



Figure S1: Bayesian phylogram of published and collected *Craspedacusta* specimens based on the mtDNA COI "partial dataset". *Maeotias marginata* was used as an outgroup to root the tree. Node statistical support is reported as nodal posterior probabilities (Bayesian Inference of phylogeny, BI)/bootstrap values (maximum likelihood, ML). Asterisks show support values lower than 50. Italian sequences are reported in bold. CAN, Canada; CHE, Switzerland; CHN, China; CZE, Czech Republic; DEU, Germany; ESP, Spain; GRE, Greece; IND, India; **ITA**, Italy; JPN, Japan; MAR, Morocco; SGP, Singapore.

Table S1. *Craspedacusta* mtDNA COI “complete” dataset alignment.

>ESP_OR965077 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Lake_Ceresio_OR965078 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Lake_Ceresio_OR965079 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Large_Lake_Monticolo_OR965080 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCCGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Lake_Endine_OR965081 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>ITA_Lake_Endine_OR965082 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>ITA_Lake_Levico_OR965083 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>ITA_Lake_Levico_OR965084 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>ITA_Lake_Santo_of_Monte_Terlago_OR965085 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>ITA_Lake_Santo_of_Monte_Terlago_OR965086 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>ITA_Lake_Albanò_SAMEA114653644 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCCGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Lake_Garda_SAMEA114653646 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCCGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Lake_Garda_SAMEA114653647 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Lake_Maggiore_PRJNA909627 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>ITA_Reservoir_Palermo_MH230079 GGACCTTCCGTGGATATGGTCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTAAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTGAGCCAGTGCTAATACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA
>DEU_MZ508274 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCCGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>IND_OP120942 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>DEU_FJ423619 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>MAR_MK600509 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>MAR_MK600508 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA
>CHN_KF510026 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCATGAATTTCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA

CCATGGATCGCGTTCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTCATCACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCGCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTAAATACCA
>CHE_MF000493 GGCCCTCGGTAGACATGGCCATCTTCAGTCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCGATCATGGGTTCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGAATGACGATGGATCGCGTACCTCTGTTCTGTGAGCCGTACTCATCACGCCCTTCCTTTAGTTCTGTCTTTACCCGTTTAGCTGGAGCCATTACCATGTTGTTGACAGATCGTAA TTCAATACGA
>Unknown_MW543029 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGGGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>CAN_MW600236 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>CAN_ON606485 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>SGP_OK037612 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>JPN_OK037607 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>CHN_MT806195 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGGGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>JPN_OK037606 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>JPN_OK037605 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>CHN_MT884060 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>GRE_KP231217 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATACTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>DEU_FJ423613 GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTCATCACTACTATTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTCGAGCTGTACTCATCACGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTAAATACCA
>JPN_MZ326744 GGCCCTCGGTAGACATGGCCATCTTCAGTCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCGATCATGGGTTCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGAATGACGATGGATCGCGTACCTCTGTTCTGTGAGCCGTACTATCACAGCCTTCCTTTAGTTCTGTCTTTACCCGTTTAGCTGGAGCCATTACCATGTTGTTGACAGATCGTAA TTCAATACGA
>Unknown_MZ146922 GGCCCTCGGTAGACATGGCCATCTTCAGTCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCGATCATGGGTTCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGAATGACGATGGATCGCGTACCTCTGTTCTGTGAGCCGTACTCATCACGCCCTTCCTTTAGTTCTGTCTTTACCCGTTTAGCTGGAGCCATTACCATGTTGTTGACAGATCGTAA TTCAATACGA
>Unknown_MZ569028 GGGCTTCGGTAGACATGGCCATCTTCAGCCTTCACGCGGCTGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACGATGGATCGAGTCCCTCTCTTCGTTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTGTTAGTCTCTCTACCCGTTTAGCGGGGGCCATCACCATGTGCTACGGATCGTAATTTCAACACCA
>Unknown_MZ569031 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGGGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>Unknown_MZ569029 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGGGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>Unknown_MZ569027 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGGGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>CZE_MZ508275 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACITCAACACCA
>CHN_JN593332 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCTTCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>DEU_MZ508276 GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA

<p>>Unknown_MZ569030</p> <p>GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTCTGGTTCTATCTCTCCCGCTCTGGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA</p>
<p>>DEU_MZ508273</p> <p>GGACCTTCAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTCTATGAATTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTTCGAGCTGACTCATCAGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACT TTAATACCA</p>
<p>>CHL_MF177101</p> <p>GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTCTGGTTCTATCTCTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA</p>
<p>>CHL_MF177111</p> <p>GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTCTGGTTCTATCTCTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA</p>
<p>>CHL_MF177121</p> <p>GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTCTGGTTCTATCTCTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA</p>
<p>>CHL_MF177131</p> <p>GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTCTGGTTCTATCTCTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA</p>
<p>>USA_ON606476</p> <p>GGACCTTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGA CCATGGATCGCGTTCCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTCTGGTTCTATCTCTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAA CTTCAACACCA</p>
<p>>AF383926_Maeotias_marginata</p> <p>GGACCTTCTGTAGATATGGCTATTTTATGCTTCATGCAGCCGGAGCTTCATCTATAATGGGATCTATGAATTCATTACTACCATTTTAAATATGAGAGCCCCAGGAATGACT ATGGATAGAGTTCCTTTGTTTGTATGAGCTGTTTAAATAACAGCTTTCTCTTTTATTATCCTTACCTGTCTTGCTGGAGCTAATCAATGTATTAACTGACCGTAATTTTAA TACAA</p>

Table S2. *Craspedacusta* mtDNA COI “partial” dataset alignment.

<p>>ESP_OR965077</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCACCGCTCATGCTTTCGTATGATCTT CTTCTTGGAATGCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTTGGCTTC TTCTTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTCTATGAATTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGCGTTCCCTCTTCGTTGAGCTGACTCATCAGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CA</p>
<p>>ITA_Lake_Ceresio_OR965078</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCACCGCTCATGCTTTCGTATGATCTT CTTCTTGGAATGCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTTGGCTTC TTCTTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTCTATGAATTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGCGTTCCCTCTTCGTTGAGCTGACTCATCAGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CA</p>
<p>>ITA_Lake_Ceresio_OR965079</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCACCGCTCATGCTTTCGTATGATCTT CTTCTTGGAATGCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTTGGCTTC TTCTTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTCTATGAATTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGCGTTCCCTCTTCGTTGAGCTGACTCATCAGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CA</p>
<p>>ITA_Large_Lake_Monticolo_OR965080</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCACCGCTCATGCTTTCGTATGATCTT CTTCTTGGAATGCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTTGGCTTC TTCTTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTCTATGAATTCATCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA ATCGCGTTCCTCTTCGTTGAGCGGACTCATCAGGCATTCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCGATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CCA</p>
<p>>ITA_Lake_Endine_OR965081</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGACCAGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTACGCTTTCGTATGATTT TCTTCTTGTCATGCCGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT CCTTCTCTGCTGCTCTCTTATTGCTTGGGTTCGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCAGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAACTTCA ACACCA</p>
<p>>ITA_Lake_Endine_OR965082</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGACCAGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTACGCTTTCGTATGATTT TCTTCTTGTCATGCCGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT CCTTCTCTGCTGCTCTCTTATTGCTTGGGTTCGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCAGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAACTTCA ACACCA</p>
<p>>ITA_Lake_Levico_OR965083</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGACCAGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTACGCTTTCGTATGATTT TCTTCTTGTCATGCCGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCTGCTCCCTCTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT CCTTCTCTGCTGCTCTCTTATTGCTTGGGTTCGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCTCTCTTCGTCTGGGCAGTGCTAATCAGGCCTTCCTTCTGGTTCTATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTACGGACCGTAACTTCA ACACCA</p>

