

OTU	Number	100_S55_1.fastq	101P_S57	101S_S56	102A_S58	104_S59	105PS_S111	107_S60	108_S61	109_S62	110_S63	115_S64	116_S65	117_S66																														
	118H_S67	118S_S68	119_S69	120_S70	121_S71	125_S72	126_S73	127_S74	128S_S75	131PS_S108	133PS_S109	135PS_S110	136_S76	138_S77																														
	139_S78	140_S79	142_S81	143_S82	144_S83	145_S84	146P_S85	146S_S86	147_S87	148_S88	149_S89	150_S90	151_S91	152_S92																														
	153_S93	154_S94	155_S95	156_S96	157_S97	159_S98	160P_S99	160S_S100	161_S101	162_S102	166_S103	172_S104	187_S105	188PS_S112																														
	189P_S106	190S_S107	20_S1	22_S2	23_S3	24_S4	28_S5	31_S6	32_S7	33_S8	36_S9	38_S10	40_S11	42_S12	43_S13	44_S80	45p_S14	45s_S15	47_S16	48a_S17	56_S18	57p_S20																						
	57s_S19	60_S21	62_S22	64_S23	66_S24	68p_S26	68s_S25	69_S27	70_S28	71_S29	72_S30	73_S31	74_S32	75_S33	76B_S34	77_S35	78_S36	79_S113	80S_S37	81_S38	82_S39	83_S40																						
	84A_S41	85_S42	86A_S43	88_S44	90_S45	91A_S46	92_S47	93_S48	94_S49	95_S50	96_S51	97_S52	98_S53	99S_S54	repSeqName	repSeq	OTUCon	Taxonomy																										
Otu0001	3866	239	731	2181	1268	938	1323	1513	273	439	0	0	7	388	94	7	5	19	33	78	323	43	708	0	28	236	60	213																
	668	6012	13180	11215	14855	11753	11939	3799	355	1148	11680	3636	698	329	2816	503	197	1264	16	339	1487	20	318	932	293	159	45	137	3464															
	2661	331	9320	292	2211	2509	961	344	819	1295	1766	54	77	750	477	226	7984	1113	1467	4222	3960	179	40	384	294	1402	241	128	177															
	358	356	629	2463	288	91	29	41	2	679	16	43	21	109	0	1477	5585	2860	3370	148	585	570	866	31	232	298	200																	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_13422_10668						T----AC--GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA----G-T-T-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T-AA-G-A--C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-T-G-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(91);Sphingomonas(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);																		
Otu0002	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	11	52	14	11	9	98	34	27	196	91	10	58	0	2	0	1	20	0																
	0	0	0	7	0	5	0	1	5	0	1	1	14	5	6	1	10	0	162	3	7	1	392	15	200	633	36	2	62															
	18	65	141	383	3	441	104	22	532	219	4	54	0	224	8	17	0	79	8	0	0	0	0	0	0	0	4	0																
	0	0	0	0	8	0	61	32	324	0	240	0	46	9	671	0	0	0	6	0	4	0	0	1	0	0	1																	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_27848_17294						T---AA--GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C-GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G-----AA----T-TAC-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T-T-----G--GA-G-A--C-----T--G-C--AA--G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-GG----CA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-G--A-T-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(99);Oxalobacteraceae(97);Janthinobacterium(81);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);																		
Otu0003	750	499	463	1187	500	474	146	400	181	80	4	1	43	31	8	24	5	18	40	98	339	50	35	75	13	69	41	120																
	43	45	1512	4406	680	918	545	1158	1619	1069	1041	460	445	1784	541	922	430	522	39	428	900	19	90	1169	272	183	1	279	1769															
	27	33	20	4	5	4	4	0	22	1	4	2	59	43	71	281	221	1780	93	241	144	16	10	157	92	0	1	80	28															
	105	259	345	233	245	56	14	52	0	5	0	112	4	206	0	127	472	505	98	122	1011	441	271	34	455	1603	142																	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_27555_6886						T---AC--GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G--T-G---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Micrococcaceae(99);unclassified(59);unclassified(59);																		
Otu0004	0	35	75	97	0	120	48	143	0	72	3	14	0	11	11	0	5	0	7	25	72	12	77	4	6	11	0	23																
	0	2280	4839	2044	2658	3219	2733	487	149	317	2067	459	438	93	24	49	66	139	0	98	828	0	15	0	27	0	4	8	0															
	411	324	3265	104	211	95	216	124	137	67	452	69	56	89	268	223	704	895	15271	5379	2005	41	29	91	52	0	0	69	0															
	131	169	99	61	0	62	7	4	0	2038	9	93	17	75	0	2109	5908	4202	3735	673	613	1064	1044	0	47	0	1																	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_12778_10339						T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-T-T-T-----AA----G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T--G-A--AG-A-T-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ACT---G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Bradyrhizobiaceae(100);Bradyrhizobium(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																		

Otu0005	0	0	0	28	0	85	1	1	0	0	14307	950	104	47	213	261	84	57	402	87	163	159	70	107	0	154	28	32
245	1	26	0	0	12	8	46	0	16	540	23	0	0	20	0	50	97	682	50	213	58	1	0	0	0	1	43	0
379	10	69	12	9	4	15	0	760	0	285	17	3	4	66	0	46	121	135	21	17	32	829	46	29	1	0	0	0
89	0	64	34	0	98	217	249	243	397	10	0	128	117	0	38	83	0	439	19	42	19	19	35	8	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_23139_22017.....AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C----AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----																												
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T-G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																												
A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GGBacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0006	60	760	923	458	0	21	1427	562	871	232	5	0	0	16	5	1	0	3	2	2	51	3	830	13	8	9	10	3
0	2	181	385	0	29	5	198	175	31	511	595	1168	630	786	54	112	90	0	103	193	0	326	1414	379	38	3	1	0
112	11	0	3	43	8	15	0	4	39	8	6	8	18	84	94	87	34	326	80	29	68	21	1030	219	0	0	127	1090
0	1030	875	39	153	66	19	18	0	125	9	113	13	97	0	116	96	586	8	224	1	37	134	37	944	1692	484		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_8513_21629G---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T--G--T---T--CT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-T-C-----																												
GG---G-T-T-G-----A-A-A--G--TG--A-AA---G-T-CG-C-C---AA-A-AA-----C-T-G-G-T-G-G-A-A---T-G--C-T---C--T-----C--GA-A-A---C-----C-A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T-G---A-GA---CA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-G-																												
T-GT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A---TC-C-GG-AG--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GT-C-C-----C-T---A-C-C--GA--CG-C-T-G--G-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--																												
AG-C-G-AA-----CG--GGBacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0007	1	0	0	22	36	83	0	0	0	97	25	0	2	13	31	0	0	0	0	6	3	1	142	0	1243	837	1	56
1	8	4	10	1	0	0	1	30	9	20	2	0	110	0	0	14	130	0	0	18	10	0	13	0	0	0	0	11
0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	35	53	76	0	20	2	0	1
67	0	0	0	3	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	7	0	0	2	32	86	0	4	0	24	0	1		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_12689_9279G---AA---GC-AC-CG-----GCT-A-A-----C-----T--C--CG-T--GC-CA-----GC-A--G-C--CG-CG-----GT--A----AT-AC-GG-A-----G-GG-T-G-C-G-----A--G-CT-G-T-T-----AA---																												
T-C-A-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---A-G--C-A---T--T-----T--TG-A-A---C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---T-C-A-G-GT-																												
-GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																												
AA-----CA--GGBacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																												
Otu0008	0	0	0	0	1	0	0	0	0	4	0	7	72	28	5	9	54	14	4	4	4	23	0	0	0	0	5	0
4	0	0	0	7	0	0	1	0	1	0	25	7	2	5	4	11	10	101	0	1	7	21	0	5	91	55	75	68
9	3	13	8	20	0	4	211	22	234	69	19	34	86	45	80	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	12	4	5	13	73	4	104	3	122	0	6	53	10	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_23043_11222G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G-----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-GC-----A--A-GC-G-T-T---																												
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----C--AA-A-A---C-----T--G-T--CG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---																												
T-C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GGBacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);																												
Otu0009	408	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	1	0	29	29	6	24	57	43	25	0	312
2	1	202	96	0	2	236	32	219	52	4	15	5	18	125	0	0	0	0	18	319	0	30	231	42	696	0	72	0
52	30	16	4	0	10	8	0	16	27	20	4	67	3	432	131	128	379	161	92	0	44	27	0	160	0	0	76	35
89	317	87	373	107	54	7	60	0	60	8	0	0	67	2	311	158	57	30	39	172	123	78	4	225	0	134		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_11476_14959T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-G-A---																												
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----C--AA-A-A---C-----T--A-T--TG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GGBacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(99);Rhodobacteraceae(99);Paracoccus(86);unclassified(86);unclassified(86);unclassified(86);																												

Otu0010	2425	268	803	1275	0	128	391	419	0	110	0	3	0	11	5	4	7	17	34	1	72	18	0	0	13	91	43	102
98	3	53	403	162	326	57	180	308	97	435	181	7	115	1475	13	181	227	11	72	109	50	347	116	207	12	0	70	0
41	28	75	8	17	15	23	7	0	11	0	0	0	50	229	27	30	219	93	476	0	140	46	0	376	0	0	852	319
36	0	0	1098	169	66	12	6	0	568	0	29	9	26	0	114	1159	152	1083	352	127	529	203	16	296	364	462		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_25799_6575 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GT-T-T-T-----																												
AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-G-A-A-T---G-G--C-C---T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--GA-C-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-T--GG-T-----GG--A--ACT---G-C-																												
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-C-A-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Methylobacteriaceae(100);Methylobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0011	0	0	92	375	163	130	750	79	212	246	2	0	4	20	11	0	6	0	2	2	25	5	0	3	0	8	8	62
33	43	418	0	59	36	114	25	12	87	39	125	0	41	158	307	35	78	6	199	514	0	14	99	0	24	0	6	103
12	314	93	17	36	19	0	59	22	4	13	4	7	0	2192	3100	20	141	167	173	6	25	9	216	255	0	0	40	287
138	182	192	186	463	299	15	40	0	245	0	484	3	172	0	132	24	85	33	405	746	306	81	14	59	0	554		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_6762_5073 T---AC---GT-AT-GTC-----ACG-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GT-----C-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-T-G-T-----AA---																												
-G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT--G-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-T-A--T---T-G--C-G---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-AT--A-A-C---T-A-G-A-G-T-A--C-TG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ACT---A-C-A-A-GT-																												
GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T-G--GG-GAA-G-C-C-A-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-A-G-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);Fusobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0012	384	386	5	1	1	36	812	349	463	92	12	5	8	50	0	1	3	1	1	14	33	4	36	7	21	17	3	16
5	11	3	39	0	196	0	382	0	179	111	659	269	278	0	48	558	0	8	238	89	119	4	429	58	7	0	0	0
293	275	15	54	7	26	5	119	12	23	152	102	37	50	520	90	74	52	284	1484	448	46	13	268	994	0	1	83	288
196	57	505	195	606	1333	92	133	14	2198	61	2913	79	353	23	0	216	0	30	24	0	327	341	22	152	1	162		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_16502_18697 T---AC---GT-AA-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-A-G-C-----																												
-----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-T-AT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T-A-----A-G--C-T---T-T-----T-AA-A-A--C-----T-G-C--TC-A-T-C---T-T-G-A-G-G--T--A-TG----GA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																												
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--CC-A-T-----A-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-AG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0013	136	264	0	89	538	11	0	70	316	56	1	0	0	0	0	0	0	4	30	55	6	20	8	24	11	8	118	
4	4	0	0																									

Otu0015	0	0	0	1	18	117	1	0	0	60	198	0	2	42	39	0	0	0	0	21	17	0	327	0	241	50	2	35	
	0	0	9	9	4	0	2	1	28	26	42	0	1	246	6	3	38	314	1	21	35	39	0	58	0	2	0	24	
	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	49	51	0	0	0	0	1	
	110	1	0	2	8	1	0	0	0	2	0	0	0	0	23	0	0	0	26	32	0	0	1	13	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_17062_19534 G---AA--GA-AG-CAC-----CGG-C-T-----A-A-C--T--CC-G-TGC-CA-----GC-A--G-C-CG-CG-----GT-A----AT-AC-GG-A-----G-GG-T-G-C-G-----A-G-CT-G-T-T-----																													
-----AA---G-C-A-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---A-G--C-A--T-T-----T--TG-A-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG-----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---																													
T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																													
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);																													
Otu0016	241	288	0	43	0	33	0	75	187	136	0	51	238	70	47	13	10	128	219	159	46	4	3	767	0	45	147	83	
	384	2	7	2	164	190	0	19	0	38	90	35	0	16	134	3	125	205	0	54	121	0	5	38	13	14	0	2	17
	0	0	0	7	0	0	4	0	0	0	0	1	13	6	0	1	96	16	0	0	0	60	88	1213	0	0	0	25	15
	60	79	98	25	52	33	1	8	916	46	4	0	15	15	0	0	150	0	21	67	0	0	42	4	36	231	26		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_12712_17990 T---AC--GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																													
-----GC---G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-GT--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--T-C---T-G--C-G--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---A-TG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---																													
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--																													
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Micrococcaceae(100);unclassified;unclassified;																													
Otu0017	0	0	0	0	0	21371	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1878	15	0	3	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	4	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7636_3682 T---AC--AT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GT-----C-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-C-T-----AA---																													
-G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT--G-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-T-A--T-----T-G--C-G--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-TG-----GA-G-A-----G-G-T-G--GG-C-----GG--A--ACT---A-C-A-A-GT-																													
-GT-A-G-AG-GT--G---G--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T--G--GA-GAA-G--T-C-A-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-A-T-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																													
AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0018	549	126	0	51	0	0	0	68	87	0	0	5	0	1	0	0	0	0	0	4	3	1	11	0	0	1	0	1	
	0	0	0	0	0	15	87	0	22	0	48	0	9	49	0	11	0	0	0	0	0	0	101	9	115	0	0	0	
	0	0	0	7	0	2	0	7	0	0	0	5	0	41	0	10	49	66	0	0	1	23	0	0	0	0	23	12	
	0	179	162	39	0	0	11	0	0	0	27	0	48	0	56	45	30	0	21	22	21	0	0	4	1	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_10928_6952 T---AC--GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC-																													
---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-C---T-G--C-T---T-C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-G--T---A-TG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																													
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-																													
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(94);unclassified(94);unclassified(94);																													
Otu0019	0	0	0	0	0	41	418	481	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	5	0	0	0	29	0	0	0	0	0	
	10	0	0	0	0	35	0	15	3	9	44	0	112	0	2	0	76	1	0	0	0	0	18	1	1	0	0		
	4082	489	669	173	424	194	2561	1260	257	174	1814	200	49	131	241	165	955	135	604	5894	4625	0	9	0	0	0	0	2	
	0	0	0	175	0	20	0	3	0	50	0	0	4	51	0	291	464	270	4263	187	127	327	401	8	17	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_7316_17338 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-G-T-T-----																													
AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A---TG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-																													
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-A-T-A---CTG--G--TC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																													
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);Caulobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													

Otu0020	0	1	0	0	0	30	0	0	0	0	0	1	1	0	4	0	0	0	13	7	51	0	61	5	55	47	8	51
52	2	668	250	786	1010	424	122	0	133	357	36	0	0	181	27	0	0	2	0	0	8	30	196	173	0	3	0	0
0	0	12	5	0	0	0	0	0	0	0	0	18	10	0	10	79	419	0	0	0	0	11	0	78	0	0	39	77
58	283	225	244	78	45	59	5	5	777	12	0	19	166	0	388	1614	322	454	0	0	0	165	0	1	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_15045_19476 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TA-T-T-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G-G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-G-GT-A-G-C---T-A-G-A-A-T-C---T-TG-----GA-G-A-----G-G-T-C---AG-T-----GG-A-ATT---C-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT-C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-G-A---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Novosphingobium(96);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);																												
Otu0021	0	0	0	434	0	0	0	93	75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	5	1	0	98	0	6	0	0	69
3	0	0	0	0	0	35	106	0	3	0	98	73	78	190	134	0	0	0	0	0	2	1	0	52	137	0	1	0
50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	10	143	3	0	180	0	0	0	0	3	245	0	0	0	36	0
8	0	121	32	239	0	10	0	0	27	0	43	0	0	0	79	0	0	76	0	0	0	48	0	9	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_17589_17344 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-T-G-T-----																												
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G-G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----T-AA-G-A--C-----T-G-C-AT--C-G-C---T-T-G-A-A-C-G---T-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG-A-ATT---C-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT-C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-T---G-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(99);Sphingomonas(88);Sphingomonadaceae(88);Sphingomonas(88);unclassified(88);																												
Otu0022	1	377	376	238	1	2	674	143	0	0	3	8	11	1	38	3	0	11	0	31	96	25	2	27	6	29	21	25
27	1418	103	1257	565	476	40	1151	409	280	271	766	1767	281	473	360	999	470	0	431	835	2507	20	556	123	25	10	227	305
365	649	102	179	38	44	52	693	39	69	382	268	82	172	1022	226	22	111	951	2574	1000	17	30	743	3915	4796	1976	47	116
534	459	452	1049	857	7103	166	926	25	7004	133	14637	286	627	168	12	488	249	20	0	307	34	285	16	157	0	137		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_24010_5547 T---AC---GT-AT-GGA-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GT-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-TT-A-A-T-----AA-																												
---G-T-C-G-----A-A-T-G-TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-A-A---A-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-A-TA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A---G-TG-----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-A-																												
GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T-A--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--AC-A-C-----A-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Finegoldia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0023	174	80	0	3	0	131	12	0	0	0	0	1	0	144	14	0	1	19	23	76	388	24	27	0	46	887	277	310
1688	99	44	0	211	0	16	891	1719	1298	505	855	179	44	253	56	22	0	1	40	0	40	163	1314	63	0	0	117	153
1	0	11	0	8	2	0	0	40	0	0	0	13	9	16	28	14	470	85	0	0	0	5	0	238	292	0	0	920
103	66	194	2202	57	3	6	0	0	26	0	0	0	0	0	0	2334	289	1392	374	0	865	218	0	63	1174	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_20260_18697 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-CT-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G-G-TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G-GA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-T---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG-A-ACT---																												
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-A-A---CTG--G--TC-C-G-----A-C---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Methylobacteriaceae(100);Methylobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0024	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	9	34	8	5	28	2	39	24	62	8	99	1	23	6	0	25	2
17	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
29	1	0	4	99	37	22	2	10	0	11	154	181	39	6	2	3	2	1	1	0	9	7	0	0	0	0	0	0
0	0	0	1	0	0	0	12	2	0	26	0	32	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_8514_23781 T---GC---CA-GC-AGC-----CGC-G-G-----T-A-A---T-AC-G-GAG-GA-----TC-C--A-A-GC-GT-----TA-T---CC-GG-AA-TC-----A-TA-G-G-C-G-----G-T-CA-G-A-T-----AA-																												
---G-T-C-A-----G-T-G-G-TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A-A-C---G-G--C-C---A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-CT--G-A-C---T-T-G-A-A-T-T---A-TT-----AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG-A-ATA---T-G-T-A-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT-A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA--T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G-G-T-T-A---CTA--C--TA-A-T-----A-T---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																												
G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0025	0	1487	2083	0	1	29	2176	401	3591	0	0	0	6	14	0	0	0	0	0	1	0	18	11	0	0	0	9		
	0	0	101	251	0	19	0	0	0	0	525	0	72	0	43	0	0	0	48	0	0	0	0	1	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	11	1	50	22	69	323	0	0	0	5	4	1	0	0	57	57		
	0	0	0	22	0	30	40	0	1	37	0	144	0	0	0	0	0	0	1	1	37	48	69	1277	1230	37			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_11899_8025 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT-A-----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-GC-G-G-C-----AA- ---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-T-A-C---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CG--T-A-C---T-A-G-A-G-T-G--T-CG-----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Roseburia(97);unclassified(97);unclassified(97);unclassified(97);																													
Otu0026	0	0	0	66	0	46	41	1	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	16	112	2	0	15	13	9	0	7	
	0	15	174	60	41	0	236	79	0	283	171	316	103	0	0	5	116	0	125	0	33	0	124	0	0	0	46	0	
	165	90	0	45	0	9	4	45	8	34	23	34	1	20	298	6	0	0	873	894	291	0	10	47	68	0	1052	67	109
	92	0	0	122	843	741	83	74	0	876	28	1042	9	96	2	0	199	58	0	1	0	0	189	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_19234_16567 T---AC---GT-AT-GGA-----CCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-A-G-T----- -----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TA--A-T-AT-A-G---CT-C-AA-----C-T-A-T-A-T-A-A---A-G--C-T---T-T-----T-AA-A-A--C-----T-G-T--TA--G-G-C---T-T-G-A-G-A--G--A-TG-----AA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-A-T-----C-A--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																													
Otu0027	42	0	75	9	153	0	7	55	0	0	1	0	0	0	3	0	6	1	1	6	21	0	0	0	4	0	0	0	
	6	6	5	36	42	65	0	67	126	98	68	5	54	82	45	61	18	19	0	19	58	0	1	0	14	0	0	8	0
	0	9	0	0	0	0	0	5	0	2	1	4	5	1	37	0	36	31	0	25	22	18	18	90	54	0	1	19	0
	67	24	84	40	101	0	0	12	0	10	2	0	0	38	0	47	49	103	0	7	0	146	21	7	9	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_17404_7563 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC- --G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AT--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-C-T---T-G--C-A--G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----C-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Intrasporangiaceae(98);unclassified(62);unclassified(62);																													
Otu0028	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	45	12	1	2	5	6	0	1	4	13	0	0	0	0	1	0	
	2	1	0	2	2	1	1	6	0	1	1	3	2	0	0	0	1	0	10	0	0	7	1	6	70	69	27	0	
	21	2	19	1	11	0	8	22	8	40	18	10	18	76	1	2	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	

Otu0030	53	65	64	294	154	129	120	168	40	19	0	2	0	0	1	0	0	3	2	12	47	4	1	0	0	12	0	72
21	281	174	130	174	25	184	48	60	115	163	0	30	106	162	73	14	40	0	6	200	180	1	146	30	76	0	56	26
26	69	37	5	22	7	0	0	7	6	0	0	8	1	86	68	133	94	60	101	9	12	4	41	31	0	0	201	248
137	134	166	229	333	62	11	33	0	129	3	13	5	106	0	16	84	255	27	266	375	152	115	9	76	103	324		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_26206_17835																												
.....AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TC-C-T-T-----																												
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																												
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0031	0	0	0	0	0	169	51	0	0	0	2	0	7	0	0	0	0	2	0	2	8	1	0	0	0	8	0	0
2	2	0	184	0	77	0	0	248	32	1	128	483	0	83	50	92	0	0	120	0	763	13	204	23	5	0	0	834
94	76	0	19	0	6	3	115	0	2	91	46	3	18	322	38	0	36	323	1009	263	0	1	0	146	0	1376	0	110
38	82	0	80	97	716	50	61	4	1087	16	1476	0	48	5	0	0	0	0	45	0	0	115	4	85	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_22434_20789																												
T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-C-----A-T--G-G-C-----																												
---AA---G-T-C-C-----G-A-T--G--TA--A-AA-GG--C-G-AA-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-T-C-G-T-A-----A-G--C-A--T--C-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G--A-AG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																												
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-G---CTG--G--AC-T-T-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Peptoniphilus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0032	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	75	2	0	0	0	0	0	0	29	0
0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	2353	0	563	109	4	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	4	8	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0
17	0	0	0	0	9	0	0	435	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_9116_17641																												
T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-GC-----C-A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A---TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA-																												
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-C-G-C-A-G---T-G--C-C--C-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--A--C-AC---TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG---T-G-A-C-																												
AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A--CTA--T--GG-T-G-----T-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-																												
A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);Pedobacter(96);unclassified(96);unclassified(96);																												
Otu0033	0	0	0	565	145	86	315	581	188	240	3	0	0	0	15	2	0	0	0	9	41	0	0	6	0	0	0	20
0	0	87	84	0	0	28	506	267	79	142	365	1479	44	0	90	555	0</											

Otu0035	24	0	0	54	0	0	0	33	0	0	0	14	0	13	1	0	0	0	5	2	0	1	18	0	0	0	2	2	
	0	0	5	65	0	0	22	0	10	23	50	0	45	90	0	0	29	0	27	0	0	0	51	7	12	0	0	0	
	0	0	0	0	12	0	0	0	10	0	0	0	2	13	26	51	15	0	0	0	7	21	0	0	0	0	0	0	
	0	0	36	0	0	0	14	0	146	0	0	9	0	0	0	0	39	11	0	0	0	20	5	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_18625_11352																												
	T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
	-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-G-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-C-A-G--C-C---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AT-T-----GG--A--ATT---C-																												
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--A-T-C-T--CTG--G--GC-C-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-																												
	G--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Microbacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0036	555	713	112	474	0	462	262	521	1	60	5	0	10	54	8	4	2	14	10	46	153	11	20	35	18	33	5	48	
	23	267	303	121	500	484	29	441	193	543	598	241	203	307	470	443	940	398	16	167	87	23	69	197	143	13	0	47	849
	22	311	115	39	11	39	27	0	29	5	16	4	10	7	65	30	18	63	65	78	3	38	11	368	383	0	461	150	0
	43	174	138	111	291	405	22	48	5	498	25	408	156	225	0	44	0	223	0	320	0	137	19	17	264	2	47		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_14023_13075																												
	T---AC---GT-AA-GGA-----CCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-G-A-A-----																												
	-----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G--TC--A-AA-GG--C-T-AT-A-G-----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T-A-----A-G--C-T--T-C-----T--AA-A-A--C-----T--A-T-TT--A-G-C---T-T-G-A-G-A--A--A-TG---GA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
	C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T--CTG--G--CC-A-T-----T-A--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--																												
	AG-C-A-AA-----CA--GG																												
	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0037	27	0	0	9	0	0	2	0	3	0	0	3	0	15	0	0	0	0	0	3	6	1	13	24	0	0	0	0	
	0	70	37	0	48	34	36	85	430	34	21	19	30	28	49	494	126	116	0	7	37	0	0	26	2	0	4	8	0
	0	6	6	0	8	0	0	0	1	1	0	2	0	0	0	0	7	9	10	0	11	6	30	63	0	0	41	42	
	0	15	0	17	7	15	0	2	0	29	0	29	5	1	0	13	2	0	0	0	0	13	0	1	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_21315_17096																												
	T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
	-----AC---G-T-C-G-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-T-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A--C-G---T-G--C-A--G--G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-TA---CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---T-																												
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-AC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T--CTG--G--GT-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-																												
	T--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0038	0	0	22	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0																								

Otu0040	136	0	0	32	36	264	495	302	117	0	0	0	0	0	0	2	0	0	3	8	21	0	30	7	0	0	0	0
8	0	227	246	76	41	91	69	172	43	172	119	249	25	0	151	9	0	0	85	52	324	0	0	0	14	0	0	0
124	0	6	0	12	13	0	12	10	7	6	8	0	19	72	10	0	0	0	50	72	16	4	0	105	36	1	0	48
97	19	261	47	0	231	6	37	0	275	48	903	42	13	12	99	0	170	56	24	391	0	105	4	15	0	137		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_15576_11618 T---AC---GT-AA-GGA-----CCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G--TC--A-AA-GG--C-T-AT-A-G-----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T-A-----A-G--C-T--T-C-----T-AA-A-A--C-----T-G-G--GG-A-C-C---T-T-G-A-G-T-A--A-TG----GA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG-T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG-G--CC-A-T-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0041	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	9	0	0	2	2	3	1	8	0	31	0	5	0	0	8	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	34	34	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	1	4	0	3	0	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_12350_5324 C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A-G---C-AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--T-CA-G-A-T-----AA--																												
--G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G-----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A-A-C---G-G--C-C--A--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-CT--G-A-C---T-T-G-A-A-T--T--A-TT----AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A--ATA---T-G-T-A-GT-																												
-GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA--T--T-GC-GAA-G--G-C-A-----G-G-T-T-A---CTA--C--TA-A-T-----A-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-G-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0042	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	6	0	0	0	
0	0	0	0	0	8	1	114	15	0	0	0	7	0	0	13	7	0	0	0	3	1	0	22	63	2	2254	81	0
0	0	0	0	0	4	18	0	4	0	0	0	0	0	9	0	16	50	0	0	0	0	249	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_20268_19099 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-A-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--TA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG-G--CT-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(94);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);																												
Otu0043	0	0	0	0	81	0	4	32	54	0	0	0	0	0	0	0	3	0	3	0	0	2	30	0	11	2	4	0
0	0	0	22	0	85	42	0	0	0	17	76	18	20	199	103	35	0	0	32	79	0	0	49	18	1	0	0	61
0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	6	0	19	6	17	54	52	0	0	8	7						

Otu0045	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	
	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8502	5	0	0	88	0	0	0	0	
	0	108	145	0	0	0	2	0	71	0	0	0	161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7055_12150 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----																												
AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--CG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GA-----GA-G-A-----G-G-T-A---TG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-A-T-A---CTG--G--CT-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(99);Caulobacteraceae(99);Brevundimonas(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																												
Otu0046	303	0	0	19	62	11	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	5	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	0	29	0	28	0	0	49	0	0	18	26	0	0	0	0	0	19	2	41	0	25	0	
	0	0	1	4	0	5	0	1	3	0	9	5	0	5	56	26	136	0	12	0	1	7	0	0	0	0	0	
	76	137	107	27	58	0	1	0	0	0	0	0	0	0	40	0	3	0	0	0	58	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_25016_13795 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G--C-T---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG---TA-G-G-----G-G-T-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-A---CTG--G--GC-C-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Cellulomonadaceae(59);unclassified;unclassified;																												
Otu0047	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	10	0	3	0	0	4	0	0	0	31	0	41	0	0	45
	0	0	0	0	0	0	93	0	0	0	71	0	0	0	0	0	0	0	0	234	0	4	58	107	6	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	43	26	160	0	0	0	0	0	0	0	13	0	
	0	77	0	73	0	0	15	0	16	0	0	5	0	0	111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_10931_10709 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																												
----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--AA-G-A--C-----T-G-C--AT--C-G-C---T-A-G-A-A-T--T---G-TG---GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--AC-A-C-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(99);unclassified;unclassified;unclassified;unclassified;unclassified;																												
Otu0048	0	22	0	30	0	0	0	0	15	0	0	0	0	107	46	0	1	0	0	0	3	0	0	4	3	8	17	0
	0	69	11	39	24	129	188	1	33	14	42	0	7	21	40	9	26	22	0	28	59	0	0	50	0	0	7	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	21	0	0	192	0	46	0	0	0	8	0	0	13	20	
	16	26	40	19	0	17	2	0	0	38	0	0	11	0	3	293	10	39	11	0	68	0	0	0	0	28		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_11213_20972 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
----GC---G-T-T-G-----T-T-C--G--TG--A-AA-AC--T-C-AC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-G--C-G---T-G--C-G---G--G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-G-G-A-G-T--A---C-TG---CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Mycobacteriaceae(100);Mycobacterium(100);unclassified(100);																												
Otu0049	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	110	5	0	4	0	0	5	0	0	0	0	31	0	0	0	0
	0	0	73	0	0	37	35	0	0	0	0	1	0	92	0	49	2	0	30711	240	0	0	54	19	0	0	142	0
	69	67	9	0	0	0	0	28	0	1	8	0	0	0	10	45	0	0	0	43	6	0	16	0	1	0	0	0
	0	83	0	0	56	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_9970_16182 T---AC---GG-GG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-A-A-T-----																												
AA---G-T-T-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-T-AT-A-G-----CT-T-AA-----C-T-A-T-A-G-A--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--AA-A-A--C-----T-G-T--TA--A-T-C---T-A-G-A-A-T--G---T-GG---GA-G-A-----G-G-T-A---GA-T-----GG--A--ATT---T-C-T-G-																												
GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-T-A---CTG--G--AA-C-A-----T-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Arcobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

[illegible]

Otu0055	336	80	0	40	101	228	1	150	18	141	4	0	0	155	33	0	2	0	18	7	19	11	0	0	26	225	8	31
905	0	4	0	90	63	63	58	0	51	37	27	23	78	362	0	15	0	0	0	0	26	15	247	20	2	0	22	0
47	70	43	0	11	15	18	8	14	0	0	0	0	15	113	10	86	246	0	0	0	8	0	0	153	0	0	30	25
0	39	0	2154	0	7	0	1	0	68	0	0	6	41	0	87	336	48	95	259	123	48	229	0	33	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7238_12025 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-A-T-T-----																												
TA---G-T-C-G-----A-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--TT--G-G-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-A-C---AG-C-----GG--A--ACT---G-C-G-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-T---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Methylobacteriaceae(100);Methylobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0056	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	21	13	29	4	50	8	3	9	24	7	0	0	0	0	3	0
0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	2	0	39	0	10	8	0	16	1
0	0	2	29	0	0	14	50	5	25	0	6	3	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	1	0	0	4	13	8	5	0	7	0	11	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_20802_18049 G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G-----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-GC-----A--A-GC-G-T-T---																												
-----AA---T-C-G-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--C-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---																												
T-C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);																												
Otu0057	297	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	12	0	0	0	0	0	0	3
0	0	0	87	0	0	0	122	0	28	38	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	95	0	0	0	0	0	0	102
0	0	0	1	0	0	5	9	0	8	0	0	0	0	14	0	0	24	0	33	0	0	0	0	0	0	0	24	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	73	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_11614_3024 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AC-T-G-T-----																												
TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A--C-----G--G-C--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-G--A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG--A--ATT---C-C-																												
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0058	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	7	0	1	19	3	2	0	5	1	22	0	5	0	0	3	0
1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0
5	0	0	2	21	5	7	1	2	0	1	39	61	21	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	13	0	8	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_25668_13708 T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TC-A-----TT-----GG-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CA-G-A-T-----																												
AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G-----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-C---A--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CT--G-A-C---T-T-G-A-A-T--T---A-TT-----AG-G-A-----A-G-T-A---AC-T-----AG--A--ATA---T-G-T-																												
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTA--C--TA-A-T-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																												
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0059	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	39	11	1	0	2	0	4	0	1	3	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	14	0	16	0
0	0	2	0	1	0	0	2	0	18	0	1	0	42	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	5	2	0	0	0	0	4	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_18276_4051 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C-----A---G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-A--GA-GG-----GTG-C---AA-GC-GT-TA-----A-TC-G-G---A-----A--T-TA-C-T-T-----AA---																												
-G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-A--CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-GT-																												
-GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(98);Pseudomonadaceae(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																												

Otu0060 11 18 0 0 0 0 0 0 27
0 4 32 0 0 0 18 0 0 62 66 68 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 6 49 0 4 0 34 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 167 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 70 3 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_6665_11056 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-C-T-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A---C-----T-G-G--GT--A-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0061 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 6 4 3 0 12 0 0 3 6 4 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 23 0 3 0 0 9 0
0 0 0 9 0 1 2 4 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 1 0 2 2 2 0 0 1 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_7129_19100 T---AC---CG-AC-AGA-----ATA-A-G-----C----A--C-CG-G-CTA-AC-----TC-T--G-T--GC-CA-----GC--AG---CC-GC-GG-TA-----A-TA-C-A-G-A-----G--G-GT-G-C-A-----AG-
---C-G-T-T-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-C-----C--AA-A-A---C-----T-G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);

Otu0062 0 1 0 0 0 0 3 1 0 66
0 2 0 0 0 0 12 0 0 55 60 14 23 20 1 18 0 0 12 55 0 0 0 0 0 5 0 20 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 10 0 10 117 51 0 0 0 0 0 0 0 0
22 0 0 10 0 0 0 0 0 34 0 0 5 25 0 15 0 68 0 17 0 0 32 0 0 0 42
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_18422_14147 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-A-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A---C-----T-G-T--AT--G-G-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ACT---
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0063 145 0 12 74 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 25 2 0 0 0 0 0 1 0 84 8 0 0 4 1
0 0 0 0 0 32 0 27 0 4 0 0 0 0 31 0 20 0 4 0 0 0 1 0 0 3 4 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 28 0 0 0 2 0 0 14 0 0 0 0
0 0 62 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 13 31 0 0 8 1 0 0 28
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_19457_16458 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----
-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-C---T-G--C-A---G-T-----G--GG-T-A---C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AT-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Microbacteriaceae(89);unclassified(86);unclassified(86);

Otu0064 231 0 272 0 0 115 365 77 731 0 0 0 0 1 0 0 0 3 2 0 0 2 0 93 0 4 0 1
7 0 282 0 263 0 0 0 0 1 0 193 0 0 71 12 0 0 0 0 0 1 7 152 39 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 12 215 0 0 0 0 0 0 0 0
0 188 0 185 73 0 0 10 0 0 0 0 0 0 0 271 228 1 59 0 0 53 0 10 46 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_5800_7439 T---AC---GT-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-C-T-T-----AA--
--G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GG--C-T-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T--A-----A-G--C-C---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-G--GA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--T--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Incertae_Sedis(63);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);

[illegible]

Otu0070	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	4	3	3	8	10	0	4	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	27	0	7	40	2	0	0	
	0	1	19	25	0	34	8	0	33	7	0	0	0	29	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	5	30	0	16	0	10	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_14414_20727 C---GG---CT-A--ACT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----GT-GC-AA-GC-----GTTA-A-T-C-G-----G--T-TT-T-G-T-----																													
----AA----G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----G--GA-G-A--C-----T-G-C-AA--G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-GG----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-																													
C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C--CTG--G--GT-C-A-----A-G--A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																													
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Oxalobacteraceae(100);Janthinobacterium(93);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);																													
Otu0071	1	8	0	8	38	0	24	72	22	10	1	1	0	3	0	0	0	14	3	3	10	0	46	16	6	55	13	17	
	6	133	41	146	24	277	13	44	64	38	28	76	11	76	99	214	31	35	3	105	96	186	4	68	30	5	0	0	39
	12	24	29	2	0	7	5	2	0	0	0	3	0	4	32	34	17	5	40	90	58	8	24	16	138	0	0	2128	12
	226	164	72	20	47	14	26	6	0	0	7	7	4	32	2	46	16	46	0	0	0	19	0	0	0	0	77		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_8553_7151 T---A---AG-CA-CCG-----GCT-A-A-----C---T--C-TG-T-GCC-AG-----CA-G--C-C--GC-G-----GT--A-----AT-AC-AG-AG-----G-GT-G-C-G-A-----G--C-TT-G-T-T-----AA---																													
G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--																													
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T--CTG--G--CC-T-A-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-A-																													
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0072	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	1	0	0	6	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	14	0	0	1	0	0	0	7	0	5	11	
	2	0	0	0	8	0	1	36	1	37	15	1	7	5	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	1	0	0	1	8	0	15	0	15	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_6491_11604 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--C--T---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CA-GA-GG-GT-----GCAA-GCG-T-T-----A--A-TC-G-G-T-----																													
AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-T--CG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-																													
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Pseudomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0073	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	7	0	0	4	0	0	
	0	0	1	69	0	0	0	113	92	55	1	0	0	0	16	8	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	16	0	0	10	12	0	9	0	41	1	0	0	38	167	0	189	71	116	81	33	3	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_15036_9999 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-G-T-T-----																													
TA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--T--C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATG---C-C-G-																													
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-C-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);Phenylobacterium(87);unclassified(87);unclassified(87);unclassified(87);																													
Otu0074	0	0	0	0	0	53	0	0	0	21	96	97	6	10	28	0	0	0	0	5	0	0	15	107	0	354	76	61	
	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	19	0	8	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	429	0	0	0	0	0	0	0	
	295	0	0	0	0	0	18	0	22	124	3	26	1	0	0	0	29	0	23	11	44	0	14	1	19	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_18355_14483 T---GG---CT-A--ACT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--A---TG-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----																													
----AA----G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GA--C-C-CC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--A-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																													
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																													
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																													

Otu0075	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	7	0	0	0	5	0	3	0		
	0	0	0	0	0	3	26	0	48	4	0	0	0	63	0	0	0	0	0	0	0	53	0	2	0	15	0		
	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	38	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	29	93	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_8776_6952 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G----C-G-T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----GC-																													
--G-T-C-G-----G-G-A-G-TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-A-G-C-G---T-G--C-T--T-C-----C-GA-T-A--C-----G-G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-G--T--A-TG----CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																													
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC-A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG-T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T--CTG-G--GC-A-T-----T-A--C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-																													
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Aeromicrobium(79);unclassified(79);																													
Otu0076	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	9	0	3	6	8	4	6	194	43	150	0	0	0	0	3	0	
	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	5	0	16	0	0	8	0	1	0	0	175	27	7	2	0	11	6	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	1	0	17	6	0	3	0	0	4	32	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_23364_21203 C---TC---GC-AG-AAT-----AAG-CACC----G-G-C--T--AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C-AG-CC-----GC--G---GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-GC-----A--A-GC-G-T-T-																													
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T--T-G--C-A--T-A-----C-GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T----AG--A--ATT---																													
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC-T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T--CTG-G--CC-T-A-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(98);Moraxellaceae(98);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);																													
Otu0077	9	11	2	24	3	7	14	29	13	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	1	0	3	0	0	0	2	
	0	25	4	0	7	14	9	2	8	1	15	17	4	9	33	20	0	7	0	8	18	8	1	4	2	3	0	1	8
	1	43	23	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	8	3	163	8	0	8	2	2	0	5	19	13	0	31	43
	12	34	28	45	25	7	0	11	0	3	0	1	0	12	0	6	2	23	0	35	32	29	15	1	13	25	62		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_26298_15966 T---AA---CT-AC-GTG-----CC--A-G----C--A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GT-----CC--C---GA-GC-GT-TG-----T-CC-G-G-C-G-----G--T-TA-G-A-T-----																													
---AA---G-T-C-T-----G-A-A-G--TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G-----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T-A-----C-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AA---GA-G-G-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																													
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A-G-C-G-----G--C-T-C-T--CTG-G--CT-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Streptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0078	0	0	0	0	0	0	33	1	0	44	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	
	0	0	2	0	0	0	0	0	12	8	0	0	0	40	0	0	117	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	84	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0																									

[illegible]

Otu0085	280	122	56	189	178	112	173	130	118	99	0	0	3	28	9	4	8	4	21	37	145	23	142	116	35	13	16	37
8	691	455	664	409	563	478	1111	1282	520	793	363	537	610	575	1935	859	1298	22	264	389	0	50	592	147	24	6	70	432
42	200	45	15	26	27	29	0	31	16	16	12	22	8	95	14	166	80	193	229	181	138	96	464	624	183	70	322	381
197	604	358	212	408	129	33	37	4	161	5	115	19	70	0	273	274	211	117	320	293	390	603	18	145	180	115		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_10775_17601 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TG-A-T-C-----																												
----GC---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--T-AA-TC--T-T-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-G---T-G--C-T--T-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--TT--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A--A-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AA-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--T-T-C-T--CTG--G--GC-C-T-----T-T---C-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);Propionibacterium(100);unclassified(100);																												
Otu0086	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	54	1	0	7	4	129	0	9	11	9	5	2	6	6	0	0	0	0
5	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	15	0	0	1	0	30	1	5	0	0	0	0	0	0	0	1
0	1	0	0	5	0	11	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	12	0	7	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_26899_16941AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C----AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-CT-C-T-T-----																												
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																												
A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(93);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);																												
Otu0087	8	8	0	8	0	2	0	4	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
0	0	3	0	0	0	16	0	0	4	0	2	2	0	3	8	7	9	0	0	2	0	0	2	1	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	14	1	26	2
3	3	0	5	6	2	0	0	0	3	1	0	0	3	0	0	3	1	0	10	38	0	0	1	0	0	3		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_27318_14317 C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----TC-CC-GA-GC-----G-CT-GTG-C-G-----G--T-TT-G-A-T-----																												
----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-T-T-----C-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---AA-G-G-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----G--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																												
-AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Streptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0088	0	0	0	121	0	3	13	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	5	0	8	0	6	10	0	0
3	0	0	7	0	0	0	0	0	18	11	6	0	6	78	0	1	0	0	0	0	47	0	17	3	21	44	0	0
0	0	0	0	0	3	1	0	8	0	0	0	1	1	40	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
792	29	0	7	0	28	0	1	0	9	1	0	0	0	0	0	16	0	0	12	0	0	4	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_8076_11701 C---GG---CT-AA-AT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AT--G----TC-CC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--T-TG-G-T-T-----AA---																												
-G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-A--G-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--C--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T--G-TG--GG-T--AG-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Leuconostocaceae(100);Leuconostoc(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0089	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	89	9	11	10	14	2	43	15	95	7	36	31	23	0	0	10	0
18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	15	33	0	25	0	0	0	1	3	0	0	18	0	0	4	0
7	0	0	3	0	0	29	0	1	0	49	2	1	2	61	68	0	5	55	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0
7	0	39	0	0	24	7	10	12	0	7	0	6	5	3	10	0	0	4	1	0	0	0	0	0	10	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_10222_22814 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT--G----CA--A-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-CA-A-T-T-----																												
--AA---G-T-C-A-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T--T-G--C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T-G-G--TT--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-																												
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-C-A-T--CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0090	12	0	0	3	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	54	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	5	29	
	0	10	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	3	13	0	0	0	0	0	103	0	0
	0	0	2	0	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	13	22	0	0	1	5	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_20734_8193 T---AC---GT-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC- ---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-GG--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-GTG-T--A-T---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ACT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Micrococcaceae(53);unclassified;unclassified;																												
Otu0091	0	1	0	100	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	8	17	0	36	0	0	0	0	0
	0	2	220	0	0	0	37	0	0	67	5	91	1027	49	0	0	0	0	2	0	1524	22	38	0	0	7	0	463
	46	134	16	5	0	0	6	4	0	0	18	23	0	10	0	0	0	0	118	0	5	0	0	95	1142	0	0	79
	209	63	0	0	113	356	0	20	0	498	19	1296	18	53	3	54	0	0	0	0	0	12	0	36	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_8786_21344 T---AC---GT-AA-GGA-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-A-A-A-----AA- ---G-T-T-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GG--C-T-AT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T-A-----A-G--C-T---T--T-----T--AA-A-A--C-----T--G-T--TT-A-A-C---T-T-G-A-G-A-G--A-TG----GA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT- -GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--CC-A-T-----T-A---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A- AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0092	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	18	0	57	0	0	5	0	9
	4	0	0	88	0	0	89	56	3	77	0	0	0	0	0	66	29	0	0	1	0	1	0	134	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	63
	0	0	79	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	60	137	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_2238_13804 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-A-T-----CA- ---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CG--A-T-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(56);unclassified(56);unclassified(56);unclassified(56);unclassified(56);																												
Otu0093	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	26	0	0
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	184	0	0	0	0	288	207	0	9
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_14717_16707 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T-TAATC-G-G-A--- -----AA---G-A-A-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T--T-----T--TT-A-A--C-----T--A-C--CG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT-----CA-G-A-----G-G-G-A---GG-T-----GG--A--ATT---C- C-G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Alcaligenaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0094	0	0	0	0	3	3	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	4	10	133
	8	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	1	22	0	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	5	0	11	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_10614_24517 TG---AC---AG-AA-GAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AACT-CCG-TG-----CC-AG-C-A-GCC-GC-----GG--T-----AA-TA-CG-GA-----G-GG-T-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-- -----AA---T-C-G-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T--T-----T--CG-A-A--C-----T--G-G--CA--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GA----TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----AG--A--ATT--- -T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-C---CTG--G--GT-C-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Alteromonadales(100);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);																												

