```
DIP        : TCT----CTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAAA-------------------------------------------------------------------------------- : 208
PVKW010055 : CCT----CTT-TCTCTGTC-------------------AAATAAATTAATAAAAAATAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAGAATCTGAGCTTTGGGCAGAGAGATAGC------------------------- : 262
PVKW010008 : TCT----CTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAGTAAAATAAAATAAAATAAAATAAAGAAAATCCAACTTTTTTAAAAAAAAAAAGAAA----------------------------- : 258
PVKW010041 : TCT----CTC-CCTTTCTC-------------------AAATAAATAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG------------------------------------------------------------- : 225
PVKW010209 : CCT----CTT-TCTCTATC-------------------AAATAAATAAATAAAAATAAAATTTAAAAAAAAAAAAACAAAAACAAAACAACAACAAAAAA------------------------------ : 262
PVKW010139 : TCT----ATC-ACTCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAATAAGTAAATTTAAAAAAAAAAAAGATGCCCCCTTCCTAATTCCTG---------------------------------- : 263
PVKW010003 : TTT----CTC-TCTCTCTC-------------------CAATAAATAAAGAAAAATTAAAAAAAAAAACCCCAAAAAACAAAAAACAACAACAAAAAACCACATGTGCCTATTG------------------- : 263
PVKW010069 : -------CTC-TCTGTCTC-------------------TAATAAATAAAAAAATAAATAAAATCTTTAAAAAAAAAAAAAGCCGGGCGTGGAGGCGCACGCCTTGAATCTCAGCACTCGGGA---------- : 263
PVKW010259 : CCT----CTC-TCTGTCTC-------------------AAATAAATAAATAAATAAATAAATCTTAAAAAAAAAAAAAGAGTG------------------------------------------------ : 224
PVKW010046 : TCT----CTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAATAAAATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAACAACGCCGGGCGTGGTGGTGCACACCTTTAAT--------------------- : 263
PVKW010028 : -------CTC-TTTGTCTC-------------------AAATAAATAAAAATAAAATCTTTAAAAAAAAAAAGAATGCTTACATTTAATTTCTGACCCTGTAATGAGCTATGGTTCTG-------------- : 263
PVKW010016 : TCT----TTC-CTTCTACC-------------------AAATAAATAAATAAAAATTTAAAAAAAAAAAGTGAAAGGAAGAGGAAATGTGCAATAAA------------------------------------ : 264
PVKW010042 : CCTCTGCCTC-ATTCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAATATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAGGAGAAGGTGAGGTGA---------------------------------------- : 262
PVKW010024 : CCT----CTT-TCTCTGTC-------------------AAATAAATAAATAAATAAATAAATATATGAGCCACCACGCCTGGTTTCAAAAAAAAAATGTTAAAAG---------------------------- : 262
PVKW010042 : CCT----CTT-TCTGTCTC-------------------TAATAAATAAATAAATAAATAAAAATAAATCCTTTAAAAAAAAAAAGGAATGGTTTTCCTAAGGAA--------------------------- : 262
PVKW010044 : TCT--TTCTC-TCTCCCTC-------------------AAATAAATAAATAAAACATTAAAAAAAAAAAGAGGATCCAGGCTTGGCAGCACACAG------------------------------------ : 260
PVKW010001 : CCT----CTT-CTTCTCTC-------------------AAATGAATAAAAACTAAATGTTTAAAAAAAAAAAACAGAAAAAAGTTATTTGTATTATTTGTATTTTGTTTT----------------------- : 262
PVKW010013 : -------TTC-CCTCTCTC-------------------AAATAAATCAATAAAAATATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTTCTTATTTGCATAGCCTGATGGTCTGGGTTCAATTCTCCAG------------ : 262
