTAATTGTGTAATTCAGAATTCATACCAATCAGTGT	3095
TAZ	aaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa--aaaa-----a-----aaaaaaa-----	268
MST1	-----	427
LATS1	-----	267
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TGAAACTCAAACATTGCAAAAGTGGGTGGCAATATTCAGTGCTTAACACTTTTCTAGCGT	3155
TAZ	--aaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa-----	287
MST1	-----	427
LATS1	-----taaagtacttaaaataagtagtgctt	293
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TGGTACATCTGAGAAATGAGTGCTCAGGTGGATTTTATCCTCGCAAGCATGTTGTTATAA	3215
TAZ	-----	287
MST1	-----	427
LATS1	tgtttaaaaggagaaacctggtatctatttgtatatatgcta-----	335
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	GAATTGTGGGTGTGCCTATCATAACAATTGTTTTCTGTATCTTGAAAAAGTATTCTCCAC	3275
TAZ	-----	287
MST1	-----	427
LATS1	-----	335
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	ATTTTAAATGTTTTATATTAGAGAATTCITTAATGCACACTTGTCAAATATATATATATA	3335
TAZ	-----	287
MST1	-----	427
LATS1	-----aataatttttaaaataacaagagt-----	357
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	GTACCAATGTTACCTTTTTATTTTTGTTTTAGATGTAAGAGCATGCTCATATGTTAGGT	3395
TAZ	-----	287
MST1	-----	427
LATS1	-----ttttgaaatttttttctaga-----	377
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	ACTTACATAAATTGTTACATTATTTTTCTTATGTAATACCTTTTTGTTTGTATGTGG	3455
TAZ	-----	287
MST1	-----	427
LATS1	-----	377
LATS2	-----	1812

G-tract	-----	12
YAP	TTCAAATATATTCTTTCCTTAAACTCTTAAAAAAAAA	3493
TAZ	-----	287
MST1	-----	427
LATS1	-----	377
LATS2	-----ttattaaaattttgaatccaaa-	1834