Otu0095	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	1	0	0	0	0	0	
3	0	0	1	20	0	0	0	0	0	7	0	24	0	29	0	1	22	0	0	0	0	14	0	0	0	0	
0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	27	93	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
36	0	127	22	0	42	0	0	0	36	0	0	0	77	0	26	0	34	12	12	0	3	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_9263_9387 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-G-T-C-----GC- ---G-T-C-T-----G-C-T-G-TG-A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G--T-C---T-G--C-A--G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G-CA-G-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG-A-ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC-A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA-T--G-GC-GAA-G-G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG-G-G-GC-C-A-----T-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GA-A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Intrasporangiaceae(70);unclassified(66);unclassified(66);																											
Otu0096	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	5	0	0	0	0	
0	0	0	74	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	137	43	0	0	0	0	0	71	7	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	12	16	0	0	0	6	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	34	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_16420_15451 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T----- -----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG-A-AA-TC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T--G-G-CA-A-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---G--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT-A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G-GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG-G--TC-C-G-----G-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);Devosia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0097	0	0	0	0	0	63	16	106	195	30	0	0	0	0	0	0	6	5	0	21	0	0	0	13	0	0	0
5	0	3	1	0	0	0	33	0	0	58	0	0	0	66	0	0	0	1	0	0	0	37	17	23	0	0	115
20	0	0	0	6	0	0	0	3	0	4	0	25	0	0	17	21	128	0	0	0	17	0	0	0	1	12	88
0	0	0	0	124	0	11	3	0	0	0	18	0	0	0	64	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_27089_11132 T---AC---GG-AG-GGG-----GTT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-T-C----- -----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG-A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---G-G--C-C---T-T-----C--GA-G-A--C-----T--G-G-TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G-GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG-G--CT-C-G-----A-C--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(95);Rhodobacteraceae(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																											
Otu0098	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	232	10	0	0	2	0	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	1	1	12	0	2	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	1	17	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	2	4	1	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_19794_4386AC---T-AC-G																											

[illegible]

Otu0105	0	0	0	0	178	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	
	0	2	0	0	0	0	105	0	47	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	78	8	0	129	0	0	0	0	0	106	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_15477_10244 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T-AA-G-A--C-----T-G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C--C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--AC-C-G-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG--G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(97);unclassified(97);unclassified(97);unclassified(97);unclassified(97);																											
Otu0106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	3	0	4	1	0	0	0	1	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	10	1	0	0	0	0	0	5	0	
	0	0	0	0	0	1	19	0	19	1	6	8	8	7	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	1	2	0	3	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_5482_20190 G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G-G-C---T--AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC-G----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-G-----C--A-AG-C-G-T-----TA---A-T-C-G-----G-A-A--G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----C-AA-A-A--C-----T-G-A--CG-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C--CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);																											
Otu0107	0	0	0	0	0	0	89	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	
	1	0	71	0	46	0	180	0	0	0	17	49	49	101	136	0	0	0	0	0	0	0	73	0	0	49	
	0	55	203	0	76	32	0	0	54	28	0	0	0	32	5	162	29	0	12	0	0	28	0	0	1	440	
	118	72	204	0	51	0	32	0	60	0	0	0	61	0	0	0	0	0	35	0	0	0	0	0	0	51	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_9065_11564 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GA---GA-G-A-----G-G-T-A--TG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-A-T-A--CTG--G--CT-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacteriales(100);Caulobacteraceae(100);Brevundimonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0108	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	54	0	0	0	83	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	271	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	24	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_20113_10044 T---AC---GT-AG-GGG-----TCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-T-T-----GC---G-C-C-C-----G-G-C--G-TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T-C-G---T-C-----G--GG-G-A--C-----G-G-G--TG--A-G-C---T-T-G-A-G-G--G---T-AT---CA-G-G-----G-G-C-T--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--CG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GA-T-A-----C-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0109	36	17	0	39	18	9	11	15	11	3	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	2	0	0	0	1	0	
	4	0	27	16	9	2	16	0	4	19	24	8	17	9	36	52	20	29	0	40	4	1	0	9	2	1	
	4	1	13	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	6	0	15	2	0	9	0	0	4	0	0	83	8	
	17	27	14	31	66	15	5	4	0	15	1	0	1	37	0	2	14	46	1	94	143	10	5	0	11	16	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_10953_11523 T---AA---CT-AC-GTG-----CC--A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----CC--C----GA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-TT-G-A-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G-TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-T--T-----C-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---AA-G-G-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Streptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0110
222 0 1 1 0 0 0 63 0 0 13 1 0 0 1 0 0 87 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0
0 0 0 0 18 0 0 0 0 2 0 6 0 9 71 25 0 0 0 388 183 0 1 0 93 0 0 0 93
0 0 0 0 36 1771 6 50 0 405 0 1401 3 7 7 0 0 0 0 0 0 29 0 0 0 36
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_24267_16865 T---AC---GT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-AA-G-G-A-----
----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-T-A--T-----T-G--C-G--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-C-CT--T-A-C---T-A-G-A-G-T--A--C-TG----GA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ACT---A-
C-A-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T--G--GG-GAA-G--C-C-A-----G--C-C-T-A---CTG--G--AC-A-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);Fusobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0111 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 11 58 17 10 0 0 7 3 0 6 0 0 1 2 1 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 1 0 5 0 0 0 0 0 0 25 2 22 0
0 1 4 0 0 0 0 9 2 39 0 0 2 60 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 1 0 0 5 8 5 0 11 1 13 0 0 12 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_23811_11194 C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT-----GC-AA-GC-----G-TT-A-A-T-C-----G--G-AA-G-T-T-----
--AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-A-CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG--A--ATT---T-C-
C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Pseudomonadaceae(100);unclassified(76);unclassified(76);unclassified(76);unclassified(76);

Otu0112 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 8 2 0 1 0 3 0 1 3 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 2 13 24 8 0
4 0 0 0 1 0 0 0 6 1 0 3 2 11 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 1 2 0 8 0 3 0 0 2 0 0 1 0 1 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_9961_8135 G---CC--AG-CA-GCC-----GCG-G-T-----A--A-T--A--CA-G-AGG-GT-----GC-A--A-G--CG-TT-----AA-T---CG-GA-AT-TA-----C-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA--
--G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-A-CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Pseudomonadaceae(100);Pseudomonas(86);unclassified(86);unclassified(86);unclassified(86);

Otu0113 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 12 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 80 0 0 0
56 0 0 113 39 0 18 0 0 31 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_19552_18674 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GG--A-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ACT---
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0114 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 4 0 0 1 4 2 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 5 0 0 1 0 3 0
0 0 0 11 0 1 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 1 2 2 0 0 2 1 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_9993_22072 G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AA---C-T-CT-----GT-G--C-C--AG-CA-----GC--C---GC-G--GT-AA-----T-AC-A-G-A-G-----G--T-GT-G-C-A-----AG---
-C-G-T-T-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----C--AA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-GT-
-GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu0120	0	0	0	0	0	0	14	90	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	5	0	0	0	8	
	0	0	81	0	0	25	0	0	0	0	19	0	0	49	0	0	0	0	0	0	0	58	7	0	0	0	0	
	0	0	0	0	8	7	0	11	0	0	0	0	0	0	1	0	30	0	49	14	0	1	0	0	0	0	54	0
	12	60	163	9	0	0	6	0	0	9	0	4	0	0	57	0	0	38	20	0	79	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_13889_11952 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T--T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CA-T-T-T----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--GT-G-T-C---T-T-G-A-G-T-G---T-GA-----GA-G-A-----G-G-T-A--TG-T-----GG-A--ACT---C-																											
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-A-T-A---CTG-G--CT-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);Brevundimonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0121	0	71	0	0	0	5	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	4	1	16	5	27	3	0	4	1	0	
	0	2	3	0	0	48	0	1	0	46	2	31	0	70	0	0	0	34	70	0	2	0	15	0	0	27	126	
	5	0	0	4	0	0	0	0	4	2	3	0	10	88	0	1	86	0	65	0	0	2	0	0	0	0	250	
	0	17	0	0	83	17	0	0	0	0	0	3	0	0	27	0	28	5	0	0	33	0	0	0	0	39		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_10084_17965 T---AC--GT-AG-GGT-----GCG-A-G----C-G-T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																											
	-----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G-TG--A-AA-AC--C-A-GG-T-G---CT-T-AA-----C-A-C-C-T-G-G--C-T---T-G--C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----G-G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-G-T--A-TG---CA-G-G-----G-G-A-G--AA-C-----GG-A--ATT---C-																											
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-T-C-T---CTG-G--GC-A-T-----G-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Nocardioides(93);unclassified(93);																											
Otu0122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	19	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	61	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	63	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	
	13	0	37	0	54	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_20499_11907 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T--T-GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-C-T-T-----																											
	-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--GA--G-T-CT--T-C-G-A-G-T-T--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A--ACT---																											
	G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G--CC-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0123	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	1	7	10	3	5	4	9	2	0	1	6	5	0	2	0	0	1	0
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	4	0	0	25	1	0	1	34	0	7	20	1	18	0
	1	0	5	12	0	1	12	1	0	15	3	0	3	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0																							

Otu0125 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 4 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 21 0 14 0 0 0 92 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 27
0 0 56 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 50 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_5303_18489 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-GA-T-G-C-----
AA---G-T-T-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T--T-----C-AA-A-A--C-----T--G-T--AT--C-C-C---T-T-G-A-G-T--G---T-CG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(88);Clostridia(70);Clostridiales(70);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);

Otu0126 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 19 59 7 0 7 8 0 4 0
12 0 3 0 0 0 0 0 0 212 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 10 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 181 53 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0
140 83 0 0 0 25 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 51 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7393_16762 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AT-A-T-C-----AA-
---G-T-T-T-----G-C-G--G--TT--A-AA-GG--T-T-CT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-G-A-G-A--C-A---G-G--C-C--G--T-----G-AA-A-A--C-----T--G-A--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG-----TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-C-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----C--T-C-T-G---CTA--G--GC-C-A-----A-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-
C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0127 0 0 0 92 0 31 0 0 0 0 63 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 14 1 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 90 30 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0
0 0 12 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 71 119 0 51 0 0 76 0 4 0 0 0 0 0
45 30 0 25 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 35 32 23 1 0 49 0 11 0 179
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_7010_18942 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-G-C-----AA-
---G-T-T-G-----A-G-A--G--TG--G-AA-GC--A-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-T-G--A-C---T-G--C-T---C--C-----C-AA-A-A--C-----T--G-T--AA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG-----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-C-A-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Catonella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0128 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 3 7 0 0 0 0 27 0 0 0 0 11
0 0 73 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 49 53 0 0 0 0 99 0 0 0 0 13 12 0 0 0
75 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 129 0 0 0 0 180 0 0 0 0 0 0 34 0 55 0 0 0 0 0 7 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_13261_10593 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-T-T-C-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----C-GA-T-A--C-----T--G-T--TT--G-G-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0129 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 2 0 0 10 39 4 35 13 0 0 0 1
3 4 133 245 0 0 0 31 0 198 85 189 21 0 0 109 458 1 3 0 0 0 133 0 3 0 27 0
0 139 4 7 0 2 0 14 0 8 20 67 8 0 112 10 0 0 398 1377 580 0 1 130 0 0 671 0 178
98 119 0 36 439 73 19 49 0 629 0 510 26 0 1 34 116 0 0 0 0 1 132 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_5978_19960 T---AC---GT-AA-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AA-A-T-T-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-A-AG-G-G-----CT-C-AAC-----C-C-A-T-A-G-A--T-----T-G--C-A---T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--T-G-C---T-T-G-A-G-T--C---A-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-T-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);

Otu0130	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	2	0	6	3	4	0	1	0	3	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_28352_11553 T---GC---CA-GC-AGC-----CGC-G-G-----T--A-A--T--AC-G-GAG-GA-----TC-C-A-A-GC-GT-----TA--T----CC-GG-AA-TC-----A-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-G-T-----																												
----AA----G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A-A-C---G-G--C-C--A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-TA--G-A-C---T-T-G-A-A-T-T--A-TT----AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A-ATA---T-																												
G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G-G-T-T-A--CTA-C--TA-A-T-----G-G--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--																												
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	1	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	117	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	231	0	0	0	0	0	0	4	77	0	0	0	0	0	
	0	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_5045_19079 T---AC--GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-C-G-----																												
CA---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A-C-G---T-G--C-G--C--C-----C-GA-G-A--C-----G--C-G--GG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--G--G-GG---GA-G-A-----G-G-G-T--CG-C-----GG--A-ATT---C-C-																												
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C--CTG--G--CC-C-T-----T-G--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C--G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0132	0	0	1	30	34	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	6	0	0	9	0	0	0	0
	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	1	0	8	8	0	0	0	0	0	0	0	20	0	29	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	21	9	0	0	1	0	17	0	0	0	0	14	
	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_5974_7595 T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC-																												
---G-T-C-G-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-G--C-C---T-G--C-A--G-T-----C-GA-T-A--C-----G--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-TG---TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A-ATT---C-C-T-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T--CTG--G--GC-A-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	165	206	0	0	0	0	111	0	0	0	0	0	0	56	
	0	0	0	17	72	28	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7777_22365 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-G-T-T-----																												
AA---G-T-C-G-----A-G-G--T--TA--A-AA-GG--C-A-GT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-C-T-G-T-T-----G-G--G-C--C--T-----T-GA-A-A--C-----T-A-A-TT--A-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-C-																												
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T--CTG--G--AC-T-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0134	0	0	0	0	0	29	0	0	0	16	20	0	0	8	11	0	0	0	0	0	1	50	0	161	86	1	20	
	0	5	0	1	0	0	0	0	14	8	0	0	50	0	0	0	31	0	0	8	0	7	0	0	0	0	7	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	19	0	0	4	0	0	0	
	26	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	13	0	0	0	6	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_11189_4306 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-G--GA-GG-----GTG-C---GA-GCGTT-AA-----T-CG-G-A-A-T-----T--A-CT-G-T-T-----AA-																												
---G-C-A-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---A-G--C-A--T-T-----T--TG-A-A--C-----T-G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A-ATT---T-C-A-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C--CTG--G--AC-A-A-----A-G--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);Photobacterium(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);																												

Otu0135	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	4	0	0	0	0	3	
	0	27	3	0	0	82	40	67	0	69	31	0	0	0	54	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	253	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_15249_18248 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G-G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AA-G-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Rhodobiaceae(78);Rhodobium(78);unclassified(78);unclassified(78);unclassified(78);																												
Otu0136	0	0	0	0	108	0	21	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	81	3	0	6	4	0
	0	0	0	135	0	0	20	108	0	0	0	0	0	134	356	33	0	0	2	0	0	0	32	105	0	0	0	714
	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	19	
	0	0	0	178	46	0	0	0	0	5	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	45	0	1	55	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_24365_12548 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G-G--TG--A-AA-TC--C-C-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GT--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GG----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	318	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_7077_17345AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T-AG-GT-----GG--C----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G--G-----A-T-CT-C-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GG--G-A-C---T-T-G-A-G-G-A--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(65);unclassified(65);unclassified(65);unclassified(65);unclassified(65);unclassified(65);																												
Otu0138	0	0	9	11	0	10	0	8	7	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	3
	0	0	0	7	5	8	11	0	4	9	2	0	0	6	8	2	2	0	3	18	0	0	7	0	1	0	2	14
	0	71	2	1	3	0	5	0	3	0	0	3	0	0	0	1	0	3	6	0	1	0	13	0	0	2	4	23
	9	24	26	19	34	13	0	0	1	0	1	0	3	0	0	1	14	0	16	17	9	6	0	5	0	36	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_21904_6884AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T-AG-GT-----GG--C----AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TC-G-G-T-----CA---G-T-C-T-----G-T-C--T--TA--A-AA-GT--T-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-T-G--A-----T-G--G-G--A-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-C-CA-A-T-C---T-A-G-A-G-T--A--T-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--AC-G-A-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Veillonellaceae(100);Veillonella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	0	0	0	2	0	0	0	0	4	7	1	3	0	0	45	20	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	48	59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0
	5	53	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_23356_17953 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AT-A-T-A-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-C-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-G-A--G-T---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--T-A-TA-A-G-C---T-G-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AA-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(95);Clostridiales(95);Lachnospiraceae(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);																												

Otu0140	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	11	6	0	7	0	0	3	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	58	0	0	0	0	0	0	109	0	0	0	20	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	22	0	0	0	0	0	0	0	123	0	0	18	92	
	15	0	0	108	0	0	0	0	0	0	0	0	64	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_22214_19411																													
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-C-T-T-----																													
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT----																													
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--TC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--CA-G-C---G-TG--																													
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0141	0	0	0	2	13	0	0	21	9	1	0	1	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	6	2	4	7	1	0	
	1	61	15	55	2	95	5	10	14	4	13	16	4	27	25	52	9	7	1	18	30	69	0	19	8	0	0	7	
	3	4	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	8	11	0	1	17	0	13	3	3	7	24	0	0	606	0
	25	39	32	8	2	5	7	0	0	0	1	2	0	4	0	8	10	16	0	0	0	0	5	0	0	0	7	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_20793_13793																													
TC---GC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AACT-CTG-TG-----CC-AG-C-A-GCC-GC-----GG--T----AA-TA-CA-GA-----G-GG-T-G-C-G-----A--G-CT-G-T-T--																													
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT----																													
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA-T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T--CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG--																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0142	0	0	689	0	0	37	189	228	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	7	0	18	0	0	0	0	0	5	0	
	0	8	0	92	0	64	0	172	0	79	30	4	0	0	40	0	0	198	0	0	0	3	0	0	9	3	0	0	
	41	94	15	5	0	0	0	0	0	10	8	24	0	9	312	706	7	17	29	419	44	8	0	0	0	0	0	190	
	49	0	36	87	248	207	6	32	4	1283	26	645	0	34	9	0	0	0	7	46	81	128	170	0	18	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_23030_22631																													
T---AC---GT-AT-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-A-T-T-----																													
-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--G-T-GA-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-A-T-T-A-----A-G--C-A--C-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT----C-																													
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Parvimonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0143	0	0	0	0	66	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	36	0	0	43	0	0	34	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	
	0	0	0	0	0	34	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_19208_15764																													
T---AC---GT-AG-GTC-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TG-G-T-C-----																													
-----AA---G-T-C-C-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-A--A-C---T-G--C-A--T-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--TC--G-G-C---T-T-G-A-A-G--G---T-GG----GA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT----																													
C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-A-C---CTG--G--CC-C-A-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG--																													
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0144	0	0	0	91	0	0	0	22	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	79	0	0	59	10	0	1	3	28	
	0	1	4	0	0	0	0	0	0	60	41	45	0	0	0	0	0	46	0	0	8	0	16	0	0	0	0	0	
	0	0	2	0	0	0	7	0	0	0	4	0	0	0	59	29	174	0	126	0	6	0	79	0	0	0	0	355	
	0	0	0	178	0	0	0	5	0	0	0	93	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_13249_18506																													
T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-G-A---																													
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--CG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT----																													
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG--																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													

Otu0145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	35	1	6	7	0	0	22	3	31	0	7	0	0	0	4	0	0
9	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4	0	2	0	0	0	13	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	3	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_14187_13141 C---TG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G--T--AA-TACAG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T----AA-TC-GG-AT-----T-TA-G-G-T-G-----G--C-CA-A-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A---T-T-----C--GA-T-A---C-----T--G-G--TT--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-																												
C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0146	0	0	0	130	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	1
0	0	1	111	0	0	0	0	0	0	0	48	0	0	0	44	83	0	0	0	0	1	31	0	0	0	0	0	0
0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	77	226	0	0	153	114	132	0	0	0	0	0	0	0	2
57	0	0	0	0	35	5	22	0	137	0	52	0	0	0	56	0	37	0	33	483	0	59	0	11	0	13		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7605_10091 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-C-C-T-----AA-																												
---G-C-G-C-----A-A-G--G--TT--T-AA-TT--T-A-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-T-A-C--T-----T-G--C-C---T-T-----G--CG-A-A---C-----T--G-G--GC--T-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-G-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);Mogibacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0147	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	4	0
5	0	28	14	223	9	274	0	0	0	367	3	0	39	0	0	0	0	13	0	0	0	33	0	58	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	38	0	0	44	0	0	0	0	0	6	0	0	163	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_24316_16982 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A--AA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---G-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Bradyrhizobiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0148	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	63	24	20	28	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	70	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_16667_5531 C---AC---GT-AG-GCA-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-T-----AA--																												
--G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-A-G--C-----C-G-CC-A---C--C-----C--GA-T-A---C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-C-G-A-G-T-G---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---CG-G-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--C-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);Acidimicrobiaceae(100);uncultured(75);unclassified(75);																												
Otu0149	335	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	5	0	0	1	0	3	2
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	70	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_4054_8793 T---AC---GA-GG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-C-----																												
AA---G-T-T-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-T-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-G-A-A-G--T-C---T-G--C-A---C--C-----G--AA-A-A---C-----T--G-C--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T-A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-																												
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);																												

[illegible]

Otu0155	0	20	22	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	17	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	7	
	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	2	
	12	0	0	11	23	0	0	0	0	0	0	0	6	0	13	0	13	0	7	0	0	8	0	0	0	18		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_18689_13556 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C-A-A-G---C-AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A-CG-GA-----AG-G---TC-CA-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G-ATTT-G-T-T-----																											
	----AA----G-T-C-A-----G-C-G--G--TT--A-AA-GG--G-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-C---A-T---T-G--C-C--G-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G--CG--A-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----AC-A-G-----G-G-A-T--GC-C-----GG--A-ATT---C-																											
	G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--C--GC-GAA-G--G-C-A-----G-G-T-G-T---CCG-G--GC-T-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-T-																											
	-AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0156	0	0	0	300	0	17	30	11	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	9	0	0	0	13
	3	0	0	44	0	60	10	0	21	1	18	0	0	0	0	0	0	146	0	0	28	40	7	0	0	0	114	
	1	355	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	244	360	28	0	90	0	0	5	0	0	47	0	0	0	0
	36	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	43	71	43	9	0	0	1	81			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_5427_11006 T---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AG-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA-																											
	---G-T-G-A-----A-T-A-G--TG--A-AA-TC--T-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-ACA-G--G-C---T-A-T-T--A-T-----T-CA-A-A--C-----T-G-G--CA--A-A-C---T-C-G-A-G-A-G--T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-C--AC-T-----GG--A-ATT---T-C-T-T-																											
	GT--GT-A-G-GA-GT--G---A-A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G-G-T-G-A---CTG-G--AC-C-A-----T-T---T-C-T-GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
	C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	4	2	0
	1	0	0	0	2	0	0	2	0	2	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_21055_23480 T---AC---CG-AC-AGA-----ATA-A-G-----C---A--C--CG-G-CTA-AC-----TC-T--G-T--GC-CA-----GC--AG---CC-GC-GG-TA-----A-TACA-G-A-G-----G--G-TA-G-T-C-----																											
	----AA---GCG-T-T-----A-A-T-C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----C-AA-A-A--C-----T-G-A--CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG-----TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG--A-ATT---T-																											
	C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG-G--AC-T-G-----A-T---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0158	0	0	0	61	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	48	0	0	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	23	0	0	0	0	0	
	12	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	16	
	0	0	0	0	0	27	0	0	0																			

Otu0160	0	0	0	36	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	81	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	48	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_15921_5263 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-T-----																												
TA---G-T-C-A-----G-G-C-G-TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TG--G-G-C---T-T-G-A-G-G--G---T-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0161	0	0	0	2	6	5	1	0	0	11	22	19	2	2	2	7	1	1	1	3	0	8	5	17	2	4	2	6
	24	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	23	1	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	38	21	0	0	0	0	1	0
	14	0	0	0	1	5	24	7	10	14	4	0	0	24	0	10	0	3	37	0	0	9	19	71	9	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_10666_19330 T---AC---AG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AA-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TC-T-A-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT----GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-																												
C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0162	0	12	0	0	199	0	7	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	4	2	8	0	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	15	2	0	0	69	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	5	0	34	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	23	2	11	0	121	0	9	27	0	0	0	0	0	9	234	27	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_27842_12513AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C----AA---GC-G-----T-TA-T-C-C-G-----G--T-AA-A-A-T-----																												
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-																												
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Staphylococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	10	0	934
	31	0	3	0	0	1	0	0	0	5	17	0	0	0	1	0	67	0	162	326	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	9	47	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	199	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_12397_17424 T---AC---GT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GA-GT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-T-----																												
----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-AT--G-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-T-A--T-----T-G--C-G---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--C-TG-----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-C-----GG--A--ACT---A-																												
C-A-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T--A--GT-GAA-G--A-C-A-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-A-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-AG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);Psychrilyobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0164	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	83	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98	62	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	136	0	0	114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_24566_11451 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----AT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GA-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-G-C----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---C--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-TG-----GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-A-G-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(73);Erythrobacteraceae(67);unclassified;unclassified;unclassified;unclassified;																												

[illegible]

Otu0170	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	6	0	0	0	0	4	0	0
	0	1	0	0	0	0	0	0	34	0	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	19	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_26653_16641 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GA-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G-A-CT-G-T-T-----AA---G-T-A-G-----A-A-A-G--TG--A-AA-GG--T-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-A-C--A-T---T-G--C-T--T-T-----C--TA-T-A--C-----T-G-G--CA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--G-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--GG-G-----GG-A--ACG---A-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-TG--AT-A-TG--T-G--T-C-G-G-A-AC-A-CC---CA--T-G--GC-GAA-A-G-C-A-----C-C-C-T-T--CTG--G--AC-G-C-----A-A---A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--T-T-CG-A-AA-G-C---C-AA--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0171	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	0	5	0	8	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	3	0	4	0	5	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_10176_21100 T---AA--GC-AC-CGG-----CTA-A-C----T-C-T--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C-GG-TA-----AT-A---CA-GA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G-----AA---G-T-T-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----C--AA-A-A--C-----T-G-T-CG--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG-A--ATT---T-C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA-G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(87);Pseudomonadaceae(87);unclassified(87);unclassified(87);unclassified(87);unclassified(87);																											
Otu0172	0	0	0	72	108	35	1	58	66	105	0	0	0	0	0	1	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	10	
	1	0	42	0	0	137	24	48	0	0	0	54	0	95	0	0	0	5	0	0	7	0	6	0	0	0		
	0	482	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	3	0	0	19	0	0	0	1	0	35	49	0	0	31		
	0	204	98	98	0	0	0	0	112	0	0	0	0	0	0	0	0	116	115	63	73	2	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_23192_17625 T---AC--GT-AT-GTC-----GCA-A-G----C-G-T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----AT-A---AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-G-A-T-----AA---G-T-C-T-----G-G-G--G--TG--A-AA-AC--T-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-A-G--C-C---T-G--C-C--C-T-----G--GA-A-A--C-----T-A-T-GC--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-G--GA-C-----GG-A--ACT---G-C-A-C-GA--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--C-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T-G--AT-GAA-G-A-T-A-----G--T-T-C-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);Leptotrichia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0173	0	777	625	0	0	0	131	41	70	0	0	0	0	0	0	2	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	48	0	0	0	0	0	0	48	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	183	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7841_14070 T---AC--GT-AT-GGA-----GCA-A-G----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T																											

Otu0175	0	200	214	224	0	0	176	338	177	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	5	0	6	4	2	
	4	0	0	1	0	0	81	144	0	0	221	0	0	95	0	0	0	0	58	0	0	0	83	30	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	17	0	16	152	0	0	0	2	0	0	0	0	0		
	0	0	121	10	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	24	322	691	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_21315_13830 T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-T-T-----AA---G-T-G-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TA--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-G-T--G-C---T-G--C-A--T-T-----T--CA-A-A--C-----T--G-G--AA-G-T-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-G--AA-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-T-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);unclassified(68);unclassified(68);unclassified(68);unclassified(68);																											
Otu0176	0	0	0	0	0	1	0	0	36	0	0	2	0	10	0	0	3	0	9	0	0	0	69	8	8	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	18	0	0	1	18	502	69	4	0	0	0	0	24	0	0	115	253	450	17	30	0	0
	41	6	0	6	15	0	27	0	2	0	6	27	0	0	39	19	0	0	0	0	13	14	0	220	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	34	88	0	6	0	0	0	0	2	4	20	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_5819_10302 T---AC--GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T-G--T---T-AT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-A-A-----GG---G-T-G-G-----A-A-A--G--TG--A-AA-GT--C-G-CC-A-A-----AA-C-A-----C-T-G-G-C-G-G--G-G---T-G--C-T---T-T-----C--TT-G-A--C-----C--A-T-TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T-G--A-GA-----TA-G-G-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-G-T-GT--GG-A-G-GG-AT--C--A-A-A--TC-C-TA-AG--AT-A-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC--AA--C--C--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GT-C-C-----C-C--A-C-T-GA--CG-C-T-G--G-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	6	0	0	
	0	0	71	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_19041_14313 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-G-A-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--C-C--CA--G-T-C---T-G-G-A-G-G--T--C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0178	11	20	0	0	32	0	6	31	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	9	0	0	0	1	3	
	0	0	5	60	0	0	0	0	0	9	1	53	17	46	3	0	0	0	9	0	0	15	5	178	0	0	0	
	0	0	0	0	0	3	5	0	0	0	0	0	0	11	26	0	30	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	
	1	9	4	64	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	17	5	12	7	26	81	5	0	9	0	19		
	M02255_77_000000000-ADUT3																											

Otu0180	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	7	0	8	0	10	0	0	0	12	4	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	10	0	0	0	0	5	0
	0	0	0	5	1	1	2	2	3	4	0	1	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_26528_17478																													
G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G-G-C---T-AA--C-T-CT-----GT-G--C-C-AG-CA-----GC-C---GC-GG-TA-AT-----A-CA-G-A-G-G-----G-T-TG-T-C-A-----																													
---AG---C-G-T-T-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--CA-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----GG--A--ATT---T-																													
C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA-G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																													
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0181	215	0	0	0	227	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	1	0	0	5	5	0	0	
	0	0	45	1	0	27	0	464	308	45	74	26	0	113	198	116	1	26	0	52	0	0	8	41	194	0	0	0	0
	0	26	39	0	12	22	0	0	21	7	0	0	0	0	14	48	190	34	0	0	0	0	11	0	474	0	0	0	30
	0	48	0	4	0	96	0	0	0	0	2	0	0	144	0	48	28	43	0	39	0	0	0	0	0	0	0	39	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_7434_8208																													
T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T--AT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA-																													
---G-T-A-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----T-TA-G-A--C-----T-G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T-C---A-TG---GA-G-A-----G-G-T-C--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																													
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-G-A---CTG--G--AC-A-T-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																													
C-A-AA-----CA--GG																													
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(94);Sphingomonas(94);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);																													
Otu0182	0	0	0	0	4	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0
	0	3	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	27
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	1	0	0	0	1	1	39	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_5985_17887																													
T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A-C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C-G-C--GG-TA-----AT--A---CG-TA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-G-----G--T-TA-TCG-G-----																													
AA---G-A-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GT-G-A--C-----T-G-C--AT--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--C-GG---TA-G-A-----G-G-G-G---GA-T-----GG--A--ATT---C-C-G-																													
C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----A--T-C-C-C---CTG--G--AC-C-T-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																													
C-A-AA-----CA--GG																													
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Comamonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0183	0	11	355	0	0	0	161	10	225	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	4	0	0
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	189	0	49	0	39	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	49	50	0	0	0	0	0	0	0	318	716	0	0
	0	0	0	0	0	0	1	0	0	25	0	352	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	88	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_17769_19714																													
T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-GT-G-G-C-----																													
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--A-T-C---T-A-G-A-G-T-A--C-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																													
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																													
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);																													
Otu0184	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	47	0	0	0	0	0	82	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	17	0
	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_24662_14467																													
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----																													
-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T-AA-T-A--C-----T-G-G--CA--A-T-C---T-C-G-A-G-T-C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																													
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																													
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Phyllobacteriaceae(100);Mesorhizobium(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);																													

Otu0185	0	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	154	202	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_9624_21555 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-T-----AA- ---G-T-C-A-----A-G-G--T--TA--A-AA-GG--C-A-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-C-T-G-T--T-----C-G--G-C--C--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-A--TA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--A---T-AG----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-A-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-T--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);																											
Otu0186	897	0	0	0	0	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	136	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_11355_9377 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA- ---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-T---T-G--C-C--T--T-----T--AA-G-A--C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---G-CG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-C-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0187	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	23	0	32	0	0	0
	15	1	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	39	0	0	0	0	153	0	0	0	0	0	0	1	0	2394	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_18333_9839 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GT--A-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-GG----TA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---G-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0188	0	0	0	0	0	0	22	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	75	0	0	0	0	0	43	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	19	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_23919_3278 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-C-T-C-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-G--GT--G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG----GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-A-A-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0189	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	65	7	0	0	0
	0	0	2	0	0	0	0	0	7	30	0	0	0	149	432	0	162	6	0	0	0	0	37	14	0	0	0
	332	31	93	25	36	41	77	27	16	25	45	0	31	32	82	69	124	0	72	177	17	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	86	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_19376_15802 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-G-T-T--- -----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C--T--T-----C--AA-T-A--C-----T--G-G--CT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0190	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	340	16	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_23191_9858 C---GA---CT-AA-CTA-----TGT-G-C-----C-A-A-G---C-AG-T-CGC-GG-----TA-A-T-A-CA-TA-----G--G----TT-GC-AA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G-A-TT-A-A-T-----AA--G-T-C-T-----G-G-T-G--TT--A-AA-GG--C-A-AC-T-G-----CT-T-AA-----C-G-G-T-T-G-T-A-----T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-A-T-TA-G-T-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GG----TA-G-G-----G-A-G-T--TC-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-G-A-A-C---TTA-G--GC-C-A-----T-T--A-C-T-GA-CG-C-T-T-A-GG--C-T-TG-A-AA-G-T--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----TA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(98);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);																												
Otu0191	0	89	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	68	0	0	0	119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1039	0	0	0	0	0	0	0	0	
	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	13	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	6	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_11048_7963 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TC-T-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-G-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G-A-C---T-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-GG--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG-G-AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-T-T-G-A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																												
Otu0192	7	0	0	10	0	0	0	13	3	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0
	0	11	3	9	4	0	0	15	3	4	0	1	0	10	16	14	2	0	0	6	0	0	5	0	2	0	3	
	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	1	0	4	0	5	11	0	
	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	6	0	5	0	0	11	0	0	4	1	3	4	0	4	8	3	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_2603_15380AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GT-----GG-C---AA-GC-GT-TA-----G---G-C-G-G-----A--A-TT-A-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A-G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G-AA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG-G-TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G-A-TG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Staphylococcaceae(91);Staphylococcus(84);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);																												
Otu0193	0	0	117	29	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	
	0	0	0	1	0	0	39	0	0	32	0	0	0	199	48	0	0	0	0	19	0	0	14	12	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	0	0		
	579	15	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_18010_20262 T---AC---GT-AG-GGT-----ACG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TG-G-T-C-----AC---G-T-C-T-----G-C-T-G--TG--G-AA-AC--G-C-AA-C-G-----CT-T-AA-----C-G-T-T-G-C-G--C-G---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G-CT-G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G---TC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-G-A-C-T---CTG-G-GC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G-A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Brevibacteriaceae(100);Brevibacterium(100);unclassified(100);																												
Otu0194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	0	2	34	0	0	0	11	6	2	0	0	23	0	2	0	0	0	2	6	0	0	0	
	3	5	1	0	0	0	0	1	3	0	0	0	2	5	0	17	0	0	26	0	0	0	0	0	108	116	0	
	0	0	0	0	7	0	0	0	6	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_22005_15107 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-C---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---AT-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--A-T-C-T---CTG-G-GC-C-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GG--A-G-CG-A-AA-G-G---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Microbacteriaceae(100);unclassified(81);unclassified(81);																												

Otu0195	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	2	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	51	0	0	0	
	0	0	0	85	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_22087_11579 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-G-G-T-----																											
	-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----T-AA-G-A--C-----T-G-C--CG--A-G-C---T-A-G-T-A-G--G--T-GA----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A--ATT----																											
	C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG--G--CT-C-A-----T-T--C-T-A-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																											
Otu0196	0	0	72	0	0	0	127	73	363	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	95	0	0	0	0	0	237	0	0	107	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	6	0	0	5	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	102	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_13768_17099 A---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-G-C-----																											
	-----AA---G-T-T-G-----G-A-A--G-TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-A-A-T---T-G--C-T---T-T-----C-AA-A-A--C-----T-G-C--TG--G-C-C---T-T-G-A-G-T-A--G-TG---CA-G-A-----G-G-T-A--GG-T-----GG-A--ATT---C-																											
	C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--G-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-C-T-A---CTG--G--GC-A-C-----C-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-																											
	T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Subdoligranulum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42
	0	0	0	0	0	0	0	162	0	0	0	59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	
	30	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_16988_15998 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----																											
	-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-C-----T-CA-T-A--C-----T-G-G--CG--A-T-C---T-C-G-A-G-T-T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A--ATT---C-																											
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG--G--GC-A-C-----A-C--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Phyllobacteriaceae(61);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);																											
Otu0198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	2	0
	2	0	1	0	0	0	2	1	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0														

Otu0200 2 0 0 0
0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 1 0 4 6 0 0 18 23
19 3 14 0 5 0 0 1 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_19861_6338 TC---GC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C--T--AACT-CTG-TG-----CC-AG-C-A-GCC-GC-----GG--T----AA-TA-CA-GA-----G-GG-T-G-C-G-----A--G-CA-G-T-T-----
GA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--TT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T----AG--A--ATT---C-C-A-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);

Otu0201 0 0 74 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 37 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 7 0 12 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 1034 30 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_20610_12237 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C--T--T-----T--AA-G-A--C-----T--G-C--AG--A-G-C---T-A-G-C-A-G--G---T-GA----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--CT-C-A-----T-A--C-T-G--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(88);Sphingomonas(87);unclassified(87);unclassified(87);unclassified(87);

Otu0202 82 0 0 34 0 26 22 0 0 0 0 0 0 0 1 4 0 0 0 24 7 46 10 14 0 0 38 27 47
53 483 280 384 153 169 125 178 253 219 158 189 89 208 148 621 56 53 13 297 603 0 4 115 15 4 0 55 393
0 0 0 0 0 0 3 0 1 0 0 0 3 2 9 6 100 22 0 0 55 0 0 0 4 0 0 21 1
16 0 238 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 24 0 0 0 0 0 0 0 26 0 3 1 147 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_14068_17113 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----
-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-GA--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-G-T--T-C---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0203 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 2 1 0 0 0 4 0 15
0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 52 1 30 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 8 34 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 69 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_10790_19901 T---AC---GT-AG-GGA-----CCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GT-G-G-T-----
-----AA---G-T-C-A-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-A-G-A-A--C-G---G-C--C-A--A--G-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TG--T-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----AA-G-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-
T-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--A--G--GT-GAA-G--A-C--G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0204 0 0 0 0 0 22 15 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 3 0 0 0 23 0 0 57 3 0 0 72 70 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 34 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 122 131 4 0 105 0 0 0 0 0 0 0 0 70
14 117 0 6 49 0 0 0 0 17 0 0 9 49 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 8 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_15299_16050 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-A-C-G-----G--C-AA-T-G-C-----
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GG--C-G-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-A--A-C---T-G--C-T--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Johnsonella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0205 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 11 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 17 0 1 4 6
0
0 4 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_29199_9415 T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-G-----TT-----G-G--C-----G-G-C-----C-C--T-G-T-----AA---G-T-C-
A-----G-C-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-A-A-T---G-G--C-C--G--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AG--G-G-C---T-T-G-A-A-T--T--A-GT----AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A--ATA---T-G-T-A-GT--GT-A-
G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTA--C--TA-C-T-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----
CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0206 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 6 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_13319_8982 T---AC---CG-AC-AGA-----ATA-A-G-----C---A--C-CG-G-CTA-AC-----TC-T--G-T--GC-CA-----GC--AG---CC-GC-GG-TA-----A-TACA-G-A-G-----G--G-TT-G-C-A-----
AG---C-G-T-T-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T--C-----C-AA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0207 0 559 700 0 0 0 1520 464 2854 0 0 0 0 0 0 1 2 0 0 0 18 0 0 4 0 0 0 0
0 0 7 52 0 0 0 0 0 0 91 599 0 0 0 111 25 0 0 0 0 0 17 0 8 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 41 25 46 91 0 0 0 0 0 89 0 0 0 330
0 1 0 15 0 0 30 0 0 0 0 141 0 1 0 38 79 0 0 0 0 11 20 1111 1 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_20883_14129 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-A-A-C---T-G--C-A--T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G--A-AG---TA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-
C-C-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0208 0 2 0 0 0 4 0 15
0 0 0 0 0 0 0 0 0 17 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 101 0 0 57 0 0 0 54 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 96 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_9865_16668 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----AA-
---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-C---T-G--C-C---T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--A-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---G--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);Devosia(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);

Otu0209 0 415 0 0 0 24 204 32 476 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 4 0 4 8 1 0 0 0 0
0 930 25 141 0 0 0 0 0 0 0 320 1 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 8 0 1 0 8 1 0 83 0 0 0 0 0 0 0 0 0
16 0 0 15 0 0 11 0 0 0 0 58 3 36 0 0 0 0 0 0 0 0 0 12 166 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_10458_13871 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AC-G-G-C-----
-----AA---G-C-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----T--GG-A-A--C-----T--G-C--TG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);

Otu0210	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	30	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_10609_14909	T----	AC--GA-	AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CA-G-T-T-----TA---	G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T-G-G--CT--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G--TG-T-----GG-A--ACT---C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-A-C-A--CTG--G--CC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(78);unclassified(78);unclassified(78);unclassified(78);																					
Otu0211	0	0	0	150	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	
	65	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	121	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	8	0	0	820	0	0	0	0	4	0	0	0	0	
	0	0	0	54	0	0	0	7	0	0	0	0	28	0	42	0	64	0	0	0	0	26	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_11060_14599	T----	AC--GG-	AG-GGG-----GTT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TC-G-C-A-----AA---	G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----C--AA-G-A--C-----T--C-G--CG--G-T-C---T-G-G-A-G-T-T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG-A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-A--CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-CG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0212	0	241	112	0	0	0	50	2	451	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	72	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_22816_9870	T----	AC--GT-	AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G---CCG-----G--G-AA-G-G-C-----AA---	G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-A-CG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-G-T-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--A-C--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-CG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-T-G--CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-G-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	
	0	0	16	0	0	0	19	0	44	0	12	0	0	0	2	0	16	0	0	0	0	5	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	9	0	25	5	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	467	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_5846_7650	T----	AC--GT-	AG-GGC-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----AC---	G-T-C-G-----G-T-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G-T-C---T-G--C-A--G-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-T--C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AT-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A																						

Otu0215	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	19	0	0	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_24099_19451 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T-A-C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C-GG-TA-----AT-A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T-T-AA-TCG-G-----AA---G-A-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T-C-----A--GT-G-A--C-----T-G-C--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-T-G--C-GG----CA-G-A-----G-G-G-G--GA-T-----GG--A--ATT---C-C-G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAAG--G-C-A-----A-T-C-C-C--CTG--G--GC-C-T-----G-C--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Comamonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0216	0	0	0	0	0	132	17	307	39	76	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	18	4	0	0	0
	0	0	655	370	658	1013	1002	82	91	0	87	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	86	115	81	0	0	0	0	0	0	145	7	0	8	0	0	13	117	28	268	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_9629_8915 G---AC--GT-AG-GAT-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GT-TC-----G-T-T-----AA---G-T-T-T-----G-A-T-G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--A-C---A-G--C-A--T-T-----G--AA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-C-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GTA-G-G-C-G-----A-C-T-A-G--CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G-A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C--C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----AG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0217	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0
	0	0	0	25	0	0	1	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	39	0	0	1	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_21048_13264 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T-A-C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C-GG-TA-----AT-A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T-TAATC-G-G-A-----AA---G-A-A-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--TT-A-A--C-----T--A-C--CG--A-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT---CA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-C-C-C--CTG--G--GA-T-A-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Alcaligenaceae(100);Alcaligenes(57);unclassified(57);unclassified(57);unclassified(57);																											
Otu0218	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	18	0	5	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	148	0	0	
	0	117	0	0	126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_10156_14895 T---AC--GT-AT-GTC-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----AT-A---AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-CG-G-G-T-----AA---G-T-C-C-----G-G-G-G--TG--A-AA-AC--T-G-CT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-G-C-A-G--C-C---T-G--C-C---T-T-----G--GA-A-A--																											