PVKW010007 : -------CCC-ACTCTCTC-------------------AAATATATGAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAC------------------------------------------------------------ : 211
PVKW010004 : -----------TCTCTGTC-------------------AAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATTTTTTTTAAAAAAAAAAATAGCTTCTCACCCATAATATAAATGT-------------- : 263
PVKW010220 : TCT----TTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAAAATAAAATATTTTTTGGTTTAATTTAAAAAAAAAAAAAAC---------------------------------------- : 237
PVKW010028 : TCT----CTC-CCTCTCTC-------------------AAATAAATAAAAACAAAACTTTTTTTTTTAATTAAAAAAAAAAAAAGCCCAAGTCTATCACTTAGCATGCTAGTATGATTAG------------ : 261
PVKW010133 : CCT----CTT-TCTCTGTC-------------------AAATAAATGAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAACAGGCTTTTGACAAAGTTCAACATCCCTATGAAAAAAA------------------------ : 260
PVKW010074 : -------CTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAGTAAAAAAAAAAATAAAAAAGAAAATACCAAATACTACAACAAAATGATAAAAATTAATATCCATCTT--------------------- : 258
PVKW010026 : TCT----TTC-CCTCTCTC-------------------AAATAAGTAAAATATATTTAAAAAAAAAAAAACAGTGAACAAAGAGAACAGGGCACTG------------------------------------ : 264
PVKW010030 : TCT----CTG-ACTCTCTC-------------------AAATAAATCAAACTTTAAAAAAAAAAAAAAAGCTGGGATGGAGTGATGGCTTAGCAGT---------------------------------- : 261
PVKW010028 : TCT--CCCTCTCTGCTTGC-------------------AAATAAATAAATAATCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAATGCAGACAAGAGTACAGGTGAAAG---------------------------- : 262
PVKW010194 : -------TGC-GCTCTCTC-------------------AAATAAATAAATTAAAAAAAAAAAAAGCATATGGAGGAGTAGAACCCCCAGGGTCAAGTGCTCCATCTAGTCCCC-------------------- : 259
PVKW010029 : ------------------------------------AAATAAATAAATAAAAATAACATCTTTAAAAAAAAAAAAAGAGCCGGGTGTGGTGGCGCACACTTTTAATCCCAGCACTCGGGA------------ : 263
PVKW010050 : -------TCC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAACTATTAAAAAAAAAAAAAGATATCAAGGGCTGGAGAGATGGCTTAGCAATTAAGGTGCTTGCCTGCAAAG-------------- : 263
PVKW010043 : ---------------TCTC-------------------AAATAAATTTTAAGTTAAAAAAAAAAAAGATAGAGCTAGGTCAGGTGTGGTAGCACTAGGGAGTCAGAGGTAGGAAGATCACTGTGA-------- : 262
PVKW010018 : -------CCC-TTTCTGTC-------------------AAATAAATTAAAAAAAAAAAAAATTAGGGTTAGAGAGATGGCTTAGTGGTTAAAGCACTTGCCTGCAAAGTCAAAG-------------------- : 267
PVKW010009 : -------CTC-TCTGTCTC-------------------AAATAAAAATAAAATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAGCCAGGCTTGATGGTACATAAGCCTGAGATCTCAGCACT---------------------- : 265
PVKW010013 : TGG----CTG-TCACTCTC-------------------AAATAATAAATAAATAAACAAACAAATTTTTTTTTTAAATATTAAAAAAAAAAAAAAAACAACA------------------------------- : 269
PVKW010136 : TCT----CTG-TTGCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAAATCAGCAAAAAAATATATTTAAAAAAAAAAAAA--------------------------------------------- : 269
PVKW010005 : TGT----ATC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAAATAAAATTTTTTAAAAAAAAAAAAGTTCCATATGCATGTGCCACCATGTAC---------------------------- : 269
PVKW010591 : -------CTC-TTTCTCTC-------------------AAATAAATAATAAATAAAAATTAAAATATATTAAAAAAAAAAAGA----------------------C---------------------------- : 232