<p>>ITA_Lake_Levico_OR965084</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCAGCGTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCAATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACTCCTTCCTCCTGCCCTCTTCTTATTGCTTGGGTTCGGCTTTAGTGGAAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCCCTCTCTTCGTCTGGGAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCAGGACCGTAACCTCA ACACCA</p>
<p>>ITA_Lake_Santo_of_Monte_Terlago_OR965085</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCAGCGTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCAATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT CCTTCCTCCTGCCCTCTTCTTATTGCTTGGGTTCGGCTTTAGTGGAAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCCCTCTCTTCGTCTGGGAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCAGGACCGTAACCTCA ACACCA</p>
<p>>ITA_Lake_Santo_of_Monte_Terlago_OR965086</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCAGCGTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCAATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT CCTTCCTCCTGCCCTCTTCTTATTGCTTGGGTTCGGCTTTAGTGGAAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCCCTCTCTTCGTCTGGGAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCAGGACCGTAACCTCA ACACCA</p>
<p>>ITA_Reservoir_Palermo_MH230079</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCAGCGTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCAATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT CCTTCCTCCTGCCCTCTTCTTATTGCTTGGGTTCGGCTTTAGTGGAAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTTCAAGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGTCAATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCCCTCTCTTCGTCTGGGAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCAGGACCGTAACCTCA ACACCA</p>
<p>>DEU_MZ508274</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCAACCGCTCATGCTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTTCATCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGG ATCGGTTCCCTCTTCGTTTGAGCCGTAATCATACGGCAATTCCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATA CCA</p>
<p>>IND_OP120942</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCAACCGCTCATGCTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTTCATCACTACTATCTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGG ATCGGTTCCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTATCATACGGCAATTCCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATA CCA</p>
<p>>DEU_FJ423619</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCAACCGCTCATGCTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGGTTCCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTATCATACGGCAATTCCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CA</p>
<p>>MAR_MK600509</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCAACCGCTCATGCTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGGTTCCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTATCATACGGCAATTCCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CA</p>
<p>>MAR_MK600508</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCAACCGCTCATGCTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGGTTCCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTATCATACGGCAATTCCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CA</p>
<p>>CHN_KF510026</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTCAACCGCTCATGCTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTTCATCACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGGTTCCCTCTTCGTTTGAGCTGTACTATCATACGGCAATTCCTTTAGTTCTCTCTTTGCCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC CCA</p>
<p>>CHE_MF000493</p> <p>GAACCGCTCTCAGTATGCTCATTGCTTAGAGCTCTCTGGACCCGGAGCCATGTTAGGAGACGACCAAATCTATAACGTCATCGTCAACCGCTCAGCGTTTCGTCATGATCTCTTTTTGGTGAATGCCCGTGATGATGGGTGGGTTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTATACATAGGAGCCCCGGATATGGCTTTCCTCGATTAAACAATCTCAGTTTCTGACTTCTTCTCCCGCCCTATCTCGTTACTCGGTTCTGCTTTGGTAGAACAAGGAGCAGGTACGGGTTGAACAGTTTATCCCCCACTTGCCGGGTTCAAGCTCATTCTGGCCCT CGGTAGACATGGCCATCTTCAGTCTTCATGCGGCAGGTGCTTCCTCGATCATGGGTTCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGAATGACGATGG ATCGGTAACCTCTGTTCTGTGTAGCCGTACTATCATACAGCCTTCCTTTAGTTCTGTCTTTACCGGTTTAGCTGGAGCCATTACCATGTTGTTGACAGATCGTAAATTTAATA CGA</p>
<p>>Unknown_MW543029</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCAGCGTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCAATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGGCT CCTCCCTCCTGCCCTCTTCTTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTTCAAGGCTCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGGTTCCCTCTCTTCGTCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGGGCCATCACCATGCTACTCAGGACCGTAACCTCA ACACCA</p>
<p>>CAN_MW600236</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCAGCGTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCAATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTGCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p>