Otu0220	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	9	0
	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	130	0	1	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_27852_12092 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-----G-----G--C-TT-G-G-C-----																												
---AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-CC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G--A-----C-G-CC-A--C-T-----C--GA-T-A--C-----T-G-C--TA-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-C---CA-C-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-G-G-T---CTG--G--GC-C-G-----G-C--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);																												
Otu0221	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	1	0	0
	1	0	0	0	0	0	37	33	0	9	2	0	0	0	0	12	73	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	37	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	51	11	19	0	141	18	0	0	0	0	54	0	640	0	176
	0	44	122	369	337	0	17	0	0	0	0	26	0	118	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_5520_10047 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-T-C-G-T-C-----GC-																												
---G-T-C-C-----G-G-T--G--TG--A-AA-GT--C-C-AT-C-G----CT-T-AA-----C-G-G-T-G-G-A--T-C---C-G--C-G--C-C-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																												
GT--GT-A-A-CG-GT--G---G--A-A---TG-T-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Bifidobacteriales(100);Bifidobacteriaceae(100);Bifidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0222	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	84	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_12435_10329 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GG-C-C-A---																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G--T-T-----T--GA-T-A--C-----T-T-G-GT-T-G-C---T-T-G-A-G-T--G--G-GG---AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0223	0	0	0	0	15	32	2	0	0	22	48	0	0	11	11	0	0	0	0	0	0	0	84	0	200	133	2	15
	0	2	0	0	0	0	0	17	11	0	0	0	63	0	1	14	59	3	7	14	7	0	12	0	0	1	0	5
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	22	19	0	0	0	0
	38																											

Otu0225	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	6
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0
	0	27	4	0	0	0	0	0	4	0	0	0	6	0	0	10	16	3	0	0	0	0	0	28	0	0	0	21
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_11485_8143 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA--																												
---G-T-G-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--CA-T-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT----C-C-T-A-																												
GT--GT-A-G-AG-GT--G---G--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);																												
Otu0226	0	209	0	0	0	0	0	0	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	18	0	0	3	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_25636_14286 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TA-A-G-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-A--G-TG--A-AA-GG--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-TG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT----C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0227	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	53	0	8	2	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_17678_6995 C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-T-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A-----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA--																												
--G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-C-G-C--A-G---T-G--C-C---C-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A-TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--A--C-AC-----TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG---T-G-A-C-																												
AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A---CTA--T--GG-T-G-----T-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);Pedobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0228	0	14	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	17	0
	0	0	0	0	0	8	0	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_22027_15100 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AT--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A--C-G---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT----C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0229	51	247	330	0	0	0	351	109	210	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	7	0
	4	0	0	0	0	8	0	0	7	0	37	184	0	0	47	0	3	0	0	0	0	0	1	4	0	0	1	
	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	4	0	0	1	9	3	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28
	0	0	0	13	0	0	0	0	0	35	0	82	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	4	252	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_15986_15272 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-GT-G-G-C-----																												
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-T-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--CA--T-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG-----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT----																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0230	7	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
	0	6	0	1	3	0	0	0	0	11	0	0	1	2	12	8	0	0	0	0	6	2	0	0	0	0	1
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	2	0	0	0	0	0	2	0	4	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_22738_22937																											
.....AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA---GC-G-----T-TA-T-C-C-G-----G--T-TT-A-T-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AT-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Staphylococcaceae(100);Staphylococcus(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);																											
Otu0231	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	49	
	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_12140_13977																											
T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-GC-A-G-C---																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-T-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A--C-CG-----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);																											
Otu0232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	6	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	19	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	29	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_18309_12961																											
C---GG--CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--G-----TG-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-CC-G-A-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AT-A-G-----CT-T-AA-----C-T-A-T-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A--A-AT-----TA-G-A-----G-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATA---A-																											
G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CCA--T--GA-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																											
AG-C-G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);																											
Otu0233	0	0	0	11	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	0	4	5	0	5	0	0	1	4	0	0	0	3	6	1	0	0	0	0	4	0	0	0	1	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	3	
	0	0	4	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	2	11	11	3	0	0	0	0	8	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_25801_13176																											
A---AG---CC-AC-G-G-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-TA-GG-TG-----G-CA-A-G-C-G-----T--TGTC-C-G-G-----																											
-----AT---G-T-A-T-----T-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
T--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);																											
Otu0234	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	111	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_11073_5526																											
T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-TA-T-T-T-----AA-																											
---G-T-G-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-T-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-T--G-C---T-G--C-A--T--T-----C--CA-A-A--C-----T--G-G--AT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----AG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);Clostridium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0235	0	0	0	0	2	0	0	18	7	26	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	11	0	0	0	0		
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	11	1	0	0	0	0	0	17	22	15	
	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_27753_10806																												
T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
-----GC---G-T-C-G-----T-T-T--G--TG--T-AA-TA--C-C-GC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-C-G-G-G--G-T---T-G--C-A--G-G-----C--GA-T-A--C-----G-G-G--CAT-A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-TG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																												
T--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Corynebacteriaceae(100);Corynebacterium(100);unclassified(100);																												
Otu0236	0	123	174	0	0	0	254	104	446	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	
	0	1	4	4	0	0	0	0	5	42	24	0	0	0	0	0	112	0	0	66	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	773	0	0	
	24	0	0	0	0	62	4	0	0	0	120	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	74	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_19776_12429																												
T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AG-T-G-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-G-C---T-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-C--TC--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--C-AG---GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);																												
Otu0237	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	37	0	90	0	0	95	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_14897_20585																												
T---AC---GA-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-T-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G---C-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-A-TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T-G---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--CC-C-G-----T-A--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0238	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	
	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	101	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_13777_20000																												
T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TG-T-G-T-----																												
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-A-T--GC--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);																												
Otu0239	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	49	0	0	0	0	0	1	5	0	13	0	5	0	0	0	196	0	0	0	4	1	0	0	0	
	0	0	2	0	5	0	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	1	23	0	0	65	0	18	
	0	9	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_29208_15845																												
C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--G---TG-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-CT-T-A-T-----																												
-----TA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GT-C-G-----CT-T-AA-----C-G-A-T-A-G-A--A-C---T-G--C-C---A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T--AA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-AT---TT-G-A-----G-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATA---A-G-																												
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CCA--A-GA-T-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Cloacibacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0240	0	0	80	0	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	0	4	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	26	102	0	25	0	22	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	16	0	0	0	0	0	4	0	0	34	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_21872_12643 T---AC---GG-GG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T--T-AC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-AC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-A-T-C-----AA---G-T-C-T-----T-T-T-G--TG--A-AA-TC--T-A-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-C-T-A-A-A-C---T-G-C-T--T-A-----G-GA-A-A--C-----T-G-A-TA-G-T-C---T-A-G-A-G-T-A--G-GG----GA-G-A-----G-G-T-A--GA-T----GG-A-ATT---C-T-T-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A--A-A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-A-G-A-A-G-A-AT-A-CC--CA--T-T-GC-GAA-A-G-C-G-----A-T-C-T-G---CTG--G-AA-C-C-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-TG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Campylobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0241	0	0	0	37	0	0	46	0	21	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	111	0	0	0	32	44	0	12	0	0	52	28	0	140	125	0	0	0	0	0	6	0	0	6	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	
	0	0	0	10	122	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	56	121	42	0	0	13	0	144		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_8004_13852 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-A-T--T-AT-C-CGG-AG-----TG-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-A-T-----AA---G-T-G-A-----A-T-A-G--TG--A-AA-CC--T-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-TAC-A-G-A-C---T-A-T-T--A-T-----T-CA-A-A--C-----T-G-T-TA-A-A-C---T-C-G-A-G-A-G--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG-A-ATT---T-C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G--A-A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT-A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T-G-GC-GTA-G-G-C-A-----G-G-T-T-A--CTG--G-AC-C-A-----T-T--T-C-T-GA--CG-C-T-A-A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-AG-C-G-AA-----CT--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0242	0	0	0	4	0	11	0	0	0	9	12	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	25	0	36	35	0	4
	0	0	0	0	1	0	0	0	6	0	0	1	0	22	0	0	5	5	0	0	5	0	0	1	0	0	0	8
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	1	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_13394_2931 G---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T-C--C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C-G-C-GG-TA-----AT-A---CG-GA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-T-----G--T-T-A-A-T-----C---G-G-A-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---A-G--C-A--T-T-----T-TG-A-A--C-----T-G-G-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A-ATT---T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC-T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-C-C--CTG--G-AC-A-A-----A-G--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0243	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1	0	3	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
	0	1	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_6049_4268 G---TG---CC-AG-CAG-----																												

[illegible]

Otu0250	0	0	30	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	44	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	19	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	20	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_9660_6144 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GG-A-G-C-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G-A-C---G-G--C-T---T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-C--CC--T-G-C---T-T-G-A-T-T--T---C-AG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----A-C---A-A-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Coprococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0251	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	1	1	1	0	4	11	5	0	5	0	0	0	0	0
	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	4	0	0	1	1	0	2	3	18	0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	11	2	0	0	5	0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_8081_8931 T---AC---AG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AA-T-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CA-A-T-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----A-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A---T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--TT-G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA-T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T--CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0252	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_12439_14042 T---AC---GT-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																											
----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G--T-T---T-G--C-A--G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-T--CTG--G--GC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Micrococcaceae(100);unclassified(53);unclassified(53);																											
Otu0253	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
	0	0	0	0	0	0	48	122	0	0	0	0	0	115	47	0	0	0	0	0	0	0	4	3	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	45		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_4042_13523 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-T-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---G-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GT-G-T-C---T-T-G-A-G-T-T---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---G-C-G-A-																											
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--TC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0254	0	0	0	21	0	0	50	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0
	0	0	42	0	0	41	41	0	0	0	0	0	0	74	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	38	6	0	0	41	0	0	0	0	0	101	0	0	0
	57	0	0	0	50	0	3	0	0	1	0	0	33	0	0	0	0	0	0	283	0	0	0	34	0	823	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_23321_11471 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GG-AC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-A-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-T-AT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-A--A-C---T-G--C-T---T-G-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G--A-GG-----GA-G-A-----G-G-C-A--GA-T-----GG--A--ATT---G-																											
G-T-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A--TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-C--C-A-G-G-A-AT-A-CC---CA--T--T--GC-GAA-G--G-C--G-----A--T-C-T-G--CTG--G--AA-C-T-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-TG--C-G-TG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Campylobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

Otu0260	0	0	0	14	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0
	0	0	2	0	0	0	0	0	0	9	0	2	0	79	0	29	0	0	0	0	7	0	0	0	3	0	0	0
	34	0	0	0	0	2	0	0	0	3	0	4	13	13	23	0	0	0	0	0	0	1	0	6	0	0	12	0
	271	0	0	0	0	21	3	0	0	0	6	76	0	0	0	17	19	13	0	0	0	0	0	10	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_23954_5823AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TT-C-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-A-A-G-A--A-G---T-G-C-A--T-C-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-C--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Lactobacillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0261	753	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	92	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	1	0	0	4	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	81	0	1	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	19	21	0	0	20	2	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_28569_13911AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G--G-----A--T-CT-T-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-A-G-T-A-G---T-G-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A-G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(51);unclassified;unclassified;unclassified;unclassified;unclassified;																												

Otu0262	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	2	0	0	0	0	30	30	2	0	0	0	0	0	230	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	3	5	0	0	0	0	23	207	69	1	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_9629_13218 G---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-T-T-C-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-A-A-G-A-A-A---T-G-C-A--C-T-----C--GG-T-A--C-----T-G-G--AT--G-A-C---T-A-G-A-G-G-A--C-CG-----GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--AC-G-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);wr0007(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0263	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	6	0	41	0	54	1	0	17	0	52	0	0	2	7	0	0	26	17	0	2	0	12	0	104	3
	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	7	0	0	0	42	267	16	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_22746_10224 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-G-----T-G-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-G-G--C-T---T-G-C-A--G-G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-TG---CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Nocardiaceae(99);Rhodococcus(99);unclassified(99);																												

Otu0264	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0
	0	6	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	5	0	0	0	1	0	5	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	31	5
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_7771_7549 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C-----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-A--GA-GG-----GT-----GC-GA-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--C-TT-T-T-T-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T---T-G-C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T-G-G--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG---GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0265	121	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	16	0	1	0	2
17	30	127	0	52	21	44	11	10	23	0	46	54	0	192	17	0	0	0	57	117	132	0	27	27	1	0	0	114
0	19	3	0	0	0	0	0	0	0	0	10	2	0	243	141	28	19	0	60	40	3	8	0	14	0	0	16	0
7	0	12	7	162	0	11	3	0	16	0	0	0	14	0	21	0	167	0	10	0	0	56	1	8	0	15		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_22157_12134																												
.....AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G--G-----A--T-CT-T-T-T-----																												
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-TC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-A-G-G-A--A-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--GA-G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																												
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);																												
Otu0266	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	102	132	0	0	0	0	0	0	0	102	0	0	0	0	0
0	0	103	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_8175_14299																												
T---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-T-A-T-----																												
AA---G-T-G-A-----A-T-A--G--TG--A-AA-TC--T-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-ACA-G--G-C---T-A--T-T---A--T-----T--CA-A-A---C-----T--G-T--AC--A-A-C---T-C-G-A-G-A--G---T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-C--AC-T-----GG--A--ATT---T-C-T-																												
T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-G-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0267	0	0	0	0	0	0	0	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	
0	0	0	0	0	0	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
36	0	173	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	0	0	0	0	167	0	0	16	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_18220_15969																												
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CG-A-T-C---																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A--TG--G-T-C---T-C-G-A-G-A--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ACT---																												
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0268	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	12	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	47	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	32	516	35	30	0	3	0	0	5	63	0	0	0	0	12	0	0	358	75	0	0	0	0	0	0	0	13	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_28631_13003																												
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-A-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A--TG--G-T-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ACT---G-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-A---CTG--G--TC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);unclassified(94);																												
Otu0269	0	0	0	0	234	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_22211_10961																												
T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-T-----G-G-A--G--TG--A-AA-GT--C-C-TG-C-T-----TT-C-AA-----G-G-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T--T-----G--GA-T-A---C-----T--G-G--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(71);uncultured(71);unclassified(71);unclassified(71);unclassified(71);																												

Otu0270	0	98	105	6	0	0	124	5	294	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0
	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	68	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	57	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_26377_14763										T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GG-----AG--G-----AT-CC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--ATTT-A-T-T-----																	
-----AA---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-A--A-T---T-G--C-A--G--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A--C-AG---TA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-																											
G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--																											
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Bacteroidaceae(100);Bacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0271	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	49	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_15415_3015										G---AC---AG-AG-GCC-----ACG-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A---AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-T-T-----																	
AA---G-T-GCC-----C-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--A-C---G-G--C-C--G--G-----G--CA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-T-C---T-T-G-A-G-C--G---A-TC---CA-G-G-----G-G-T-C---AT-C-----GG--A--ACA---A-A-																											
C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---GA--C--G--GT-GAA-A--A-C-A-----G--A-T-G-A---CTG--G--GG-A-T-----C-C---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);unclassified(80);unclassified(80);unclassified(80);unclassified(80);unclassified(80);unclassified(80);unclassified(80);																											
Otu0272	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	73	0	0	0	0	31
	0	0	47	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_21912_12979										T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GA-T-T-T-----																	
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-G-A--C-----T--G-G--AT--T-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG---GA-G-A-----G-G-C-G---GG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-G---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);unclassified(58);unclassified(58);unclassified(58);unclassified(58);																											
Otu0273	0	0	0	0	0	0	25	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0
	1	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	30		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_10888_10766										T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-GC-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A---TG-CG-AG-CG-----T-TA-T-T-C-G-----G--A-CTCA-T-T-----																	
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GG--T-T-TC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-A-G-A-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--TA--G-T-C---T-T-G-A-A-T--A--T-CT---GT-G-A-----A-G-T-T---CT-T-----GG--A--ATG---T-																											
G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-G-G-A---CTA--A--CA-G-A-----C-A---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Capnocytophaga(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0274	0	40	49	128	0	0	549	25	191	0	0	0	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	39	0	22	0	0	0	0	130	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	63	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	9	212	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_24464_2591										T---AC---GT-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-T-T-C-----AA-																	
---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GG--C-T-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T--A-----A-G--C-T---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--T--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Incertae_Sedis(96);unclassified(96);unclassified(96);unclassified(96);																											

Otu0275 155 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 24 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 69 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_5590_9779 T---AC---GA-AG-GGG-----ACT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AA-G-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GA----TA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-A---CTG--G--AT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);Hyphomicrobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0276 0 4 0 0 0 3 0 0
0 0 0 0 0 0 0 27 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 26 21 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 13 0 0 20 0 0 0 4 0 0 0 0 1 0 0
0 0 0 0 46 0 0 0 0 0 0 0 4 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_7993_15723 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-C-T-----AA-
---G-T-T-T-----G-G-T--G-TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C-C-----G-AA-G-A--C-----T--G-G-AA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--C--G--GT-GTA-G--A-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0277 0 2
0
0 0 11 0 0 10 9 0 0 1 13 0 0 1 0 0 0 0 27 0 0 0 0 0 0 0 0 0
33 0 0 23 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_14772_17958 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-T-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G-GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-GG----AA-G-A-----G-G-T-C---AG-T-----GG--A--ATT---G-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-A---CTG--G--TC-C-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0278 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 1 0
0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_24070_4723 C---TG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G---T--AA-TACAG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T----AA-TC-G--GA-----A-TT-A-C-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA--
---G-T-T-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--C-----C-AA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Pseudomonadaceae(100);Pseudomonas(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);

Otu0279 0 0 81 0
0 114 0 0 0 0 0 0 0
0 25 0
0 28 22 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_16266_18366 T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AG-A-G-C-----
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-T--A-G---T-G--C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TC--G-G-C---T-C-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-G-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT---
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Shuttleworthia(68);unclassified(68);unclassified(68);unclassified(68);

Otu0280	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	64	0	0	0	0	0	0	0	130	
	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	86	51	0	0	0	5	41	0	0	112	0	0	0	0	
	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_29238_16133																												
T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-A-T---T-AT-C-CGG-AG-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-A-A-T-----																												
-----AA---G-T-G-A-----A-T-A-G--TG--A-AA-CC--T-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-ACA-G-A-C---T-A-T-T---A-T-----T-CA-A-A---C-----T-G-T-TA--A-A-C---T-C-G-A-G-A--A--T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ATT---T-																												
C-T-T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A-A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA-T-G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTG--G--GC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-G-AA-----CC--GG																												
Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	
	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	1	0	0	0	0	0	29	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_12123_12775																												
G---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GA-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TA-T-C-C-----																												
-----AA---G-T-T-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-T-TG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-A-A-G-A-A-A---T-G--C-A---T-T-----C-AG-G-A---C-----T-G-G-AT--G-A-C---T-A-G-A-G-G-A--C-CG-----GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-C-A-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TA-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--AC-G-G-----T-T---T-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GA--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);wr0007(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0282	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_12649_13205																												
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A---C-----T-G-G-GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---G-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(59);unclassified(59);unclassified(59);unclassified(59);unclassified(59);																												
Otu0283	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	21	34	0	24	0	0	0	0	1	84	0	0	0	0	13	0	25	16	
	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_20844_16689																												
T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
-----GC---G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-T-G-G-G--C-G---T-G--C-G---G-T-----G--GG-T-A---C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--																												
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Dermatophilaceae(82);unclassified(82);unclassified(82);																												
Otu0284	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	4	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_26731_17477																												
T---A---AG-CA-CCG-----GCT-A-A-----C-----T---C--TG-T-GCC-AG-----CA-G--C-C--GC-GG-----TA-A-----TA-CA-GA-GG-----G-T--G-C-A-A-----G--C--G-T---T-----																												
-AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T-C-----T-GA-A-A---C-----T-G-T--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GT-----GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-																												
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(73);Moraxellaceae(73);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);																												

Otu0285	0	109	0	0	0	0	24	0	173	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	466	0	0	23
	0	0	0	0	0	0	0	0	56	4	71	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	10		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_21530_19483 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-A-C-G-----G--C-AC-T-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT----																											
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-C--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0286	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_14616_14346 T---AC---GT-AT-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-A-T-----																											
-----AA---G-T-C-C-----T-A-A--T--TA--A-AA-GG--C-T-AT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-T--A---T-G--G-T---T--A-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--TG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--A--G-AT----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----A--C-T-T-T---CTG--G--AA-T-C-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Helcococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0287	123	0	0	99	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	51	32
	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	44	0	0	0	0	18	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_22050_14795 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--AA-G-A--C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---G-TG----GA-G-A-----G-G-T-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-A---CTG--G--AC-A-C-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0288	324	0	0	0	0	0	145	4	0	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8
	0	1	0	0	162	0	0	0	0	17	0	0	0	63	31	1	92	0	54	1	0	0	0	0	0	0	0
	0	62	0	0	0	0	9	0	1	0	0	0	0	303	381	0	0	0	0	0	7	0	97	0	0	9	157
	0	68	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	38														

Otu0290	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	6	0	1
	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	18	0	0	0	0	0	
	9	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_13257_9642 T---AA---CT-AC-GT-----GCC-A-G---C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-AT-----GG-C---AA-GC-G-TT-----G-TC-C-G--G-----A-T-TC-T-T-T-----AA-----G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GA--C-C-CC-A-G---CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A-A-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);Carnobacterium(71);unclassified(71);unclassified(71);unclassified(71);																												
Otu0291	0	0	0	0	0	0	87	71	201	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	16	0	0	0	0	0	0	
	0	3	0	0	0	0	0	0	36	2	141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_13440_15137 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G---C-G--T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-CA-G-C-C-G-----G--G-TC-T-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-A-TG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T--AG--A-T-C---T-T-G-A-G-T-G---T-CG---GA-G-G-----G-G-C-A--AT-C---GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--A-T-T-G---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-G-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-T--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0292	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	25	65	7	29	62	24	143	21	10	16	65	27	7	4	0	0	130	0	314	266	92	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_21701_7058 G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G---C-G--T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--A-G---T-G--C-A--T-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-G--CA--G-A-C---T-G-G-A-G-T-G---T-GG---TA-G-A-----G-G-T-T--AG-T----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GTA-G-G-C-G-----A-C-T-A-A---CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C--C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----TG--GG																												
Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0293	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	162	0	0	0	0	0	82	0	0	0	0	70	0	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	
	0	88	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	35	0	36	0	109	137	0	0	8	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	101	0	15	13	0	11	5	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_211																												

[illegible]

Otu0300	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_16850_12127 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-T-T-----																												
----AA---G-T-A-G-----A-A-A-G-TG-A-AA-GG--T-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-A-C--A-C---T-G--C-T---T-C-----C-TA-T-A---C-----T-G-G--GG--G-T-C---T-T-G-A-G-T-T---T-CG----GA-G-G-----G-G-G-A---AG-C-----GG-A--ACG---A-																												
C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TG--T-G--T-C-G-G-A-AC-A-CC---AA-T-G--GC-GAA-A-G-C-A-----G--C-T-T-C---CTG--G--AC-G-A-----A-T---A-C-T--GA-CG-C-T-C--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AA--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0301	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	73	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	418	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_9154_19407 C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-C-G-T-----AA-																												
---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G-A-----C-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A---C-----T-G-C--GA-TG-A-C---T-A-G-A-G-T-C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---TG-T-----GG-A--ATT---C-C-T-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA-C-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-A---A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																												
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(86);unclassified(86);unclassified(86);																												
Otu0302	0	168	120	0	0	8	327	36	432	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0
0	0	0	55	0	0	0	0	19	0	0	179	33	0	24	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0
0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	13	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	23	7	0	0	29	0	54	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	14	8	184	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_10443_14249 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-TT-A-G-C-----																												
----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-T-G-G-A-C---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A---C-----T-G-C--CA-G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT---																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(93);unclassified(93);unclassified(93);unclassified(93);																												
Otu0303	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	1	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	48	0	0	0	29	2	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_16218_10891 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-T-G-C-----																												
-----CA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-C-----T--GA-T-A---C-----A--G-C--AC--G-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);unclassified(62);unclassified(62);unclassified(62);unclassified(62);																												
Otu0304	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	4
0	0	0	5	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	8	0	0	5	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
140	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	4	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_24722_9350 T----AA---AT-AC-GTG-----CC--A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AT-GT-----CC--C----GA-GC-GT-TA-----T-CC-G----G-----A--T-TT-A-T-T-----AA----																												
G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-A---G-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----TA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT-																												
-GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--AG-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Leuconostocaceae(100);Leuconostoc(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0305	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_23645_24647 C---CG---GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GA-----AG--G-----GT-GC-AA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G--A-TC-A-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-GA-A-G-----CT-C-AA-----C-T-T-C-G-A-A--A-C---T-G--C-G---T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TA--G-T-C---T-A-G-A-A-T--G---T-CG-----GA-G-G-----G-G-G-C--AG-G-----GG--A--ATT---T-																											
C-A-C-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----C--C-T-G-C--CTG--G--AC-G-A-----C-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Bdellovibrionales(100);Bacteriovoraceae(100);Peredibacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0306	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	4	2	0	0	0	0	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	2	15	0	0	0	0	0	0	0	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_19704_2920 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GTG-C-----AA-GC-GT-TA-----A-TC-G-GAATT-----A--C-TT-G-A-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T-TA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--A--G-GT---GA-G-A-----G-G-G-A--AG-T-----AG--A--ATT---T-C-A-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-C--CTG--G--CA-T-C-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);																											
Otu0307	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	54	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	45	0	0	0	17	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_7651_10536 G---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GA-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TG-T-C-G-----																											
TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-T-TG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-A-A-G-A--A-A---T-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GC--A-G-C---T-A-G-A-G-G--A--C-CG---GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T--CTG--G--AC-G-G-----T-T---T-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GA--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);wr0007(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0308	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	173
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_9047_8011 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-C-----AA-																											
---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-T-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G--C-----G-G-CC-A--C--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--CA-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-C--CA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-G-G-T--CTG--G--GC-C-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(73);Acidimicrobiales(73);Acidimicrobineae(73);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);																											
Otu0309	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	61	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_8050_6830 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-T-T-C-----																											
AA---G-T-C-G-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-T--TT--G-G-C---T-A-G-A-G-A--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---G-C-																											
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);unclassified(89);																											

Otu0310	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	8
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_9764_15253 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-G-G-T-----CA- ---G-T-T-A-----G-A-G-G-TG-A-AA-TC--C-C-GA-A-G---CT-C-AA-----C-T-T-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T-AA-T-A--C-----T-G-C-CA-A-T-C---T-A-G-A-G-T-C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A-ACT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-AG-GT-G---G--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G-TC-C-G-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0311	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	2	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	6
	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	4	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_19734_3075CG---GT-AT-CTT-----ACC-A-G-----A-A-A--G--GG-A-CGG--C-----TA-A-C-T--AC-GT-----G--C---CA-GC-AG-CC-----G-CG-G-T-A-A-----T-A-CG-T-A-G-----GT--- C-C-C-G-----A-G-C--G--TT--ATCC-GG--A-T-GT-G-G---CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T-A-----C-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AA---GA-G-G-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A-ATT---C-C-A-T-GT-- GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG-G-CT-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A- AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0312	0	89	0	0	0	0	64	89	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	22	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_7010_16507 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-GA-G-G-C----- AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G---CT-C-A-----A-C-C-CCG-T-G-A-C---T-G-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-TT--T-G-C---T-T-G-A-G-T-G--C-CG---GA-G-A-----GGT-A--AG-C-----GG--A-ATT---C-C-T- A-GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG-G--AC-G-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G-A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);																												
Otu0313	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
	0	28	0	10	0	0	0	0	0	4	0	1	0	0	76	30	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000																												

Otu0315	0	0	0	0	0	0	27	0	94	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	9		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_16119_16504 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-C-AC-A-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--TG--G-G-C---T-G-G-A-G-T--G---C-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(66);unclassified(66);unclassified(66);unclassified(66);unclassified(66);																												
Otu0316	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	1	0	6	0	0	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	12	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_5786_19038 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C--A-G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GA-----TC--C-----AA-GC-GT--T-----A-TC-C-G-G-A-----A--T-CA-G-A-T-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G-----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-C--A--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T--CT--G-A-C---T-T-G-A-A-T--T--A-TT-----AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A--ATA---T-G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A--CTA--C--TA-A-T-----A-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0317	0	199	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	61	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	70	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17804_19278 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C--G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-AG-G-C-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-T--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--TC--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG-----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Roseburia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0318	0	0	0	92	0	114	24	107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	119	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	14	0	
	0	0	0	14	0	0	0	0	10	0	0	1	0	0	0	29	0	55	0	0	16	0	0	0	0	187		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_23285_18090 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-C---A-----G-----A---G-T-C-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--GC--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A---T-CG-----GA-G-G-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-G-A-----A-A---A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Moryella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0319	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	32	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	235	1	
	0	17	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	47	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_25329_3851 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-G-TTT-----A---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--CT--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--TG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-A-T-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);unclassified(84);																												

Otu0320	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_22063_14190														T---AC---GA-GG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-G-C-----																																									
	-----AA---G-T-C-T-----T-A-T-G-TG-A-AA-TC-T-T-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-A-A-G-T-C---T-G-C-A---T-G-----A-GA-A-A---C-----T-G-C-CG-G-G-C---T-T-G-A-G-T-A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG-A-ATT-----																																																							
	T-C-C-G-GT-GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG-AT-A-TC-G-G-A-A-G-G-A-AC-A-CC---TG-T-G-GC-GAA-A-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G-AC-C-A-----T-A---A-C-T-GA-CG-C-T-G-A-GG-C-A-CG-A-AA-G-C---T-AG-GG-G																																																							
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);																											
Otu0321	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2																													
	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_18324_15189														T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-G-T-T-----																																									
	-----AA---G-T-C-G-----G-G-G-G-TG-A-AA-TC-C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----C-GA-T-A---C-----T-G-G-CG-A-T-C---T-T-G-A-G-T-C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-T--GG-T-----GG-A-ACA---G																																																							
	C-T-A-GT-GT-A-G-AG-GT-G---A-A-A---TT-C-GT-AG-AT-A-TT-A-G-C-T-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-A-A---CTG-G-T-C-G-----G-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G-A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G																																																							
	-AG-C-A-AA-----CA--GG																												Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Xanthobacteraceae(100);Labrys(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0322	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	686	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0																													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_11798_14333														T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-GC-C-G-C-----																																									
	-----AA---G-T-C-G-----G-G-C-G-TG-A-AA-TC-C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G-G-C---T-G-C-G---C-C-----C-GA-G-A---C-----T-G-C-GG-T-G-C---T-C-G-A-G-G-G---C-GG---GA-G-A-----G-G-C-T--CG-C-----GG-A-ATT-----																																																							
	-C-C-C-A-GT-GT-A-G-AG-GT-G---A-A-A---TT-C-GT-AG-AT-A-TT-G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-G-A-G---CTG-G-CC-C-G-----T-T---T-C-T-GA-CG-C-T-G-A-GG--C-G-CG-A-CA-G-C---G-TG--GG-G																																																							
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0323	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0																													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	28	0	0	0																																								

Otu0325	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	4	2	0	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	39	0	0	0	62	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_6870_17085 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CC-A-T-C-----																											
AA---G-T-T-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-C--TG--G-T-C---T-G-G-A-G-G-T--C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(60);unclassified(60);unclassified(60);unclassified(60);unclassified(60);unclassified(60);																											
Otu0326	0	58	132	0	0	0	80	101	63	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	332	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	62	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_16676_21127 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-A-TG-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G-A-C---T-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--TC--A-T-C---T-G-G-A-G-T-G--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG-G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																											
Otu0327	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	
	0	0	3	0	0	0	26	0	0	30	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	7	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_4386_19431 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----GC-																											
--G-T-C-G-----G-G-A-G--TG--A-AA-AC--C-A-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-A-T-G-G-C-T---T-G--C-T--T-C-----C-GA-T-A--C-----G--G-G-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-G-T--A-TG---CA-G-G-----G-G-A-G--AA-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--T-T-C-T--CTG-G--GC-A-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Nocardioides(100);unclassified(100);																											
Otu0328	0	0	0	0	0	42	53	3	0	81	0	0	0	0	0	0	0	0	2	16	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	0	0	0	37	2	40	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	6	0	0	0	7	0	0	5	8	0	0	19	0	0	0	0	197	64	8	0	0	0	0	0	
	0	0	68	22	0	0	15	0	0	28	0	13	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	37	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_25179_6365 T---AC---GT-AT-GGG-----GCG-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT																											

Otu0330
0 0 1 0 0 1 0 71 0 0 23 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 23 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 8 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_5399_15873 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-G-G-----
CA---G-T-C-G-----G-G-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-T---G-G-C-A---C-T-----C--GA-G-A---C-----G--C-C--AC--G-G-C---T-G-G-A-G-G--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ATA---C-C-
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-C-G-----G-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(71);unclassified(71);unclassified(71);unclassified(71);unclassified(71);unclassified(71);

Otu0331 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 9 0 10 0 0 0 0 0 0
1 0
0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_16171_9739 C---TC---GC-AG-AAT-----AAG-CACC-----G--G--C---T--AACTCTGT-GC-----CA-G--C-A-GCC-GC-----GG--T-----AA-TA-CA-GA-----G-GG-T-G-C-A-----A--G-CT-G-T-T-----
AA---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T---T-G--C-A---T-A-----C--GA-T-A---C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A---T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);

Otu0332 0 0 0 157 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 5 0 1 2 0
0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 2 183 0 0 45 46 0 57 0 0 0 0 0 95 0 0 0
0 48 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 42 0 0 119 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 26 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 31 0 0 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_25616_14147 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CA-T-T-T-----
-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G---C-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--GT--G-A-C---T-A-G-A-G-G--G---T-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0333 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0 0 0 0 12 0 0 0 0
0
0 37 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_18228_18719 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----
-----GC---G-T-C-G-----G-C-C--G--TG--A-AA-AC--T-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-A-A-G--C-T---T-G--C-G---G-T-----C--GA-T-A---C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Pseudonocardineae(59);unclassified;unclassified;unclassified;

Otu0334 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 1 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 28 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_21469_4931 C---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GG-----AG--G----GT-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--C-CA-T-T-T-----AA-
---T-T-C-T-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GT-T-G-----CT-C-AA-----C-A-A-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---C-T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--AT--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A---C-AG----AC-G-A-----G-G-G-T---GG-C-----GG--A--ATG---G-A-T-G-
CT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-GC--A-T--C-C-A-G-A-AC-C-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-G-C---CTA--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-
G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Cytophagaceae(100);Hymenobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0335	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	29	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	82	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	4	0	0	0	0	0	0	0	3	0	20	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_29097_16057 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-CC-G-T-C-----																												
----GC---G-T-C-A-----G-G-A-G-TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-A-G--C-C---T-G--C-T---T-T-----T-GA-T-A---C-----G-G-G--CG--G-A-C---T-A-G-A-G-G--G--A-TG----CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A-ATT----																												
C-C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);Friedmanniella(100);unclassified(100);																												
Otu0336	0	0	0	276	0	0	117	4	0	105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	8	31	6	0	0	0	0	0	0	134	67	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	25	0	93			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_26589_12742 T---AC---GT-AT-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TA-A-A-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G-TA--A-AA-AC--T-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-T-G-T-----A-G--C-A---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-T-AT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--G-TG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A-ATT----C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-C-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(76);unclassified(76);unclassified(76);unclassified(76);unclassified(76);																												
Otu0337	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	1	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	7	3	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	28	1	
	0	0	2	0	0	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_24487_13915 G---AA--GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--C--C---G-TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-GA-GG-GT-----GCAA-GCGTT-A-----A--T-CG-GAA-T-																												
-----TA---C-T-T-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A---T-T-----T-AA-A-A---C-----T-G-T-CC--A-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A-ATT----																												
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0338	0	0	285	0	0	0	438	160	609	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	
	0	0	0	0	72	0	0	0	0	0	341	1	11	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	7	20	110	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	22	0	0	35	0	0	0	221	0	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	243	777	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_22941_15729 A---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A-----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-AA-G-A-C---																												
-----AA---G-T-T-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-A--A-T---T-G--C-T---T-T-----C-AA-A-A---C-----T-G-T-TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--A--G-TG----CA-G-A-----G-G-T-A--GA-T-----GG--A-ATT----C-																												
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-C-T-A---CTG--G--GC-A-C-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																												
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Subdoligranulum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0339	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	4	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_7767_22329 T---AC---CG-AC-AGA-----ATA-A-G-----C---A--C--CG-G-CTA-AC-----TC-T--G-T--GC-CA-----GC--AG---CC-GC-GG-TA-----A-TA-C-A-G-A-----G--G-GT-G-C-A-----AG-																												
---C-G-T-T-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----C-AA-A-A---C-----T-G-A-CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A-ATT----T-C-C-T-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-A-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0340	0	0	58	0	0	0	0	0	129	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	96	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	14	0	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7056_3043 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AC-C-T-T-----AA- ---G-C-G-C-----A-G-G--G--TT--T-AA-GG--C-A-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T--T-----C-G--C-C---T-T-----G--CG-A-A--C-----T-G-G--GG-T-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT----C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);Eubacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0341	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	1
	0	0	1	0	0	25	0	0	0	62	0	0	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	54	0
	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	72	474	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	6	0	0	4	0	0	35	0	0	7	0	1	25	0	0	0	0	0	0	20	0	15	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_13956_20608 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TA-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-T-G-----G--T-TT-A-A-C----- -----AA---G-T-T-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GG--C-A-TA-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-A-T-G-T--A-----A-G--C-C--A--T-----T-AA-A-A--C-----T-G-T--TT-A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT----C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Filifactor(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0342	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	83	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_17177_14272 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-T-G-----G--T-TC-G-T-T----- -----AA---G-T-C-C-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-----G-GT-C-T---T-C-----G--GA-T-A--C-----T-G-G--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A---G-AG-----CA-G-A-----G-G-T-G---AG-C-----GG--A--ATT---- C-T-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--GC-T-C-----C-A---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0343	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	7	0	0	7	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	13	0
	9	0	0	0	0	5	0	0	0	4	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0
	0	9	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	24	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_23203_12189AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TC-G-A-T----- AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-A-G-A--A-T---T-G--C-A--T--C-----A--GA-A-A--C-----T-G-T--CG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--A---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ACT----C-C-A- T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0344	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	4	0	16	0	0	0	0	0	1
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_27851_10656 TC---GC---AG-AA-TAA-----GCA-CCGG----C-----T---A--AC-T-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-GC-----A--A-GC-G-T-T--- -----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--A-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---- C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0345 0
0 0 0 0 98 0
0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_9748_9756 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-G-A-T-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-AG--A-T-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-G-T-T-A-----A-G-C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T-CA-G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT----C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--CC-T-T-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);

Otu0346 0 3 10 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 24 4 0 0 0 34 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_27465_19245 C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TC-G-G-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-T-G-TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-A-G-A-G-A-----C-G-CC-A--C-C-----C--GA-T-A---C-----T--G-C-TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--C---T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---TG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-A-----G-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--
GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(65);Actinobacteria(65);Acidimicrobidae(65);Acidimicrobiales(65);Acidimicrobinaeae(65);unclassified;unclassified;unclassified;

Otu0347 0 0 0 0 0 0 20
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 21 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
9 0 16 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_6943_18178 T---AC---GT-AG-GGG-----TCG-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AG-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AT-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-T-T-----AC-
---G-C-A-T-----G-G-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-G---G-T--C-G---T-C-----G--TG-A-A---C-----G--G-G--TG--A-G-C---T-T-G-A-G-G-G---T-AT-----CA-G-G-----G-G-C-T---GG-T-----AG--A--ATT----C-C-C-G-
GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--TG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GA-T-A-----C-A---C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0348 0 1 3 6 0 0 0 0 0 0
0 2 5 0 0 0 0 0 0 31 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 8 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 0 0 1 0 0 0 0 0
124 0 0 0 0 771 0 83 3 0 0 418 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_8236_20090 T---AC---GT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GT-----C-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-G-T-----AA---
-G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-AT--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-T-A-T-----T-G--C-G---T-T-----G--GA-A-A---C-----T--G-C-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---C-TG-----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-C-----GG--A--ACT----A-C-A-A-GT-
-GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T--A--GA-GAA-G--T-C-A-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-A-G-----A-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-AG--C-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0349 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 26 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_6185_11159 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AG-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-T-T-T-----AA-
---G-T-T-T-----G-G-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G-G-G---T-G--C-G---C-C-----G--AA-T-A---C-----T--G-A-AT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG-----GA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT----C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GT-GTA-G--A-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-C-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);unclassified(69);

Otu0350 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 21 1 7 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 2 2 0
22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 4 1 0 0 0 0 0
3 0 0 0 0 0 3 0 2 9 1 0 0 1 0 0 0 0 9 0 1 3 4 18 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_27764_19886 T---AC--AG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AA-T-CGG-AA-----TT-A-----C-----T-----G-G-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-G-A-T-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TA--G-G-C---T-A-G-A-A-T-A--G-GT----GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T----AG--A--ATT---C-C-A-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-C-----A-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0351 0
0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 139 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_22460_19846 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CT-G-T-T---
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G-G-TG--A-AA-TC--C-T-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-T-C---T-T-G-A-G-T-G---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0352 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 93 61 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_7574_20611 T---AA--GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T-A-C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT-A---CG-TA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G-----
AAT---T-A-C-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GT-G-A--C-----T--G-C--GA--A-A-C---T-G-G-A-G-T-G---C-GG----CA-G-A-----G-G-G-A--GA-T----GG--A--ATT---C-C-
G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--T-C-T-C---CTG--G--GC-C-T-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(81);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);unclassified(81);

Otu0353 59 0 29 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 1 0 0 15 0 0 0 0 16 13 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 27 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0
22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 45 0 37 0 85 0 0 0 54 5 0 17 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_18518_8232 T---AC--GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----AC-
---G-T-C-G-----T-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-T-CC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-G-G--C-G---T-G--C-A--G-G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TA-----CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GT-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Dietziaceae(89);Dietzia(89);unclassified(89);

Otu0354 155 0
1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 121 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_9731_10210 T---AC--GT-AG-GGA-----CCA-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-----G---G-G-C-----G--C-G-G-T-----AA---G-T-
C-A-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-A-G-A-A--C-G---G-C--C-A--A-G-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AG--T-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-GG----AA-G-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-T-T-G-GT--GT-
A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--A--G--GT-GAA-G--A-C-G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-C-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-A-AA--
-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0355 0 1
0 0 0 0 0 0 0 64 0 0 0 0 28 0 0 0 67 0 29 0 0 51 0 0 10 0 0 0
101 0 14 0 0 0 0 0 0 0 23 24 0 2 15 0 0 0 270 847 365 0 0 0 0 0 1 84
1 0 11 0 0 170 0 0 0 298 0 202 7 0 9 0 0 114 0 0 0 0 93 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_25557_9143 T---AC---GT-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-AA-T-G-C-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TA--A-AA-GG--C-A-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-T-G-T--A-----A-G-C-A--T-C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-A-A--G-TG-----TA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT----T-T-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-A--A-A-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-G---CTG--G--GC-A-C-----A-A---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Peptoniphilus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0356 0 1 2 0 0 0 18 0 0 16
0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_27258_15484 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-G-G-A-----
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----C-AA-A-A--C-----T--A-T--CA-G-T-C---T-G-G-A-G-T--T--C-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0357 0 0 25 0 0 0 19 93 115 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 28 0
0
0 61 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_4849_7739 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-C-T-----
AA---G-T-C-T-----G-A-A--G-TG--A-AA-GT--C-C-TG-C-T---TT-C-AA-----G-G-T-G-G-G-A--A-G---T-G--C-T---T-T-----G-GA-T-A--C-----T--G-G--TG--G-G-C---T-G-G-A-G-T--G--C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---A-C-
C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--T-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0358 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7
0 0 0 0 0 0 0 428 79 0 42 131 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 38 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_13282_11517 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-G-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-C-T--G-TG--A-AA-TT--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-----C-T-GC-A--G--T-----C-GA-A-A--C-----T--A-T--TG-TG-A-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG-----TA-G-A-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ATT---C-
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0359 0
0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 66 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 24 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_28961_11219 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-T-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--T--C-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ACT---G-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0360	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_20245_17613 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-T-C-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--C-T-----C--GA-A-A--C-----T-A-G--GT--A-G-C---T-A-G-A-A-T--C--T-TG----GA-G-A-----G-G-T-C---AG-T----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-G-A---CTG--G--AC-A-A-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0361	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_25602_13003 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-T-C-G-T-C-----GC---G-T-C-G-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-G--C-C---T-G--C-A--G-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-TG---CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T----GG--A--ATT---C---C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Frankineae(91);Geodermatophilaceae(91);unclassified(91);unclassified(91);																												
Otu0362	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	5	0	4
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	41	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	24	0	0	51	60	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_8278_14323 T---AC---GT-AT-GTC-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----AT--A----AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-A-C-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-AC--T-T-AG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-A-A-A-G--C-T---T-G--C-C--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-G--GA-C-----GG--A--ACT---A-C-A-C-GA--GT-A-G-AG-GT--G--A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T--G--AT-GAA-G--A-T-A-----G--T-C-C-A---CTG--G--AC-A-G-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);Leptotrichia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0363	4	22	21	0	0	0	13	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	20	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_19266_8185 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C-C--A--G--CA																												

Otu0365 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 17 35 0 0 0 37 0 0 0 0 0 0 0 24 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_5807_16046 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-A-T-----AA-
---G-C-A-C-----A-A-G--G--TT--T-AA-GG--C-A-AC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-T-G-T-T-----C-G--C-C---T-T-----G--TG-A-A--C-----T-G-T--TA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(52);Clostridia(52);Clostridiales(52);unclassified(52);unclassified(52);unclassified(52);unclassified(52);unclassified(52);

Otu0366 0
0 0 0 0 59 0 0 42 0 0 0 0 0 43 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 1 11 0 0 0 0 0 0 4 0 33 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_24883_4572 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-----AA-----A--G--G-----G--C-TT-G-T-C-----GC---G-T-
C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-AC--T-C-GA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-G--C-G---T-G--C-G--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G-CA-G-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Dermabacteraceae(60);unclassified;unclassified;