PVKW010050 : TCT----CTG-TCACTCTC-------------------AAATAAATAAATAAATAATATACAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAAAACAGACTG--TACTAGGTACC------------------------ : 268
PVKW010040 : TGT----CTG-TCGCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAAATAAACAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAACAGAATTAAGGCCAGGTGTGGTGG------------------------ : 267
PVKW010060 : TGT----CTG-TTGCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAAAATGAACAAAAATTAAAAAAAAAAAAAGGTAGTCGTCACTGGGGCATGTGTGTGCATCC--------------------- : 272
PVKW010027 : TGT----CTG-TCTCTCTT-------------------AAATAAATAAATAAAAGTAAACAAAAATTAAAAAAAAAAACACCAAGATATAGTGGCTGGAGAGAT---------------------------- : 268
PVKW010008 : -------CTT-TCTTTCTCTACT---------------AAGTGAATAAATAAAAATAAAAACTTTAAAAAAAAAAAAGTGTGTGTCCCGCCGGGCGTGGTAGCGCA--------------------------- : 267
PVKW010027 : TCT----CTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAAATAAAATAAAAAGTTAAAAAAAAAAAGAATGTGGGGTTGACGCCGCGCATGGTGGCGCAAG----------------------- : 269
PVKW010000 : TCT----CTG-TTGCTCTC-------------------AAATAAATAAAAAAAAAAATTTAAGTAGATGGTGATTTTTAAGTCTCCTAATTCTAAATAACTGATGTGTTTG---------------------- : 278
PVKW010010 : TGT----TTG-TCACTCTC-------------------AAATAAACAAATTAAAAGAAACAAAAAAATTAAAAAAAAAAAGAATGGCATCTTTCTTGTTGGTCATTATAGCTCGG----------------- : 251
PVKW010011 : CGT----CTG-TTGCACTC-------------------AAATAAATAAATAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAACTATTTGAGGGTTAGAGGAATGGCTTAGCAGTTAAGGCACTTG------------------ : 268
PVKW010010 : ------------------------------------AAATAAATAAAAATTAAACAGCAAACTTAAAAAAAAAAAAAAAGATGGGTATGGCCATGTAGTTTGGAGCTGCAAGGGGCAAAGACTTG------ : 258
PVKW010009 : ------------------------------------AAAAAATAAACGTAAAAATAAAACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACAGGAAGGACTGACCAACATACAGAAAAGTAAAGCCCTCAGT---- : 263
PVKW010035 : ------------------------------------AAATAAATAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTGGGCATGGTGGCGCACGCCTTTAATCCCAGCACTAGGTAGGAGGATTGCTGT------- : 259
PVKW010002 : ------------------------------------AAATAAATACAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAGAACACCAAGGACTCATCCTTCTCCTTCATTATGAAGCCAGACTCAGGCATTTTG---- : 259
PVKW010108 : TAT----CTT-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAACAAAATATTAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTGAGGAAGCTGGGCGTGGTAGCACACAC---------------------------- : 265
PVKW010011 : -------CTC-TCGCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAATAAAATATATTTAAAAAAAAAAAAAAAACTCTTGTCAGCTGGTTACCAGCCACCCTTCCAATCTGC-------------- : 254
PVKW010000 : TCT----TTC-TCTCTCTC-------------------AAATAAATAAATAAATAATTAAAAAAAAAAAAAAAGAATTTGAATTCTGATCCCATCCTCAGAAAAACTTGCA----------------------- : 262
PVKW010001 : CCC----CTC-TCTGTCTC-------------------TAATAAATAAATAAATAAAAATAAAATCTTTTTTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAGAGTGTCCTAAAAAT---------------------------- : 258
PVKW010007 : CCC----CTC-TCTGTCTC-------------------CAATAAATAAACAAATAAAAATAAAATCTTTAAAAAAAAAAAAGTGGGCCAAGAGTCTGGTG---------------------------------- : 257
