

Table S3. Effects of Y-dP supplementation in sow diet on fecal microbial genus level distribution in pregnant sows, lactating sows and weaned piglets. (%)

Items	CON	0.125%	0.2%	P-values
Pregnant sows				
<i>Treponema</i>	5.84±1.56	3.83±0.85	3.90±0.89	0.38
<i>Escherichia-Shigella</i>	3.52±1.46	6.12±2.19	3.51±0.86	0.40
<i>UCG-002</i>	5.92±0.98 ^b	6.59±1.12 ^b	9.52±0.85 ^a	0.04
<i>Clostridium_sensu_stricto_1</i>	5.51±1.37	4.06±0.39	4.70±0.88	0.80
<i>Bacteroides</i>	0.90±0.16 ^a	0.88±0.12 ^a	0.37±0.04 ^b	<0.01
<i>Streptococcus</i>	0.98±0.58	0.40±0.03	0.53±0.11	0.92
<i>Aeromonas</i>	0.01±0.00	0.01±0.00	0.18±0.17	0.13
<i>Methanobrevibacter</i>	3.49±0.88	1.55±0.38	1.73±0.45	0.08
<i>Comamonas</i>	0.18±0.09	0.17±0.08	0.04±0.02	0.15
<i>Limosilactobacillus</i>	0.13±0.03 ^b	0.68±0.23 ^a	0.71±0.13 ^a	0.01
<i>Others</i>	69.67±2.07	74.09±2.42	73.12±1.49	0.28
Lactating sows				
<i>Lactobacillus</i>	4.02±0.86	1.50±0.44	2.42±0.45	0.06
<i>UCG-002</i>	9.34±1.72	8.10±0.93	7.51±1.09	0.61
<i>Treponema</i>	4.90±0.38	4.86±1.36	6.36±1.43	0.58
<i>Christensenellaceae_R-7_group</i>	3.87±0.36	5.26±0.97	5.04±1.47	0.54
<i>Methanobrevibacter</i>	1.42±0.26	0.98±0.27	1.80±0.09	0.05
<i>Pseudomonas</i>	0.53±0.11	3.51±1.87	0.53±0.14	0.55
<i>Prevotella</i>	2.27±0.16 ^a	1.76±0.32 ^{ab}	1.29±0.19 ^b	0.02
<i>Limosilactobacillus</i>	1.47±0.29	0.50±0.19	0.97±0.25	0.07
<i>Rikenellaceae_RC9_gut_group</i>	5.07±0.59	4.07±0.36	4.61±0.71	0.55
<i>Bacteroides</i>	0.81±0.13	0.50±0.13	0.66±0.19	0.40
<i>Others</i>	64.65±2.26	64.73±0.90	66.72±2.18	0.72
Piglets				
<i>Lactobacillus</i>	4.99±0.86	4.16±0.98	7.82±2.95	0.84
<i>Bacteroides</i>	4.59±1.08	14.66±4.38	11.34±2.95	0.08
<i>UCG-002</i>	4.76±1.38	1.92±0.34	2.21±0.63	0.07
<i>Fusobacterium</i>	0.73±0.24 ^a	2.64±1.08 ^b	0.10±0.04 ^a	0.01
<i>Escherichia-Shigella</i>	5.65±1.45	7.86±0.71	7.01±2.40	0.67
<i>Rikenellaceae_RC9_gut_group</i>	0.35±0.13	0.86±0.54	1.20±0.34	0.09
<i>Limosilactobacillus</i>	4.75±1.39	2.07±0.36	4.28±0.99	0.21
<i>Parabacteroides</i>	1.89±0.21 ^b	2.22±0.41 ^b	6.91±1.78 ^a	0.01
<i>Prevotella</i>	0.77±0.23	0.87±0.27	0.15±0.02	0.05
<i>Others</i>	67.15±3.39 ^a	50.75±4.52 ^b	49.70±3.07 ^b	<0.01

Data are expressed as mean ± standard error. CON group: basal diet; 0.125% group: basal diet + 1.25g /kg Y-dP; 0.2% group: basal diet +2 g/kg Y-dP. ^{a, b} Different superscript lowercase letters indicate significant differences ($P < 0.05$). n=8.