Otu0367 0 3 0 1 0 0 3 0
0 0 0 0 2 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 6
0 0 13 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 1 2 0 0 0 2 0 19
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_9941_18425 G---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--C--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-GA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-G-----T--T-AATC-G-G-----
AA---G-T-G-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G--C-A---T-T-----T--CA-T-A--C-----T--G-G--GT--C-G-C---T-A-G-A-G-T-A---C-TT-----TA-G-G-----G-A-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-
C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--A--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---TTG--G--GA-A-T-----G-T---A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pasteurellales(100);Pasteurellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0368 0 0 0 0 0 0 81 9 175 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 48 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 21 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_13193_8254 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-GA-A-G-C-----
AA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-A-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-G-A--A-C---T-G--C-T---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--C-C-C---T-T-G-A-G-T-A---T-CG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-G-A-----C-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0369 0 0 0 0 0 0 1 0
0 15
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 3 36 0 0 0 0 2
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_16888_9901 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----AG--G----TC-CA-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-G-T-T-----AA--
--G-C-G-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TT--T-A-GA-T-G-----CT-C-AA-----C-A-T-T-T-A-A--C-T---T-G--C-A--G--C-----G--CG-A-A--C-----T--G-T--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A---C-AC----GC-A-A-----C-G-T-A--TG-C-----GG--A--ATT---C-A-T-G-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-T--G-A-G-A-AC-T-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-A-T-A---CGG--G--AG-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-T--A-AG--C-T-CG-A--AG-G-T---G-CG--GG-T--AT-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);Prevotella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0370	0	0	0	0	0	19	345	330	0	0	0	7	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	1	0	3	7	0	29	0	0	0	122	609	0	0	0	149	0	0	0	102	17	0	22	26	0	0	38	0
	0	0	12	0	9	15	0	6	0	4	15	39	3	19	19	9	0	26	138	564	212	19	5	0	0	0	0	52	0
	3	0	0	0	119	109	10	22	0	280	0	574	0	35	2	0	0	0	0	0	0	37	59	0	34	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_11861_2639 T---AC---GT-AT-GGA-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-TT-T-A-C-----AA- ---G-T-T-G-----G-A-T-G-TG--A-AA-TA--T-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-C-A-AAC--G-----T-G-C-A--T-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-C-AA--A-G-C---T-T-G-A-G-T-T--A-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG--G--AC-T-T-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Finegoldia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0371	83	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_23800_14180 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-C----- -----GC---G-T-C-G-----G-G-A-G-TG--A-AA-AC--T-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-A-G--C-C---T-G--C-T---T-C-----C-GA-T-A--C-----G--G-G-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-G-T--A-AGG---CA-G-G-----G-G-A-G--AG-C-----GG-A-ACT--- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----T-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG-- GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Kribbella(100);unclassified(100);																													
Otu0372	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	1	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	4	3	0	0
	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_7591_16212 C---TG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C-G-G---T-AA-TACAG-AG-----GG-T-G-C-AA-GC-----GT--T---AA-TC-G-GA-----A-TT-A-C-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA- --G-T-T-G-----G-A-T-G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----C-AA-A-A--C-----T-G-A-CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG-A-ATT---T-C-C-T- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Pseudomonadaceae(100);Pseudomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0373	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0
	0	0	0	0	0	2	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	62	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	43	0	0	0																							

Otu0375	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	104	7	0	0	0	0	0	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17525_15058																											
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A---C-----T-G-G-AA-G-T-C---T-G-G-A-G-T-C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG-A--ACT---																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(74);Rhodobacteraceae(74);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);																											
Otu0376	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0
	4	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	23	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_8418_16265																											
T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-----A-A---A-----G-A--G-C-G-----G-G-TA-G-G-T-----AA---G-																											
T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-TC--C-A-AT-A-G-----CT-C-AA-----C-T-A-T-T-G-A-A-C---T-G-C-T---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-A--TT-A-C-C---T-A-G-A-A-T-A--T-GG---GA-G-A-----G-G-T-A--GA-T-----GG--A--ATT---T-C-T-G-GT--GT-																											
A-G-GG-GT--A---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--G-----A-T-C-T-A---CTG--G--AA-C-A-----T-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA---																											
----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Arcobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0377	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	16	2	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	1	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	7	17
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_10448_23341																											
C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C-A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----AG--G-----TC-CG-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-CT-G-T-T-----																											
-----AA---G-C-G-T-----G-T-T-G--TG--A-AA-TT--T-A-GG-T-G-----CT-C-AA-----C-A-T-T-T-A-A-C-T---T-G--C-A---G-C-----G--CG-A-A---C-----T-G-T--CA-G-A-C---T-T-G-A-G-T--A---C-AC---GC-A-G-----C-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-																											
A-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-T--G-A-G-G-A-AC-T-CC---GA--T--C--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-G--CGG--G--AG-T-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-T--A-AG--C-T-CG-A--AG-G-T---G-CG--GG-T--																											
AT-C-G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0378	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	51	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	19	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_10664_15258																											
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-C-----T-AA-T-A---C-----T-G-G--GT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);																											
Otu0379	0	222	0	0	0	0	125	130	416	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	73	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	57	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_24579_10771																											
T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-T-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-A-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-T-G-A-A-C---T-G--C-A---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-T--AT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-T---GA-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-C-A-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(85);Clostridia(85);Clostridiales(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);																											

[illegible]

Otu0385	0	22	0	0	0	0	3	34	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_13226_22260 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A-A-T-AC-GG-----AG-G----AT-CC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--ATTT-G-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-A-A-T---T-G-C-A--G-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G-CA-G-T-C---T-T-G-A-G-T--A--C-AG----TA-G-A-----G-G-T-G--GG-C-----GG--A-ATT---C-																												
G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-TT-AG--AT-A-TC-A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC--GA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-T-C-A--CTA-G--AC-T-G-----T-T---A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-TG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--																												
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Bacteroidaceae(100);Bacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0386	0	10	0	0	0	0	0	0	10	15	0	0	0	14	8	1	10	3	0	0	0	0	221	184	1	1	0	4
	0	0	6	0	0	6	17	10	0	13	0	5	0	7	0	6	0	0	12	0	5	0	0	0	1	0	0	0
	0	0	1	0	7	0	1	1	0	1	3	0	0	2	2	0	0	27	4	0	11	3	29	25	139	0	134	105
	47	119	21	0	69	20	0	3	0	14	0	3	0	11	0	0	2	4	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_12237_13844 T---A---AG-CA-CCG-----GCT-A-A-----C----T---C--TG-T-GCC-AG-----CA-G--C-C-GC-GG-----TA-A---TA-CA-GA-GG-----G-TG-C--G-A-----G--C-TT-G-T-T-----																												
--AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G-GA-A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG---GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A-ATT---C-C-																												
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC-T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-C-A-T--CTG-G--CC-T-A-----A-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0387	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	2	0	0	0	0	0	0	19	14	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_8371_16097 C---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-G-T-----																												
AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-CC--C-T-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-GA-----C-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-C--TG-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-AG----TA-G-G-----G-G-A-G--TG-T-----GG--A-ATT---C-C-																												
C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--C-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-A-C-T--CTG-G--GC-T-G-----G-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0388	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	54	0	45	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	21	0	0	0	0	0	7	4																				

Otu0390	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	34	0	77	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	81	0	0	0	0	0	0	0	0	5	31	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_21401_9624 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AC-T-G-T-----AA--																											
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G-C-G---T-G--C-A---T-C-----T--GA-T-A---C-----T--G-C--AG--T-A-C---T-T-G-A-G-T--G---A-TA----GA-G-G-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CT-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Fastidiosipila(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);																											
Otu0391	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	114	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	22	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_10509_17251 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-TG-GA-GC-----G-CA-G-A-C-G-----G--C-TT-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-T--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																											
Otu0392	0	87	0	0	0	0	65	0	44	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	13	135	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_8204_10843 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-GC-G-G-C-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--CG--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0393	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_28563_12093 T---AC---AG-AG-GCC-----ACG-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-TG-A-G-T-----																											
-----AA---G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T--G-----G--TA-T-A---C-----T--G-C--TT--G-T-C---T-T-G-A-G-G--C---A-CT-----CA-G-G-----G-G-C-G--AG-C-----GG--A--ACA---G-																											
A-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-T--C-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--T--G--GT-GAA-G--A-C--A-----G--C-T-C-G---CTG--G--GG-G-T-----G-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0394	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	11	0	0	0	0	38	30	0	0	0	0	0	4	0
	0	0	0	0	7	31	0	4	0	88	0	102	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_5413_15978 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----AG--G----TC-CA-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA--																											
--G-C-G-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TG--T-A-GA-T-G-----CT-C-AA-----C-A-T-C-T-G-A--A-T---T-G--C-A---G-C-----G--CG-A-A---C-----T--G-G--AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AC-----AC-A-A-----C-G-T-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-A-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-T--G-A-A-G-A-AC-T-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-A---CGG--G--AG-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-T--A-AG--C-T-CG-A--AG-G-T---G-CG--GG-T--AT-C-																											
G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0395	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	2	17	0	3	2	0	0	0
	0	0	0	0	0	5	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_23064_20238	C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT-G---CA--A-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																										
--AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-C-G----CT-T-AA-----C-G-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG----TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T----AG--A-ATT---C-C-																											
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-C-C-C--CTG--G--AC-A-A-----A-G--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);																										
Otu0396	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	
	0	0	0	4	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_28097_13615	G---CC--AG-CA-GCC-----GCG-G-T-----A--A--T--A--CA-G-AGG-GT-----GC-A--A-G--CG-TT-----AA--T---CG-GA-AT-TA-----C-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----																										
----AA---G-T-T-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--AG-T----GG--A-ATT---T-																											
C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A--C-T-A-C--CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(61);Pseudomonadaceae(61);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);																										
Otu0397	0	0	0	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_24356_10819	T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----																										
---GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G--C-C---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T----GG--A-ATT---																											
C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--G-T-C-T--CTG--G--GC-C-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C--A-TG--																											
GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(57);unclassified(57);unclassified(57);unclassified(57);																										
Otu0398	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	12	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_8440_14873	T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC-																										

[illegible]

[illegible]

Otu0410	0	0	0	0	0	0	1	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	
	0	2	1	22	0	23	4	8	0	0	3	5	0	9	0	12	0	0	1	3	0	21	0	0	0	0	0	
	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	7	1	2	0	7	0	0	203	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_6490_20794 TC---GC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G-G-C---T--AACT-CTG-TG-----CC-A-G-C-AG-CC-----GC-G---GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-GC-----G--A-GC-G-T-T-----																											
	AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T---T-G--C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T-G-G--GA-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-																											
	G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0411	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	221	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_28738_14746																											
	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-----GG----C-----																											
	-----C-----G-G-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G--A-C---G-G-C-G--C-T-----G--GA-T-A--C-----G-G-C--GC-G-G-C---T-C-G-A-G-G--G--C-GG---AA-G-A-----G-G-C-T--CG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
	A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G--CTG--G--TC-C-G-----C-A---C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0412	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_27875_13369																											
	T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CT-G-A-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TC--A-AA-GG--C-A-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-T-G-T-A-----A-G--C-C--C-C-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--T--C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C--C-																											
	C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0413	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	7	0	0	0	0	0	44	0	505	1	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0																							

Otu0415	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	5	13	0	0	0	5	0	4	0
	0	3	0	0	0	0	0	0	38	5	0	0	0	58	0	0	27	0	91	60	0	0	93	0	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	44	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_18099_13233	T---AC--GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--C-A-GG-T-G----CT-T-AA-----C-A-C-C-T-G-G--C-C---T-G--C-T--T--T-----C-GA-T-A--C-----G--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-G-T--A-CT----CA-G-G-----G-G-A-G--AA-T-----GG--A-ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-T-C-T--CTG--G--GA-G-T-----A-T--C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-T--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Nocardioides(100);unclassified(100);																										
Otu0416	80	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	291	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_18163_19262	C---GG--CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C-A-G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-GA-----GG--A----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-C-G-C-A-G---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T--G-A-TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T-A--C-AC---TT-G-A-----G-G-T-A--GG-C---GG--A-ATG---T-G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C-A-C-A-G-A-AC-A-CC--AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-T-T-A--CTA--A--GG-T-G-----C-A--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu0417	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	6
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	5	
	0	7	0	8	10	0	2	0	5	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	16	0	3	0	0	0	8		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_19733_17383AC---T-A-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----TG--C---GA-GCGTT-AA-----T-CG-G-A-C-G-----G--T-TA-C-T-T-----AA---G-C-A-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-G--T-T-----C-TG-A-A--C-----T--G-G--GT--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GT---CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----AG--A-ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-C--CTG--G--GA-T-A-----A-C--A-C-T--GA--CG-T-T-C--A-TG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Neisseriales(100);Neisseriaceae(100);Neisseria(87);unclassified(87);unclassified(87);unclassified(87);																										
Otu0418	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	29	0	0	0	0	0	0	0	0	1	9	0	0	0	0	0	0	0	70	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	88	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_15162_5982	T---AC--GT-AT-GGG-----GCA																											

Otu0420	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	5	0	0	0	4	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_17186_22552 C---A---GC-A-GCC-----GCG-G-T---A-A-T---A-CG-G-AGG-AT-----CC-A-A-G-CG-TT-----AT-C---CG-GA-AT-CA-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-CA-G-A-T-----																											
	---AA---G-T-C-A-----G-T-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G---CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-C--A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-CT-G-A-C---T-T-G-A-A-T--T--A-TT---AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A-ATA---T-G-																											
	T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA-T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G-G-T-T-A---CTA-C--TA-A-T-----A-T---A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--																											
	AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0421	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	86		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_12906_7535 T---AC--GG-AG-GGG-----ACT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-G-A-----																											
	CA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-C-C-CG-G-T-C---T-T-G-A-G-T--T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-G-																											
	A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G--CT-C-G-----A-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0422	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	2	0	0	0	0	6	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	4	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_12656_16234 G---TG--CC-AG-CAG-----CCG-C-G-----G-T---A--AT-A-CGGAGGA---TC-C--A-A-GC-GT-----TA-T---CC-GG-AA-TC-----A-TT-G-G-C-G-----G--T-CA-G-A-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G---CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-C--A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-CT-G-A-C---T-T-G-A-A-T--T--A-TT---AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A-ATA---T-																											
	G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA-T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G-G-T-T-A---CTA-C--TA-A-T-----A-T---A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--																											
	AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0423	8	32	16	0	0	0	10	1	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	1	11	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3																											

Otu0425	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	23	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	50	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	18	5	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	
	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_12884_7143 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-----AA-----A--G-C-G-----G--C-CT-G-T-T-----AG---G-T-C-G-----G-G-A--G--TT--A-AA-GC--C-G-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-G-T--C-----C-G--C-T--C-C-----C--GA-T-A--C-----C-G-G--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--C---T-GG---TA-G-G-----G-G-A-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-T--CTG--G--GC-C-A-----C-G---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Olsenella(100);unclassified(100);																												
Otu0426	0	0	0	82	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	71	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_9695_19904 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA---G-T-C-C-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-A-C--A-C---G-G--C-G---T-T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-G-G-A-C-G-G---T-TG---GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----AG--A--ATT---A-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CT--G-G--T-A-G-G-A-AT-A-CC---CA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T--CTG--G--AC-A-A-----C-A--C-G-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CC--GG																												
Bacteria(100);Deinococcus-Thermus(100);Deinococcales(100);Trueperaceae(100);Truepera(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0427	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	0	0	0	0	19	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_8844_18387 T---AC---GT-AG-GGG-----CCT-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-C-G----CT-C-AA-----C-G-T-G-G-A-G--G-----C-G-CCAC---C--T-----GA-A-A--C-----T--G-C--CG-TG-A-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG---TA-G-G-----G-G--AG---TG-T-----GG--A--ATT---C-C---G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-T---CTGG---GC-C-G-----G-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(82);Actinobacteria(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);																												
Otu0428	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_20969_23951 C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-A-G-T-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TT--A-AA-TC--C-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-----C-A-CC-A--C-C-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TC-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0429	112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	66	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	65	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	23	0	43	0	9	0	0	0	0	56	0	
	18	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_20776_15051 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-G-T-----CA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TG--G-T-C---T-G-G-A-G-G--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-G---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																												
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0430	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_16943_14427 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-TT-T-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-C--G-TG--A-AA-CT--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-G---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-AA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G--C-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG-A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-G-----C-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0431	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_22784_9502 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-GT-G-T-C-----GC---G-T-C-G-----G-C-T--G-TG--T-AA-TC--C-A-GG-G-G----CT-T-AA-----C-T-T-T-T-G-G--T-T---G-G--C-A--G-G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CAT-T-G-C---T-T-G-A-G-T-G--C-TG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG-A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--GA-G-C---A-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Corynebacteriaceae(100);Corynebacterium(100);unclassified(100);																											
Otu0432	2	0	0	13	0	9	0	5	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	0	63	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	1	13	0	0	0	0	0	17	0	0	3	0	1	0	0
	0	10	4	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	5	0	0	8
	0	2	0	2	1	0	0	0	12	0	0	0	0	0	1	0	0	0	10	0	0	0	1	0	9	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_26196_19801 C---A---GC-A-GCC-----GCG-G-T-----A--A-T---A--CG-T-AGG-GC-----GC-G--A-G-CG-TT-----GT-C----CG-GA-AT-TA-----T-TG-G-G-C-G-----G--C-TG-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-T-C--G--TG--A-AA-TC--C-T-CT-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-G-G--C-T---T-G--C-G--G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CC--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G--C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG-A--ACT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Actinomycineae(100);Actinomycetaceae(100);Actinomyces(100);unclassified(100);																											
Otu0433	0	146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	45	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_12331_20121 T---AC---GT-AG-GTT-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--																											

Otu0435	237	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
31	0	0	0	0	0	0	115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	58
0	0	0	176	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_25646_21427	T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																									
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-T-GG-T-G-----CT-C-AA-----C-A-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-AA-G-A--C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-C--G--T-CG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																										
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-A-----C-T--G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																										
G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																									
Otu0436	211	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_8580_15783	T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-C-C-C-----AA-																									
---G-C-A-C-----G-A-G--G-TA--T-AA-GG--C-A-AT-G-G-----CT-T-AA-----C-C-A-T-T-G-T--T---C-G--C-C---T-T-----G-TG-A-A--C-----T--G-G--GC-T-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																										
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																										
A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu0437	0	0	8	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1
0	1	4	2	0	16	2	0	0	3	35	2	4	0	0	68	0	0	0	0	0	0	2	0	2	0	0
0	0	5	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	5	4	16	0	10	4	0	1	0	1	1	0	2
4	4	0	14	57	0	2	2	0	7	0	0	0	1	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	1	2	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_28875_14859	T---AC---GT-AG-GTC-----CCG-A-G-----C--G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TA-G-A-T-----																									
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G-TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G-----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T--A---C-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AA----GA-G-G-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																										
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CT-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																										
AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Streptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu0438	0	0	8	3	0	0	0	11	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_15712_14830	C---CG---GC-TA-ATT																									

Otu0440
0 4 8
0 24
0 0 0 0 16 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7662_21624 C---A---GC-A-GCC-----GCG-G-T----A-A-T--A--CG-T-AGG-GC-----GC-A--A-G-CG-TT-----GT--C----CG-GA-AT-TA-----T-TG-G-G-C-G-----G--C-TG-G-T-C-----GC--
--G-T-C-T-----G-T-C--G--TG--A-AA-AC--T-T-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-G--C-T---T-G--C-G--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CC-G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ACT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0441 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 26 0 0 3 0 0 1 0 0 0 1 0
2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 1 0 1 0 0 0 1 0 0 0
0 0 1 0 0 0 1 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_13908_5115 A---AG---CC-AC-G-G-----CTA-A-C-----T--A--C---G-TG-C-CAG-CA-----GC-C-G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-TG-----GCAA-GCG-T-G-----G--T-CT-C-G-G-----
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-
A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0442 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 6 0
0
0 5 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_9215_14340 T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----GC-
---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-T---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AT-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----C-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(74);unclassified(74);unclassified(74);

Otu0443 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 33 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 31 0 0 0 0 0 0 0 0
0 69 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_12861_12177 T---AC--GT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----TT--A----AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-C-----
---AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-AC--T-T-AT-G-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-A-G--C-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-A--AA--A-A-C---T-A-G-A-G-T--A---C-TG----GA-A-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG--A--ACT---A-C-
A-C-GA--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T--G--AT-GAA-G--A-T--A-----A--C-T-C-A---CTG--G--AC-A-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0444 0
0 8 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 21 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_13639_23646 T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----
----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G--C-G---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AT-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(73);unclassified(73);unclassified(73);

Otu0445	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	45	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_16239_10232																											
T---AC---AG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TG-G-T-T-----																											
-----AC---G-T-G-G-----T-G-T--G--TG--A-AA-GC--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-T--A-G---G-C--C-A---T-G-----C--CA-A-A---C-----G--A-A--TC--G-A-C---T-C-G-A-G-G--CT--G-AG---CA-G-A-----G-G-C-G---GG-T-----GG--A--ATT---																											
G-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--G--G--GG-GAA-C--C-C-A-----G--C-C-C-G---CTG--G--GC-C-A-----G-T---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0446	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	1	0	7	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	15	0	0	0	0	0	0	0	35
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_27084_21255																											
C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT--G---CA--A-GC--G-----T-TA-A-T-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																											
--AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-C-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--C---T-CG---TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-																											
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-G-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);Enteric_Bacteria_cluster(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0447	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	79	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_14017_12727																											
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-C-----																											
-----CA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A---C-----A--G-C-AA--G-T-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0448	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	15	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_14237_10572																											
T---AA---CT-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A--T-GA-C-T-T-----																											
--AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--GT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--A---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-																											
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(64);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);																											
Otu0449	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	135	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	69	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_20036_18788																											
T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-T-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A---C-----T--A-G--AT--C-G-C---T-A-G-A-A-T--T--A-TG---GA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-A---CTG--G--AC-A-T-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0450	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	4	1	1	0	0	1	2	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	1	4	0	0	1	0	0	0	0	16	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_5933_17408 T---AC---AG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AA-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G-C-TT-G-A-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-TA-G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--G-GT----GA-G-A-----G-G-G-A--AG-T-----AG-A--ATT---T-C-A-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC-T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-T-C---CTG--G-CA-T-C-----A-T--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0451	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	7	0	0	0	103	0	0	10	18	0	0	0	68	0	187	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	38	14	0	0	0	0	0	0	61	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_13217_23345 T---AC---GT-AG-GTC-----TCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GT-GT-CC-----G-TA-G-T-C-T-----G--A-AT-T-G-T----- ---AA---G-T-C-T-----G-T-T-T--TC--A-AA-TC--C-T-AC-G-A---CT-C-AA-----T-C-G-T-A-G-A-A-A--G-G--G-A--A-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-C-AA-T-T-C---T-G-G-A-A-G-T--A-TC---TA-G-G-----G-G-T-T--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C- G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-TG--AT-A-TC-G-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC--GA--A-A--GC-GAA-A-G-C-A-----G-C-T-A-A--CTA--T-AG-A-A-----T-A--C-T-T-GA-CG-A-T-G--A-GG--G-A-CG-A-CA-G-T---T-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0452	5	0	2	6	0	0	5	8	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	
	0	8	11	8	5	8	10	4	13	4	7	0	0	3	7	15	20	0	0	0	7	0	2	1	0	0	
	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	3	0	3	5	0	0	5	0	5	0	
	3	0	0	0	0	5	0	0	0	7	0	7	2	0	0	0	12	0	0	4	0	3	0	0	8	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_15911_18969AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----A-TC-C-G---G-----A-A-TT-A-T-T----- AA---G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G---CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A-G---G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C- A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GC-AG--AG-A-TA-T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G-- AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Staphylococcaceae(100);Staphylococcus(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);																											
Otu0453	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	39	0	0	8	0	13	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	
	0	0	7	0	76	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_23174_11741 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-AGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-C----- ---GC---G-T-C-G-----T-T-T-G--TG--G-AA-TA-C-C-GG-G-G---CT-T-AA-----C-T-T-C-G-G-G-G-T---T-G--C-A--T-A-----C-GA-T-A--C-----G-G-G--CAT																											

Otu0455	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	109	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_20942_13462 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-C-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----T-AA-G-A--C-----T--G-C-AT--C-G-C---T-T-G-A-A-C-A--C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT----C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-G-----T-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0456	4	0	1	11	0	2	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	3	1	2	13	5	23	5	0	8	3	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	2
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	14	0	6	0	2	3	0	0	1	2	0	0	23
	4	12	14	19	17	3	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	5	0	21	25	0	0	0	0	0	0	33
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_12817_2941 C---GG---CT-A--ACT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G-----GT-GC-GA-GC-----GTTA-A-T-C-G-----GAAT-TA-C-T-T-----																											
AA---G-C-A-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G---T-T-----C--TG-A-A--C-----T--G-G-GT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT---CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT----C-C-A-																											
C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-T-T-C-A-TG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Neisseriales(100);Neisseriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0457	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	
	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_26013_22224 G---AC---GT-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-T-----																											
-----GC---G-T-C-A-----G-C-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-G-G--T-T---G-G--C-A--G--C-----T--GA-T-A--C-----G--G-G--CA-G-G-C---T-A-G-A-G-T-T---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micromonosporineae(67);Micromonosporaceae(67);unclassified(67);unclassified(67);																											
Otu0458	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	74	0	52	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_11043_19460 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-A-C-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-C-T--G--TG--A-AA-GT--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-A--G--T-----C--GA-T-A--CT-----G--T-T--GT--G-A-C---T-C-G-A-G-T-C---C-GG----TA-G-A-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0459	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_13987_21727 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--G-TT-T-C-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--AA--A-T-C---T-TGG-A-G-T-C---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ACT---																											
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0460	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_7467_8696 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CG-G-C-A-----																											
CA---G-T-C-G-----G-G-C-G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G---T--C-----C--GA-G-A--C-----G--T-G--TT--G-C-C---T-A-G-A-G-T--G---G-GG-----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0461	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	5	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_7960_11495 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-G-T-----																											
AA---G-T-T-G-----A-G-C-G--TG--A-AA-TT--T-T-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-A-A-G-G-G---A-G--C-G---C--T-----C--AA-T-A--C-----T--G-C--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-C---GG-C-----GG--A--ATT---C-C-																											
C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-G-T---CTG--G--AC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Thermoanaerobacterales(100);Family_III_Incertae_Sedis(100);Caldicellulosiruptor(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0462	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	35	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_25237_8885 T---AC---GT-AG-GGA-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AA-T-T-C-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--C-G---G-T--C-A--A--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TT--T-G-C---T-A-G-A-G-T--A--C-AG---AA-G-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-T-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--A--G--GT-GAA-G--A-C--G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0463	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	79	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_27507_16166 G---AC---GG-GG-GGG-----GCT-A-G-----T--G--T---T--AT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--AG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-T-C----																											
-----CG---G-T-T-G-----A-A-A--G--TG--A-AA-GT--C-G-CC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-C-G-G--A-A---T-G--C-T---T--T-----C--AA-A-A--C-----C--A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--A---A-GA---TA-G-A-----G-G-A-T---AG-T-----GG--A--ATT---T-																											
C-G-T-GT--GT-A-G-AG-AT--A---A--A-A---TT-C-AC-AG--AT-A-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-T---CTG--G--GT-C-T-----C-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---A-TA--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0464	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
	1	0	0	1	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	69	14	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	52	0	0	8	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	40	0	0	0	27
	6	24	28	0	0	0	1	0	0	11	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_21509_9922AC---T-A--CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----TG--C----GA-GC-GT-TA-----A-TC-G-G---A-----A--T-TA-T-T-T-----AA----																											
G-C-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CC-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--G-G---T-G--C-A--T--A-----T--GG-A-A--C-----T--G-G--GT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT-----CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----AG--A--ACT---C-C-A-C-																											
GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0465 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_15206_13861 T---AC---GT-AG-GGG-----CCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-C-----
-----GC---G-C-C-C-----G-A-C--G-TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-A-G-A---G-T--C-G---T-C-----G--GG-G-A--C-----G--G-C--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-G--G--C-GG----GA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT--
---CCC-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-C---CTG--G--GC-C-G-----A-C---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0466 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 33 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 31 0 0 0 80 0 125 0 1 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 91 0 73 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_21610_23233 T---AC---AT-AT-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-A-G-T-----
-----AA---G-T-T-A-----G-T-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A-C-T---T-G--C-A--A-C-----T--AA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-G-G-A-G-T--A--T-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---T-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC--AA--A--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0467 0 0 0 136 0 1
 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_26458_5437 T---AC---GT-AT-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-T-T-T-----AA--
--G-T-C-T-----G-A-A--T--TA--A-AA-GG--C-T-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-T--A-----A-G--G-T---T-C-----A--GA-T-A--C-----T--G-G--AT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--A--G-AT----GA-G-G-----G-G-A-A--AA-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT-
-GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----A--T-T-T-T---CTG--G--AA-T-C-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Helcococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0468 0
 0 0 0 0 0 0 96 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 24 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_12808_17728 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-C-----
-----AA---G-C-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G-A-----C-G-CC-A--C-C-----C--GG-G-A--C-----T--G-C--TA-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-T---CA-C-----GG--A--ATT---
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-G-A-T---CTG--G--GC-C-G-----G-C--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0469 0 13 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 43 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_18980_24149 G---AC---GA-GG-GAT-----CCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GG-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TA-T-G-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-G-A--A-G---T-G--C-A--T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--GT--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G--G-TA----GA-G-A-----G-G-A-T---AG-T-----AG--A--ATT---C-
T-T-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--CT-A-C-----A-C--A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-GA--C-C-CG-A--AA-G-T---G-CG--GG-G--
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);

Otu0470
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0 0 0 0 0 11 4 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 21 0 0 0 0 0 0 0 0 25 24
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_23670_7426 C---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GG-----AG--G----GT-GC-GA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G-A-TT-TAT-T-----
AA---G-T-C-C-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GT-T-G-----CT-C-AA-----C-A-A-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---C-T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G-AA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-A--C-AG-----AC-G-A-----G-G-T-T---GG-C-----GG--A--ATG---G-A-
C-G-GA--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-CC--G-T--C-C-A-G-A-AC-C-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-G-A---CTA--G--GC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);

Otu0471 0
0 0 0 0 0 0 0 34 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 26 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_26658_13913 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-AT-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-A-CG-A-T-C---T-T-G-A-G-T-C---C-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0472 0
0 0 0 0 0 0 0 61 0 0 0 0 0 0 0 0 0 58 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_25525_16039 T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CA-A-T-C-----
-----AA---G-T-C-G-----A-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-A--C--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TT--G-A-C---T-C-G-A-A-G--G---C-GG-----GA-G-A-----G-G-G-A--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-C---CTG--G--CC-C-G-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);KD4-96(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0473 0 0 0 10 0 5 0 6 0 35 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0
0 0 22 0 83 0 96 0 0 0 14 40 0 35 0 0 0 0 0 0 0 0 0 24 0 5 0 0 124
21 0 15 0 4 0 0 0 0 0 0 0 3 0 10 11 0 3 0 4 6 0 0 0 56 0 0 89 17
13 84 0 30 46 46 12 1 0 50 0 0 0 22 0 14 0 117 0 0 183 0 0 1 0 0 12
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_6786_13362 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-AT-G-G-C-----
AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TG--T-T-C---T-A-G-A-G-T--G---T-TG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-A-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Oribacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0474 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 45 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_2209_11142 T---AC--GT-AG-GGG-----CCT-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-C-----AA-
---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-C-G----CT-T-AA-----C-G-T-G-G-A-G--G-G---G-C--C-A--T-T-----C--GA-A-A--C-----T--G-C-CGT--G-A-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--TG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu0480	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_12614_13891 C---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G----C-G-T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-G-C-----AA---G-T-C-G-----G-G-T-G-TG--A-AA-GC--T-C-GA-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-C-G-A-G--A-----C-G-CC-A--C-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-C--CA-TG-A-C---T-G-G-A-G-T--C--C-GG---TA-G-A-----G-G-A-G---TG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--C--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-A-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu0481	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	6	9	0	0	0	0	0	13	0
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_13385_22829 C---GG--CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-GA-----AG--G---TC-CG-G-GC-----G-TT-A-T-C-C-----G--G-AG-A-T-T-----TA---T-T-G-T-----G-T-T-G-TG--A-AA-TG--T-A-GA-C-G---CT-C-AA-----C-G-T-C-T-G-A--C-T---T-G--C-A--G--C-----G--CA-T-A--C-----T-G-G--TT-T-C-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GC---AC-A-A-----C-G-T-T--GG-C---GG--A--ATT---C-G-T-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--G-A-G-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T-GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-G-A--CGG--G--AG-C-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-T--A-AG--C-T-CG-A--AG-G-T--G-CG--GG-T--AT-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);Prevotella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu0482	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	48	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_13712_20111 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-----T-----G--G-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-T-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G-TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G---CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(67);Carnobacteriaceae(67);Carnobacterium(67);unclassified(67);unclassified(67);unclassified(67);																										
Otu0483	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_13885_17767 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT																										

Otu0485 0
 0 0 0 0 0 97 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 17 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_7680_5311 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CA-A-T-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0486 0
 0
 0 0 0 0 181 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_16297_10187 C---AA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT-----GC-GA-GC-GT-----TA-G-T-C-G-----G---AT-T-G-C-----
---AA---G-C-A-T-----T-T-T-G-TG--A-AA-GA--A-C-AA-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-T-G-T-A-G---A-G--C-A--A-A-----A-TG-G-A--C-----G-G-C-AT--C-A-C---T-A-G-A-G-T--C---T-CT----GA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG-A--ATT---T-C-
A-A-GT--GT-A-A-CG-TT--G---A--A-A---TG-T-TT-AG--AT-A-TT--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--CAGA-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--C-G-CG-A--AG-G-C---G-CG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0487 0 1 0 0
 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 18 0 8 0 0 0 0 0 0 1 14 0 4 0 0 0
 6 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_20083_17199 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----
----GC---G-T-C-G-----T-C-T--G--TG--A-AA-AC--C-A-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-T-G-G--C-T---T-G--C-A--G-G-----C--GA-T-A--C-----G-G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--T-TT----CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--T--GA-A-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Nocardiaceae(100);Rhodococcus(100);unclassified(100);

Otu0488 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 30 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20
 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 56 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_22969_20776 A---AC---T-A--TGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----AA-C--A-T--AG-GG-----GG--C---AA---GC-G-----T-TG-T-C-C-G-----G--T-AA-A-T-T-----
-AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GT--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-G--A-T---T-G--C-A--C-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TA--A-A-C---T-A-G-A-G-T-G---T-TG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-A---CTG--G--TC-A-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptococcaceae(100);Peptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0489 0 0 0 0 0 2 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 1 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 3 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 3 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_22358_24230 C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----TC-CC-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-G-A-T-----
----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T-A-----C-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AA----GA-G-G-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CT-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Streptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0490	0	0	0	0	0	0	0	74	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_7420_17403 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-T-G-T-----AA- ---G-C-G-T-----G-A-G--G--TT--T-AA-GG--C-A-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-C-T-G-T--T-----C-G--C-C---T--T-----G--CG-A-A--C-----T--G-C--AT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0491	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_18396_16354 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CC-C-G-C----- -----GC---G-C-C-C-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G---T--C-----G--GG-G-A--C-----G--G-C--GG--G-A-C---T-T-G-A-G-G--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-C-C---GG-T-----GG--A--ATC--- -C-C-T-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-G-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-G-G---CTG--G--GC-C-G-----A-C---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0492	0	0	28	0	0	0	28	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_8467_14181 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AA-G-G-C----- AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--CC--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G---C-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T- A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0493	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	186	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_20784_11021 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-AT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T----- -----AA---G-T-G-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-T--G-C---T-G--C-A---T--T-----C--CA-A-A--C-----T--G-G--AT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);Clostridium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0494	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_17108_13279 G---AC---AG-AG-GTG-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-G-T----- -----AA---G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T---C--G-----G--TA-T-A--C-----T--G-C--TT--A-T-C---T-T-G-A-G-C--C---A-CT----TA-G-G-----G-G-C-T---GT-C-----GG--A--ACA---A- A-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--G--GT-GAA-A--A-C-A-----G--A-C-A-G---CTG--G--GA-G-T-----G-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG- G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0495	1	1	56	0	0	0	82	4	268	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	191	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	9	249	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_18303_16516 T---AC--GT-AT-GGA-----GCA-A-G----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-AT-C-A-C-----																											
----AA----G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G-C-T--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-GG--A-A-C---T-G-G-A-G-T-G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG-T-T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG-G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0496	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_2714_12249 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-GG-G-C-A-----																											
TA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G-C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--CA-C-G-C---T-T-G-A-A-T-C---C-GT----GA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG-A--ATG---G-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--C-C-G-G-A-AC-A-CC---AG-T-T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-A-C---CTG-G--CG-C-G-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Rhodospirillaceae(100);Caenispirillum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0497	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	4	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	110	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_19631_14325 T---AC--GT-AG-GGG-----CCG-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AG-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-----G-T---C-----																											
A---G-C-C-C-----G-A-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T-C-G--T-G-----G--GG-G-A--C-----G-G-C--AC--C-G-C---T-T-G-A-G-G-G---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-C--GG-T-----GG-A--ATT---C-C-																											
C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T-T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-G-A---CTG-G--GC-C-G-----A-C---C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0498	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	29	0	303	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_25031_12624 T---AC--GG-AG-GAT-----CCG-A-G----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-G-----TT-----GA																											

Otu0500
0 28 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_21363_15295 T---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-CG-A-T-C-----
-----AA-----G-T-C-A-----G-A-T-G-TG-A-AA-TA-G-T-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-A-A-G-G-----G-GT-C-A---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-G--TC-G-A-C---T-A-G-A-G-T-A---C-AG-----CA-G-A-----G-G-A-T---AG-C-----GG-A-ATT-----
C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--GC-T-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---T-AG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0501 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 59 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 44 0 0 0 0 17 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_23666_12767 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-C-----AA-T-G-C-----
---AA---G-T-C-T-----C-G-T--G-TG-A-AA-GG-C-A-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-T-G-T-A-----A-G-C-A---C-A-----A-GA-A-A---C-----T-G-C--AT-A-G-C---T-T-G-A-G-T-A---G-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG-A-ATT-----C-C-
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT-A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-G---CTG--G--AC-A-C-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0502 0
0
27 0 0 101 4 19 0 20 0 5 0 4 9 0 15 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2110_7383_14236 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G-C-TT-T-G-C-----AA-
---G-T-C-T-----G-C-T--G--TC-A-AA-GC-T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-A-T-C---G-G--C-G---G-T-----G-GA-A-A---C-----T-G-A-AA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-GG-----TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG-A-ATT-----C-C-C-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT-G-G--G-A-G-A-G-A-AC-G-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----C-T-C-T-G---CTA--G--AC-C-G-----C-A---A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-TG--G-A-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-
C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0503 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 47 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_23444_24047 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-CC-G-T-T-----
-----AA-----G-T-C-T-----G-A-G--G--TG-A-AA-TC-T-C-CT-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-----G-GT-C-T---T-C-----A-GA-T-A---C-----T-G-G--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A---G-TG-----CA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG-A-ATT-----
C-T-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--GC-A-C-----C-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0504 0
0
0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 79 158 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 52 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_27577_10255 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-CT-A-C-T-----
-----AA-----G-C-G-C-----G-A-G--G--TG-A-AA-GG-C-A-AT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T-T-----A-G--C-C---T-T-----G--CG-A-A---C-----T-G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AA-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG-A-ATT-----
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT-A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AT-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0505	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	101	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	89	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_5334_14061	T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-C-GA-T-G-T-----	AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-G--A-C---T-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-A-T--GT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-CG----GA-G-G-----G-G-C-A--AG-C-----GG-A--ATT---C-C-T-	A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--A-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-T-G--CTG--G--AC-G-A-----A-G--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--	AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0506	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4
	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_6135_9646	T---AC--GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----GC--	--G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--T-T-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-T---T-G--C-T--T-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CT--G-A-C---T-T-G-A-G-G--G--A-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--AA-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-	GT--GG-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-T-C-T--CTG--G--AC-C-T-----T-T--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-	C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0507	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	221	0	31	0	41	19	89	32	16	28	65	10	13	21	21	7	6	0	0	308	201	0	0	0	0	35
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	84	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_22193_11153	G---AC--GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA--	---AA---G-T-T-T-----G-G-T--G--TT--A-AA-GA--T-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-A-A--A-C---T-G--C-A--C--T-----G--AA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-C-G-A-G-T-G--T-GG---TA-G-A-----G-G-C-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-	C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GTA-G--G-C-G-----A--C-T-A-G--CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-	G--AG-C-G-AA-----TG--GG	Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0508	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	9	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_6665_16169	T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----AA--	--G-T-G-G-----G-A-T--G--																								

Otu0510	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_9484_17319 G---AC---GT-AG-GGT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-T-T-----AA- ---G-T-G-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CA-GGG-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-T---T--T-----A-CA-T-A--C-----T--G-G--CG--A-G-C---T-G-G-A-G-T--G---A-TG----AA-G-A-----G-G-T-T---TG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-A-A-A---CTG--G--TC-A-T-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0511	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0
	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_21695_14039 TC---GC---AG-AA-GAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AA---C-T-CC-----GT-G--C-C--AG-CA-----GC--C-----GC-G--GT-AA-----TAC--G-G-A-G-----G--T-TG-G-A-A----- ----AA---G-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A---T--T-----T--AA-A-A---C-----T--G-T--CC--A-G-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C- C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0512	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	68	0	0	55	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_9784_15449 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GG-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-T-C-T-----AA- ---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--AG--A-T-C---T-C-G-A-G-T--C---T-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-A-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-C-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0513	0	0	19	0	0	0	43	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	54	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_27511_16037 T---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C--A--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AA-G-G-T--- -----AA---G-T-A-G-----A-T-A--G--TG--A-AA-TC--T--GGT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-TCA-G--A-C---T-A--T-T---A--T-----C--TA-A-A---C-----T--A-T--CT--A-G-C---T-C-G-A-G-A--C---T-GT----TA-T-G-----G-G-T-A---AC-T-----GG--A--ATT---T- C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-GA--AC-A-CC---GA--T--A--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTG--G--GA-C-A-----G-T---T-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TA--GG-G- -AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0514	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	110	0	0	0	0	0	0	119
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_25182_17694 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-G-T-T----- -----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--CT--G-T-C---T-A-G-A-G-A--T---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0515 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 12 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_4340_13965 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-G-T-T-----
AA---G-T-T-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-AA-T-A--C-----T-G-G--CT--G-T-C---T-A-G-A-G-A--T---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);unclassified(64);

Otu0516 0 2 0 0 0 0 0 0
0 47 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_4536_14012 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--GG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-C---GG-T-----GG--A--ACT---G-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-G-A---CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(88);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);unclassified(88);

Otu0517 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 10 0 0 0
0
0 0 21 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_21976_16697 T---AC---GT-AG-GGT-----GCGAG-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----
----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G-TG--A-AA-AC--A-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-T-C-G-T-G--C-T---T-G--C-T---T-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A--A-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--AC-C-T-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0518 0 100 0 0 0 0 77 5 31 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 1 11 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_20327_11889 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-AC-A-G-C-----
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TG--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0519 0 0 0 0 0 2 1 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 4 0 0 0 0 0 0 0
1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_16935_4619 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--A-G--AG-GG-----GG--C----AA-GC-GT-TA-----A-TC-G-GAATT-----A--C-TC-T-A-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GT----GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(65);unclassified(65);unclassified(65);unclassified(65);

Otu0520	0	0	0	0	0	0	49	0	226	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_10451_19332 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-AC-G-G-C----																												
-----AA---G-T-T-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-CC--C-G-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-A-G-G--C-A---T-G--C-A--T-C-----G-AA-A-A--C-----T-A-C--TG--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);unclassified(82);																												
Otu0521	0	84	76	0	0	0	223	59	837	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0
	0	0	0	59	0	0	0	0	0	0	69	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	27	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	66	0	0	0	0	4	0	0	23	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	57	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	5	133	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_15155_14051 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-GT-A-T-C----																												
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-T-G-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TA--T-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-CG-----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT----																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(99);unclassified(99);unclassified(99);unclassified(99);																												
Otu0522	0	0	0	314	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_7678_20352 T---AC---GG-AG-GGG-----GTT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-G-C-----																												
AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-C--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-G-A--C-----T--G-T--TG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT----C-C-G-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-CG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(95);Rhodobacteraceae(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																												
Otu0523	0	0	0	0	0	0	16	1	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	203
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	153	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_15727_17296 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AA-G-G-C----																												
-----AA---G-C-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-G-G-G--A-T---T-G--C-T---T-T-----T--GG-A-A--C-----T--G-C--CA--T-G-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG-----GA-G-G-----G-G-T-G---AG-C-----GG--A--ATT----																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0524	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	86	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2110_19549_21157 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----GT---TA-T-C-T-----																												
-----AA---G-C-G-T-----A-A-G--G--TT--T-AA-GC--G-T-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-C-A-T-C--T-----C-G--C-C---T-T-----G--CG-A-A--C-----T--G-G--AC--T-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG-----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-G-CC--AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0525	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	586	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0		
	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_19317_18027 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-AT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-TA-T-T-T-----																											
	-----AA---G-T-G-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----C--CA-T-A--C-----T-G-G--AT--G-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG--C---GG--A--ATT---C-																											
	C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(98);Clostridium(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																											
Otu0526	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_20632_17000 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GG-A-C-T-----																											
	-----TA---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G--C-C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--TC--C-G-C---T-G-G-A-G-G--A--C-GG-----GA-G-A-----G-G-C-T--CG-C-----GG--A--ATT-----																											
	C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G---CTG--G--CC-C-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0527	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	62		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_9021_22356 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-C-----AC-																											
	---G-T-C-G-----A-A-A--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-C---T-G--C-T--T-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--TG--A-A-C---T-A-G-A-G-G--A--A-TG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
	GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
	C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0528	123	37	11	28	74	12	37	8	18	10	0	3	0	0	0	0	0	0	0	16	4	0	0	0	0	3	5	
	0	0	0	25	18	23	64	60	49	47	5	8	26	25	54	97	0	0	0	14	0	0	18	2	0	0	5	
	0	36	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	5	4	16	8	0	2	0	0	0	4	8	0	0	0	
	0	0	0	0	2	3	0	0	6	0	4	0	16	0	5	0	0	4	71									