PVKW010057 : ------------------------------------AAATATATATATATATATCTTTGAAAAAAAAAAAAGGGTAACTGGGATTACACCAGGTCAGTACCCACCAAAAAAGCCTGGTATGTAGGA---- : 263
```

```
PVKW010021 : -----------TATCTTTC--------------------AAATAACAATAAAAAAGTTAACAAGATTATTTAAAAAAAAAAGAACAACAACAAAAAGGATTGGGTGAGGAGATGGC---------------- : 261
PVKW010007 : -------CTT-CCACTTTC--------------------AAGTAAATAAATAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGGCTGGAGAGATGGCTTAATGGTTAAGGCACCCATCTGCAA-A--------------- : 258
PVKW010052 : -----------TGAGTCTC--------------------TAATAAATAAATAAAAATTAAAAAAAAAAAAAGAAAGTTGTGGAATCTTTAGGAGGTGGAACCTTGCTGGAGGAAGTTA---------------- : 256
PVKW010078 : CCCA-CATCT-CTCCTTGC--------------------AAATATATATATATATATATAAAATTAAAAAAAAAAAACAAATAATAGTTCATAT-------------------------------- : 263
PVKW010073 : ----------------------------------------AAATAAATAATCAAAAAAAAAAAATTTTTTTTTTTTTGGTTTTCCAAGGTAGGGTCTCACTCTAGCTCAGACTGACCTGGAATTCACTATGTAA : 262
PVKW010369 : -----------CAGCTTGC--------------------AAATAAATAAAAATATTAAAAAAAAAAA------------------------------------------------------------------ : 204
PVKW010025 : -----------CTGCTTGC--------------------AAATAAAAATTTTAAATTAAAAAAAAAAATACATAGCCGGGCGTGGTGGCACACACCTTTAATCCCAGCACT---------------------- : 258
PVKW010084 : --------TT-CTGCTTGC--------------------AAATGAATAATCAATAAAAACATTAAAAAAAAAAAAAAAAACCAGCCAGGTGTGGTGGTGCATGCCTTTAATCCCAGAGGTAGGAGGA-------- : 253
PVKW010006 : ---------------TTGC--------------------AAATAAATAAATTAAAAAAAAAAAAAGAGCCAGGTGTGGTGCCTTTAATCCCAGCACTCAGGAGGCAGAGGTAGGAGGA-T--TGCTGTGAGTTC : 256
PVKW010008 : ----------------------------------------AAGTAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCACAAAGCATTTGACAATAATTGCTTTAATTCTCCGTATCTTCCCTCAAAGAGTTAAAA---- : 259
PVKW010001 : TTT----CTC-TCTTTCTC--------------------AAATAAATTAAATTTATTAAAAAAAAAAAAAAAAGAATCTTGGGCTGGAGAGGTGGCTAAGCAATTA----------------------------- : 265
PVKW010008 : ----------------------------------------AAATAAATAAAAATTTTTATTAAAAAAAAAAAAAAAGAAATGTGAATTAGTGGGCTGGGGAGATGATTCAGTGGTTAAAGGGGCTTGCTC------ : 254
PVKW010067 : ----------------------------------------AATTAAGTAAAATTAAAATAATGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAGCAGCGCTAGGTGGCACACACCTTTAATCCCAGCCCTTGGAAGGCAGAGGTA : 251
PVKW010109 : TGC----CTC-TTTCTCTC--------------------AAATAAATAAATAAACAAACATTAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAATGCTGTCTTTGAGACACGAAGTGGCTGT----------------- : 257
PVKW010113 : GCT----CTC-TCTCTCTCGCTCTCCCCCCTCCCCCGCAAATAAATAATTAAAAAAAAAAAAAAGTC------------------------------------------------------------------ : 266
PVKW010037 : ----------------------------------------AAAATAAATAAATATTAAAAAAAAAAAAGGTTCAAACATATGAGCAAACATAAGCGGGCAGTGCCCCCATGCCATTCCCATG-------------- : 248
```

Terminator statistics:

	Number of Copies	Percentage
T>4	8	11%
T4, TVTTT	15	21%
TTT, TVT	19	26.4%
TT, T	30	41.6 %
Total	72	

Figure S21. Tail sequences of random Dip_a copies with poly(A)$_{11\text{-}20}$. PAS, AATAAA; terminators: TTTT, TVTTT, and T>4; rudimentary terminators: TTT, TVTT, and TT.