<p>TCTTCCCCCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>CAN_ON60485</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>TCTTCCCCCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>SGP_OK037612</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>CCTCCCTCTCGCCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCTCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>JPN_OK037607</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>TCTTCCCCCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>CHN_MT806195</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGGCT</p> <p>CCTCCCTCTCGCCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCTCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>JPN_OK037606</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>TCTTCCCCCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>JPN_OK037605</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>TCTTCCCCCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>CHN_MT884060</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>CCTTCTCTCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTGGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>GRE_KP231217</p> <p>GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTGCTTGGAACATATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTTATCGTCACTGCTCACGCTTTCGTATGATTT</p> <p>TCTTCTTGTCATGCCGGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCCTTTCCTCGATTAAACAACCTCAGTTTCTGACT</p> <p>CCTCCCTCTCGCCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGCCGGAGTTACAGGCTCACTCCGGACC</p> <p>TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG</p> <p>GATCGCGTTCTCTCTTCGTCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCTGGTTCATCTCTTCCCGTCTTAGCAGGAGCCATCACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCA</p> <p>ACACCA</p>
<p>>DEU_FJ423613</p> <p>GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTGCTTAGAGCTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTCATCGTACCGCTCATGCTTTCGTATGATCTT</p> <p>CTTCTTGGAATGCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCCCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC</p> <p>TTCTTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT</p> <p>CAGTAGACATGGCCATCTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCTCCATCATGGGTTCTATGAATTTATCACTACTATTTTAAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA</p> <p>TCGGTTCCTCTTTCGTTGAGCTGACTATCACGGCATTCCTTTAGTTCTCTTTCGCCGTCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTTACTAACTGATCGTAACTTTAATAC</p> <p>CA</p>
<p>>JPN_MZ326744</p> <p>GAACCGCTCTCAGTATGCTCATTGCTTAGAGCTCTCTGGACCCGGAGCCATGTTAGGAGACGACCAAATCTATAACGTCATCGTACCGCTCACGCTTTCGTATGATCT</p> <p>TCTTTTGGTGATGCCCGTGATGATGGGTGGGTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTATACATAGGAGCCCCGGATATGGCTTTCCTCGATTAAACAATCTCAGTTTCTGACTT</p> <p>CTTCTCCCGCCCTATTCGTGTTACTCGGTTCTGCTTTGGTAGAACAAGGAGCAGGTACGGGTTGAACAGTTTATCCCCCACTTGCCGGGGTTCAAGCTCATTCTGCCCCCT</p> <p>CGGTAGACATGGCCATCTCAGTCTTCATGCGGCAGGTGCTTCTCGATCATGGGTTCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGAATGACGATGG</p> <p>ATCGCGTACCTCTGTTCGTGTGAGCCGTACTCATCACAGCCTTCCTTTAGTTCTGTCTTTACCGGTTTAGCTGGAGCCATTACCATGTTGTTGACAGATCGTAAITTCATA</p> <p>CGA</p>
<p>>Unknown_MZ146922</p> <p>GAACCGCTCTCAGTATGCTCATTGCTTAGAGCTCTCTGGACCCGGAGCCATGTTAGGAGACGACCAAATCTATAACGTCATCGTACCGCTCACGCTTTCGTATGATCT</p> <p>TCTTTTGGTGATGCCCGTGATGATGGGTGGGTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTATACATAGGAGCCCCGGATATGGCTTTCCTCGATTAAACAATCTCAGTTTCTGACTT</p> <p>CTTCTCCCGCCCTATTCGTGTTACTCGGTTCTGCTCTGGTAGAACAAGGAGCAGGTACGGGTTGAACAGTTTATCCCCCACTTGCCGGGGTTCAAGCTCATTCTGCCCCCT</p> <p>CGGTAGACATGGCCATCTCAGTCTTCATGCGGCAGGTGCTTCTCGATCATGGGTTCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGAATGACGATGG</p> <p>ATCGCGTACCTCTGTTCGTGTGAGCCGTACTCATCACAGCCTTCCTTTAGTTCTGTCTTTACCGGTTTAGCTGGAGCCATTACCATGTTGTTGACAGATCGTAAITTCATA</p> <p>CGA</p>
<p>>Unknown_MZ569028</p> <p>GGACCGCTCTTAGCATGCTGATTGCTTAGAGCTCTCGGACCCAGGGCCATGTTAGGAGACGACAGATCTACAACGTCATCGTACCGGCCACGCTTTCGTATGATC</p> <p>TCTTCTTGGTGATGCCCGTAATGATGGGTGGATTTCGGAAACTGATTCGTCCCTCTTACATCGGAGCACCAGACATGGCTTTCCTCGATTAAACAATCTCAGTTTCTGACT</p> <p>TCTTACCTCCCGCCCTCTTCTATTGCTTGATCGGCTCTAGTAGAACAAGGAGCAGGAACGGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTCGCCGGGGTTACGGTCTATCCGGGC</p> <p>CTTCGGTAGACATGGCCATCTCAGCCTTACCGCGGCTGGTGCCCTCTATCATGGGATCCATGAATTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACGA</p>