Otu0530	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	26	136	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_10727_22179 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-AC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-A-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-A-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-C-T-A-A--A-C---T-G--C-T--T-G-----G--GA-A-A--C-----T-G-A-TA--A-T-C---T-A-G-A-G-T-A--A-GG----GA-G-A-----G-G-C-A--GA-T----GG--A--ATT---C-																											
T-T-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A--A-A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-A--G-A-A-G-A-AT-A-CT--TA--T--T-GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-T-G---CTA--G--AA-C-T-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-A--A-TG--C-G-TG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Campylobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0531	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_12426_18927 T---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-T-C-----																											
-----AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-T-G--A-T---T-G--C-A--T--C-----C--AA-A-A--C-----T-G-T-AG--G-T-C---T-T-G-A-T-T-G--G-AG----TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG-T--T-GC-G-AAG-G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--GC-T-C-----T-A--A-A-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T--G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0532	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	74	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_21841_17750 T---AC---GT-AT-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-C-T-T-----																											
-----AA---G-C-G-C-----A-G-G--G--TT--T-AA-GG--C-T-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-A-G-T-T---T-G--C-C--T--T-----G--TG-A-A--C-----T-G-G-GA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG-T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0533	0	0	34	0	0	0	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	58	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_28683_16096 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GA-G-G-C---																											
-----AA---G-T-T-G-----A-A-T--G--TC--T-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-A-T-A-G---T---C-G--C-G--T--T-----C--AA-A-A--C-----T-G-C-CA--C-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG-T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-A---CTG--G--GC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-T-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);unclassified(63);																											
Otu0534	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_6754_11993 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AG-T-G-C-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-G--C-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-AC--T-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C----GG--A--ATT---C-C-G-																											
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG-T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-G-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0535	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	27	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_6810_21124 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-CG-G-G-C-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-A--G-TG--A-AA-GG--C-A-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-T-G-G-A-C---T-G-C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T-CC--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-G-----T-A--A-C-T--GA--AG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0536	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_16879_10346 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-A-A-----																											
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-T---T-G-C-C---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--C-T-CA--A-G-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T--CTG--G--TC-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0537	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_18659_19897 T---AC---GT-AG-GAC-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-A-T-----																											
-----AA---G-T-T-G-----A-T-A--G-TG--A-AA-CC--T-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-TAC-A-G-A-C---T-A-T-T--A-T-----C--CA-A-A--C-----T--G-T-TA--A-G-C---T-C-G-A-G-A--A--T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-G--GC-T-----GG--A--ATT---T-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A--TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-C-C-A--CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0538	0	94	0	0	0	0	32	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	81	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_25878_15560 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-AT--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0539	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	6	18	0	0	0	31	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_14015_9545 T---AC---GT-GC-CAG-----CAGCC-G-----CG-G--T---A--AT-A-CGT-AG-----GT-G--G-C--GA-GC-----GTT--AT---CC-GGAAT-TA-----T-TG-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-T-----																											
AA---G-T-T-C-----A-T-G--G-TC--A-AA-TT--G-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-T-C--G-----C-G--C-C--A-T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A--T-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-																											
T-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-G---CTA--G--CC-A-A-----A-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----TA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Erysipelotrichi(100);Erysipelotrichales(100);Erysipelotrichaceae(100);Bulleidia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0540	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_21294_12063 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-GG-----AA-G-A-----G-G-T-C---GG-T-----GG--A--ATT----																												
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-G-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0541	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_18938_18238 C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----TC-AC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----																												
---AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A---C-GG-C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--A---T-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Aerococcaceae(100);Flacklamia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0542	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	53	0	75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_14882_9688 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-G-T-----TA-																												
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---C--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--AA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																												
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0543	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	20	0	0	9	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_24375_7657 T---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----C--G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-T-C-T-----																												
AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-A-G--C-C---T-G--C-A---T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--G-G-C---T-A-G-G-G-T--T---C-TG---GA-G-G-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-																												
T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-G-----A-T---A-C-C--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);																												
Otu0544	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	73	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	4	0	0	0	0	0	0	116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	60	0	2	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	227	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_12267_14903 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-C-T-C-----																												
-----AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-CC--C-C-TT-G-G----CT-A-AA-----C-T-A-A-G-G-G--C-T---T-G--C-A---T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-A--GG--A-C-C---T-T-G-A-G-T--A---T-CA---GA-G-G-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--A---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--CT-G-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Fastidiosipila(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0545 0 7 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_7397_7653 T---AC---GG-AG-AGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-A-G-T-----
AA---G-T-T-A-----A-A-A--G-TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T--T-----T--AA-A-A---C-----T--G-C--TA-A-T-C---T-A-G-A-G-A--T---T-GA-----AA-G-A-----G-G-A-T---AG-A-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AA--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----T--C-T-A-T---CTG--G--TT-C-A-----A-A---T-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rickettsiales(100);Anaplasmataceae(100);Wolbachia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0546 0 28 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 82 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_13640_14634 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GA-T-C-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-G-A---C-----T--G-G--AT--T-G-C---T-T-G-A-A-C--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-A---CTG--G--AC-G-A-----C-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingobium(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);

Otu0547 0
0 0 0 0 0 0 0 87 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_24631_9113 C---AC---GT-AG-GCA-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-C-----AA--
--G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-A-G-A-G--A-----T-G-CC-A--C-C-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G---CG-G-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----C--C-G-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);Acidimicrobiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0548 0
0 0 0 0 0 0 0 0 104 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 23 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 5 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_28969_16166 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-G-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-G-A---C-----T--G-C--AT--C-A-C---T-T-G-A-A-C--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-A-----C-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0549 0
0 12 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 25 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_16871_21111 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-T-G-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--G-T---G-T--C-A---T--C-----T--GA-A-A---C-----T--A-C--GG--A-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TG---GA-G-A-----G-G-A-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(68);unclassified(68);unclassified(68);unclassified(68);

Otu0550	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_12388_19105										T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-GT-C-T-T-----																	
										-----AA---G-T-T-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G--G-C-----G--AA-T-A--C-----T--G-A-GA--T-G-C---TG-G-A-G-T-G--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---																	
										C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--A--G--AT-GTA-G--A-T--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																	
										T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0551	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_7295_18738										T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-A-G-A-----AA-																	
										---G-T-C-A-----G-G-T-G--TG--A-AA-CC--T-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G--A-C---G-C--C-A--C-T-----T--GA-T-A--CT-----T--C-T--TT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-T--CA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																	
										GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--T-G-A-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																	
										C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0552	0	0	0	0	0	0	0	0	97	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	219	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_14338_16919										T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GA-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AC-T-G-C-----																	
										-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-A-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--GG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--A-TG---GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-																	
										C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-																	
										G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0553	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_27363_12144										G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-G---																	
										-----CA---G-T-C-G-----GTT-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--G-G---T-G--C-G---G-C-----C--GA-A-A--C-----A--C-C--AA--G-G-C---T-G-G-A-G-G--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ATA---																	
										---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-C-G-----G-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-T-G-																	
										GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0554	0	0	0	0	0	0	0	0	44	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_15766_13966										G---AC---AG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-T-T-----																	
										-----TA---G-T-C-G-----G-G-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-G-C---T-A-G-A-G-A--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATA---																	
										C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																	
										G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	

[illegible]

[illegible]

Otu0565	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	2	0	0	0	29	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_26738_15862							T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-T-----TA---G-T-C-T-----A-G-G--G--TG--A-AA-GC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--A-G---G-T--C-C--T-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-G--CA--G-A-C---T-C-G-A-G-G--G--A-TG----CA-G-A-----G-G-A-A--AG-T----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G--A--T-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A--C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG																	Bacteria(100);Chloroflexi(100);S085(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);																
Otu0566	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_12603_12830							T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-A-C-----AA---G-T-C-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-C-G----CT-C-AA-----C-G-T-G-G-A-G--G---G-G--TCA--T-T-----C--GA-A-A--C-----T-G-T--CG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GG----TA-G-G-----G-G--AG--TG-T----GG--A--ATTC---C-C--G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GC-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--CG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-T---CTGG--GC-C-G-----A-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);																
Otu0567	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_21479_17832							G---AC---AG-AG-GCC-----ACG-A-G----C-G--T---T-AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----TT-A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-C-G-T-----AA---G-T-G-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A-A-C---T-G--C-T--G-G-----G--CA-T-A--C-----T-G-C--GG--G-T-C---T-T-G-A-G-C-C--G-GC---CA-G-G-----G-G-T-C--AC-C-----GG--A--ACA---A-G-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-C--T-T-G-G-A-AC-G-CC--GA--C--G--GT-GAA-A-A-C-A-----G--G-T-G-A--CTG--G--GG-C-C-----G-C--G-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-C--C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG																	Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																
Otu0568	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	88	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_5176_13178							T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CT-A-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-T																																	

Otu0570	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	248	112	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_20145_6284 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-CA-G-G-C-T-----G--T-GC-T-T-C-----AA- ---G-T-C-A-----G-C-T--G--TA--A-AA-GG--A-T-GC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-T-T--A-----T-G--C-G---G--C-----T--GA-G-A--C-----T--G-A--GG--T-G-C---T-G-G-A-G-T--A--C-CG----GA-G-A-----G-G-C-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-TC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-G---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-T--AG- C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Synergistetes(100);Synergistia(100);Synergistales(100);Synergistaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0571	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	122	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_10318_8447 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----TC--C----GA-GC-GT-TA-----T-C--C-G--G-----A--T-CA-A-T-T-----AA--- G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--TT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--C---A-TA----TG-G-A-----A-G-T-A--GA-T-----AG--A--ATG---T-G-T-A-GT-- GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--A-C-A-G-A-AT-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--T-C-T-A--CTA--C--GT-A-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G- AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Polaribacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0572	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	44	0	0	0	0	0	0	0	35	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_25087_4149 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-C-----AA- ---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-G-A-G--A-----C-G-CC-A--C--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--CA-TG-A-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--TG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0573	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	15	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	70	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_18560_23449 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AT-G-T-C--- -----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GT--C-C-TA-C-T----TT-T-AA-----G-G-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--A---T-AG----GA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-A---CTG--G--AC-T-A-----A-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG- T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0574	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	97	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	5	0	0	0	0	135	195	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	2	114	0	121	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_17560_17371 T---AC---GT-AT-GGA-----CCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-A-A-T----- -----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-AT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T--A-----A-G--C-T---T--C-----T--AA-A-A--C-----T--G-T--AT--A-A-C---T-T-G-A-G-A--A--A-TG----AA-A-G-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C- T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-A-T-----A-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0575	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_16485_19660										C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G-----TG-GC-AA-GC-----G-TT-G-T-C-G-----G--T-GA-T-T-T-----																	
----AA----G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--AT--C-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);unclassified(61);																	
Otu0576	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	6	0	0	0	0	0	0	102	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_20853_22567										T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-G-T-----																	
-----CA----G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C--AA--G-T-C---T-T-G-A-G-G-A--T-GA----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---G-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--CT-C-A-----T-T--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0577	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_21296_23386										T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-A-T-T-----																	
-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G-A-C---T-G--C-G---C-T-----T-GA-T-A--C-----G--G-G--TG--T-G-C---T-T-G-A-G-G-A--C-GG-----AA-G-A-----G-G-C-T--CG-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G---CTG--G--TC-C-G-----T-A---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0578	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	1	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	7	3	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_3185_14127										T---AC--GT-AG-GTC-----TCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA---GT-----G-A-T-C-C-----G-----T-----AA---G-T-C-																	
T-----G-T-T--T--TC--A-AA-TC--C-T-AC-G-A-----CT-C-AA-----T-C-G-T-A-G-A--A-A---G-G--G-A--A--T-----G--GA-T-A--C-----T-G-C--AG--A-T-C---T-A-G-A-A-G--T---A-TC-----TA-G-G-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-G-GT--GG-A-																											
G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TC--G-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC--GA--A--A--GC-GAA-A--G-C-A-----G--C-T-A-A---CTA--T--AG-A-A-----T-A---C-T-T--GA--CG-A-T-G--A-GG--G-A-CG-A--CA-G-T---T-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----																											
--CA--GG										Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0579	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_6535_21828										G---TG---CC-AG-CAG-----CCG-C-G-----G--T--A---A--GA-C-GGAGGA-----TC-C--A-A--GC-GT-----TA--T---CC-GG-AA-TC-----A-TA-G-G---G-----G--T-CA-G-A-T-----																	
AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G-----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-C---A--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T--CT--G-A-C---T-T-G-A-A-T--T---A-TT-----AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A--ATA---T-G-T-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC--AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTA--C--TA-A-T-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Flavobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	

Otu0580	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	4	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	16	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	23	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_10057_20499 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TC-G-T-C-----																												
----GC---G-T-C-G-----G-C-T--G-TG--A-AA-AC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G--C-C---T-G--C-A--G--T-----C-GA-T-A--C-----G-G-G-CG-G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--T-TG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T--CTG--G--GC-A-A-----C-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Frankineae(100);Geodermatophilaceae(100);Geodermatophilus(100);unclassified(100);																												
Otu0581	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	45	6	0	0	0	0	6	9	0	0	0	0	24	0	29
	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	157	0	47	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	72	34	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	69	0	73	31	0	0	0	3	25	65	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_12112_7260 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G-T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA-																												
---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-G-A--C-----T--G-C--AG--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-GG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																												
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-C-G-----G-G--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0582	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	4	3	1	18	0	10	2	0	26	0	0	0	44	1	10	8	0	0	0	10
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_11936_24395 C---A---GC-A-GCC-----GCG-G-T-----A-A-T--A--CG-G-AGG-GT-----GC-A--A-G--CG-TT-----AC--C---CG-GA-AT-CA-----C-TG-G-G-C-G-----G--A-CA-C-T-T-----																												
----AA---G-T-C-T-----G-G-T--T--TT--A-AA-GA--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--C-A---T-G--G-A--C--T-----G--GG-T-A--C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-G-G-A-C-C--T--C-TG---GA-G-A-----G-A-G-A--AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-CC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-C---TTG--G--AC-A-G-----A-A--G-G-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Deinococcus-Thermus(100);Deinococcales(100);Deinococcaceae(100);Deinococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0583	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	15	0	0	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_17527_23784 C---TC---GC-AG-AAT-----AAG-CACC---G--G--C--T--AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G-----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-G-----C--A-AG-T-G-T---																												
-----TA---A-T-C-G-----G-A-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T---T-G--C-A--T--A-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG---GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---																												
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0584	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_15746_16540 T---AC---GT-GC-CAGC-----AGC-C-G-----CG-G--T--A--AT-A-CGT-AG-----GT-G--G-C--AA-GC-----GT--T-----GT-CC-G--GA-----T-TT-A-C-T-G-----G--G-CG-T-T-A-----																												
-----AA---GAG-C-G-----C-G-C--A--GG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-A--C--G-----C--GA-T-A--C-----T--G-A--TC--G-A-C---T-C-G-A-A-G--G--C-AG---GA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---																												
-C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-A-C---CTG--G--CC-T-GT-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);KD4-96(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

[illegible]

Otu0590	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	73	64	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_5513_12373 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-G-C-----AA- ---G-T-C-G-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A--G-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TGT-G-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-GG----TA-G-A-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0591	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	4	0	0	0	0	0	80
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	4	0	0	0	0	17	0	0	0	0	3	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_15462_7256 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----GC- ---G-T-C-T-----G-C-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-G-G--T-G---T-G--C-A--G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA-G-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG----TA-G-G-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A--CTG--G--GC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Micrococcaceae(100);Kocuria(99);unclassified(99);																												
Otu0592	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_25175_18753 T---AC---GT-AG-GAT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-T-A-T----- -----AA---G-T-G-A-----A-T-A--G--TG--A-AA-TC--T-G-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-ACA-G--G-C---T-A--T-T--A--T-----T--CA-A-A--C-----T--G-T--AT--A-A-C---T-C-G-A-G-A--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ATT---T- C-T-T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A--CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0593	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_9517_19446 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-GC----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A-----TT-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-CT-C-T-T-----ACA- ---G-T-C-A-----G-C-G--G--TG--A-AA-TG--T-C-TG-G-G----CT-T-AC-----C-C-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-C---G--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-T-C---T-T-G-G-A-T--A--A-GC-----AT-A-A-----G-G-A-C---GG-C-----GG--A--ATG---C-G-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-C--G-T-A-G-A-AG-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-G-T---CTG--G--GT-C-T-----T-T---A-T-C--GA--CG-C-T-C--A-AG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0594	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	28	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_4551_18475 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G----- AAT---T-A-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GT-G-A--C-----T--G-C--AA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT----CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----GG--A--ATT---C-C- G-C-AT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Alcaligenaceae(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);unclassified(54);																												

Otu0595	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	137	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17124_12915														G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-G-T-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-T--T-C--G-G--C-A--T-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AA---TA-G-A-----G-G-T-A--GG-G-----GG-A--ATT---C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG-T--G--GC-GAA-A-G-C-G-----C--C-C-T-A---CTG-G--GT-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C---C-AG--GG-T--AG-C-A-AA-----TG--GG														Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);													
Otu0596	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	6	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	17	15	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_17572_2975														C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GT-----AG--G---TG-GC-GA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--A-CA-T-A-T-----AA---G-T-C-C-----A-T-C--T--TA--A-AA-GT--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-G-A-----G-G--G-G--A-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--AT--G-C-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG-G--AC-T-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG														Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Veillonellaceae(100);Selenomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);													
Otu0597	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	0	0	0	2	0	0	3															
	0	1	0	0	6	7	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_5790_10049														T---AC---GT-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-----G-T-G-G-T-----G----C-G-T-----AG---G-T-C-G-----G-T-G--G--TT--A-AA-GG--C-T-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T-A-----A-G--C-C--G-C-----C-GA-A-A--C-----T-G-G--AG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG-G--AC-T-G-----C-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Peptostreptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);													
Otu0598	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	16	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_25434_15603																																									

Otu0600	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0
33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_7219_8491 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AA-T-T-C-----AA- ---G-T-C-T-----G-C-T--G--TT--A-AA-GG--T-T-CT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-G-A-G-A--C-A---G-G--C-A--G--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--AT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG-----TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-C-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----C--T-C-T-G---CTA--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG- C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0601	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	26	0	60	0	18	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_25942_10977 C---AC---GT-AG-GCA-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-G-T----- ----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-A-G--A-----C-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---TG-G-----GG--A--ATT--- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinaeae(100);Acidimicrobiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0602	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	3	0	9
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_15060_17325 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-A-G-C----- -----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---G-G--C-C---C--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-T--TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0603	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	19	35	46	0	0	0	44	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_12360_13769 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-G-T-C----- -----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-A-G--C-T---T-G--C-T---T--C-----T--GA-T-A--C-----G--G-G--CT--G-A-C---T-A-G-A-G-G--T--A-TG---CA-G-G-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ATT--- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG-- GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardioidaceae(100);unclassified(89);unclassified(89);																												
Otu0604	0	0	3	1	8	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
12	8	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	4	0	0	0	0	0	8	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	6	2	0	0	0	1	0	9	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	5	1	0	0	0	12	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_23595_12818 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-GT-----T--A-AT-C-G-G----- -----AA---G-A-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----T--GT-G-A--C-----T--G-C--AT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG---CA-G-A-----G-G-G-G---GA-T-----GG--A--ATT--- C-C-G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----A--T-C-C-C---CTG--G--GC-C-T-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Comamonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0605	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_23892_16904 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-G-C----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-A--G-TG--A-AA-TC--C-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-G-A--A-C---T-G-C-T---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG-----TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-A--CTG--G--GC-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-																											
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(62);Clostridia(62);Clostridiales(62);unclassified(62);unclassified(62);unclassified(62);unclassified(62);unclassified(62);																											
Otu0606	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	2	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	4	1	4	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_29305_10373 C---TG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G---T-AA-TACAG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T-----AATCGGAATTA-----C-TG-G-G-T-G-----G--C-TT-G-A-T--																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TA--G-G-C---T-A-G-A-A-T--A--G-GT---GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----AG--A--ATT---																											
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-C-----A-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0607	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	66	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_7460_13336 T---AC---GT-AG-GAC-----CCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-T-T-----																											
AA---G-C-G-A-----G-T-A--G--TG--A-AA-TC--G-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-AC--G--G-C---T-A--T-T---A--C-----T--CG-A-A--C-----T--G-G--CG--A-G-C---T-C-G-A-G-A--A---T-GG---TA-G-A-----G-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATT---T-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-C-T-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0608	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_27725_18600 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-G-C-C----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-T-A-G--A-C---T-G--C-A---G--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--TA--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG-----TA-G-A-----G-G-T-T---GG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-A---CTG--G--GC-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);																											
Otu0609	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	15	0	0	0	0	15	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_22438_8104 T----AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CG-T-T-T-----GC-																											
---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---G-G--C-A---T--C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--GC--G-G-C---T-G-G-A-G-A--C---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ATA---G-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--C-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CC-C-G-----G-A---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0610 2 14 0 0 0 0 0 0 1
0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 26 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 11 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_16403_8442AC---T-AC-GTG-----CC-A-G---C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GA-C---AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A-T-CT-T-T-T-----AA---G-
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A-T-----G-GT-C-A---T-T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--AA-G-A-C---T-T-G-A-A-T--G--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);

Otu0611 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 28
0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 28 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_10312_10472 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G---C-G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-T-G-T---
-----TG---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G-G-C---T-G--C-G---C-C-----C--GA-A-A---C-----G--G-C--GG--G-G-C---T-G-G-A-G-G--C---A-AG---GA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG--A--ATT--
--C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G---CTG--G--CC-T-T-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0612 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0
0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 4 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 24 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 29
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_18593_16365 T---AC--GT-AG-GAT-----CCG-A-G---C-G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-A-A-T---
-----AA---G-C-G-A-----A-T-A--G--TG--A-AA-TC--T-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-TCA-G--A-C---T-A-T-T--A-T-----T--CG-A-A---C-----T--G-T--TA--A-A-C---T-C-G-A-G-A--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-T-A---GC-T-----GG--A--ATT---T-
C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-C-T-A---CTG--G--GC-T-G-----T-T---T-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0613 0 309 108 0 0 0 225 4 117 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0 50 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_19843_7140 T---AC--GT-AG-GGA-----GCA-A-G---C-G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-CC-G-G-C-----
AA---G-T-T-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T-T-----C--AA-A-A---C-----T--G-C--TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-TG---GA-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-C-G-
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0614 0 3 0 0 0 0 0 0 0 18 0 35
0 86 0 0 0 0 0 0 0 0
0 272 0
0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0 31 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_17751_9172 T---AC--GT-AT-GTC-----GCG-A-G---C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----AT--A---AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-T-G-T-----AA--
--G-T-C-T-----A-G-G--G--TG--A-AA-AC--C-T-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-G-G--C-C---T-G--C-C---C-C-----G--GA-A-A---C-----T--A-C--AG--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-TG---GA-G-A-----G-G-T-G---GA-C-----GG--A--ACT---G-C-A-C-
GA--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--C-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T--G--AT-GAA-G--A-T-A-----G--T-T-C-A---CTG--G--AC-G-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);Leptotrichia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0615 0 0 0 0 96 0
0
0 15 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 29 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_2986_10392 T---AC---GA-GT-GCC-----TCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-TT-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TA-T-A-T-----TA---
-G-T-C-T-----T-T-T-G--TT--A-AA-TT--C-T-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-G-C-A---T-G-C-A---A-A-----G-GA-A-A---C-----G-G-T-AT--G-AC----T-A-G-A-G-G-A---T-GC----GA-G-G-----G-G-T-C---TG-C-----GG--A--ACT---C-A-T-A-GT-
-GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TT--A-T-G-G-G-G-A-AC-A-CC---AA-A-A--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-A-G-A---CTG-G--AG-C-A-----C-T---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-AA--C-A-AG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--CG-C-G-
AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0616 0 200 0 0 0 0 2 0
0 4 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_20390_9750 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TT-T-C-T-----AA---
--G-C-A-C-----G-G-G-G--TT--T-AA-GG--C-A-AT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-T-G-T-T-----C-G-C-C---T-T-----G-TG-A-A---C-----T-G-G-AA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-T-T---CTG-G--AC-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0617 0 8 0 0 0 0 0
0
0
0 0 0 0 0 16 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_27630_7402 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----GC--
--G-T-C-G-----A-C-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G-T-C---T-G--C-A---G-T-----C-GA-T-A---C-----G-G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-T---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-G-T-C-T---CTG-G--GC-C-G-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(67);unclassified(67);unclassified(67);unclassified(67);

Otu0618 0 8 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_6016_15235 G---TG---CC-AG-CAG-----CCG-C-G-----G-T---A--AT-A-CGG-AG-----GA-T-C-C-GA-GC-----GT-T---AT-CC-GG-AT-----T-TA-G-G-T-G-----G--G-TT-G-T-T-----AA--
--G-T-C-A-----G-T-T-G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-A-A-T---T-G--C-A---G-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-G--CA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-A---C-AG---TA-G-A-----G-G-T-G---GG-C-----GG--A--ATT---C-G-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-T-C-A---CTA--G--AC-T-G-----T-T---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-TG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--AT-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Bacteroidaceae(100);Bacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0619 0 0 0 0 0 59 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 49 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_18293_22835 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-A-T-C---
-----AA---G-T-T-G-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----C-AA-A-A---C-----T-G-A-TA--G-C-C---T-A-G-A-G-T-A---T-GA---TA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ACT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG-G--AT-C-A-----T-G---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(55);unclassified(55);unclassified(55);unclassified(55);

Otu0620 2 0 0 0 0
0
0 18
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_25241_18621 G---AC--GA-AC-CGT-----GCG-A-A----C-G-T--T--AT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----TT-A----AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CC-G-G-C-----
-----AC---G-T-C-C-----GAC-G--C--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-A-G---T-G--G-C--G--G-----G--GA-T-A--C-----G--A-C--CG--G-C-C---T-C-G-A-G-G--G--G-GG----TA-G-G-----G-G-G-A--CC-T-----GG--A--ACT---
-T-C-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---CG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----A--G-G-T-C---CTG--G--AC-C-C-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Planctomycetacia(100);Planctomycetales(100);Planctomycetaceae(100);Singulisphaera(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0621 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 46 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_7158_8330AC---T-AC-GTG-----CC-A-G-----C-A-G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GA--C-----AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-CT-T-T-T-----AA---G-
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--T-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--G-A-C---T-T-G-A-A-T-A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-A---CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0622 0
0
0
0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 174 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_16413_22482 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-T-T-----
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--A-C-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG-----CA-G-A-----G-G-T-G---TG-T-----GG--A--ACT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-A-C-A---CTG--G--GC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0623 0 13 0 0 0
0 0 0 0 0 0 1 0
0
2 0 2 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_23697_6859 C---CG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G---T--AA-TACGG-AG-----GG-T--G-C--GA-GC-----GT--T-----AA-TCGGAATT-----ACTG-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-T-----
AA---G-C-A-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---A-G--C-A--T--T-----T--TG-A-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG-----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---T-C-A-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);Photobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0624 0
0
0
0 10
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_23524_22293AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA--G-CG-TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TT-C-T-T-----
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-G---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-C-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Aerococcaceae(100);Aerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0625	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	112	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_22034_7545 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-G-G-T-----CA---G-T-C-G-----G-G-C--G-TG-A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G-A-C---T-G-C-G---T-T-----C-GA-G-A--C-----G-G-C-TG-G-T-C---T-A-G-A-G-T-G---G-GG---AA-G-A-----G-G-G-T--CG-T-----GG-A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-G-A-C--CTG--G--TC-C-T-----T-G---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0626	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	29	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_10399_7307 C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TC-A-G-T-----AA---G-T-C-G-----G-G-T-G--TG-A-AA-CC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-GAG-A-----C-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-C-TG-TG-A-C---T-A-G-A-G-T-C--C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G--CG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-G-C-T--CTG--G--GC-T-G-----G-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0627	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_26976_5287 C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GT-----AG--G---TG-GC-GA-GC-----G-TT-G-T-C-G-----G--G-AA-A-G-T-----AA---G-T-C-A-----G-T-C-T--TA--A-AA-GT--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-G--A---G-G--G-G--A-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-C--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG-A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Veillonellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0628	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	89	0	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_23985_15860 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TA-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-G-T-----AA---G-T-C-T-----G																											

Otu0630	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	2	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_17385_14870 C---TC---GC-AG-AAT-----AAG-CACC---G-G-C---T--AACTCTGT-GC-----CA-G-C-A-GCC-GCG-----GT--A----AT-AC-AG-AG-----G-GT-G-C-A-G-----G--T-CT-G-T-T-----AA---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T---T-G-C-A--T-A-----C-GA-T-A--C-----T-G-G-GA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T----AG-A-ATT---C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-C-A-T--CTG--G--CC-T-A-----A-T--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(59);unclassified(59);unclassified(59);unclassified(59);																												
Otu0631	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	68	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_15626_10296 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-T-G-A-G--C-G---T-G--C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----G--G-G-CA-G-A-C---T-T-G-A-G-G--G--A-TG---CA-G-G-----G-G-A-G--AA-T-----GG--A-ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-T-C-T--CTG--G--GC-A-T-----T-T--C-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);																												
Otu0632	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_27549_18897 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GG-C-C-C-----AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G--C-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GT--T-G-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TG---GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A-ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--CG--T-G--GT-GTA-G--A-C-G-----G--C-T-T-G--CTG--G--AC-A-G-----T-C--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0633	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	316	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_6715_19018 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AA-T-G																												

Otu0635 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 3 7 0 0 0 0 0 0
0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 35 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_2882_9488 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--CG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);unclassified(91);

Otu0636 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 40 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 24 0 0 0 6 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_16288_13793 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-A-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T--GA-G-A---C-----T--G-T--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-C--A---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-G-----T-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);unclassified(92);

Otu0637 0
0
0 4 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_19390_22270 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AC-G-G-A---
-----CA---G-T-C-A-----G-G-C--G-TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-T----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G---T-T-----T--GA-T-A---C-----G--T-T--CG--A-G-C---T-A-G-A-G-G--A---T-GG----AA-G-A-----G-G-C-T---CG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-G---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0638 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 2 10 0 2 0 0 0 0 2
0 8 6 26 0 0 0 12 0 20 8 13 4 18 0 3 3 0 0 41 22 0 0 46 0 0 0 0 1
1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 10 0
5 0 0 10 0 0 1 0 0 1 0 0 2 11 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_15172_9536 G---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T--G--T---T--AT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--AG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G---TG-A-A-T-----
CT---G-C-A-G-----G-G-T--T--GG-AAGGGAAA--G-T-CG-C-C---AA-C-AA-----T-T-G-G-C-G-G--G-G---T-G--C-T---T-T-----C--GG-A-A---C-----C--A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--G---A-GA----TA-G-G-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---T-
C-G-T-GT--GT-A-G-GG-AT--C---A--A-A---TC-C-GG-AG--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GT-C-T-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--G-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0639 0 12 0
0
0
0 0 46 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_19727_7325 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-C-G-----
CA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-G-A---C-----G--T-G--TG--G-T-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GA----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TT-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0640	0	0	0	0	0	0	0	0	76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	138	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_4712_19514 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CT-G-G-C-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-T--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0641	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	
	0	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_18640_16642 G---AC---GT-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-T-T----- -----GC---G-T-C-G-----G-C-T-G--TG--A-AA-AC--C-C-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-G--C-T---T-G--C-A--G--C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT--- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C--G-TG-- GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micromonosporineae(100);Micromonosporaceae(100);unclassified(56);unclassified(56);																											
Otu0642	0	97	1882	0	0	0	107	6	258	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	2	15	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	99	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_7601_16394 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-G-G-C----- AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-T--TG--T-G-C---T-T-G-A-G-T--G---A-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T- G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--GC-C-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Ruminococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0643	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_18700_16534 C---TC---CG-TG-CCA-----GCAGCCG-----CG-G--T---A--AT-A-CGG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T-----AT-CC-GG-AT-----T-TA-G-C-T-G-----G--G-TC-T-G-T---- -----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A--T-----T--GA-T-A--C-----T--A-T--AG--A-T-C---T-T-G-A-A-T--T---A-TC---TG-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATA---T- G-T-C-AT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--A-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-A---CTA--C--GG-A-T-----C-G---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G-- AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0644	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_21736_8913 C---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-----G-----G---TC-G-G-----A----- -----T--G--TG--A-AA-AC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-A-G--A-----C-G-CC-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--GA-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--TG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT- A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA- -----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0645	0	338	60	0	0	1	313	14	481	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	
	0	5	67	0	0	0	0	0	5	16	60	0	0	0	0	0	105	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	4	33	27	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	
	0	0	0	0	0	11	0	0	35	0	189	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	148	161	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_24365_8959	T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-C-AA-G-G-C-----	AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-A-AGC--C-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-G-A-C---T-G-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-CT--G-G-C---T-C-G-A-G-T-G--C-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG-A-ATT---C-C-T-	A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--AG--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-TA---CTG-G--AC-G-G-----TA---A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--	AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																							
Otu0646	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	63	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_23710_13030AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GT-----GG--C---AA-GC-G-TT-----G---T-C-C-G-----G--T-CT-T-T-T-----	AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G---G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G-AA--G-A-C---T-G-G-A-G-T-G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-	A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-C-T---CTG-G--TC-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--	AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Listeriaceae(100);Listeria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																							
Otu0647	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	3	0
61	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_11278_14352	T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----	-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-T---T-G-C-C--T-T-----T-AA-G-A--C-----T-G-C-AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T-C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG-G--CT-C-G-----G-T---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--	-AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);unclassified(95);																							
Otu0648	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	2	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	16	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_19867_16474	T---AC--GT																											

Otu0650	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	6
11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_10814_8506 T---AC---GA-GG-GAT-----CCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CT-T-G-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-T-T-G-TG-A-AA-GC-C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A-A-G---T-G-C-T---T-C-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-TT-G-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-TG---GA-T-A-----G-G-G-G--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-A-G- GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--C-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G-CC-A-T-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G-A-AA-C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0651	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	55	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_17470_22577 T---AC---GA-GG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-A-T--- -----AA---G-T-T-T-----G-A-T-G-TG-A-AA-TC--T-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-G-T-C---T-G-C-A--T-C-----G-AA-A-A--C-----T-G-T-CG-G-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A-ATT---T- C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G-A-A-G-G-A-AC-A-CC--TG-T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G-AC-C-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G-A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C--T-AG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Edaphobacter(62);unclassified(62);unclassified(62);unclassified(62);																												
Otu0652	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	
0	1	1	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_23184_12869 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-GC-----T-AA-G-G-C-G-----G--C-CG-G-C-T----- -----AA---G-T-T-G-----G-T-G--G-TG-A-AA-TT--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-A-A-C---T-G-C-C--T-C-----C-AA-T-A--C-----T-G-G-TC-G-G-C---T-C-G-A-G-T-G--C-GG---GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----GG-A-ATT--- C-C-C-G-GT--GT-A-G-TA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-T-T---CTG-G-CC-C-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G-T-AG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G- G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0653	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	130	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_7690_8296 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-AT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA																												

[illegible]

Otu0660	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_17732_15896	T----	AC--GG-	AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-AT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-A-G-A-----AA---	G-T-T-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-C-----T-AA-A-A--C-----G--C-C-TG--G-T-C---T-T-G-A-G-G--T--C-GA----	GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG-A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																				
Otu0661	0	117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	0	0	0	77	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	54	148	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_11619_18899	T----	AC--GA-	AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-AT-G-G-A-----CA---	G-T-C-A-----G-G-T--G-TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G-A-C---T-G--C-A---T-T-----T-GA-T-A--C-----G--T-T-CA-A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG----	AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG-A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																				
Otu0662	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	5	0	0	0	0	0	0
	0	0	48	0	0	0	0	0	7	14	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	18	6	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	70	0	0	0	0	0
	0	80	0	0	0	30	1	0	0	7	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_22324_16347	T----	AC--GT-	AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---	G-T-C-T-----G-C-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-T---T-G--C-A---G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG----	TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG-A--ACT---C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Microbacteriaceae(89);unclassified(89);unclassified(89);																				
Otu0663	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_22468_9812	T----																									

Otu0665	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0
7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_7146_13032 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-T-----																													
AA---G-T-T-G-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G-C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G-CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--T---C-CG-----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																													
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-T---CTG--G--AC-G-G-----A-C--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Rhodospirillaceae(100);Azospirillum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0666	0	52	0	144	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	6	2	0	0	0	0
6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	50	10	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
0	0	5	0	41	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	2	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_6284_9083 C---A---GC-A-GCC-----GCG-G-T-----A-A-T---A-CG-T-AGG-GC-----GC-A-A-G--CG-TT-----AT-C---CG-GA-AT-TA-----T-TG-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----GC---																													
-G-T-C-T-----G-C-C-G--TG--A-AA-GT--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-G-C-C-G-G-A-T-C---T-G-C-G--G-T-----G--GG-T-A--C-----G-G-G-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																													
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA-T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G-G-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-																													
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Micrococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0667	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	6	11	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	54	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	165	0	52	0	102	121	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_17940_16164 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-T-T-----																													
-----AA---G-T-C-G-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---C-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-G-GA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ACT---G-																													
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0668	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	
2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	45	0	5	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_6026_19815 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-AG-A-G-C-----																													
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-A-G-G--A-C---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																													
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0669	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_20207_24273 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-C-T-C-----																													
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-C-----C-GA-T-A--C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-G-G-A-G-G-A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT---																													
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-G---CTG--G--CC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													

[illegible]

Otu0675	0	95	17	31	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	37		
	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	70	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_11715_11048 G---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T-G-T---T-CT-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-GA-A-T-C-----GG---G-T-T-T-----C-A-A-G--TT--C-AA-G---T-C-GC-C-A-----AA-A-AG-----A-G-G-C-G-G-A-A-----T-G--C-T---C-T-----C--GA-A-A--C-----C-A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T-G--A-GA-----CA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----TT--C--ATT---T-C-G-T-GT--GT-A-G-GG-GT--G---A-A-A---TC-C-TC-AT--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AG-G-CC--AA--A-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GT-C-C-----C-T---A-C-C--GA--CG-C-T-G--G-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0676	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	0	0	1	0	0	5	1	0	0	0	6	0	0	8	0	0	0	22	1	0	6	0	0	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_15826_24272 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G-T---T-AC-C-CGG-AA-----TC-A-----C-----T-----GG-GC-----G-T-----A-CA-C-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-G-T-T-TT--A-AA-GA--C-C-GG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--C-A---T-G--G-A--C-T-----G--GG-T-A--C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-G-G-A-C-C-T---C-TG---GA-G-A-----G-A-G-A--AC-T---GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-C---TTG--G--AC-A-G-----A-A--G-G-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Deinococcus-Thermus(100);Deinococcales(100);Deinococcaceae(100);Deinococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0677	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	42	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_13280_16706 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-A-----CA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G---CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-T-A--C-----G--T-G--CG--A-G-C---T-T-G-A-G-T-G--T-GA---AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T---GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TT-C-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);uncultured(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);																												
Otu0678	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	5	4	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_6585_8141 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-A-GA-GG-----GT-----GC-GA-GC-GT-----T-AA-T---C-G-----G--C-TT-T-T-T-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-A-G																												

[illegible]

[illegible]

Otu0690	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	51	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_3192_11017 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--C-T--GG-G-----TT-----A---G--GC-----G---G-A-C-----TT--G-T-----AA---G-T-																												
C-C-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A-T-----G--GA-T-A--C-----T--A-T--AG--G-T-C---T-T-G-A-A-T--G--T-TG----TG-G-A-----G-G-T-T--AG-C-----GG--A--ATA---G-T-T-C-AT--GT-																												
A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--C-T-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-G-G---CTA--C--AC-A-A-----C-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-AA----																												
---CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0691	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_3639_17456 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC-																												
---G-T-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-AT--C-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A--C-C---T-G--C-A---T--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-																												
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0692	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_11898_20548 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																												
----GC---G-T-C-G-----T-T-C--G--TG--A-AA-AC--T-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-A-A-G--C-G---T-G--C-G---G-G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A---C-TA---CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GT-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(76);unclassified(76);unclassified(76);unclassified(76);																												
Otu0693	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	1	0	0
	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_21873_23625 T---GC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T-AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G-----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-GC-----A--A-GC-G-T-T----																												
-----AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GT-----GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT----																												
C-C-A-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(85);Moraxellaceae(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);																												
Otu0694	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_8994_21177 G---AC---AG-AA-TAA-----G-C-A-C-----CG-G--C---T-AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G-----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-G-----A--A-GC-G-T-T-----																												
AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-T--CG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-																												
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0695	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	74	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_17621_13932 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-T-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---G-G--C-C--T-T-----T--GA-A-A--C-----T-A-G--AT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---GA-G-A-----G-G-T-T--AG-T-----GG--A-ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-A-A---CTG--G--AC-A-A-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Novosphingobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0696	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_23598_7201 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-G-G-A-----																											
AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T--AA-A-A--C-----T--C-T--CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-G-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G-																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(77);Rhodobacteraceae(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);unclassified(77);																											
Otu0697	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	112	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_17052_22306 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TG-G-T-T---																											
-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G---CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CC--A-T-C---T-A-G-A-G-A-T--C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A-ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----A-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0698	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	12	1	0	0	6
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	14	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	92	18	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_14770_13985 G---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T-C-C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-GA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-G-----G--T-TA-A-TGT---																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--TT--A-A-C---T-A-G-A-G-T-T--T-TG---TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----AG--A-ATT---T-																											
C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Alteromonadales(100);Psychromonadaceae(100);Psychromonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0699	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	4	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	3	0	1	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_28438_17513 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T-C-T---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CA-GA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-GT-----T--A-AT-C-G-G-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TG--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT---GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----AG--A-ATT---C-																											
C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0700	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	29	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_14054_20139 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CG-C-T-T-----GC---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----C-GA-T-A--C-----G--G-G--GC-G-G-C---T-C-G-A-G-A-C--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATA---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0701	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	
	3	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	3	0	0	0	0	0	1	0	6	15	1	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_4534_7687 T---GC--AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T-AA--C-T-CT-----GT-G--C-C--AG-CA-----GC--C---GC-GG-TA-AT-----A-CA--G-A-G-----G--G-TG-C-A-A-----GC---G-T-T-A-----G-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T-GA-A-A--C-----T--G-T-AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT---GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0702	0	0	0	0	0	0	1	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_9980_13623 T---AC--GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--G-AA-G-G-T-----AA---G-T-T-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-A-G-G-A--A-C---T-G--C-G--A--C-----T-AA-A-A--C-----T--G-C--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-TG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0703	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	20	0	0	0	0	0	140	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_25388_18113 T---AC--GT-AG-GGT-----ACT-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--G-AA-AG--G-T-GC-C-G-----CT-T-AA-----C-G-G-T-G-C-G--C-G---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G---TC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-A-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0704	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	6	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	9	
	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	4	0	
	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_26449_5125 G---AA--GC-AC-CG-----GCT-A-A-----C-----T--C--CG-T--GC-CA-----GC-A--G-C--CG-CG-----GT--A----AT-AC-GG-A-----G-GG-T-G-C-A-----A--G-CT-G-T-T-----AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);Enteric_Bacteria_cluster(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu0705	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	79	30	0	0	0	0	0	0	0	31	9	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	25	0	2	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_10222_13542													G---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-T----														
-----AA---G-T-G-A-----G-G-C-G-TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-G-G-A--G-G---T-G--C-G---T-T-----T--CA-T-A--C-----T--G-G-AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A---C-GA-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----																											
C-C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CT-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Proteobacteria(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);unclassified(79);														
Otu0706	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_4216_6191													T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-AT-G-G-C-----AA-														
---G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GG--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T-CA--A-A-C---T-A-G-A-G-T--A---C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----A-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu0707	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	1	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_18620_14640													G---AC---GT-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----														
-----GC---G-T-C-G-----G-C-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-G-G--C-T---T-G--C-A--G--C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA-G-G-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micromonosporineae(100);Micromonosporaceae(100);unclassified(69);unclassified(69);														
Otu0708	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	1	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_19997_5721													C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GTG-C----AA-GC-GT-TA-----A-TC-G-GAT-G-----G--C-CA-A-T-T-----AA-														
---G-T-C-A-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--TT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu0709	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_24363_5982													T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-C-A-----														
CA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-T-A--C-----G--T-G--TA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GA-----GA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT---C-T-C-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-A-C---CTG--G--CT-C-A-----T-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														

Otu0710	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_16642_9063 C---GG---CT-AA-CTC-----TGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-TA-----G---G----TG-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0711	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	18	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_27116_9784 A---AG---CC-AC-G-G-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A---CG-TA-GG-TG-----G-CA-A-G-C-G-----G--T--T-G-T-C-----CG---G-A-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G-A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0712	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	55	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_25339_5746 A---AG---CC-AC-G-G-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A---CG-TA-GG-TG-----G-CA-A-G-C-G-----T--TGTC-C-G-G-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0713	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	85	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_14360_10388 G---AC---GG-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-T-CGT-TT-----TG-A--T-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-AT-----G-TA-G-G-C-G-----GCCC-CT-A-G-T-----TT---T-T-T-G-----G-C-T--A--AA--A-AA-GC--G-G-AG-T-G-----TT-C-CT-----A-T-G-C-T-A-T--A-T---G-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A-----A--A-G--GG--G-G-C---T-T-G-T-G-T--T---G-AT-----GA-T-A-----G-G-T-C---GG-G-----GC--A--AGT---T-C-T-T-AT--GT-A-G-GG-GT--A---G--A-A---TC-C-CA-CC--AT-A-TG--A-G--A-A-C-G-A-AC-G-AC---AGC-T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----C--C-C-T-T---CCC--G---C-T-T-----C-A---A-C-A--GA--CG-C-T-A--A-GG--T-A-CG-G--AA-G-C---T-TA--GG-T--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0714	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	44	5	0	0	1	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_27273_12167AC---T-AC-GTG-----CCA-G-C-----A--G--C---T--G--C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0715	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_3904_10302	T---AC--GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-T-T-C-----AA-	---	G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T-A-G-AT--A-G-C---T-A-G-A-A-T-C---T-TG----	GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A--ATT---C-C-G-A-	GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-C-A--CTG--G--AC-A-A-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-	A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0716	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	131	6	0	5	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_4629_10581AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T-AG-GT-----GG-C---AA-GC-G-TT-----G---T-C-C-G-----G--T-CC-G-T-T-----AA---G-	T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--CG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--	GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-	AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);unclassified(85);																							
Otu0717	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	3	2	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_21549_9896	G---AA--GA-AG-CAC-----CGG-C-T-----A-A-C---T--CC-G-TGC-CA-----GC-A-G-C--CG-CG-----GT-A----AT-AC-GG-AG-----G-GT-G-C-G-A-----G--C-GT-T-A-A-----	TC---G-G-A-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---A-G--C-A--T-T-----T--TG-A-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---T-C-A-	G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-C-C-C--CTG--G--AC-A-A-----A-G--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--	AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																							
Otu0718	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	5	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	
	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_24720_4276	T---AC--GT-AG-GGG-----TCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-																											

Otu0720 0 35 0 0 0 0 14 0 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 3 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_8307_6013 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA---G--G-----G-C---G-C-----G-C-----AA---G-T-
T-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--T-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-A-A-A-C---T-G--C-T---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--G-C--TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-G-T-GT--GT-
A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA--
-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0721 0 0 0 0 0 0 1 20
0 2 0 13 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 27 0
0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 17 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_9679_13523 T---GG---CT-A--ACT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--A---TG-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--T-TC-T-T-T-----AA---
-G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T--CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);Desemzia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0722 0 0 0 0 0 12 0 25
10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 67 24 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 60
25 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_20060_18242 T---AC---GG-AG-GGG-----GTT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CT-G-G-A---
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---G-G--C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--C-C--CA-G-C-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0723 0
0 8 0 0 0 0 0 0 0
0
0 10 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_26550_11434 T---AC---GT-AG-GGG-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-GC-G-T-T---
-----CT---G-C-C-C-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--A-C---G-T--C-G---T-C-----G--GG-G-A--C-----G--G-G--CG--C-G-C---T-T-G-A-G-G--G---C-GG---CA-G-G-----G-G-C-T---GG-T-----GG--A--ACT---
---CCC-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--TG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GC-C-G-----G-C---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0724 0
0
0
0 46 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 38 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_20797_20817 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-G-T-----
-----CA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--AA-T-A--C-----T--G-C--CA--G-T-C---T-A-G-A-G-A--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---G--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--CT-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);Devosia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0725	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_17653_20849 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T-GT-C-CGT-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-T-G-----G-C-CT-G-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-GA--T-C-AC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-T-A-----A-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-A-AA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-T--A-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG-A-ATT---C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG-G--AC-T-T-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);unclassified(90);																											
Otu0726	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_17387_17374 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-GA-G-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-CT--T-G-C---T-T-G-A-G-T-G--T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG-G--AC-G-A-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0727	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_12180_17483 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CC-G-A-T-----TA---G-T-C-A-----G-A-A--G-TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-T--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-CG--G-G-C---T-T-G-A-A-T--C--A-CG----GA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-A-C---CTG-G--CC-G-T-----C-G--A-T-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Rhodospirillaceae(100);Magnetospirillum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0728	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_20003_9249 C---TA---AC-TA-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----GG-C----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A-T-TA-G-G																											

Otu0730	0	73	150	0	0	0	77	11	59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	49	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	95	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_11984_23285										T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA---G-G-----G--A--G-C-----G---T-----																		
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-A-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--GG--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG---TA-G-A-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-										A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--GC-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																		
C-A-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(70);unclassified(70);unclassified(70);unclassified(70);																		
Otu0731	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_11387_16571										T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GT-G-T-C-----																		
-----GC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-A-G--C-T---T-G--C-A---G-T-----G--GG-T-A---C-----G--G-G--CA-C-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-TG---TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-										C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																		
G--AG-C-G-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Kineosporiineae(100);Kineosporiaceae(100);Kineococcus(100);unclassified(100);																		
Otu0732	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_23344_14748										C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT-----GC-TA-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----																		
--AA---G-T-C-G-----G-T-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A---G-T-----C--GA-T-A---C-----T--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-A--A--C-GG---TA-G-A-----G-G-G-A---GG-C-----GG--A--ACT---C-										C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----A--C-C-T-C---CTG--G--GC-C-T-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-																		
-AG-C-A-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Xanthomonadales(100);Sinobacteraceae(100);Nevskia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		
Otu0733	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	190	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1114_24283_9653										T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-G--G--GC-----G-C-----C-G-----T-----AG---G-T-																		
C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G---C--C-----C--GA-G-A---C-----T--G-C--GG--T-G-C---T-C-G-A-G-G--G---C-GG---GA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--										GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-G---CTG--G--CC-C-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TA--GG-G--AG-C-A-																		
AA-----CA--GG										Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		
Otu0734	0	0	101	0	0	0	9	0	169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_24242_13935										T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GC-----G-T--G---C-----AA-																		
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--AT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG---GA-G-A-----G-G-T-A---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-T-T-GT-										-GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--A-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-G-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																		
G-AA-----CA--GG										Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		

Otu0735	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	84	0	0	0	47	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	58	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_12733_11765	T---	AC--GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-AA-T-A-C-----																									
----	AA---G-T-T-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--A-C-----T-AA-A-A--C-----T-A-T-AT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-CG---GA-G-G-----G-G-T-T--TG-T-----GG--A--ATT---C-T-																										
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-A-A-A--CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu0736	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	3	0	0	0	32	0	0	2	2	0	0	21	100	0	87	53	0	0	59	0	0	0	0	99	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	
	4	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	4	0	0	0	0	11	0	0	29	5	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_17072_9809AC---	T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T-AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-AT-G-A-T-----AA---G-																									
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-C-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--																											
GT-A-G-CG-GT--G--G--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-T--AG-C-G-																											
AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(57);unclassified(57);unclassified(57);unclassified(57);unclassified(57);																										
Otu0737	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	2	0	0	0	0	0	0	9	19	1	0	0	0	0	104	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_14104_17809	T---	AC--GG-AG-GAG-----GCA-A-G-----C--G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-CC-----G-TA-G-G-T-G-----G--G-TA-A-C-C-----																									
----	AA---G-T-T-A-----G-T-T--G--TT--A-AA-TA--G-T-GA-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-C-A-T-A--G-A--G-G--C-G--A-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-G-TT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G--T-GG---TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ATT---T-																										
C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A-G-C-G-----C--T-C-T-A--CTG--G--GC-C-T-----G-C--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C--T-AG--GG-G-																											
-AG-C-G-AA-----AG--GG	Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);unclassified(98);																										
Otu0738	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	0	0	119	0	0	0	0	0	0	51	10	0	0	153	0	0	0	0	49	0	0	0	0	0	49	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	236	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	51	0	0	0	0	0	0	58		

Otu0740	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_16554_9942 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T--T--GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TG-G-C-T-----TT---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-G--G-C---T-G--C-G--T-T-----C--GA-G-A--C-----G-G-G--TT-G-T-C---T-T-G-A-G-T--T--C-GG----AA-G-A-----G-G-G-T--CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-G-----A-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0741	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_18474_18035 G---AC--GG-AG-GAG-----GCT-A-G----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-T-T-----G--T-GA-G-T-T-----CA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A--T-G---T-G--C-A--T-C-----C--AA-T-A--C-----T--G-G--CT--C-G-C---T-G-G-A-G-G--T--T-GG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-AGT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-C-A-----T-A--C-C-T--GA--CA-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);MNG3(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0742	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_19712_10930 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-CA-G-C-C-G-----G--G-CC-G-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-A-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-T-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-C-T-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-G-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0743	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_16395_10343 T---AC--GT-AG-GGC-----GCG-A-G----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-G-G-C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-G-T--T-T---T-G--C-G--G-T-----G--GA-T-A--C-----G-G-G--CC--G-G-C---T-A-G-A-G-G--T--A-GG----TA-G-G-----G-G																											

Otu0745	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_9602_10556 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AA-T-CGG-AA-----TA-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-AT-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-TA-T-A-C-----																											
AA---G-T-A-G-----G-A-T-G-TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-A-A-C---T-G-C-A--T-T-----C-TA-A-A--C-----T-G-T-GT-G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-TG----CA-G-G-----G-G-G-A--GA-C-----GG-A-ATT---T-C-A-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC--AA-A-G-GC-GAA-G-G-C-A-----G-T-C-T-C--CTG-G-G-GC-A-A-----A-T--A-C-T-GA-CG-C-T-C-A-TA-T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T-AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Aeromonadales(100);Succinivibrionaceae(100);Succinivibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0746	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_17467_16662 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TC-A-T-T-----																											
-----TA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-A-TG-G-T-C---T-C-G-A-G-T-C--C-GA---TA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A-ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT-A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG-G-AT-C-G-----G-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0747	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_21036_22412 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																											
-----GC---G-T-C-A-----G-A-A--G-TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-C---T-G--C-T--T-C-----T-GA-T-A--C-----G-G-G-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-G--A--A-GT---TA-G-G-----G-G-A-G--AA-C-----GG-A-ATT---C-																											
C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-T-T-C-T--CTG-G-GA-C-T-----T-T--C-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0748	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_25730_7401 T---AC---AG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AA-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A																											

Otu0750	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_25735_20100	C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G----C---A--G-CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A-GA-GG-----GT-G---CA--A-GC-G-----T-TG-T-T-C-G-----G--ATCC-T-G-C-----												---AA---G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-TC--T-C-AT-T-G----CT-C-AA-----C-G-A-T-G-A-G--G-C---T-G--C-T--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C--GG--A-T-C---T-G-G-A-G-A-C---C-GG-----TA-G-A-----G-G-C-T--GG-T-----AG--A--ATT---G-C-																							
	A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--G--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--C-A-A-G-A-AT-A-CC--CG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-C-A-G--CTG-G--GC-C-G-----G-T--T-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--												AG-C-A-AA-----CA--GG												Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);											
Otu0751	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0									
	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	39	0	0									
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_22084_23328	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C--G--T--T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-A-T-T-----												-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--TA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																							
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT-C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A--C-C-A-C--CTG-G--AC-T-A-----A-T--A-C-T--GA-CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--												-AG-C-A-AA-----CA--GG												Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);											
Otu0752	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0									
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_20634_13659	T---AC--GA-AG-GGA-----GCG-A-G----C--G--T--T-GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A---AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CA-T-G-T-----												-----AA---G-T-A-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G--C-T--T-T-----T-TA-G-A--C-----T-G-C--AT-G-G-C---T-G-G-A-G-T-T--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-T--AG-G-----AG--A--ATT---C-																							
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A--A-A--TT-C-GC-AG--AT-A-TT-C-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----C--C-T-A-A--CTG-G--AC-A-G-----A-T--A-C-T--GA-CA-C-T-G--A-AA--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T-												-AG-C-A-AA-----CA--GG												Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);											
Otu0753	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	45	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_19114_20543	T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G----C--G--T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-A-T-C-----												-----AA---G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-AT--T-A-CG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-T-A-A-C-C---T-G--C-T--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-A-CA--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--A-AG---TA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																							
	C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT-A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-G--CTG-G--GC-T-T-----T-T--A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--												-AG-C-A-AA-----CA--GG												Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);											
Otu0754	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_14690_15130	T---AC--GT-AG-GAC-----CCA-A-G----C--G--T--T-AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----												-----AA---G-C-G-A-----A-T-G--G-TG--A-AA-TC--T-G-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-ACA-G--A-C---T-A--T-T--A-T-----T-CG-A-A--C-----T-G-G--CA--A-A-C---T-C-G-A-G-A--A--C-AG---CA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ATT---T-																							
	C-T-G-AA--GT-A-G-GG-GT--A--A--T-A--TC-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T-G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A--CTG-G--GC-T-G-----T-T--T-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--												AG-C-G-AA-----CC--GG												Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);											

Otu0755	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_7675_23689 G---AC---GT-AG-GAG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA- ---G-T-C-C-----G-G-T-G--TT-A-AA-GC-C-C-CT-G-G---CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-G-A-G---G-T-C-A---T-T-----G--GA-G-A--C-----T-A-A-CA-G-A-C---T-T-G-A-G-G-G---C-AA---CA-G-A-----G-G-C-A--CG-T-----GG-A-ACT---C-C-C-G- GT--GT-A-G-CG-GT-G---G-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-G-T-G---CTG-G-GT-T-G-----C-A---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A-AA-G-T--G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0756	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	3	0	0	0	0	0	0	16	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_23617_16176 T---AC---AG-AG-GGC-----TCG-A-G-----C-G-T---T--AA-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----TT--A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-A----- -----AG---G-C-G-C-----T-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G---CT-C-AA-----C-C-G-A-G-G-A-A-C---T-G--C-T---T-G-----G--CG-A-A--C-----C-A-C-AA-A-T-C---T-T-G-A-G-G-C---T-GG---TA-G-A-----G-G-T-G---GT-C-----GG--A-ACA---A- T-A-G-GT--GG-A-G-CG-GT-G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-A-T-T-G-G-A-AC-A-CC---GA-A-A-G-GT-GAA-G--A-C-A-----G-G-C-C-A--CTG-G--GC-C-A-----G-T---C-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T- -AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);Phycisphaerales(100);Phycisphaeraceae(100);CL500-3(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0757	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_17353_22182AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G-TT-----G---T-C-C-G-----G--A-CG-A-T-T----- AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G---CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A-A-----G-GT-C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-A-TT--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-A- C-GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG-G--TC-T-G-----C-A---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GA-T-AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0758	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_8450_20867 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G																											

Otu0760	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	97	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_6445_15208 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-AC-T-G-C-----AA- ---G-T-C-T-----G-A-T-G-TG--T-AA-TC--T-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-C-C-A-A-A-C---T-G-C-A---T-T-----G-GA-A-A---C-----T-G-T-AG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-A---T-CG---GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C--G-----G-C-C-T-G---CTG-G--AC-G-A-----C-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0761	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_6528_19327 T---AC---AG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-A-G-T-----AA- ---G-T-T-A-----G-G-A-G-TG--A-AA-TC--C-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-C-A-G-A-A-T---T-G--C-T--C-T-----T-AA-G-A---C-----T-G-C--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-G-T--A-GG---CA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----GG--A--ATT---C-T-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-A-G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----G-C-C-A-T---CTG-G--GC-C-T-----A-T---T-C-T-GA--CA-C-T-A-A-AG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0762	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_17544_10868 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-T-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-AC--T-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-A-G--C-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T-G-T-AG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---G-TG---GA-G-A-----G-G-C-A--AA-T-----GG--A--ATT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C--G-----A--T-T-T-G---CTG-G--AC-A-C-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0763	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_22480_12476 T---AC---GT-AG-GGT-----CCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-TT-G-T-T----- 																											

Otu0765	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_12071_11125 T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AA-A-G-T-----AA---G-C-A-G-----G-T-A--G--TG--A-AA-GC--G-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-C-T--C-A---C-A--T-T--A--T-----C--TG-A-A--C-----T-G-C--TT--A-G-C---T-A-G-A-G-G--A--T-GA----GA-G-A-----G-G-T-C--AC-T-----GG-A--ATT---C-T-T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-G-A--CTG--G--CT-C-A-----T-T--C-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0766	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	6
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_16763_16254 TG---AC---AG-AA-GAA-----GCA-C-C-----G-G-C---T-AACT-CCG-TG-----CC-A--G-C-AG-CC-----GC--G----GT-AA-TA-CG-----G-AG-G-G-T-GC-----G--A-GC-G-T-T-----AA---T-C-G-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--CG-A-A--C-----T--G-G--CA--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G--T-GA----TA-G-A-----G-G-G-T--GG-T-----AG--A--ATT---T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-C---CTG--G--GT-C-A-----A-C--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Alteromonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0767	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_8979_20201 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G-TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--T-AA-T-C-G-----GA-----A-T-T-----A-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GT-G-A--C-----T--G-T--AT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--C-GG---TA-G-A-----G-G-G-G--GA-T-----GG--A--ATT---C-C-G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----A--T-C-C-C---CTG--G--AC-C-T-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Comamonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0768	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_3979_11475 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-G																											

Otu0770 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 34 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_23758_5762 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-T-C-----AA-
---G-T-C-C-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-T-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-A-A-A--A-C---G-G--C-A--T--C-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--AC-G-G-C---T-G-G-A-A-G--G---T-GG-----GA-G-A-----G-G-G-T--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-
GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-A-C---CTG--G--CC-C-A-----C-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0771 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 35 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_6066_10438 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-T-T-T-----
AA---G-T-C-C-----T-G-T--G--TG--A-AA-GG--C-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GC-C-A--T--G-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AT--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG-----GA-G-A-----G-G-G-T--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-
C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-C---CTG--G--AC-G-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--CA-G-C---T-GG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0772 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 21 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_25201_8853 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-T-G-C-----
AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--GG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0773 0 12 0 0 0 0 0
 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_7183_20466 T---AC---AG-AG-ACC-----TCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-TG-T-G-T-----AA--
--G-T-C-A-----T-G-C--G--TC--A-AA-TC--T-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-A-A--A-C---C-G--C-G---T--G-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--GC--A-G-C---T-A-G-A-G-G--C---T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G--CA-C-----GG--A--ATT---A-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A---TG-C-GT-TA--AT-A-TC--A-G--T-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--A--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--T-G-C-A---CTG--G--AA-C-A-----G-T---C-C-T--GA--CA-C-T-C--A-GG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-
G-AA-----AG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0774 0 21 0 0 0 0 0
 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_5524_12893 T---AC---AG-AG-GTC-----TCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CA-T-G-T-----AA--
--G-T-C-T-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-A-A--A-T---T-G--C-A--T--C-----G--GA-T-A--C-----T--G-C--GT--G-A-C---T-A-G-A-G-G--A--T-TG-----TA-G-A-----G-G-A-G--AT-T-----GG--A--ATT---C-A-C-G-
GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--G-A-G-G-A-AG-A-CC---AG--T--T--GC-GAA-G--G-C-G-----A--A-T-C-T---CTG--G--GC-A-A-----T-T---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Verrucomicrobia(100);Spartobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0775	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_20932_16178 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CA-A-G-G-----AA-G-T-C-G-----G-A-T-G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--G-G---T-G-C-A--T-C-----C-GA-G-A--C-----T-C-T-TT--G-G-C---T-G-G-A-G-G--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-A-G--GG-T-----GG-A-ATA---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG--G--TC-C-G-----G-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-T-G-GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0776	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	4	0	0	0	0	0	0	0	6	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_4055_16501 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-CT-G-T-T-----GC---G-T-C-G-----G-G-A-G-TG--A-AA-AC--C-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-G--C-C---T-G-C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----G-G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-G--C---A-TT---CA-G-G-----G-G-A-G--AA-C-----GG--A-ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-T-C-T---CTG--G--GA-A-T-----G-T---T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Nocardioides(100);unclassified(100);																											
Otu0777	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17222_7181 T---AC---GG-AG-GGG-----GTT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-A-T-----AA---G-T-T-A-----G-A-G-G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G-C-C---T-T-----T-AA-T-A--C-----T-G-T-TG--A-T-C---T-A-G-A-G-T-T---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0778	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	37	0	0	123	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_2297_12960 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AG-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G																											

Otu0780	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_8402_15885 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A---G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-A-GA-GA-----CT-G---CA--A-GC-GT-----T-AT-T-C-G-G-----A--T-TG-G-G-T-----GT-----G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G--C-G---T-C-----T--GA-A-A--C-----T-A-C--TC--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A--C-TG---GA-G-A-----G-G-G-T--AA-C-----GG--A--ATT---C-A-C-G-GT---GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--T-T-A-C---CTG--G--AC-A-G-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----AG--GG Bacteria(100);Verrucomicrobia(100);Opitutae(100);Opitutales(100);Opitutaceae(100);Opitutus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0781	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_26460_11965 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-T-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-AC--C-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-T-G-G--A-C---T-G--C-G---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--GG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--A-AG---TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-C-T-A---CTG--G--GC-T-T-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0782	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_13852_20996 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-GA-----AG--G---TC-CA-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TG-G-T-T-----AA---G-C-G-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TG--T-A-GA-T-G----CT-C-AA-----C-A-T-C-T-G-A--C-T---T-G--C-A--G--C-----G--CG-A-A--C-----T--G-G--CT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-AC---AC-A-A-----C-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-A-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-T--G-A-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-T-T-A---CGG--G--AG-T-G-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-T--A-AG--C-T-CG-A--AG-G-T--G-CG--GG-T--AT-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0783	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_18731_14552 G---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----AA---G-T-A-G																											

Otu0785	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	49	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_00000000-ADUT3_1_1116_23193_14043	G---	AC--GG-	AG-GAT-----GCA-A-G----	C-G-T--T--	AT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G--TT-A-T-T-----																					
----	AA---G-T-C-T-----G-C-T--G--TT--A-AA-GC--A-C-AG-G-G----	CT-C-AA-----C-C-C-T-G-T-A--T-A---	G-G--C-G--G--T-----A-GA-A-A--C-----T-G-G--TA--G-G-C---	T-T-G-A-G-T--A--T-GG----	TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-																					
C-C-G-AT--GT-A-G-TG-GT--G---	A-A-A--TG-C-GT-TG--AT-A-TC-G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AA--A-G--GC-GAA-A-G-C-A-----C-T-C-T-G--CTG-G--GC-C-A-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--G-A-CG-A--AA-G-C--T-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----TG--GG	Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																								
Otu0786	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_00000000-ADUNE_1_1113_16414_22687	C---	GG--CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C-A-G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-GA-----GG--G----TG-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-TT-A-A-T-----CA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AT-A-G----CT-T-AA-----C-T-A-T-G-A-A--A-C---T-G--C-C--A--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T--TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G--A-TG---TT-G-A-----A-G-T-T--GC-T-----GG--A--ATG---T-G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---	A-A-A--TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-C-G-C-A-G-A-AC-A-CC--AA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G-G-T-G-A--CTA-A-AC-A-T-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Wautersiella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																						
Otu0787	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_00000000-ADUT3_1_1119_14071_16889	C---	AC--GT-AG-GGG-----CCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-G-T-----CA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-G-A-G-A-----C-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-C--TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--C--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--CA-G-----GG--A--ATT---C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---	A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----C-T-G-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--T--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																						
Otu0788	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_00000000-ADUT3_1_1107_5376_11481	T---	AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-T-C-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--																								

[illegible]

Otu0795 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 66 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_15282_3459 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-A-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-G-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-C-G-T--T-----A-G--C-A--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG---GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-T-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Finegoldia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0796 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 87 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_17178_12006 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-C-A----
-----CA---G-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--G-C---T-G--C-A--T--T-----T--AA-T-A--C-----G--T-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GA---GA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-A-C---CTG--G--CT-C-A-----T-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);Acetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0797 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_2732_15178 T---AC---GT-AT-GTT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----TT--A----AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--T-AA-G-A-C-----AA--
--G-T-T-G-----A-A-G--G--TG--A-AA-AC--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-G--C-T---T-G--C-C---T-A-----C-AA-A-A--C-----T--G-T--TG--A-A-C---T-A-G-A-G-T-A--C-TG---GA-A-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ACT---A-C-A-C-
GA--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T--G--AT-GAA-G--A-T-A-----A--C-T-C-A---CTG--G--AC-A-G-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--T-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);Sneathia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0798 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_23107_8474 T---AC---GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AC-GA-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-C-T-----AA-
---G-T-T-C-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C--C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TT--T-G-C---T-G-G-A-G-C--G---T-GG---GA-G-A-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GT-GTA-G--A-C--A-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-A-----T-A--G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0799 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 1 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_4513_20301 G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AA---C-T-CT-----GT-G--C-C--AG-CA-----GC--C----GC-GG-TA-AT-----A-CA-G-A-T-G-----G--T-TT-G-T-C-----AA---
GCG-T-T-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----C-AA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-GT-
-GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0800	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_19617_13887 C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C-A-A-G---C-AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-GA-----GG-G---TG-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G-A-CT-G-A-T-----																											
-----CA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-AT-C-G----CT-T-AA-----C-G-A-T-A-G-A--A-C---T-G--C-C---A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T--TA--G-T-C---T-T-G-A-A-T--T--A-GT----TT-G-A-----A-G-T-G--GC-T-----GG-A--ATG---T-G-																											
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-C--G-C-A-G-A-AC-A-CC---AA--T-T--GC-GAA-G--G-C--A-----G-G-T-C-A---CTA-A-A-GT-C-T-----A-T---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0801	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_10330_20197 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-CT-T-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--AG--G-T-C---T-A-G-A-G-T--G--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG-G--AC-A-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0802	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	44	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_11343_9850 T---AC---GT-AG-GGG-----ACG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-A-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--T-A-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-T-G-A--C-G---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-TG---AA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG-G--GC-A-G-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Eubacteriaceae(100);Eubacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0803	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_22764_18095 G---AC---AG-GA-GAT-----GCA-A-G-----T--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-A-A-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-T-T--G--TT--A-AA-TA--C-T-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-T--C-A--G-G--C-A--A-T-----A-GA-A-A--C-----T--A-T--TA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A--C-GG---TA-G-A-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---T-																											
T-C-G-GT--GG-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-C-TC--G-A--A-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--T-G--GC-GAA-G--G-C--A-----C--T-C-T-G---CTG-G--GC-C-G-----A-T---A-C-T-GA--CA-T-T-G--A-GA--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----AG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0804	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_9565_19962 G---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-A-G-T-----																											
AA---G-T-T-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--A-C--TA--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---T-AG---TA-G-G-----G-G-A-T--GA-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-TT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-C-A-T---CTG-G--GC-T-A-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rickettsiales(100);Rickettsiaceae(100);Rickettsia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0805 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_17525_9790 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-A-A-----
GG---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GG--T-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-T-T-----A-G--C-C--T--T-----T-GA-A-A--C-----C--G-G-CA-G-A-C---T-T-G-A-G-T--A---C-AG----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0806 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 55 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_4791_12506 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CA-G-T-C-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-A--G-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-A-CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0807 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0
0 5 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_7306_18567AC---T-AC-GTG-----CC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GA--C----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----T-CT-G-T-T-----TA---G-
T-C-T-----A-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-----C-GG-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A-CA--G-A-C---T-T-G-A-A-T--G---T-AG----AA-G-A-----G-G-A-A--AA-T-----GG--A--ATT---C-C-A-A-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--T-T-T-T---CTG--G--TC-T-A-----A-C---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);Dolosigranulum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0808 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 3 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_15756_15592 C---TA---AC-TC-TGT-----GC--CAGC-----A--G--C---C--GC-G-GTA-AT-----AC-A--G-A--GG-GT-----G---C----AA-GC-GT-----TA-A-T-C-G-----G--T-CT-T-T-T-----
-AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--A-----C-GA-T-A--C-----T--G-G-GA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0809 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 62 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_9911_5900 T---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-T-C-T-----TT-
---G-T-C-G-----C-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-G---C--G-----C-GA-A-A--C-----G--G-G-GG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-C-T---CTG--G--AC-C-G-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu0815 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 1 0 0 0 0 0 0 17 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 15 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_8539_15257 G---AC---GG--G-GGG-----GCA-A-G-----T--G--T---T--CT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--AG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-T-C-----
GG---G-T-T-G-----A-A-A--G--CG--A-AA-----G-T-CG-C-C-----AA-A-AA-----T-T-G-G-T-G-G--A-A---T-G--C-T---C-T-----C--GA-A-A--C-----C-A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--G---A-GA-----CA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---T-C-G-
T-GTG-GC-A-T-GG-GT--G---A--A---TC-C-TA-AG--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AA-G-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GT-C-C-----C-T---A-C-C--GA--CG-C-T-G--G-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--
AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0816 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_25304_16706 T---AC---GG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-AC-A-T-T---
-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GG--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---G-G--C-C---T-C-----T-AA-G-A--C-----T--G-A--TG--A-T-C---T-G-G-A-G-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-A-T---GG-C-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-T---CTG--G--TC-C-G-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-CG---TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0817 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 1 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_5162_14501 T---AC---GT-AG-GGG-----TCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AT-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-T-T-----AC-
---G-C-A-T-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G---T-C-----G--TG-A-A--C-----G--G-G--TG--A-G-C---T-T-G-A-G-G--G---T-AT---CA-G-G-----G-G-C-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-
GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T---GGC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GA-T-A-----C-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AG-G-C---GTGG--G--G--AG-
C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0818 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 114 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_13260_6368 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-C-T-C-----AA-
---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--A-G--GC--A-A-C---T-T-G-A-A-C--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-A-----C-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0819 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0
0 4 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_12401_20327 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---A-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--AT--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A---C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---TG-T-----GG--A--ACT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-A-C-A---CTG--G--CC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0820	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_12372_24548										T---AC---CG-AC-AGA-----ATA-A-G---C---A---C-CG-G-CTA-AC-----TC-T--G-T--GC-CA-----GC--AG---CC-GC-GG-TA-----A-TACA-G-A-G-----G--T-GT-G-C-A-----AGC---G-T-T-G-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T--C-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);									
Otu0821	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	3	0	0	0	0	0	1	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_19219_10339										T---AC---GT-AG-GTG-----TCA-A-G---C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-CC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-C-----AA---G-T-T-C-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G---CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-C---T-G--C-C---T--C-----G-AA-A-A--C-----T-G-C--TA--G-G-C---T-T-G-A-G-G--C---A-GG---GA-G-A-----G-G-G-A--TG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--GC-CC---T-----G-T--C-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--G-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CC--GG															Bacteria(100);Chloroflexi(100);TK10(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);									
Otu0822	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_27402_11160										C---A---GC-A-GCC-----GCG-G-T-----A--A--T---A--CG-G-AGG-GT-----GC-A--A-G-CG-TT-----AC--C---CG-GA-AT-CA-----C-TG-G-G-C-G-----G--C-CT-G-C-C-----AA---G-T-C-T-----G-G-T--T--TT--A-AA-GC--C-T-GC-G-G---CT-C-AA-----C-C-G-C-A-G-A--G-A---T-G--G-A--C--T-----G--GA-G-A--C-----T-G-G--TA--G-G-C---T-A-G-A-C-C--T---C-TG---GA-G-A-----G-A-G-A--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-C---TTG--G--AC-A-G-----A-A---G-G-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CC--GG															Bacteria(100);Deinococcus-Thermus(100);Deinococcales(100);Deinococcaceae(100);Deinococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);									
Otu0823	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	58	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	M02255_77_000000000-ADUT																																		

[illegible]

Otu0830	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_14064_10115										T---AT---CT-AA-CCA-----GAA-A-G-----C--C--A--C--G--G-C-T-AA-----CT-A--C-G--TG-CC-----AG--C----AG-CC-GC-GG-----T-AA-T-A-C-GT-----A--G-GT-G-G-C-----																			
----AA----GCG-T-T-----G-T-C--C--GG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GG-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT----																													
C-C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-																													
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0831	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_23042_11302										T---AC--GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-G-T-A----																			
-----AA---G-C-G-A-----A-T-A--G--TG--A-AA-TC--T-G-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-ACA-G--G-C---T-A--T-T--A--T-----T--CG-A-A--C-----T--C-A--CT--A-A-C---T-C-G-A-G-A--A--T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-T--AC-T-----GG--A--ATT---T-																													
C-T-T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-A-A--CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																													
AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0832	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_19484_8441										C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT--G----CA--A-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-TT-T-G-T-----AA----																			
G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----G--GA-G-A--C-----T--G-C--AA--G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-GG-----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-C-GT-																													
-GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-G--A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-																													
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Oxalobacteraceae(100);Janthinobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0833	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	6	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	2	0	0	0	0	0	0	0	40	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_23057_9922										T---AC--GG-AG-GAG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TG-C-T-C-----AA----																			
---G-T-C-T-----G-C-G--G--TC--A-AA-GA--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-A---G-G--C-C--G--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--GC--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----TA-G-G-----G-G-T-A---GA-G-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																													
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-C-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-TC--GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----C--T-C-T-A---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																													
C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);SubsectionIII(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													
Otu0834	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	299	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	17	0	0	0	13	0	0	87	12	14	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	62	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_4415_10453										T---AC--GT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----TT--A----AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--T-AT-A-A-C-----AA----																			
-G-T-T-G-----A-A-G--G--TG--A-AA-AG--C-T-GT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T--C-T---T-G--C-C---T--A-----C--AA-A-A--C-----T--G-T-AA--T-A-C---T-A-G-A-G-T-A--C-TG-----GA-A-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ACT---A-C-A-C-GA-																													
-GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T--G--AT-GAA-G--A-T-A-----A--C-T-C-A---CTG--G--AC-A-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-A-																													
AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																													

Otu0835 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_25699_4028 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-C-C-----
AA---G-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-G-T--CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0836 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 33 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 19 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_20016_19866 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----
-----GC---G-T-C-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G--C-T---T-G--C-A---T--T-----C--GA-T-A---C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-T---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---TC-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Frankineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0837 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 19 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_25546_15628 T---AC---GT-AG-GGG-----TCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-GG-T-C-T-----
-----GC---G-C-C-C-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G---T--C-----G--GG-G-A---C-----G--G-G--AC--C-G-C---T-T-G-A-G-G-G---T-AT-----CA-G-G-----G-G-C-T---GG-T-----GG--A--ATT---
-C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GA-T-A-----C-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0838 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_5925_6452 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-A-----
CA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-G-A---C-----G--T-C--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G---T-GA----GA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-A-C---CTG--G--CT-C-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0839 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 61 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_26846_14999 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-A-----
-----CA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G---T--T-----T--GA-T-A---C-----G--T-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G---G-GG-----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0840	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_12416_11681 T---AC--GT-AG-GGG-----ACA-A-G----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-A-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--T-A-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-T-G-A--A-G---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--T-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT----																												
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-A-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Eubacteriaceae(100);Eubacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0841	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_24335_9534 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----AG--G---TC-CA-G--GC-----G-TT-A-T-C-C-----G--G-GG-A-T-T-----TA-----																												
-G-T-G-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TG--T-A-GA-C-G----CT-C-AA-----C-G-T-C-T-G-A--C-T---T-G--C-A--G--C-----G--CA-T-A--C-----T--G-G--TT--C-C-C---T-T-G-A-G-T--A--C-GC---AC-A-A-----C-G-T-C--GG-C-----GG--A--ATT---C-G-T-C-GT--																												
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC--AA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-G-A--CGG--G--GG-C-G-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-T--A-AG--C-T-CG-A--AG-G-T--G-CG--GG-T--AT-C-G-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);Prevotella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0842	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	681	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	38	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_23085_17063 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-AA-T-G-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-T-G-T--A-----A-G--C-A--A-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AT--T-T-C---T-T-G-A-G-A--T--G-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-C-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Peptoniphilus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0843	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_22614_17422 T---AC--GT-AG-GTG-----G																												

Otu0845	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0
	0	2	0	0	0	0	0	0	17	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_9410_16626 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-T-G-T-----AA--																											
---G-T-A-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--C-----T--TA-G-A--C-----T--G-C--AA--G-C-C---T-G-G-A-G-G--T---C-AG-----GA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																											
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0846	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_13208_20472 T---AC---GT-AT-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-A-T-T-----																											
----AA---G-T-C-T-----G-A-A--T--TA--A-AA-GG--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-G-G-T-A-----A-G--G-T---T--T-----A-GA-T-A--C-----T--G-G--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--G-AT----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTA--G--AA-T-C-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Helcococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0847	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	
	0	4	0	0	0	0	0	0	18	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_15964_8041 C---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GG-----AG--G---GT-GC-AA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G--T-TT-C-T-T-----AA--																											
--G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-G-A--A-G---T-G--C-A--T--T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-A-T-A--C-GG-----GA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-C---CTG--G--AC-C-G-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Desulfuromonadales(100);Geobacteraceae(100);Geobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0848	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_19557_19577 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-A-C-G-----G--G-TT-T-G-A-----																											
----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TA--C-C-GC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-C-G-G-G--G-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-A-A--C-----T--T-C-AA--A-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-TG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0849	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_8165_7019 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TA-A-T-C-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-G-G-A-G-T--G---T-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0850	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	44	0	0	0	0	89	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	34	45	0	0	0	1	0	0	0	1	26	0	0	59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	160	0	0	23	0	173	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_24374_12348 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-A---C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-GC-T-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-T-G--TG--A-AA-GG--C-A-TG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-T-A---A-G-C-A--C-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G-AG--C-G-C---T-T-G-A-G-G-G--A-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T----GG-A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-T--CTG--G--AC-T-T-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0851	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_24589_5811 T---AC---AG-AG-GTC-----TCA-A-G---C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GG-C-G-T-----AA---G-T-C-G-----A-G-T-G--TG--A-AA-TC--T-T-CC-G-G---CT-C-AA-----C-C-G-G-A-A-A--A-T---T-G--C-A--C-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-GT--C-G-C---T-A-G-A-G-G-A--C-TG---TA-G-A-----G-G-A-G--AC-T----GG-A--ATT---C-A-C-G-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--G-A-G-G-A-AG-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----A-G-T-C-T--CTG--G--GC-A-G-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Verrucomicrobia(100);Spartobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0852	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	1	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	23	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_26294_10594 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G---C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TC-G-A-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-AA-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G--A-C---T-G--C-T--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-T-CG--G-G-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T----GG-A--ATT---C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0853	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_7814_4546 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G---C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-CA-G																											

Otu0855 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_17302_23191 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-G-T-T-----
-----AA---G-T-C-T-----G-G-A--G-TG--A-AA-GT--C-C-TG-C-T----TT-T-AA-----G-G-T-G-G-G-A-A-T---T-G-C-T---T-T-----G--GA-T-A---C-----T--G-A-TG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-T---AT-C-----GG--A--ATT----C-
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-A-A---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0856 0 3 0 0 0 0 0 0 0 5
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_26354_17042 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-T---T-G-C-C---T-T-----C--GA-T-A---C-----T--G-G-CT--T-T-C---T-A-G-A-G-G-C---T-GG----AA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT----C-
C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-A---CTG--G--TC-C-A-----G-A---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0857 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 63 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_25479_18455 T---AC---GTA-G-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GA-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-T-A-T-----
-----AT---G-T-C-A-----G-A-T--G-TA--A-AA-GG--C-T-AT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T-T-----A-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--AT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT----C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GT--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Sedimentibacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0858 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_7392_15478 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-G-G-T-----
AA---G-T-C-G-----G-C-T--G-TG--A-AA-GT--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-G--A-----T-G-CC-G---G-T-----C--GA-T-A---C-----T--G-C-CG--G-A-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG----AA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT----C-C-
C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-G---CTG--G--GA-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0859 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 8 0 0 12 7 0 0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 20
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_20838_21457 T---AC---GTGCC-AGCA-----GCC-G-C-----G--G-T---A--AT-A-CGT-AG-----GG-C--G-C--GA-GC-----GT--T-----GT-CC-GG-AT-----T-TA---T-T-G-----G--G-TC-G-T-C-----
-----GC---G-T-C-T-----G-T-C--G-TG--A-AA-GC--C-A-GC-A-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-T-G-G--T-C---T-G--C-G---G-T-----G--GG-T-A---C-----G--G-G-CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-GG----TA-G-G-----G-G-T-G---AC-T-----GG--A--ATT----
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-A---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Actinomycineae(100);Actinomycetaceae(100);Mobiluncus(100);unclassified(100);

Otu0860	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	21	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_27195_16751		TC---GC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C--T--AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G----GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-G-----C--G-AG-C-G-T--- -----TA---A-T-C-G-----G-A-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G-C-A--T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT--- C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA-T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0861	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	16	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_21079_10138		C---GG---CT-AA-ATA-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-C-G-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AT--G----TT-CC-AA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--T-TA-T-T-T----- ---AA---G-T-C-C-----G-A-A--G-TG--A-AA-GC--C-C-AC-A-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-G-A--A-G---T-G-C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----TA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ACT---C-C- A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Leuconostocaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0862	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_6104_20140		T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G-C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--AA--A-G-C---T-A-G-A-A-T--C---A-TG----GA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-G-A---CTG--G--AC-A-T-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);GOBB3-C201(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0863	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_14429_13204		T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-AC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-A-T-C----- -----AA---G-T-C-T-----T-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-A-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-A-A--A-C---T-G--C-T---T-G-----A--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---A-GG----GA-G-A-----G-G-C-A---GA-T-----GG--A--ATT---G- G-T-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-C--C-A-G-G-A-AT-A-CC---CA--T--T--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-T-G---CTG--G--AA-C-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-TG--C-G-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacteriales(100);Campylobacteraceae(100);Campylobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0864	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_25994_12864		T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-G-T-T----- ----GC---G-T-C-G-----C-C-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-G-G--T-C---T-G--C-A--G--G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-G--G--C-AG----CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT--- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-A---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0865 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 33 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_28047_6699 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AC-----TG-A--T-T--GG-GT-----GT--A----AA-GC-AT-CT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-G-G-----AA-
---G-T-C-T-----A-C-G--G--TT--A-AA-TC--C-C-AG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-T-G-GTT--C-A---G-C--C-G--T--A-----G--AG-T-A--C-----T--T-C-AA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ACT---T-C-T-C-
GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AC-AG--AG-A-TG--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----C-T-C-T-A---CTG--G--GC-C-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--AGAG---A-TG-A--CA-G-C---T-GA--GG-G--AG-
C-G-AA-----TA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0866 0 10 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_13514_8790 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-T-G-----
CA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-G-A--C-----G--C-A--TA--G-A-C---T-A-G-A-G-G--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-A-C---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);Gluconobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0867 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_7152_22009 T---AC---GA-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-G-CAC-----
CA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A--C-----T--A-G--CG--G-G-C---T-A-G-A-G-G--C---C-GG---GA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-C---CTG--G--AC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0868 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_23401_20327 T---AC---GG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G---TA-T-G-T-----
----CGC---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--T-G---T-G--C-A---C--T-----T--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--T-G-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0869 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 8 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_14342_16961 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CC-A-T-T-----
-----AA---G-T-T-A-----C-T-G--G--TG--A-AA-GT--T-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-T-G--AT---T-G--C-C---T-G-----T--AA-T-A--C-----T--G-G--TG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-G-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0870	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_25030_13456																											
G---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T--G--T---T-CT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-T-C--- -----GG---G-T-T-G-----A-A-A--G--TG--A-AA-G---T-C-G--C-C---AA-A-AA-----C-T-G-G-G-G-G--A-A---T-G--C-T--C--T-----C-GA-A-A--C-----C--A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--G--A-GA-----CA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT--- T-C-G-T-GT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A---TC-C-GG-AG--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-T--CTG--G--GT-C-C-----C-T---A-C-C--GA--CG-C-T-G--G-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG- G--AG-C-G-AA-----CG--GG																											
Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0871	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_14138_3640																											
T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-T-----G--C-CC-T-A-T-----AG- ---G-T-C-A-----G-A-G--G--TC--A-AA-GG--C-T-AC-G-G---CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T-A-----A-G--C-C---T--T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-AG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-T--CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C- G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0872	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	6	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_4938_8350																											
T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AT-A-G-T----- AA---G-T-A-A-----G-T-A--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-T-T-T-A--A-A---C-A--T-T--A--T-----T--TA-A-A--C-----T-G-C--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-G--G--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-T---AC-T-----AG--A--ATT---C-C-T- T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-T-A-A---CTG--G--CT-C-G-----T-C---C-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG- C-A-AA-----CG--GG																											
Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0873	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_12315_24609																											
T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C----- ----AC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GA-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-T---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C- C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A---TG-C-AC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- T--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0874	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_17420_11769																											
C---AC---GT-AG-GCA-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-A-T----- ----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-T-TG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-A-A-A-G--C-----G-T-GC-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-T--TG-TG-A-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---TG-G-----GG--A--ATT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- T--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0875	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	64	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7977_9509 G---AC---AG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-T-G-T-----																											
AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-T--GT--G-G-C---T-A-G-A-G-A--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATA---C-C-																											
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0876	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	84	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_21288_9159 T---AC---GT-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-T-A-C-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GG--C-T-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T-A-----A-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--T--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Sporacetigenium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0877	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	9	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	30	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_19519_10174 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																											
----AA---G-T-C-T-----A-G-G--G--TG--A-AA-GC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--A-G---G-T--C-C---T--T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A--G-AG---TA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--T-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T--CTG--G--GC-T-C-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);S085(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0878	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_24387_21281 T---AC---GA-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TC-T-T-C-----																											
----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-G-A--C-----T--G-A--AG--A-A-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-T---GG-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-T---CTG--G--AC-C-G-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0879	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	53	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_13661_17734 C---AC---GT-AG-GCA-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-T-----																											
----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--C-T-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-A-G-G--A-----C-T-GC-A--C--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--TG-G-----GG--A--ATT---																											
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinaeae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0880 1 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 12 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_23326_6892 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----AC--
--G-T-C-G-----A-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-T-GG-G-C-----CT-T-AA-----T-C-C-C-G-G-G--C-T---T-G--C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----G-G-G--CT--G-A-C---T-G-G-A-G-G--A--A-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-C-T---CTG--G--AC-C-T-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0881 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 7 0 8 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 48 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 10 0 0 0 12 0 0 0 0 0 0 23 234 73 0 0 0 0 667 0 0 306
41 0 0 0 0 21 1 18 0 171 5 662 3 28 4 0 34 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17783_15269 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AA-T-CGG-AA-----TA-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-AT-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-T-C-----
-----AA---G-T-A-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---A-G--C-A--T-A-----C--TA-A-A--C-----T-G-G--TG--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-TG---CA-G-G-----G-G-G-A--GA-C-----GG--A--ATT---
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AA-A--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--T-C-T-C---CTG--G--GC-A-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Aeromonadales(100);Succinivibrionaceae(100);Succinivibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0882 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0
0 1 7 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_6475_4912 C---GT--GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G--T---A--AT-A-CGT-AT-----GG-A--G-C--GA-GC-----GTT--G----TC-CG-GA-AT-----T-AT-T-G-C-G-----G--C-GT-A-A-A-----
GG---G-TAC-G-----C-A-G--G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-A--A-----A-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-A--TA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--A--G-TG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-
T-A-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TA-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-C-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Finegoldia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0883 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 69 37 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 48 0 12 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_9878_23086 T---AC---GT-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-T-T-C-----AA--
--G-T-C-A-----G-G-A--G--TT--A-AA-GG--C-T-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T--A-----A-G--C-T---C-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0884 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 35 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 5 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_10390_16595 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GT-G-T-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-A-G-----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-A-A--C-G---G-C--C-A--G--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--T-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG---AA-G-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-
T-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--A--G--GT-GAA-G--A-C--G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0885	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_17346_25056	C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT-G----CA--A-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-TT-G-G-T-----																											
	---CA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-TC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A--C-----T-G-C--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G--T-CG----GA-G-A-----G-G-G-T--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-																											
	A-G-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-C---CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Desulfovibrionales(100);Desulfovibrionaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0886	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_15785_17092	C---ACG--GC-TA-ACT-----ACG-T-G----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----TG-GC-AA-GC-----G-TT-G-T-C-C-----G--G-AT-G-A-T-----																											
	-----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-C-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-T--																											
	AG-C-G-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0887	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_28395_18425	T---CG--GC-TA-ACT-----CCG-T-GC----C--A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--C-AC-T-T-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-T-C-G-C--A-G---T-G--C-C--C-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--AG--T-G-C---T-T-G-A-A-T--G--C-GG---TT-G-A-----A-G-A-C--GG-C-----GG--A--ATG---A-																											
	G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--T-C-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-G-T---CTA--A--GC-C-G-----T-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
	AT-C-G-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0888	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	10	0	0	0	11	0	0		
	0	2	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	50	0	0	0		
	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_22532_19561	G---AC--GG-AG-GAG-----GCT-A-G----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-G-C-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T-T-----T--GA-G-A--C-----T--G-C--TA--G-G-C---T-C-G-A-G-A--C--C-GA---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---																											
	C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0889	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	4	0	0	5		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_6530_20338	C---GG--CT-AA-CTC-----CGT-G-C----C--A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-C-CC-T-G-T-----AA-																											
	---G-T-C-A-----G-C-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-A--A-T---G-G--C-C--G--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AG--G-G-C---T-T-G-A-A-T--T--A-GT---AG-G-A-----A-G-T-A--AC-T-----AG--A--ATA---T-G-T-A-																											
	GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AG-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC--AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A--CTA--C--TA-C-T-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-																											
	G-AA-----CA--GG																											
	Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