TGGATCGAGTCCCTCTCTTCGTTGAGCAGTGCTAATCACGGCCTTTCTGTTAGTCCTCTCTCTACCCGTTTTAGCGGGGGCCATACCATGTGTCTACGGATCGTAATTTCAACACCA
>Unknown_MZ569031 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGGCTCTTCCCTCCTGGCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCTCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGGGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>Unknown_MZ569029 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGGCTCTTCCCTCCTGGCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCTCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGGGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>Unknown_MZ569027 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGGCTCTTCCCTCCTGGCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCTCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGGGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>CZE_MZ508275 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGACTCTTCCCTCCTGGCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCTCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGAGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>CHN_JN593332 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGACTCTTCCCTCCTGGCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCTCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGAGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>DEU_MZ508276 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGACTCTTCCCTCCTGGCCTCTTCTATTGCTTGGATCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGAGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>Unknown_MZ569030 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTTTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGACTCTTCTCTCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGAGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>DEU_MZ508273 GAACCGCTCTTAGCATGTTGATTTCGCTTAGAGCTTTCTGGACCAGGAGCTATGTTAGGAGATGACCAAATTTATAATGTATCGTCACCGCTCATGCTTTTCGTCATGATCTTCTTCTTGGTAATGCCTGTGATGATGGGTGGCTTCGGAACCTGATTTCCTCCCTCTATATATAGGAGCTCCAGATATGGCATTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTTCGGCTTC TTCTCCCGCCCTCTTTTGTATTAGGCTCTGCTTATAGTAGAACAAGGAGCAGGAACAGGTTGAACAGTCTACCCCCACTTGCTGGAGTTCAAGCTCATTCCGGACCTT CAGTAGACATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCAGGTGCTTCTCCATCATGGGTCTATGAATTTTCATCTACTACTATTTTCAACATGAGAGCACCAGGAATGACCATGGA TCGCGTTCCCTCTTCGTTTGTAGCTGTACTATCATCAGGCATTCTTTAGTCTCTCTTTGCCGCTTAGCTGGAGCCATTACTATGTACTAACTGATCGTAACCTTTAATACCA
>USA_ON606476 GAACCGCCCTTAGCATGCTTATTCGCTTGAACTATCGGGACCGGGAGCCATGCTAGGAGACGATCAGATCTACAACGTCATCGTCACTGCTCACGCTTTTCGTCATGATTTCTTCTTGGTCATGCCGGAATGATGGGTGGATTTCGAAACTGATTTCCTCCCTCTTTACATCGGAGCGCCAGACATGGCTTTTCTCGATTAAATAACCTCAGTTTCTGACTCTTCTCTCTGCCCTCTTCTATTGCTTGGGTTCGGCTTTAGTGGAACAAGGAGCAGGTACAGGTTGGACGGTCTATCCCCCTCTTGGCGGAGTTCAGGGCCACTCCGGACC TTCCGTGGATATGGCCATCTTTAGCCTTCATGCGGCCGGTGCCCTCTCTATCATGGGATCCATGAACCTTCATCACCACCATCTTTAACATGAGAGCCCCAGGGATGACCATG GATCGCGTTCTCTCTTCGTCCTGGGAGTACTAATCACGGCCTTCCTTCGTTTCTATCTCTCCCCGCTTAGCAGGAGCCATACCATGCTACTCACGGACCGTAACTTCAACACCA
>AF383926_Maeotias_marginata GAACAGCTCTAAGCATGCTTATTCGTTTAGAATTATCTGGCCAGGAGCTATGTTAGGAGATGATCAAATTTATAATGTTATCGTTACCGCTCATGCTTTCGTTATGATTTTCT TCTTAGTTATGCTGTGTTTATGATGGGAGGGTTTGGAAATTGATTGTACCAITATATATAGGTGCACCTGATATGGCTTTTCCAAGATTAAATAATTTAAGTTTTGATTACTACC TCCTGCTTTATTTTACTTTTAGGTTCTTCTTTAGTAGAACAAGGTGCTGGAACAGGTTGAACCTGTGTATCCACCATTAGCTAGTTTCAAGCTCATTAGGACCTTCTGTAG ATATGGCTATTTTATGCTTCATGCAGCCGAGCTTCATCTATAATGGGATCTATGAATTTCACTACTACCATTTTAAATATGAGAGCCCCAGGAATGACTATGGATAGAGTTT CTTTGTTTGTATGAGCTGTTTAAATAACAGCTTTTCTTCTTTATTTATCTTACCTGTCTTGCTGGAGCTAATTACAATGTTATTAACTGACCGTAATTTTAAATACAA