[illegible]

[illegible]

Otu0905	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_26108_17627								C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--TAC--GG-AA-----GG--G---GC-AA-GC-GT-----TG-T-T-C-G-----G--T-CG-C-G-T-----																										
-----AT---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-GC--A-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-T-G---A---A-GT-C-G--G--T-----A--GA-A-A--C-----T--G-C-GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--C--T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ATT----																																		
C-C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--G-G-A-G-A-AC-A-CT---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-G---CTG--G--AC-C-A-----G-C---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																																		
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																																		
Otu0906	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	163	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_21714_16964								T---AC---GT-AG-GCG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AC-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-G-A-----																										
-----AA---G-T-C-A-----T-C-A--T--TG--A-AA-TC--T-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-A-G--C-C---T-G--G-T---G--G-----T--GA-T-A--C-----T--T-C--AA--G-A-C---T-A-G-G-T-T--G---T-TT-----GA-G-G-----G-G-G-T--AC-C-----GG--A--ACA---G-																																		
T-T-G-GT--GG-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TC--A-A--C-T-G-G-A-AC-A-CC---AA--A--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-A-C---CTG--G--CA-A-A-----C-T---A-A-C--GA--CG-C-T-G--T-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																																		
-AG-C-A-AA-----AC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																																		
Otu0907	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_25601_17402								C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----TG--C---AA-GC-GT-TA-----T-CC-G-GAT-T-----T--A-TT-T-G-T-----																										
-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-TG-----TT-G-A-----A-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATA---A-G-																																		
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTA--A--GC-A-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																																		
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Chryseobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																																		
Otu0908	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_23005_13506								C---CG---GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GA-----AG--G-----GT-GC-AA-AC-----G-TT-GCT-C-G-----G--C-AT-T-G-C-----																										
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-A-G-G-A--A-G---T-G--C-A--T--C-----C--GA-A-A--C-----T--G-C--CG--T-G-C---T-T-G-A-G-T--A---C-TT-----AA-G-A-----G-G-A-T---CG-C-----GG--A--ATT---C-																																		
C-C-G-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-T---CTG--G--GA-A-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																																		
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Myxococcales(100);Nannocystineae(100);Haliangiaceae(100);Haliangium(100);unclassified(100);unclassified(100);																																		
Otu0909	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_23575_14385								A----AC---GT-AG-GAG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-G-T---																										
-----AA---G-T-G-G-----G-T-C--G--TG--A-AA-GC--G-C-CG-G-G----CT-A-AA-----C-C-G-G-G-C-G--A-G---G-A--C-G--A--A-----C--TA-G-A--C-----T--G-C--CG--G-T-C---T-A-G-A-G-G--C---G-GA-----TA-G-A-----G-G-G-G---TG-C-----GG--A--ATT---																																		
--C-C-G-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-T-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GT-GCA-A--A-C-G-----G--C-G-C-C---CTG--G--GT-C-C-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--																																		
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Anaerolineae(100);Anaerolineales(100);Anaerolineaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																																		

Otu0910	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	3	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_18351_12947 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-AT-C-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G-TG-A-AA-AC-T-G-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-C-A-G--C-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-GG-T-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TG---GA-G-A-----G-G-C-A--GA-C-----GG-A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-C-T-G---CTG--G--AC-A-G-----C-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0911	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_20855_12687 G---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AG-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-----GC-----G-C---G-C-----G---C-----G---G---G---G-TG-A-AA-GC-C-C-CC-C-G----CT-C-AA-----C-G-G-G-G-A-G-G---G-T-C-C--G-T-----C-GA-G-A--T-----G-G-C-GT-G-T-C---T-G-G-A-G-G-C--A-GG---GA-G-A-----G-G-C-C--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC-C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-G-G---CTG--G--AC-C-T-----G-A--C-C-T-GA-CG-C-T-GA-G--G--C-G-CG-A-AG-G-C---G-TG--GG-G-AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0912	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_24422_23499 T---AA---CT-A--CGT-----GCC-A-G-----C-A-G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----GG-C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-CT-T-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G--TG-A-AA-GC-C-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A-G---G-GT-C-A--T--T-----G-GA-A-A--C-----T-G-G--AG--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Bacillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0913	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	12	5	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_20927_7747 C---AA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-A-GA-GG-----GT--G---CA-A-GC-GT-----TG-T-T-C-G-----G--A-AT-T-G-A-----CA---G-T-C-A-----C-G-G--G--TG-A-AA-TC-C-C-CA-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--G-----T-GA-G-A--C-----C-T-C--AG--T-A-C---T-A-G-A-G-T--G--T-GA---GA-G-G-----G-G-A-T--AG-T-----GG-A-ATA---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--CT-C-A-----C-A--A-C-T-GA-CG-A-T-C--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0914	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	47	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_26558_12956 C---GT---GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G--T---A--AT-A-CGG-AG-----GA-T--G-C--GA-GC-----GT--T---AT-CC-GG-AT-----T-TA-G-G-T-G-----G--G-TT-G-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-C-G--G--TG-A-AA-TG--T-T-TA-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-A-G-A-C--A-C---T-G--C-C--G--T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G--CG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AA---AG-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A-ATT---C-G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-G-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GTA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A---CTA--T--CA-T-G-----C-A--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0915	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	53	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_5051_17539 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-A-T-T-----																											
AA---G-T-C-G-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C--T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-A-TC-G-T-C---T-C-G-A-G-A-A--T-GG----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A-ATA---C-C-G-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG-G--TC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AT-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0916	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_6996_10726 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-T-----AA-																											
---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-A-G-G---G-G-TC-A--T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-C--CA-TG-A-C---T-A-G-A-G-T-T--T-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--TG-T-----GG--A-ATT---T-C-T-G-																											
GT--GG-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--CG--T-A--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-A-C-T---CTG-G--GC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0917	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_6476_20314 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-G-C-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-G-T-G--TG--A-AA-AC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-GAG-A-----C-G-CC-A--C-T-----T-GA-G-A--C-----T-G-C--TA-TG-G-C---T-A-G-A-G-T-C--C-GG----TA-G-G-----G-G-A-C--CA-C-----GG--A-ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--T-G-G-T---CTG-G--GC-C-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0918	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_19145_10695 G---AC--GA-GG-GAT-----CCT-A-G----C-G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GG-GT-----G-TA-G-G-G-G-----G--C-TT-G-A-T---																											
-----AA---																											

Otu0920	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	4	0	0	0	0	0	0	0	79	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_6901_19873 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CC-C-G-T-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG-A-AA-GC-C-T-GG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-GG-G-T-C---T-T-G-A-G-G-A--T-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG-A-ACT---G-C-																											
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG--G--CC-C-A-----T-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0921	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	62	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_8036_4281 G---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G-A-TT-G-T-A-----AA-																											
---G-T-C-C-----T-C-T--G--TT-A-AA-GA--T-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-G-T-T--C-A---A-G--C-A--G-T-----G--GA-A-A--C-----T-T-A-TA-A-T-C---T-A-G-A-G-T-A--C-GG---TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--C--A--GC-GAA-A-G-C-A-----C-T-C-T-G---CTG--G--GC-C-G-----A-A--A-C-T-GA-CA-C-T-A-A-GA--G-A-CG-A-AA-G-C--T-AG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----AA--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0922	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_10529_11214 T---AC---GT-AG-GTG-----TCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-CC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-TT-G-C-C-----																											
---AA---G-T-T-C-----G-A-T--G--TG-A-AA-GC-T-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-A--T-C-----G--AA-A-A--C-----T-G-G--CA-G-G-C---T-T-G-A-G-G-C--A-GG---GA-G-A-----G-G-G-A--TG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-A-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--GC-CC--T-----G-T---C-C-T-GA-CG-C-T-C--A-GG--G-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CC--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0923	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_21																											

[illegible]

Otu0930	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_13693_20753	C---AC--GT-AG-GGA-----CCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-A-T-----																									
----	AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-CC--T-C-CA-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-GAG-A-----C-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-T-CG-TG-A-C---T-A-G-A-G-T-C--C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---C-																									
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---	A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-G-C-T--CTG--G--GC-T-G-----G-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																									
G--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiadae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu0931	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_10619_20633	G---AC--GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																									
----	AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TT--A-AA-GA--C-G-GG-A-G---CT-C-AA-----C-T-C-C-C-G-C-A--T--G-G--C-A--T--C-----G-GA-T-A--C-----T-G-G-CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GG---TA-G-A-----G-G-T-C--TC-G-----GG--A--ATT---C-																									
C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---	A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----C-G-A-G-A--CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C---C-AG--GG-																									
G--AG-C-A-AA-----AG--GG	Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu0932	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_7652_4899	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CC-G-T-C-----																									
AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-A-G---CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T-GA-G-A--C-----T-G-T--AG--G-A-C---T-T-G-G-G-T-A--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																										
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---	A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----T-T--A-C-C--GA--CG-C-T-C-A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--																									
AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu0933	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	63	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_7369_18530	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-T-T																									

[illegible]

Otu0940
0 0 0 0 0 0 0 36 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_9123_13953 G---AC---AG-AG-GTG-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CG-G-C-T-----
AA---G-T-G-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T---C--G-----A--CA-T-A---C-----T--G-G--TC-G-T-C---T-T-G-A-G-C--A---A-CC---TA-G-G-----G-G-C-G--AG-C-----GG--A--ACA---A-G-T-
G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-C--T-T-G-G-A-AC-G-CC--AA--T--G--GT-GAA-A--A-C--A-----G--C-T-C-G---CTG--G--GG-G-T-----T-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0941 0
2 0
0
0 1 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_2556_16708 T---GC--AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AA---C-T-CT-----GT-G--C-C--AG-CA-----GC--C-----GC-GG-TA-AT-----A-CA-G-A-G-G-----G--T-GC-T-A-A-----GC---
-G-T-T-A-----G-A-T--G--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-C-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--AG-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A---T-GT---GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0942 0
27 0
0
6 0 0 0 0 0 0 8 0 0 0 0 0 34 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_17099_16574 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AG-T-G-C---
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-T--GC--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-CG---GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0943 0
0 0 0 0 0 0 0 50
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_7831_12093 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CA-T-T-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---G-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--AT--G-C-C---T-G-G-A-G-A--T---C-GG---GA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A--A--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-A---CTG--G--CC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0944 0
0 0 0 0 0 0 0 145 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_7130_8250 T---AC--GG-AG-GGG-----ACT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-C-----AA-
---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----C--GA-T-A---C-----T--G-C--AA--A-T-C---T-C-G-A-G-T-C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Rhodobiaceae(100);Rhodobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu0950	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	1	2	0	0	0	0	0	75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_21773_11991										T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-C-C-----GA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-G-A--C-----T-G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-G--T---T-GG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT-----C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-C-A-----C-A--C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu0951	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	1	0	0	0	0	0	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_15047_19035										T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-C-G-TG--A-AA-AC--C-T-AG-T-G-----CT-T-AA-----C-A-C-T-G-G-G--C-G---T-G--C-G--G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT-----C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu0952	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_10573_17407										T---AC---GT-AG-GAG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TA-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-T-C-T-----AA---G-T-C-G-----C-C-T--T--TT--A-AA-GC--C-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-G-A--T-T---T-G--G-A--G-G-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--AT--T-A-C---T-T-G-AGG-A--T--C-GT----TC-G-G-----G-G-T-A--TC-----GG--A--ACA---G-T-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TC--A-A--C-T-G-G-A-AC-A-CC---GA--A--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--A-T-A-C---CTG--G--AA-T-T-----T-T--C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C--T-AG--GG-T--AG-C-G-AA-----AG--GG															Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu0953	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_7402_7106										T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-T-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-G-C-G-TG--A-AA-AC--C-A-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-T-G-G--C-C---T-G--C-G--T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-T-AG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-T--GA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-C-A-A---CTG--G--AC-A-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu0954	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	130	87	169	262	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_10557_11837										T---AC---GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GC-G-G-C-----AA---G-T-T-C-----G-G-T--G-TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G--C-T-----A-AA-T-A--C-----T-G-C--CG--T-G-C---T-C-G-A-G-T-A--T-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GT-GTA-G--A-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														

Otu0955 0
 0 0 0 33 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_5320_16278 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-CG-T-T-C-----AA-
---G-T-C-T-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G--T--C-----G--GA-G-A--C-----T--G-G--GC--G-G-C---T-T-G-A-G-A-G---T-GG----CA-G-G-----G-G-C-T--GG-T-----GG--A--ATT-----CCC-
G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GC-C-A-----C-C---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0956 0
 0 0 0 0 0 85 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_16737_8378 G---AC---GA-AG-GGC-----GCG-G-G-----T--G--T--T--AT-T-CGT-GT-----TG-A--T-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-AG-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-C-T-A-----TT-
---T-T-T-T-----T-T-G--G--AC--A-AA-AG--CGC-GG-A-G----TG-T-TC-----C-T-A-C-GCG-A--A-G---T-T-C-T--T--T-----T--AT-T-A--A-----A--T-G--A--G-T-C---T-T-G-T-G-T-T--A-AG----GG-G-A-----G-G-T-T---AA-G-----AC--A--ATT-----CTG-T-G-
AG--TT-A-G-GA-GT--A---G--A-A---TC-C-TT-AT--AG-C-CA--C-G--G-A-G-G-AATG-T-CG---AT--C--G--GC-GAA-G--G-C-----A--C-T-T-T--TCC--A--AC-T-T-----T-A--A-C-A-GA--CG-C-T-G--A-GC--T-A-CG-G-AA-G-C---T-TA--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0957 0
 0 0 0 33 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_16452_19966 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-TC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-TC-G-T-C-----
-----GC---G-T-C-G-----T-G-C--G--T--GA-AA-GA--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-G--T--G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CG--A-G-C---T-G-G-A-G-G--C---C-AG----TA-G-G-----G-G-G-A--TG-C-----GG--A--ATT-----
C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--G--AC-T-G-----G-T---C-C-T--GA--CA-C-T-C--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AT-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0958 0
 0 0 0 0 0 92 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_24443_15950 T---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-GA-C-A-T----
-----TT---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G--T--T-----T--GA-T-A--C-----G--G-T--GT--G-G-C---T-A-G-A-G-T-T---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT-----
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-C-G-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu0959 0
 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_19306_13180 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-GA-A-G-C----
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-G-C---T-G-G-A-G-T-G---C-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT-----
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu0965	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	79	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_25795_4194 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-G-C-----																											
AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----C-GA-T-A--C-----T--G-C-GG--G-T-C---T-C-G-A-G-T-C---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Rhodobiaceae(100);Rhodobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0966	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_6601_12928 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----AG--G----TC-CG-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-CT-A-T-T-----AA-																											
---G-C-G-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TT--T-A-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-T-G-G--C-T---T-G--C-A--G--C-----G--CG-A-A--C-----T--G-G--TC--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GC---AG-G-A-----A-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-A-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-T--G-A-C-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GCA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A--CTG--T--AG-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-CG--GG-T--AT-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);Prevotella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0967	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_10465_18961 G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----																											
----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--A-G---T-G--C-A--T-T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GTA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0968	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_19496_9232 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT--G----CA--A-GC--G-----T-TA-T-T-C-G-----G--C-AA-T-T-T-----AA----																											
G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--AT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT----TA-G-A-----G-G-A-A--GG-C-----GG--A--ATT---T-C-C-A-GT--																											
GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--GG-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Cardiobacteriales(100);Cardiobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0969	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	130	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_10338_10670 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-G-A--C-----T--G-C--AG--A-G-C---T-T-G-A-A-T-C---A-CG----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-A--CTG--G--AC-G-T-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0970	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_28560_8182	G---AC---GA-GG-GGT-----CCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AT-----G-TA-G-G-T-T-----G--T-TT-G-A-C-----AA-	--G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-A-G-A--A-G---T-G--C-A--T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CA--A-T-C---T-T-G-A-A-T--A--T-GG----GA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----AG--A--ATT---C-C-T-G-	GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A--TA-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--A-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-A-C---CTG-G--CC-T-A-----A-T--A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-	A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0971	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_18616_11835	T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-A-A-T-----	-----AA---G-T-T-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-TAC-C--AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-G--G-G---T-G--C-A--T-T-----C--AA-A-A--C-----T--A-T--TT-A-C-C---T-T-G-A-G-T--G--C-TG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-	C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG-G--AC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-	G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0972	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	16	0	20	16	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_24657_20368	G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-T-----	-----AA---G-T-T-T-----G-G-T--G--TT--A-AA-GA--A-C-GG-G-G-----CC-T-AA-----C-C-C-C-G-G-T--A-G---T-G--C-A--C-T-----G--AA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-	C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-AT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GTA-A--G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG-G--GC-C-G-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---C-GG--GG-T-	-AG-C-G-AA-----TG--GG	Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu0973	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_18083_16279	T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-T-G-----G----TTCG-T-T-----	-----GC---G-T-C-C-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-----G-GT-C-T--T--C-----G--GA-T-A--C-----G--G-G																								

Otu0975	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_12795_18069										T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-G-C----																	
										-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GG--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G--A-C---G-G--C-G--C--T-----T--GC-G-A--C-----T--G-C--AC--G-G-CT---T-G-G-A-G-T--C---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----GG--A--ATT--																	
										--C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-T--CTG--G--AC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---GTGG--																	
										GG---AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0976	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_6631_12227										T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AT-A-G-T-----																	
										AA---G-T-A-G-----A-T-A--G--TG--A-AA-GC--G-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-C-A--T-A---C-A--T-T---A--T-----C--TA-A-A--C-----T--G-C--TA--A-G-C---T-A-G-A-A-G-A--T-GA----GA-G-A-----G-G-T-A--GA-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																	
										T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--T-C-T-A--CTG--G--CT-C-A-----T-T---C-T-T--GA--CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																	
										C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0977	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_12098_10428										G---AT---AG-AG-AAT-----GCA-A-G-----T--G--T--T--AT-C-CAG-AA-----TG-A--T-T--GG-GT-----GT--A----AA-GC-AT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-T-T-T-----																	
										---AA---G-T-C-C-----G-T-T--G--TC--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--C-A---G-G--C-G--G--T-----G--GA-A-A--C-----T--A-C--CA--A-G-C---T-G-G-A-G-T--A--T-GG----TA-G-G-----G-A-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---T-																	
										T-C-G-AT--AA-A-G-CG-AT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-A--A-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--C--G--AT-GAA-A--G-C--A-----C--T--T-G---CTA--G--GT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--G-A-TG-A--AA-G-C---T-AG--AG-G--																	
										AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0978	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_9073_15933										T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AT-G-G-C-----																	
										AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-A-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																	
										A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																	
										AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu0979	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_11237_24940										C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--G----TG-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-TTCT-G-T-----																	
										-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-C--G--T-----T--GA-T-A--C-----T--A-T--AG--A-T-C---T-T-G-A-A-T--G---T-TG----TG-G-A-----G-G-T-T--AG-C-----GG--A--ATA---T-																	
										G-T-C-AT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--A-C--A-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-G-G---CTA--C--AC-A-A-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																	
										AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);Chitinophaga(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	

Otu0980	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	70	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_6792_3894 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-CA-T-T-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-G-T-G--TG--A-AA-GG--C-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-G-A-G-----C-GG-C-A--C-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-G-AT--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-C-----GG-A-ATT---C-C-C-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G--G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG-T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-T--CTG--G--CC-T-G-----T-T---T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Thermoactinomycetaceae(100);Laceyella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0981	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_24723_21577 C---CG---GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GA-----AG-G---GT-CC-AA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G-A-TC-A-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-GA-A-G---CT-C-AA-----C-T-T-C-G-A-A-A-C---T-G--C-G---T-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-C-TA--G-T-C---T-A-G-A-A-T-G---T-CG---GA-G-G-----G-G-A-T--AG-G-----GG-A-ATT---T- C-A-C-GT--GT-A-G-GG-GT--A--A-A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GG-A-G--GC-GAA-G--G-C-G-----C-C-T-A-T--CTG--G--AC-G-A-----C-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Bdellovibrionales(100);Bacteriovoraceae(100);Peredibacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0982	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_12608_23643 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C-A-G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-GA-----AG-G---TC-CA-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G-A-TT-T-A-T----- ---TA---G-C-G-T-----G-C-T-G--TG--A-AA-TA--T-A-GT-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-C-T-A-T-C-G---T-G--C-A--G-C-----G--CG-A-A--C-----T-G-T-CG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-GT---AG-T-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG-A-ATT---C-G- T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C-G-A-A-G-A-AC-T-CC---GA-T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-T-T-A---CCG-T-AA-C-G-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-T--A-AG--C-A-CG-A--AG-G-T--G-CG--GG-T-AT- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0983	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_13081_19849 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GC-GC-----G																											

Otu0985	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	1	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_10354_21173 G---AC--AG-AG-GTG-----CCA-A-G-----C-G-T--T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-C-T-----																											
-----AA----G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T--C-G-----G--TA-T-A--C-----T-G-G--TT--G-T-C---T-T-G-A-G-C--C--A-CT----TA-G-G-----G-G-C-T--AC-C-----GG--A--ACA---A-																											
A-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--T--G--GT-GAA-A--A-C--A-----G--G-T-A-G---CTG--G--GA-G-T-----G-T--G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0986	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	8	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_21605_9074 T---CC--AG-AA-GAA-----GCC-C-C-----G-G-C--T--AA-C-TAC-GT-----GC-C--A-G--CA-GC-----CG-C----GG-TA-AT-AC-----G-TA-G-G-G-G-----G--C-AA-GCG-T-----																											
TG---T-C-C-G-----GAT-T--G--TG--A-AA-AC--T-G-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-C-A-G--A-G---G-T--C-G--A-C-----C--GA-A-A--C-----C-A-T--CT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--C--C-GG---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--CG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AA-C-G-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Rubrobacteridae(100);AKIW543(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0987	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_13896_7608 T---A---AG-CA-CCG-----GCT-A-A-----C-----T--C--TG-T-GCC-AG-----CA-G--C-C--GC-G-----GT--A---AT-AC--A-GA-----G-GG-T-G-C-G-----A--G-CT-G-T-T-----AA---																											
G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG---GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--																											
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0988	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_11204_14635 T---AC--GT-AG-GGA-----CCA-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-G-A-C-----																											
-----AA----G-T-C-A-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--C-G---G-C--C-A--A-G-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CG--C-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG---AA-G-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-																											
T-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--A--G--GT-GAA-G--A-C-G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-																											
T--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0989	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_8294_6558 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CG-G-A-T-----CA-																											
---G-T-C-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-T--CC--G-A-C---T-C-G-A-A-G--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																											
GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CC-T-G-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-																											
G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);KD4-96(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu0990	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_26940_9890 T---AC---GT-AG-GAC-----CCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AG-----TG-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G-C-TC-G-T-T-----AA- ---G-T-A-G-----A-T-A-G--TG--A-AA-TC--G-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-TAC-G--G-C---T-A-T-T--A-T-----C-TA-A-A--C-----T-G-G--CG--G-G-C---T-C-G-A-G-A--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATT---T-C-T-A- GT--GT-A-G-GA-GT--G--A-A-A--TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T-G--GC-GTA-G--G-C-A-----G-G-C-T-A--CTG--G--AC-C-A-----T-T--T-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C- G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0991	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	4	0	0	0	0	0	0	54	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_14683_6626AC---T-A--CGT-----GCC-A-G-----C-A--G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T-AG-GG-----GG--C---AA---GC-G-----T-TG-T-C-C-G-----G--A-TA-G-T-T-----AA---G- T-C-C-----G-G-T--G--TG--A-AA-GA-T-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-A-G--A-G---T-G--C-A--T-C-----G-GA-A-A--C-----T-G-G--TT--A-T-C---T-T-G-A-G-G--A--C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT-- GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A- AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptococcaceae(100);Desulfosporosinus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0992	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_23965_23976 T---AC---AG-AG-ACC-----TCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-A-T----- ---TA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TT--A-AA-TA-T-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-A-A--C-C---A-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----G-G-T-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-A--A--T-GT----GA-G-A-----G-A-T-C--AG-T-----GG--A--ATT---T-A- T-G-GT--GT-A-G-TA-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-TG--AT-A-TC--A-T--A-A-A-G-A-AC-A-CC--CA--A--G--GC-GAA-G--G-C-A-----A-C-T-G-A--TTG--G--CA-C-A-----T-T--T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G-- AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu0993	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	49	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_12620_3061 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C																											

Otu0995	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_14200_12363 T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----																												
----GC---G-T-C-G-----G-A-T--G-TG--A-AA-AC--C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G--C-C---T-G--C-A---T-T-----C--GA-T-A---C-----G-G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T--T--C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T--CTG--G--GC-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0996	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_4841_10400 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-G--GA-GG-----GT-G---CA-AG-CG-TT-----A-TC-C-G-G-A-----T--T-CA-C-T-T-----AA---																												
-G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-GGA-A-A-C---T-G--C-C--A-T-----T-GA-T-A---C-----T-A-T-TT-A-T-C---T-T-G-A-A-T--T--C-TG----TT-G-A-----G-G-T-G--GG-C-----GG--A--ATA---C-A-T-C-AT--																												
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-T--G-T-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-A---CTA--A--GC-A-G-----C-G--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0997	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_24296_16857 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-----AA-A---GC-----G-T-G-G-T-A-----A-T-T-----T-----																												
AA---G-C-G-C-----A-A-G--G--TT--T-AA-AC--T-A-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-T-A-A-A---T-G--C-C--A-T-----G--CG-A-A---C-----T-G-G-GT--T-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-TG----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																												
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-A-G-----C-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0998	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	679	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_18291_6674 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-A-T-----																												
AA---A-T-T-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-T-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-A-G-A--A-T---T-G--C-T--T-T-----T--AA-G-A---C-----T-G-T--CG--A-G-C---T-A-G-A-A-T--C---C-AG----AA-G-A-----G-G-G-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-A-C---CTG--G--TC-T-G-----G-C---A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Rhodospirillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu0999	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	8	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_3026_12801AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----AA---G-																												
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-A-G-A--T-G---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A---C-----T-G-G-AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--																												
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T--CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-C-G-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Lactobacillaceae(100);Lactobacillus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1000	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	7	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_6963_14042 G---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CC-G-T-T-----AA- ---G-T-G-A-----G-G-A-G--TG--A-AA-GC-T-C-C-GGG-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-A-A-T---C-G-C-T---T-T-----T-CA-T-A---C-----T-G-G-CG-G-G-C---T-A-G-A-G-G-G---T-GG-----CA-G-A-----G-G-C-T---TG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CA--T--G--GC-GAA-G-G-C--A-----G-C-A-A-G---CTG--G--GC-C-G-----C-A---T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1001	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	1	0	0	72	0	0	31	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_20544_15063 T---AC---GT-AG-GGG-----ACA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-T-G-----G-T-CA-G-A-T----- -----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TT--A-AA-AG--C-A-GA-G-G---CT-C-AA-----C-C-A-C-T-G-T-C---A-G-C-C---T-T-----T-AA-A-A---C-----T-A-T-CT--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-A---GG-A-ATT---C- C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----C-C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1002	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_12166_10948 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AA-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-TG-G-A-T----- -----AA---G-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G-C-A---T-T-----T-AA-A-A---C-----T-G-T-CC--A-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG-A-ATT---C- C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT-G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Aeromonadales(100);Aeromonadaceae(100);Aeromonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1003	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_15640_12702 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C-A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A-CG-GA-----AG-G---TC-CT-G-GC-----G-TT-A-T																											

Otu1005	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_18070_8917 T---AC---GT-AG-GTT-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CT-C-G-A-----AA- ---G-T-C-T-----A-C-G--G--TG--A-AA-GC--T-C-CC-G-----GC-C-CA-----A-C-T-G-G-G-A--G-A---G-G-C-C--C-G-----C--GG-A-A--A-----C-T-T--CGA-G-A-C---T-T-G-A-AGG-----C-GG-----GA-G-A-----G-GCA-A--A--T-----GG--A--ATT---T-C-C-G- GT--GT-A-G-CG-GT--A---A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CC--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-T-T-T-G---CTG--G--CC-C-G-----C-C--C-T-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C- G-AC-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1006	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_23824_13018 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C----- -----GC---G-T-C-G-----G-A-C--G--TG--A-AA-AT--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-C-C---T-G--C-G---T-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--T--C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C- C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1007	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17680_5998 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-T-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-C---T-G--C-C--C-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ACT---G-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);Angulomicrobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1008	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_20978_16249 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-AT-G-G-C--- -----AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-G--C-C---T-G--C-A--T-T-----C--AA-A-A--C-----T--G-C--TG--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG-----TA-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT--- C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AGA-T--A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG- T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Ethanoligenens(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1009	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_24759_9643 C---GT---GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G--T--A--AT-A-CGG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T-----AC-CC-G--GA-----A-T--C-A-C-G-----G--G-AG-C-G-T-----AA-- --G-T-C-T-----G-G-T--T--TT--A-AA-GA--C-T-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-G--A-G---T-G--G-A--C--T-----G--GA-T-A--C-----T--G-C--GA--T-C-C---T-T-G-A-C-C--T---C-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A---AC-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT- -GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-G---CTG--G--AC-A-G-----A-A---G-G-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CC--GG Bacteria(100);Deinococcus-Thermus(100);Deinococcales(100);Deinococcaceae(100);Deinococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1010 5 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_20511_19618 T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-CT-G-A-T-----
-----CA---G-T-C-G-----G-A-T--G--GG--A-AA-GC--C-C-CA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---C-G--C-A--T--C-----C-GA-T-A--C-----G--G-T--CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG-----GA-G-A-----G-G-G-C---AG-T-----GG--A--ATT-----
C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-C---CTG--G--AC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1011 0 5 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_17512_13554 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GC-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-A-C-C-----
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--C-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--TG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--TG-T-----GG--A--ACT-----
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAAG--G-C-G-----A--C-A-C-A--CTG--G--CT-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG--
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1012 0 2 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_17938_15504 A---AG--CA-CC-GGC-----TAA-C-T-----C--C-G--T--GC-C-AGC-A-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-GA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T-TAATCGG-A-T-----
-----TA---C-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----T-AA-A-A--C-----T-G-T--CC--A-G-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT-----C-C-A-
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1013 0 2 0 10
0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_4070_18462 G---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--T--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-AG-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----G--TTAATC-G-G-----
AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--TT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GT---GA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT-----C-C-A-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C---CTG--G--CA-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Chromatiales(100);Chromatiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1014 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_17835_21152 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-G-G-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--C-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-T--A-----A-G--C-A--C--T-----T-GA-A-A--C-----T-G-C--TT--A-G-C---T-T-G-A-G-T--T--A-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT-----C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CC-T-T-----G-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1015	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_5308_18657 T---AC--GA-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-CGG-----C-TT-T-G-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C-AA--G-G-C---T-A-G-A-G-A-T---T-GA----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATTA----T-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-A--T-A-A-G-A-AC-A-TC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--CT-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1016	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_10045_20545 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-A-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C-TA--G-T-C---T-A-G-A-G-T-C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1017	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_3043_17971 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-C-T-----AA- ---G-T-C-T-----A-G-G--G--TG--A-AA-GC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--A-G---G-T--C-C---T-T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--A-A-C---T-T-G-A-G-G--G---A-TG----CA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G- GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--T-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--GC-A-T-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1018	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_8620_17358 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-A-C-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T--GA-G-A--C-----T--G-T--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---A-TG----GA-G-A-----G-G-C-G---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-G---CTG--G--AC-A-T-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1019	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	34	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_2995_14389 G---AC--GT-AG-GGC-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----GC- ---G-T-C-G-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-A-C--A-T---T-G--C-A---T-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micromonosporineae(100);Micromonosporaceae(100);Actinoplanes(100);unclassified(100);																												

Otu1020	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_6886_12447 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-A-G-T-----																											
AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C--C-C-A-T-G--T-A---A-G--C-A--C-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-C--TT-A-G-C---T-T-G-A-G-T--T--A-AG----GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-C--CTG--G--CC-T-T-----G-G--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1021	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_5860_16419 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CA-T-T-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-T-G----CT-C-AA-----C-A-T-C-G-G-A--A-T---A-G--C-C--T-T-----T-GA-G-A--C-----T-G-G--GT--G-G-C---T-A-G-A-A-T-C--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																											
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--AC-T-G-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1022	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_19263_11399 T---AC--GT-AG-GGG-----CCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AG-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-TC-G-T-T-----																											
-----GC---G-C-C-C-----G-A-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G--T-C-----G--GG-G-A--C-----G--G-G--CG--A-G-C---T-T-G-A-G-G--G--T-AT---CA-G-G-----G-G-C-T--GG-T-----GG--A--ACT---																											
-C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--CG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GA-T-A-----C-A---C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C--G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1023	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	23	
	32	0	0	0	86	0	7	7	0	155	0	91	12	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_15344_15735 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G----C-G-T--T																											

[illegible]

Otu1030	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_28238_7836 C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C-A-G---C-AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A-CG-GA-----GG--G---TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--C-CT-T-A-T-----AA--																												
--G-T-C-A-----G-T-G--G-TG--A-AA-TC--T-C-CT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-G-G-A-A-A-C---T-G--C-C---A-T-----T-GA-T-A---C-----T--G-T-AG--G-G-C---T-T-G-A-A-T-T---T-TT----GT-G-A-----A-G-T-A---AC-T-----AG--A-ATA---T-G-T-A-GT--																												
GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-C--A-T-G-G-A-AT-A-CC---AA-T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTA--A--CA-A-A-----C-G---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1031	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_19656_19942 A---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-C----																												
-----AA---G-T-T-G-----G-A-A--G-TG--A-AA-CT--C-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-A-A-C---T-G--C-T---T-T-----C-AA-A-A---C-----T-G-C-AG--A-T-C---T-T-G-A-G-T-G---G-TG---TA-G-A-----G-G-T-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-																												
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-A---CTG--G--GC-A-C-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-																												
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1032	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_18387_10675 T---AC--CA-GC-ACC-----CCG-A-G-----T-G--G---T-CG-G-GAC-GA-----TT-A-T-T--GG-GC-----CT--A---AA-GC-AT-CC-----G-TA-G-C-C-G-----G--T-CC-T-G-C-----																												
-----AA---G-T-C-C-----T-C-C--G--TT--A-AA-TC--C-A-CC-C-G----CT-C-AA-----C-G-G-T-T-G-G--G-C---C-G--C-G---G-G-----G-GA-T-A---C-----T-A-C-AG--G-G-C---T-A-G-G-A-G-G---C-GG---GA-G-A-----G-G-C-A---AG-C-----GG--T--ACT---C-																												
G-A-T-GG--GT-A-G-GG-GT--A---A-A-A---TC-C-AC-TG--AT-C-CA--T-T--G-A-A-G-A-CC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CCA--G--AA-C-G-----C-G---C-T-C-GA--CG-G-T-G--A-GG--G-A-TG-A-AA-G-C---T-GG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1033	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_17943_22346 T---AC--GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AT-T-T-C-----																												
-----AA---G-T-C-T-----G-C-T--G--TC--A-AA-GA--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-A---G-G--C-A---G--T-----G-GA-A-A---C-----T--G-A-AA--C-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-CG---TA-G-G-----G-G-T-A---GA-G-----GG--A--ATT---																												
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-TC--GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----C--T-C-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-A---A-C-T--GA--CA-C-T-C-A-GG--G-A-CG-A-AA-G-C---T-AG--																												
GG-G--AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);SubsectionIII(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1034	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_7832_20233 T---AC--GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-A-G-T-----																												
AA---G-A-T-A-----G-T-G--G-TG--A-AA-TG--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-T---T-G--C-C---A-T-----T-AT-G-A---C-----T-A-T--TT--A-G-C---T-A-G-A-A-T-G---A-TG---CA-G-A-----G-G-A-T---AG-C-----GG--A--ATA---C-C-C-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-A-G-A-AC-A-CC--AG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--GC-A-T-----T-G---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AT-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1035	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0
	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	2	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
	0	5	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	6	39	16	0	0	0	0	0	0	22	0	0
	0	5	0	0	16	2	0	0	17	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2110_11611_21365 T---AC---GT-AA-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-AA-A-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-AC--T-A-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-G--A-T---T-G--C-A---T-C-----T-GA-A-A---C-----T-G-A-TA-T-G-C---T-T-G-A-G-T-C---A-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-G-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A-C-T-T-T---CTG--G--AC-T-T-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1036	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_20964_21329 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-A-T-C-----																												
-----AC---G-T-C-G-----G-C-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-C---T-G--C-A---G-T-----C--GA-T-A---C-----G-G-G--TT-G-A-C---T-A-G-A-G-T-G---A-AG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1037	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_28552_13713 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA---G--G-----G-A-----T-GC--G-C-----																												
AA---G-T-T-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-AC--T-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-G--C-C---T-G--C-A---T-T-----C-AA-A-A---C-----T-G-C--TG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---A-AG-----TA-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-																												
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AGA-T--A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Ethanoligenens(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1038	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_9137_9211 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TC-T-T-T-----CA-																												
---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---G-G--C-A---T-C-----C-GA-G-A---C-----G-G-G--AG--G-G-C---T-C-G-A-G-A---C---C-GG-----GA-G-A-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ATA---G-C-C-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--C-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Candidatus_Alysiosphaera(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1039	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_5276_18246 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CT-T-C-T-----AA-																												
---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-T--A-G---T-G--C-A---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-G--AG--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG---ATA-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A-C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1040 5 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_20533_9161 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGA-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-C-T-T-----
AA---G-T-G-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GG--T-TCAG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-C--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--CA-T-A--C-----T--G-G--GA--A-C-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG-----GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATG---G-C-
T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--T-C-G-G-A-AC-A-CC---CA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-G---CTG--G--CC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1041 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_4213_10105 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----AA-
---G-T-G-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--C-----T--CA-T-A--C-----T--G-G--CA--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1042 0 8 0 6 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 8 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 115 0 9 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_14877_11874 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----AT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GA-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-C---
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-T-G-----CT-C-AA-----C-A-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--CA--G-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-TG-----GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-A-G-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1043 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_19166_19700 T---A---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A---G--CC-G-CGG-TA-----AG-A--C-A--GA-GG-----GT--G---CA--A-AC-GT-----TG-C-T-C-G-----G--G-AC-T-T-T-----
--AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-A-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--C-----C--GA-A-A--C-----T--G-A--GG--T-T-C---T-G-G-A-G-T--A---G-TG-----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-
G-G-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-C-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1044 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 75 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_18609_17999 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----
-----AA---G-T-G-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--CA-T-A--C-----T--G-G--CA--A-T-C---T-A-G-A-G-T--C---C-AG-----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-T-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu1050	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_26109_9337 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-G--GG-GG-----GG--G---CA-AG-CG-TT-----G-T---T-C-G-----G--A-CA-A-C-T-----AA--- -G-T-C-A-----G-A-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G-C-G---T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--AT--G-G-C---T-T-G-A-A-T--T---C-GG----GA-G-A-----G-G-G-A--TG-C-----AG--A--ATT---C-C-A-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--G--AC-C-G-----A-C---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG- C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1051	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30
	0	0	0	0	0	0	0	0	5	9	0	0	0	0	0	51	50	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_11172_15391 T---AC--GT-AT-GTC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GT-----C-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-A-G-C----- ----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT--G-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-T-A--T-----T-G--C-G---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--A-C--TT--T-T-C---T-A-G-A-G-T--A--T-CA---GA-G-A-----G-G-T-G--GG-C-----GG--A--ACT---A-C- A-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T--G--GA-GAA-G--T-C-A-----G--C-T-C-A--CTG--G--AT-G-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1052	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_7750_22606 T---AC--GA-GT-GCC-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-C-G-T-----TA-- --G-T-C-T-----T-C-T--G--TC--A-AA-TT--C-T-TC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-G--C-A---T-G--C-A--G--G-----G--GA-A-A--C-----G--G-C--GG--A-AC---T-A-G-A-G-G-A--T-GC---GA-G-A-----G-G-T-A--AA-T-----GG--A--ACT---C-A-T-G- GA--GT-A-G-GG-GT--G---A--A---TC-C-GT-TG--AT-A-TC--A-T--G-G-G-G-A-AC-A-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C-A-----A--T-T-T-A---CTG--G--CG-C-A-----C-T---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TA--GG-T--AG-C- G-AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1053	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_16453_19855 C---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-G-T----- ----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-TG-G-G-----CT-C-AAC-----C-C-A-G-A-G-A-----A-G-CC-G---C-C-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--CG-T-----GG--A--ATT--- C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1054	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_13375_16637 T---AC--GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-----TT-----GG-G-----G-TA-G-G-C-T-----G--A-TT-T-G-T-----AA-- --G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-A-A-A-C---T-G--C-C---A-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--AA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-TG-----TT-G-A-----A-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATA---A-G-T-A-GT-- GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC--AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTA--A--GC-A-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G- AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Chryseobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1055	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_14667_11060								T---AC---GG-AG-GGT-----CCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TC-A-C-----T-----G-G--GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-T-G-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-AA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-C--C-TG---GA-G-G-----G-G-C-T--GG-C----GG--A-ATT---C-G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-C-G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--A-G--GT-GTA-G--A-C-G-----G--C-C-A-G---CTG--G-AC-A-G-----G-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);
Otu1056	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_6276_3454								T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-A-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-G-T-G-TG--A-AA-AC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G-A---C-G-CC-A--C-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-TA-TG-G-C---T-T-G-A-G-T-T--T-GG---TA-G-G-----G-G-T-A--AG-C----GG--A-ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-T-A---CTG--G-GC-C-A-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);
Otu1057	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_6081_8861								T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-T-T-T-----AA---G-T-T-G-----G-G-T-G-TT--A-AA-GG--C-A-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-T-G-T-T-----C-G--C-A--C-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-G-GG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A--C-T-G-T--CTG--G--CC-T-G-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																			Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);
Otu1058	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_20928_23726								T---AC---GG-AA-GGC-----CCG-A-G----C-G-T--T--AA-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----TT-A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TC-G-A-A																			

Otu1060	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_21480_11212 C---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-CC-A-T-T-----																											
-----CA---G-T-C-G-----C-T-G-G--TG--A-AA-GC--C-C-CA-C-G-----CT-C-AA-----C-G-T-G-G-G-A--A-G---G-T-C-C--G-G-----C-GA-G-A--C-----G--G-G-TG--G-A-C---T-G-G-A-G-G-C--A-GG---GA-G-A-----G-G-T-C--GG-T-----GG--A--ATT---																											
-C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-G-A--CTG--G--AC-C-T-----G-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C--G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1061	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	30	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_20876_15478 C---CG--GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A-A-T--AC-GA-----AG--G---GT-GC-AA-GC-----GTTA-A-T-C-G-----G--A-GA-G-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-C-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---G-G-C-A--G-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-G-CT--C-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-GT---CA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-T--CTG--G--GA-C-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Xanthomonadales(100);Xanthomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1062	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	61	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_17364_14687 G---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AG-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CA-C-G-C-----																											
-----GC---A-T-C-G-----G-C-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-C-G-----CT-C-AA-----C-G-G-G-G-G-A--G-G---G-T-C-C--G-T-----C-GA-G-A--T-----G--G-C--GT--G-T-C---T-G-G-A-G-G-C--A-GG---GA-G-A-----G-G-C-C--AG-T-----GG--A--ATT---																											
-C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-G---CTG--G--AC-C-T-----G-A---C-C-T--GA--CG-C-T-GA-G--G--C-G-CG-A--AG-G-C--G-TG--GG-																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1063	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_22384_18854 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-G-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-CA--A-T-C---T-A-G-A-G-A--C---T-GG---AA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-A---CTG--G--TC-C-A-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1064	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_11116_14423 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-T-T-----																											
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----C-AA-A-A--C-----T-G-G-CG--A-C-C---T-G-G-A-C-T--C---A-AG---CA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---																											
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-G---CTG--G--GC-T-T-----G-T---A-G-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1065	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_18670_10312 T---AC---AG-AG-GTG-----CCG-A-G-----C-G-T---T-AG-G-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----TT-A-----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-GG-C-C-T-----AA---G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T-G-----G--TA-T-A--C-----T-G-G--GT--C-T-C---T-T-G-A-G-C-C---A-CT-----TA-G-G-----G-G-C-A---AT-C-----GG--A--ACA---A-A-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--T-G--GT-GAA-A--A-C--A-----G--A-T-T-G---CTG--G--GA-G-T-----G-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1066	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_14708_19047 A---AC---GT-AG-GAG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GT-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-GC-G-G-T-----AA---G-T-T-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--A-G---G-T-C-A---T-T-----C-AA-T-A--C-----T-A-C--CG--T-A-C---T-T-G-A-G-A--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A---GA-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--C-G-CG-A--CA-G-C---T-AG--GG-T--AG-T-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Anaerolineae(100);Anaerolineales(100);Anaerolineaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1067	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_6818_14666 T---AC---GA-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-CGG-----C-CT-T-G-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A--C-----T-G-C-AA-G-G-C---T-A-G-A-G-A--T---C-GA-----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATTA---C-G-A-GT--GT-A-G-AA-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--T-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rickettsiales(100);Candidatus_Odyssella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1068	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_17029_8980 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----TA---G-T-C-T-----A-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-G-G--A-G---G-T--C-C---T-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-G--CA--A-A-C---T-T-G-A-G-G--G---A-GG-----CA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--T-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--GC-C-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1069	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_28522_18282 A---AA---GC-CC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-TA-GG-TG-----G-CA-A-G-C-G-----T--T-GTCC-G-G-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GG-C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1070	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	51	75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_15368_21290										T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AC-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-C-T-C-----AA---G-T-C-C-----G-A-T--G--CT--A-AA-GA--C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--A-G---T-G--C-G---T-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-T--GA--G-G-C---T-A-G-A-C-G--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-G-T--AG-C-----GG--A--ATT---T-C-C-G-GA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-CC--G-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC--AA-T--A--GC-GAA-A-G-C-A-----G--C-T-A-C---CTG--G--AC-G-A-----T-T---T-G-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CC--GG															Bacteria(100);Deinococcus-Thermus(100);Thermales(100);Thermaceae(100);Meiothermus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1071	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_13736_12274										T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-A-A-T-----TA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-AA-T-A--C-----T-G-T--TT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GA---AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TT-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1072	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_26021_18835										T---GG---CT-AA-CTA-----CGT-T-C-----C--A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-TA-----G--A---TG-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GA--C-C-CC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--A---G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1073	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_17027_16655										T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-T-----AG---G-T-C-A-----G-G-A-G--TT--A-AA-TC--T-G-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-T-A-T-C-----C-G--C-T---C-C-----T-GA-T-A--C-----C-G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--C---T-GG---TA-G-G-----G-G-A-A--GA-T-----GG--A--ATT---C-C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--T-C-T-T---CTG--G--GC-C-A-----T-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1074	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	25	2	8	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0													
	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	8	2													
	0	6	10	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_19220_17537										C---GG---CT-A--ACT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GT-----AG--G---GT-GC-GA-GC-----GTTA-A-T-C-G-----GA-T-TA-T-T-T-----AA---G-C-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-CG-A-G----CC-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--G-G---T-G--C-A--T-A-----T-GG-A-A--C-----T-G-G--GT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT---CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----AG--A--ACT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														

Otu1075	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	61	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_17220_10208 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-AA-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-GT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---G-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1076	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_9280_11182 T---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GA-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-C-T-T-----AA--																												
--G-T-T-T-----G-G-T-C--TT--A-AA-GA--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G-A-----A-TG-G-A--C--T-----G-AA-T-A--C-----T-G-G-GT--G-A-C---T-A-G-A-G-G-A--T-GT----CA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-A-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A-G-C-G-----G--C-T-T-T--CTG--G--GA-C-A-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---T-CG--GG-G--AG-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1077	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_28471_10798 G---AC---GA-GG-GAC-----CCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GG-AG-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-G-G-T----																												
-----AA---G-T-C-G-----A-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-G---T-G--C-A--T--T-----C-GA-A-A--C-----T-G-C--TG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-TA---GA-G-A-----G-G-T-T--AC-T-----AG--A--ATG---																												
C-C-T-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-C-G-G-A-AT-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-A-A---CTG--G--CT-A-G-----A-C---A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-AT--T-C-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Bdellovibrionales(100);Bdellovibrionaceae(100);Bdellovibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1078	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	
	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_16451_24536 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-T-----G--C-TT-T-G-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--T-G---T-G--C-C---T-T-----T-GA-G-A--C-----T-G-C--AG--A-G-C---T-A-G-A-A-T--C---G-CG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-C-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1079	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_9658_17890 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-T-C-----																												
AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--CG--A-C-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-G---TG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-																												
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-A-C-A---CTG--G--GC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1080	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_12805_17690										G---AC---GA-AC-CGT-----GCG-A-A---C-G--T--T--AT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----TT-A---AA---G-G-----G-TA-----G-A-T-----AA-																	
	---G-T-C-G-----A-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-CT-A-G---CT-T-AA-----C-T-A-G-A-G-A-A-G---T-G--C-C---C-T-----C-GA-A-A---C-----T-A-T-TT-G-T-C---T-T-G-A-G-A-G--A-GA---TA-G-G-----G-G-C-A--TA-C---GG-A--ACT---T-C-C-G-																											
	GT--GG-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----G-T-A-T-G---CTG--G--AT-C-T-----T-T--T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																											
	C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Planctomycetacia(100);Planctomycetales(100);Planctomycetaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1081	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_10442_12377										G---AC---GG-GG-GGT-----CCA-A-G---C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GG-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CT-T-G-C---																	
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-A-G-G-A-A-G---T-G--C-T--T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-C-AA-G-G-C---T-T-G-A-A-T--G--T-GG---GA-G-A-----G-G-G-T--AG-T---AG--A--ATT---																											
	C-C-T-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-A-C---CTG--G--CC-C-A-----A-C--A-T-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-C-CA-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1082	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_25054_20841										G---AA---TA-AG-CAC-----CGG-C-T-----A-A-C---T--CT-G-TGC-CA-----GC-A--G-C-CG-CG-----GT--A---AT-AC-AG-AG-----G-GT-G-C-G-A-----G--C-TT-G-T-T-----																	
	-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-A-G---CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A-A-T---T-G--C-A--T-T-----C-GA-T-A---C-----T-G-G--TA-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG---GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T---AG--A--ATT---C-																											
	C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-C-T-T--CTG--G--CC-T-A-----A-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1083	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	15	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_9746_9272										T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G---C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AT-A-G-T-----AT-																	
	---G-T-C-G-----G-T-A--G--TG--A-AA-GC--G-T-GT-G-G---CT-C-AA-----C-C-A-T-A-T-A-C-A---C-A--T-T--A-T-----C-GA-A-A---C-----T-G-C--TA-A-G-C---T-A-G-A-G-G-A--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-T--AT-T---GG--A--ATT---C-C-C-A-																											
	GT--GT-A-G-GA-GT--G---A-A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G-G-C-A-----G-A-T-A-A---CTG--G--CT-C-G-----T-T---C-C-T-GA--CA-C-T-A-A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
	A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1084	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0
	1	0	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7129_20279										T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A---CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G-----																	
	AAT---T-A-C-T-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GT-G-A---C-----T-G-C--AA-G-G-C---T-G-G-A-G-T-G---C-GG---CA-G-A-----G-G-G-G--GA-T---GG--A--ATT---C-C-																											
	G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G-G-C-A-----A-T-C-C-C---CTG--G--GC-C-T-----G-C---A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Comamonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1085	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	4	7
	1	0	2	0	9	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	9		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_23423_20247 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A-C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C-G-C-GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-G-----T--T-AATC-G-G-----AA---G-C-A-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-G--T--T-----C--TG-A-A--C-----T--G-G--GT--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GT----CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T----AG--A--ATT----C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-C--CTG--G--GA-T-A-----A-C--A-C-T--GA--CG-T-T-C--A-TG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Neisseriales(100);Neisseriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1086	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_18943_22183 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-A-G-T-----AA---G-T-T-A-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-A-G-A-A--C-G---G-C--C-A--A-G-----T--AA-T-A--C-----T--G-C--AG--T-G-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG---AA-A-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-T-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-T-G--CTT--G--TC-T-G-----A-C--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--C-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1087	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_26109_19119 G---AC---AG-GG-GGC-----CCG-A-G-----C--G--T---T--AG-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----TT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CC-C-G-T-----AA---G-T-G-T-----C-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-G----CT-C-AA-----C-G-A-T-G-G-A--A-C---C-G--C-G--C--G-----G--CA-A-A--C-----T--G-C--GG--G-T-C---T-C-G-A-G-G--A--A-GG---TA-G-A-----G-G-C-G--GG-T----GG--A--ACG---C-T-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-C-G-G-A-AC-G-CC--GA--A--G--GT-GAA-G--A-C-A-----G--C-C-C-G--CTG--G--GC-C-T-----T-T--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1088	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2107_24733_8688 C---GT---GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G--T---A--AT-A-CGT-AT-----GT-C-G-C--AA-GC-----GT--T----AT-CC-GG-AT-----TTATTGGG-C-G-----G--G-AA-A-G-C-----GC---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT-G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-T-A-T-----T-G--C-G--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--A-C--TT--T-T-C---T-A-G-A-G-T-A--T-CA---GA-G-A-----G-G-T-G--GG-C-----GG--A--ACT---A-C-A-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T--G--GA-GAA-G--T-C-A-----G--C-T-C-A--CTG--G--AT-G-A-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-AG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Fusobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1089	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_12362_6967 T---AC---GT-AG-GAA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GC-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GG-C-G-T-----GC---G-T-C-C-----G-G-G--A--AG--A-AA-TC--T-C-AA-G-G----CT-C-AAC---C-T-T-G-G-G-G--C-----T-A-T-C--T--C-----G--GA-T-A--C-----G--G-C--GC--T-T-C---T-T-G-A-G-G--G--T-GA---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----AG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T--CTG--G--CT-C-A-----T-T--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

Otu1095	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_27340_11493 T---AC--GT-AT-GGG-----GCA-A-G----C-G-T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TA-C-C-T-----																											
	-----AA---G-C-G-C-----A-A-G--G--TT--T-AA-TC--T-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-T-T-C-----T-G--C-C--T-T-----G--CG-A-A--C-----T-G-G--GC--T-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-																											
	C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1096	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_18218_13698 T---AC--GT-AG-GGT-----CCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TC-C-G-T-----																											
	-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-G--A---C-G-CC-A--T-C-----T-GA-T-A--C-----T-G-C--GG-TG-A-C---T-G-G-A-G-T-C---T-GG---TA-G-G-----G-G-A-T--CA-C-----GG--A--ATA---																											
	C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--T-G-A-T---CTG--G--GC-C-A-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1097	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	153	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_9089_22388 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-AG-G-T-T-----																											
	AA---G-T-A-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-GG--T-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-A-C--A-C---T-G--C-T--C-C-----C--TA-T-A--C-----T-G-G--CC--C-T-C---T-T-G-A-G-T-C---C-CG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ACG---A-C-A-																											
	C-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AT-A-TG--T-G--T-C-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-GA--GG-T--AG-																											
	C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1098	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_11076_7786 T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G----C-A-T--T																											

[illegible]

Otu1105	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_23464_24737				C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C----C--A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----																									
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G-G--TG--A-AA-AC--T-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-G--C-T---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A--GG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--A--C-AC-----TT-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG----T-																													
G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-A---CTA--A--AG-T-G-----T-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																													
-AT-C-A-AA-----CA--GG				Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1106	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_18848_12640				T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--T-AA-TCG-G-----																									
-----AA---G-A-C-C-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----G--GT-G-A---C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GG-----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-																													
C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																													
-AG-C-A-AA-----CA--GG				Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1107	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_5280_16508				T---AC---GA-GG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-T-----																									
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-A-T-A-G--T-C---T-G--C-A---T-C-----G--GA-A-A---C-----T--G-C--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																													
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																													
AG-C-A-AA-----CA--GG				Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Acidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1108	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	27	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_7485_4275				T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GT-G-A-C-----																									
AA---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-TG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-A-G-A-A--C-G---G-T--C-A---A-C-----T--GA-T-A---C-----T--G-T--TG--T-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-G-----G-G-C-A---AC-C-----GG--A--ATT---C-T-T-																													
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--A--G--GT-GAA-G--A-C--G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-T--																													
AG-C-A-AA-----CG--GG				Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_5363_16680				T---AC---AG-AG-GTG-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-CG-G-G-T-----																									
AA---G-T-A-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T---G--G-----A--TA-T-A---C-----T--G-C--TT--G-T-C---T-T-G-A-G-G--C---A-CT-----TA-G-G-----G-G-C-A---GC-T-----GG--A--ACA---A-A-T-																													
G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--G--GC-GAA-A-G-C--A-----G--G-C-T-G---CTG--G--GA-G-T-----G-A---T-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GT-G--																													
AG-C-A-AA-----CG--GG				Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									

Otu1110	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	88	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_7036_21703 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CA-T-T-T----- AA---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C--T--C-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--GT--G-T-C---T-C-G-A-G-A-C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ACT---G-C- G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG--G--TC-C-G-----G-T--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1111	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_8121_6593 G---TG--CC-AG-CAG-----CCG-C-G-----G--T--A-AG-A-CGT-AG-----GG-C--G-C-GA-GC-----GT-T----GT-CC-GG-AT-----T-TA-T-T-G-G-----G--C-TC-G-T-C-----GC-- --G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-GA--C-C-AT-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-G-T-T-T---T-G--C-G--G--T-----G-GA-T-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-G-C--C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G--AT-C-----GG--A--ATT---C-T-A-C- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----G-T--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Glycomycineae(100);Glycomycetaceae(100);Glycomyces(100);Glycomyces(100);																												
Otu1112	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_18348_11528 T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AC-T-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-A-T-A-G--C-C---T-G--C-A--T--T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T--GG--T-T-C---T-T-G-A-G-G-G--T-CG---GA-G-G-----G-G-T-T--AC-T-----GG--A--ATT---C- C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-G-T-A-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-T--G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1113	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_17253_13215 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TG-A																												

Otu1115	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_21952_10668 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-C-----																											
----AC---G-C-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-GT--C-C-AT-C-G-----CT-T-AA-----C-G-G-T-G-G-A-T-C---T-G-C-G---C-C-----G--GG-T-A--C-----G-G-G-CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G---AT-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-C-G-GT--GT-A-A-CG-GT--G---G--A-A---TG-T-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1116	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_7414_4044 T---AC---GT-AG-GGT-----CCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TC-G-G-T-----AA--																											
--G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G-A-----C-G-CC-A--C-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-C-TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---CA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G-T-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1117	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_14242_17429 G---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G-A-C---T-G--C-A--T-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-C--CC--G-A-C---T-A-G-A-G-G-----TAGG---TA-G-G-----G-G-A-G---AT-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----GATC-T-----CTG--G--GC-C-T-----T-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1118	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_11401_19305 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-T-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G-A-C---T-G--C-G---C--T-----T-GA-G-A--C-----T--G-T--GG--T-G-C---T-A-G-A-G-G--T---C-AG---AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1119	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_18172_9200 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AG-G-G-C-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G-A-C---T-G--C-T---T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-T--CT--T-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1120
0
0
0 26 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_15937_6118AC---T-AC-GTG-----CC-A-G-----C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GA--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-TC-G-G-T-----AA---G-
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-T-G-A-A-T--G---T-AG-----CA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----A--C-T-T-T--CTG--G--GC-T-A-----T-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);Alloiococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1121 0
0
0
0 16 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_9137_14584 C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-C-----AA-
---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-CA-GC--T-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-GAG-A-----G-G-CC-A--C--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1122 0
0
0
0 15 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_24611_15304 T---AC---AG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CG-G-C-G---
-----AT---G-T-G-C-----C-G-T--G--TG--A-CA-GG--C-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-G-AT-T-----G-G--C-A--G-G-----G--TA-G-A--C-----A--C-G--CC--A-A-C---T-T-G-A-G-G--C---A-GG---GA-G-A-----G-G-G-A--TG-T-----GG--A--ATG--
--C-C-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-C-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C--CTG--G--CC-C-T-----G-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--GA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CT--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1123 0
0
0
0 9 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_13946_18673 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-C-C--G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-A-G--G-----G-GT-C-G---G-G-----C--GA-G-A--C-----T--G-C--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-G--T---G-GG---TA-G-A-----G-G-G-C---AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---G--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-C--CTG--G--GC-C-T-----G-G---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AT-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1124 0
0
0
0 0 49 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_12429_13298 C---TC---CG-TG-CCA-----GCAGCCG-----CG-G--T---A--AT-A-CGG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T-----GT-CC-G--GA-----T-TT-A-T-T-G-----G--C-CT-T-G-T-----
-----AA---G-T-C-C-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-CC-T-G-----CT-C-AA-----C-A-G-G-A-G-A--A-C---T-G--C-C--A--T-----G--GA-T-A--C-----T--G-C--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---T-AG-----AC-G-A-----G-G-G-T---GG-C-----GG--A--ATA---
G-A-G-G-CT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-AT-AG--AT-A-GC--C-T--C-T-A-G-A-AC-C-CC---GA--T--T--GC-GTA-G--G-C-A-----G--C-T-G-C---CTA--G--AC-T-A-----C-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1125	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_15699_9353AC---T-A-CGT-----GCC-A-G-----C--A--G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GG-----GG-C---AA-GC-G-TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TT-C-G-T-----CA---G-T-C-C-----G-A-T--G--TG--A-CA-GG--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A-A-----G-GC-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-C-GA--A-A-C---T-T-G-A-G-G-A--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG-A--ATT---C-C-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-C-T---CTG-G--TC-T-G-----T-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G-A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_17697_8025 T---A---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-G--GA-GG-----GT-G---CA--A-GC-G-----T-TG-T-T-C-G-----G--A-TT-G-A-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A-A-G---T-G--C-A--T-T-----T--GA-T-A--C-----T-G-T-CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-CA---GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG-A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG-G--CT-G-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G-A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Desulfobacterales(100);Desulfobulbaceae(100);Desulfobulbus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_27155_20332 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-T-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-T---A-G--C-C--T-T-----T--GA-G-A--C-----T-G-G--AT--A-G-C---T-T-G-A-A-T-C---T-TG---GA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG-A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-C-G---CTG-G--AC-A-A-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G-A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1128	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_23997_11059 T---AC--AG-AG-GTC-----TCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TC-A--T																											

Otu1130	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	45	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_26799_17371 T---AC---GA-GG-GAT-----CCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-C-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-G---T-G--C-T---T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TA--A-G-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TG----GA-G-A-----G-G-A-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-A-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-T---CTG--G--CC-A-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1131	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_15379_15781 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-G-T-C-----																											
	-----AA---G-C-G-G-----G-G-T-T--TC--A-AA-TC--C-A-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-T-G-G--C-----C-G--G-A--C--C-----C--CG-A-A--C-----T--G-G--CG--G-G-C---T-C-G-A-G-T-G--C-GG----TA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----GG--A--ATT---																											
	C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T---CTG--G--GC-C-G-----C-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--																											
	GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_9114_17629 T---AC---GT-AG-GGT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-G-T-----AA--																											
	--G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-AC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G--A-----C-G-CC-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-G-C---T-T-G-A-G-T--C---T-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---CA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
	GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-G-C-T---CTG--G--GC-C-A-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
	C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1133	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	5	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_24060_18276 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AG-T-G-C-----																											
	-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-TG--C-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-A-T-G-A--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--AC--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--C-CG----GA-G-G-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT---																											
	C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----A-A---A-C-T--GA--CG-T-T-A--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1134	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_12564_18328 C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-C-CT-A-T-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-C-G-C--A-G---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--G-G-C---T-T-G-A-A-T--G---C-AG----CT-G-A-----G-G-T-A---GG-C-----GG--A--ATG---T-																											
	G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-A---CTA--A--AG-T-G-----C-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
	-AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1135 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 8 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_6707_10670 T---AC---GA-GG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-A-T-----
AA---G-T-C-A-----T-C-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-A-G-T-C---T-G-C-A--G-G-----C-GA-A-A--C-----T-G-T--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A-ATT---T-C-C-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--AC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Edaphobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1136 0
0 0
0 0
0 0 0 0 103 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_16510_19043 T---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GA-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-C-T-T-----
-----AA---G-T-T-T-----G-G-T--C--TT--A-AA-GA--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-A---T-G-G-A--C--T-----G-AA-T-A--C-----T-G-G-GA--G-G-C---T-A-G-A-G-G-A--T-GT----CA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A-ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----A-C-T-T-T--CTG--G--GA-C-A-----T-T--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---T-CG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1137 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 103 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_18170_10056 T---AC---GG-AG-GGA-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-G-T-----
-----AA---G-A-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----T-GT-G-A--C-----T-G-C--AT--G-A-C---T-C-G-A-G-T-A--T-TG----GA-G-A-----G-G-T-T--GG-C-----GG--A-ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GTA-A--G-C-A-----G--C-C-A-A--CTG--G--AC-A-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-A-CG-A--AA-G-T---A-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1138 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 4 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_8906_23133 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-T-C-----
AA---G-T-C-T-----G-G-A--G--TG--G-AA-GT--C-C-TA-T-T----TT-C-AA-----G-G-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-C--AT-C-----GG--A-ATT---C-C-C-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-G-A--CTG--G--AC-T-G-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1139 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 15 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_24127_15812 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CA-G-C-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--CT--G-A-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG----GA-G-A-----G-G-C-G--GG-T-----GG--A-ATT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-G--CTG--G--AC-A-A-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Novosphingobium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1140	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_15469_8018 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-A-T-A-----																											
CA---G-T-C-A-----G-A-A-G-TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T--T-----T--GA-T-A--C-----G-T-G--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---G-AG-----AA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-A-C---CTG--G--TC-T-T-----C-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);Acidocella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_24132_19995 T---AC---AG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----G--GC-----T-TA-T---T-----AA---																											
G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-TC--C-C-TT-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-A-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--TA--A-G-C---T-T-G-A-G-T-G---T-CG---GA-G-G-----G-G-A-T---GG-T---AG--A--ATT---C-C-T-G-GT--																											
GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---TG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-T---CTG--G--AA-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1142	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_23146_16905 T---AC---GA-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TA-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-A-T-----																											
-----GC---G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-GT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---G-G--C-A--T-T-----T--GA-T-A--C-----G-G-T-AA--G-A-C---T-A-G-A-G-G-T---T-AT---GA-G-A-----G-G-A-A---GG-C-----GG--A--ATT---																											
G-T-G-C-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TG--C-A--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--T--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-T---CTG--G--TA-T-T-----A-A--C-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_23290_19130 T---AC---AG-AG-GTC-----TCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TC-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-G-G-T-----																											
-----AA---G-T-T-G-----A-A-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-A-A-A-C---T-G--C-C---T--T-----C--AA-T-A--C-----T--G-C--TG--A-G-C---T-C-G-A-G-G-A---T-TG---TA-G-A-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ATT---C-																											
A-C-G-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--G-A-G-G-A-AG-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-A-----T-T---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---C-AG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Verrucomicrobia(100);Spartobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1144	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_12144_2859 C---GG---CT-AA-ATA-----CGT-G-C-----C--A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-G-----AT--G-----TC-CC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--T-TG-G-T-T-----AA--																											
--G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-A---G-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Leuconostocaceae(100);Leuconostoc(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1145	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_23820_5584 T---AC---GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-----TT-----G-G-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-AT-G-C-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TA--C-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-C-G-C-A-G---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-CG-T-G-C---T-T-G-A-A-T--G---T-AC----AT-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A-ATG---A-G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT-G--A-A-A--TG-C-AT-AG--AT-A-TG-T-C--T-C-A-G-A-AC-T-CC--GA-T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G--C-T-T-A--CTA--A-GG-T-A-----T-G--A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1146	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_12657_16690 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-G-AA-G-A-T-----AA---G-T-T-A-----G-T-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-A-G-G-A-A-C---T-G--C-A--A-C-----T-AA-A-A--C-----T-G-T-TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-T-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-T--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_18303_12106 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-T-C-C-----AA---G-T-T-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G--C--T-----T-AA-G-A--C-----T-G-G--AG--T-G-C---T-T-G-A-G-G--A--T-GG-----AA-G-A-----G-G-G-T--TG-T-----GG--A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-A-A-C--CTG--G--TC-C-A-----T-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--TA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1148	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	3	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_12003_8461 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-TT-----T-AA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-G-T-----AA---G-T-C-T-----A-C-T-G--TT--A																											

[illegible]

Otu1155	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_23226_11179 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-A----																											
	-----CA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G-G-C---T-G--C-A---T-T-----C--GA-T-A---C-----G--T-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---T-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG--																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1156	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_18147_12497 T---AC--GT-AG-GGG-----CCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TG-A-T-C----																											
	-----AA---G-C-C-T-----G-A-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-G---G-T--C-G---T-C-----G--GG-G-A---C-----T-G-A-TT--G-G-C---T-T-G-A-G-G--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-C-C---GG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-G-G---CTG--G--GC-C-G-----A-C---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1157	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_6079_19923 T---AC--GT-AT-GTC-----GCG-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----AT--A----AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-G-A-T-----AA--																											
	--G-T-C-C-----G-A-G-G--TG--A-AA-AC--T-G-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-G-C-A-G--C-T---T-G--C-C---T-T-----G--GA-A-A---C-----T-A-C-CT--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A---T-TG----GA-G-A-----G-G-T-G--GA-C-----GG--A--ACT---A-C-A-C-																											
	GA--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC---GA--T--G--AT-GAA-G--A-T-A-----G--T-T-C-A---CTG--G--AT-G-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-																											
	G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);Leptotrichia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1158	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_19156_18206 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-G-T-A---																											
	-----CA---G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T-T-----T--GA-T-A---C-----G--T-G--CG--T-G-C---T-T-G-A-G-T--G---A-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT----																											
	T-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG--																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);Acidocella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1159	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_23380_13288 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-C-C-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-A-G-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-T---A-G--C-C---T-T-----T--GA-G-A---C-----T-G-G-GT--C-G-C---T-T-G-A-A-T-C---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-T-G-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG--																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1160
0
0 11 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_21119_17035 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-T-T----
-----TT---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GT--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---G-G--C-G---C--T-----T--GG-G-A--C-----G--G-G--TG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--G-GG----AA-G-A-----G-G-G-T--CG-T-----GG--A--ATT---
-C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-CTT-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--GA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1161 0
0
0 44 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_20326_21662 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-T-G-T----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-AT-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-G-G--G-G---T-G--C-A---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--AG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A--C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1162 0
0
0 8 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_14176_9331 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----TC--C---AA-GC-GT-TA-----T-CC-G-G--A-----A--T-C--A-T-T-----AA---
G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-TT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-A-G-A-A--A-T---T-G--C-C---A--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-C--TA-G-T-C---T-T-G-A-A-T--T--C-GG----TC-G-A-----A-G-T-G---GG-C-----GG--A--ATG---T-G-T-C-AT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--A-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--A--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-A---CTA--G--GC-C-T-----G-A--A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Cryomorphaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1163 0
0
0 1 0 0 0 0
1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_14998_24345 T---AA--GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G----
-----AA---G-C-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CA-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--C-G---T-G--C-A---T--T-----T--GG-A-A--C-----T--G-G--GT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT-----CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----AG--A--ATT---C-
C-A-C-AT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1164 0
0
0 13 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_24028_7088 C---GG--CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA--
--G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GT-A-G----CT-A-AA-----C-T-A-T-C-G-C--A-G---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--AG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--A--C-AC----TT-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG---T-G-A-C-
AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A---CTA--A--AG-T-G-----T-G--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1165	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	32	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_00000000-ADUNE_1_1113_24540_18763	C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C----C-A-A-G--C-AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A-CG-GA-----GG-A----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G-A-TT-TAT-T-----																											
-----AA-----G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GA--C-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-C-G-C-A-G---T-G--C-C--C-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-A-AG--A-G-C---T-T-G-A-A-T-G--G-AC---TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG-A-ATG---T-																												
G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC--GA-T-T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-T-A--CTA--T-GG-T-T-----T-T--A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																												
AT-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);Pedobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1166	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	35	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_00000000-ADUT3_1_1101_24464_5674	T---AC--GT-AG-GGG-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AG-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-TT-C-A-C-----GC-																											
---G-C-C-C-----G-A-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-A--G-T-C-G--T-T-----G--GG-G-A--C-----G-G-T-GG--A-G-C---T-T-G-A-G-G--G--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-C--GG-T-----GG-A-ATT---C-C-C-																												
G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-G-A--CTG-G-GC-C-G-----A-C--C-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AG-G-C--G-TG--GG-G--																												
AG-C-G-AA-----CG--GG	Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1167	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	48	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_00000000-ADUT3_1_1106_6265_5567	T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TA-A-G-C-----																											
AA---G-T-T-A-----T-C-G--G--TA--A-AA-AC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G-C-C---T-G--C-C--G-A-----T-AA-A-A--C-----T-G-C-AT--A-C-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---GA-G-A-----G-G-G-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-C-																												
G-GA--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-C--CTG-G--CC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--T-GG--GG-G--																												
AG-C-G-AA-----CG--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_00000000-ADUT3_1_1115_19830_9736	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-C-----CA-																											
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TG--C-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-AA-G-T-C---T-G-G-A-G-T-A--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-G-A-																												
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A-A--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG-G--CC-C-G-----A-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1169	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_00000000-ADUT3_1_2111_9923_6958	T---AC--GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-T-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-G-AT--A-G-C---T-A-G-A-A-T-C---T-TG---GA-G-A-----G-G-T-C--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-G-A-																												
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-G-A--CTG-G--AC-A-A-----G-T--A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

Otu1175	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	11	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_6870_15631AC---TC-CG-TG-----CCA-G-C-----A-G--C---C-GC-G-GTA-AT-----AC-G--G-A-GG-GT-----GC--A----AG-CG-TT-AT-----C-CG-G-A-T-G-----G--A-CT-T-G-T-----AA----																												
G-T-C-C-----G-T-G--G-TG--A-AA-TC--T-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A-A-C---T-G-C-C---A-T-----G-GA-T-A---C-----T--A-T--AG--G-T-C---T-T-G-A-A-T--G--T-TG----TG-G-A-----G-G-T-T---AG-C-----GG--A--ATA---G-T-T-C-AT--																												
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--C-T-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--T-GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-G-G---CTA--C--AC-A-A-----C-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1176	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_15558_24875 G---AC--GA-AC-CGT-----GCG-A-A-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GG-GC-GC-----G-C-T-----G---C-----C-----																												
AA---G-T-C-T-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-T-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-A-G-A--A-C---G-G--C-C---T-C-----G-GA-T-A---C-----T--G-G--CG--G-T-C---T-C-G-A-G-G--G--A-GG---TA-G-G-----G-G-C-G--TG-C-----GG--A--ACT---A-A-																												
G-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-TG--AT-A-TC--C-T--T-A-G-G-A-AC-T-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-G---CTG--G--AC-C-T-----C-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1177	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_10657_15376 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-G-T-----																												
-----CA---G-T-T-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--AA-T-A---C-----T--G-C--CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GG---AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---G-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1178	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_14677_23567 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----																												
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A---C-----T--G-A--AG--A-T-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ACG---																												
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1179	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_24194_2355 T---AC--GT--G-CCA-----GCA-G-C-----C--G--C---G--GT-A-ATA-CG-----TA-G--G-G--GGCAA-----GC--G-----TT-AT-CC-GG-----A-TT-T-A-C-G-----G--T-GG-T-G-T-----AA-																												
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--A-T--GT--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1180	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_22199_12525 T---AC---GG-AG-GGG-----ACT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-G-C-----																											
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-C-----C-AA-A-A---C-----T-G-T-TG-G-T-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT----C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1181	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_7141_14690 T---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GC-G-G-T-----																											
AA---G-A-G-T-----G-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-T-CG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-A-G-G--C-C---T-G-C-A---A-C-----G-CT-G-A---C-----T-G-C--CG--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G---T-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---CG-T-----GG--A--ATT----C-C-C-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-G-C-A---CTG--G--AC-C-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1182	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_10873_2274 C---TG--TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C-G-G---T-AA-TACAG-AG-----GG-G--G-C-AA-GC-----GTT-A---ATC-GG-AATTA-----C-TA-G-G-T-G-----G--C-TC-T-A-T-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G-C-A---T-C-----T-GA-A-A---C-----T-G-T--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GT-----GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT----C-C-A-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1183	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_17918_13894 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-AT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-G-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--G-C---T-G-C-A---T-T-----T--CA-A-A---C-----T-G-G--GT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT----C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--AC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);Clostridium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1184	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_6580_11943 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-A-T-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-C---T-G-C-A---T-C-----T-GA-T-A---C-----T-G-G--TG--G-A-C---T-T-G-A-G-G-C---A-GG---TA-G-G-----G-G-A-A---GG-T-----GG--A--ATT----C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-T---CTG--G--GC-C-T-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

Otu1190	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_14636_11354AC---T-A-CGT-----GCC-A-G----C-A-G--C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GG-----GG-C---AA-GC-GT-----TA-T-C-C-G-----G-A-AT-A-A-T-----																											
AA---	G-T-C-T-----A-A-G--G--TT--A-AA-GT--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-G-A-----T-G--C-C---T--T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-TA-A-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG----	TA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG-A-ATT---T-C-A-																										
T-GT--GT-A-G-CG-GT--A--A-A-A--TG-C-GT-AA--AT-A-TA--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-T-T-G--CTG-G--GC-C-A-----T-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-	C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Mollicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu1191	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_24563_4474	T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----AA-																											
---	G-T-G-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TA--C-T-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-A-G-T-G-C---T-G--C-A--T--T-----C--CA-A-A--C-----T-G-G-AT--A-T-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG----	GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-A-																										
GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-C-T--CTG-G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-	C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu1192	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_26250_22061	T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-T-T-----																											
----	AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T--T-----T-GA-G-A--C-----T-G-G-AA-G-G-C---T-T-G-A-A-T-C--A-CG----	GA-G-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG-A-ATT---C-																										
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G--C-C-C-A--CTG-G--AC-G-T-----G-T--A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-	G--AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu1193	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	78	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_17403_9516	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-G-T-T-----																											
TA---	T																											

Otu1195	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_8404_15380 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-GC---C-A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----GG-A----TC-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-CT-A-T-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TA--C-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-C-G-C-A-G---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--G-G-C---T-T-G-A-A-T--C--C-AT----TT-G-A-----A-G-T-G--GG-C-----GG--A--ATA---A-G-A-C- AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--T-T-A-G-A-AC-T-CC---GA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-A--CTA--A--GC-T-G-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C- G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacteriaceae(100);Sphingobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1196	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_14276_7513 C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT-----GC-TA-GC-GT-----TG-T-T-C-G-----G--A-CA-G-G-C-----AA--- G-T-C-G-----G-G-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-TC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-A-G-G-A--A-G---T-G--C-G---C-C-----C-GA-A-A--C-----T--A-C-TT--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A--C-CG-----GA-G-A-----G-G-G-T--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT- -GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-C---CTG--G--AC-G-G-----C-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A- AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Myxococcales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1197	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_19559_21734 C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C-A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----GG-A----TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-CGG-----G--C-TT-A-T-T----- ----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-GA--C-G-GT-A-G-----CT-T-AA-----C-T-A-T-C-G-C-A-G---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--A--C-AG-----TT-G-A-----A-G-T-G--GG-C-----GG--A--ATG---T- G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---GA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-A--CTA--A--AG-T-G-----T-G--A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G- -AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1198	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_3461_15781 C---GG---CT-AA-ATA-----CGT-G-C-----C-A-G---C--AG-C-C-G-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AT--G----TC-CC-AA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--T-TA-T-T-T-----AA--- -G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-A--A-T---T-G--C-A---T-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----TA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1199	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_8243_10993 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-T----- AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---A-G--C-C---T-T-----T--AA-G-A--C-----T--G-C-TT--C-G-C---T-T-G-A-A-C--G---T-CG-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G- A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A--CTG--G--AC-G-A-----C-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);unclassified(100);																											

Otu1200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_15285_13755 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-AT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-C-T-T-----																											
----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--GT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);Clostridium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1201	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_12664_15591 G---AC---GG-AG-GAG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-T-T--G--TT--A-AA-GC--C-C-AC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-A--T-C---G-G--C-A--A-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G--T-GG----TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--T-C-T-A---CTG--G--GC-C-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----AG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);SubsectionIII(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1202	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_14194_13027 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GG-T-C-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GC--C-G-C---T-G-G-A-G-T--A---C-GG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--CG--T--G--GT-GCA-G--A-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-G-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1203	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_24120_16997 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-C-----																											
----GC---G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-TC--C-T-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--C-G---T-G--C-G---G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ACT---																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1204	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_13604_5411 T----AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TT-A-G-C-----AA-																											
--G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-A--G-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----AG--A--ATT-----C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1205	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_15726_18412 C---GG--CT-AA-TTT-----CGT-G-C----C-A-A-G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A-CG-AA-----AG-G---TC-CA-AG-CG-----T-TA-C-T-C-G-----G-A-TT-T-G-T-----AT---G-T-C-G-----A-T-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--G-T-----C--GA-A-A--C-----T-G-C--AA--A-G-C---T-T-G-A-A-T-G--T-TG---GA-G-A-----G-G-T-T--GG-G-----GG-A-ATA---C-C-T-A-GT--GG-A-G-AA-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC--AG-A-A-G-GC-GAA-G--G-C-G-----C-C-T-G-A--CTG-G--CC-A-A-----A-C--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1206	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_14598_19444 A---AC--GT-AG-GAG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GC-GC-GT-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-TT-A-T-T-----AA---G-T-T-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--T-C-CT-G-G----CT-C-AA-----C-T-A-G-G-A-G--A-G--G-T--C-G--C-T-----C-AA-G-A--C-----T-G-A-TA-G-A-C---T-C-G-A-G-A--G--C-AG---TA-G-G-----G-G-A-A--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-G-GA--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-T--CTA-G--AC-T-G-----T-A--T-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-T--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Anaerolineae(100);Anaerolineales(100);Anaerolineaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1207	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_16615_18854 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CC-G-T-T-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---G-G--C-C--T-T-----C--GA-T-A--C-----T-G-G--CG--G-T-C---T-G-G-A-G-G--T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A--CTG-G--CT-C-G-----A-T--T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1208	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_8570_17849 T---AC--GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-GT--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-G-A--T-C---T-G--C-G--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA-G-G-C---T-A-G-A-G-T-G--C-GG---TA-G-G-----G-G-T-G--AC-T-----GG--A--ATT---C																											

Otu1210	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_16800_19909 C---GG--CT-AA-AT-----ACGTG-C----C-A-G--C--AG-C-C-G-CG-----GT-A--A-T-AC-GT-----AT--G-----TC-CC-GAGCG-----T-TA-T-A-C-G-----G--T-TA-A-T-T-----																											
---AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-A---G-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A--ACT---C-																											
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--C-G-G-GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Leuconostocaceae(100);Leuconostoc(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1211	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_7739_4845 T---AC--AG-AC-GGT-----GCG-G-G-----C-G-T---T--AT-T-CAG-CT-----TA-A--A-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-AT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CA-G-T-C-----CT--																											
--G-A-T-A-----A-G-T--A--GA--A-AT-TC--T-G-GG-G-T---CA-T-AA-----C-A-G-T-A-GCA--G-A---T-A--C-T--T-T-----G--TA-A-A--C-----A--GTT--CA--A-G-C---TCC-G-A-G-T-A--T-AG---AC-G-G-----G-G-T-A--TG-G-----GT--A--ATT---T-C-T-T-																											
CA--GT-T-A-GTGTT--T---A--T-A---GA-C-CG-AG--AT-A-GA--A-G--A-A-G-G-A-GC-A-TC--AT--T-G--GT-GAA-G--A-C-G-----T--C-A-T-T---CTA-G---T-T-T-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-G--AG-G-T---T-AG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----TC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1212	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_7555_23813 T---AC--GG-AG-AGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--AT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-T-----G--G-TT-A-A-T-----AA-																											
--G-T-T-A-----A-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-G--A-A-T---T-G--C-T--T-T-----T--AA-A-A--C-----T--A-T--TA--A-T-C---T-A-G-A-G-A-T---T-GA---AA-G-A-----G-G-A-T--AG-A-----GG--A--ATT---C-C-T-G-AT-																											
-GT-A-G-AG-GT--A--A-A-A---TT-C-GT-AA--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----T--C-T-A-T---CTG--G--TT-C-A-----A-A--T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-AG--C-G-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rickettsiales(100);Anaplasmataceae(100);Wolbachia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	
	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_9007_20157 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T-GG-GC-----																											

Otu1215	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_17063_22789 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-T-A-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-G-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-A-C-A-G--A-T---T-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-T-AG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---A-AG----TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG-G--GC-T-T-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1216	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	50	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_15167_16095 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GA-A-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-A-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-T-G-G--C-T---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-T-TT--T-T-C---T-T-G-A-G-A-G---T-GG----GA-G-A-----G-G-T-A--AA-C-----GG--A--ATT---C-T-A-GT--GT-A-G-TA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-T-A---CTG-G--AC-C-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1217	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	
	2	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_6267_9939 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A-GA-GG-----GT-----GC-GA-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--C-TA-A-T-T-----GA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T-T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--TT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG-G--CC-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1218	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_6270_10883 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A---T-----T-----GG-G--C-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-C-----GC---G-T-C-C-----G-G-T--																											

Otu1220	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_6775_11584 C---CG---GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GA-----AG--G-----GT-GC-GA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G--G-AG-C-T-T-----																											
AA---G-T-C-A-----A-G-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--C-G---T-G--C-A--C--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-G-GC--T-T-C---T-T-G-A-A-T--C---T-TG-----GA-G-A-----G-G-G-T---GA-T-----GG--A--ATT---G-C-T-																											
G-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--C-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-A-C---CTG--G--CC-A-A-----A-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1221	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_6905_11830 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----																											
AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C--C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--A-T-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Hyphomicrobiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1222	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_10703_2323 T---A---AG-CA-CCG-----GCT-A-A-----C-----T---C--TG-T-GCC-AG-----CA-G--C-C--GC-G-----GT--A---AT-AC-AG-TA-----G-GG-T-G-C-----G--A-GC-G-T-T-----AA---																											
G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-CA-TC--C-C-TG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT--																											
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1223	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_15675_18273 T---AC---GG-AA-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-T-C-----																											
-----AA---G-T-G-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---G-G--C-G--C--T-----T--CA-G-A--C-----T--G-T--TT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-C---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Rhodospirillaceae(100);Defluviicoccus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1224	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	48	7	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_16320_24833 T---AA---CT-AT-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---T--CG-C-GGT-AA-----TA-C--A-T--AG-GT-----TG--C-----AA-GC-GT-TA-----T-CC-G-G---G-----G--A-TT-A-A-T-----																											
--AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TT--A-AA-GG--C-A-AC-T-G-----CT-T-AA-----C-G-G-T-T-G-T-A-----T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--A-T--TA--G-T-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG-----TA-G-G-----G-A-G-T---TC-T-----GG--A--ACT---C-C-A-																											
T-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--G-A-A-C---TTA--G--GC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-T--A-GG--C-T-TG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----TA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Mollicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1225	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0
	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_9338_11659 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA---G--G-----G--A-G--C-----A-GT-A-G-----A---G-																											
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G--A-C---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--TG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--A--C-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--																											
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1226	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	520	0	0
	12	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_12680_11432 T---AC--GA-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GT-T-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-T---T-G--C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-A-AA--C-G-C---T-A-G-A-A-T-A--T-CG---GA-G-G-----G-G-A-T--AG-C-----GG--A--ATT---T-																											
C-T-A-AT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T--CTG--G--AC-G-A-----T-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1227	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_10488_19348 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-C-AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T-G---T-CG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--AC-G-A-----C-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1228	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_21502_19200 T---AC--GA-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A--C-----T-G-C-AA--G-G-C---T-A-G-A-G-A-A--T-GT---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---A-																											
T-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-A--T-A-A-G-A-AC-A-TC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--CA-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1229	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_13488_24283 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-A-C-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-T-A-T---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--AG--A-A-C---T-A-G-A-G-T-G---T-CG---GA-G-G-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Butyrivibrio-Pseudobutyrvibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1230	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_24526_5228 T---AA---CT-A-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GG-----GG-C---GA-GC-G--TT-----G-TC-C-G--G-----A-T-TC-G-G-T-----AA-----G-T-C-C-----G-T-C--G--TG--A-AA-TC--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-C-G---T-G--C-G--A-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-C-CG--G-G-C---T-G-G-A-G-G-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-C-G--AG-T----GG-A-ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-A-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-G--CTG--G-GC-C-A-----T-T--C-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C--T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Rubrobacteridae(100);Rubrobacterales(100);Rubrobacterineae(100);Rubrobacteriaceae(100);Rubrobacter(100);unclassified(100);																											
Otu1231	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_18742_21319 T---AA---CT-A-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-G-----G--G---GC-GA-GC-GT-----TG-T-C-C-G-----G--T-TC-G-G-T-------AA---G-T-C-C-----G-T-C--G--TG--A-AA-TC--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-C-G---T-G--C-G--A-T-----G--GA-T-A--C-----T-G-C-CG--G-G-C---T-G-G-A-G-G-A--T-GG---TA-G-A-----G-G-C-G--AG-T----GG-A-ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-A-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-G--CTG--G-GC-C-A-----T-T--C-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C--T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Rubrobacteridae(100);Rubrobacterales(100);Rubrobacterineae(100);Rubrobacteriaceae(100);Rubrobacter(100);unclassified(100);																											
Otu1232	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_13499_14686 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--A-T-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T----GG-A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG--G--TC-C-G-----G-C--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1233	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_18382_19663 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T--T-AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GA-G-G-C-----AA---G-T-C-A																											

Otu1235	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_24191_11147 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-----GC-----A-G-G-C-G-----G--A-TA-C-T-T-----																											
	AA---G-T-A-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-GG--T-G-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-C-A-C--A-T---T-G--C-T---C-C-----C--TA-T-A--C-----T-G-G--GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---G-CG-----GA-G-A-----G-G-G-A--GA-T-----GG--A--ACG---A-C-																											
	A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-TG--AT-A-TG--T-G--T-C-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-A--G-C--A-----A-T-C-T-C---CTG--G--AC-G-C-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-A-CG-A--AA-G-C---C-AA--GG-T--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1236	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_4791_5629 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-G-T-C-----GC-																											
	---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-T-G-A-G--T-C---T-G--C-T---T-C-----T-GA-T-A--C-----G-G-G--CT--G-A-C---T-T-G-A-G-G--G---A-TG---CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
	GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
	C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1237	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_23506_10260 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-G-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TT--A-AA-GC--T-C-CG-A-G-----CT-C-AA-----CTC-G-G-A-G-A-----G-G-CC-A--T--T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C--TG-TG-A-C---T-A-G-A-A-T-C---C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-C-T---CTG--G--GC-T-G-----G-A---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-																											
	T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinaeae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1238	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_18710_13462 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-T-T-----																											
	-----AA---G-T-T-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---G-C--C-G---C--C-----C-AA-G-A--C-----T-G-G--AT--G-G-C---T-T-G-A-G-G--A---C-GG---AA-G-A-----G-G-G-G---CG-T-----GG--A--ATT---																											
	C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-C-C---CTG--G--TC-C-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-CG--																											
	GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1239	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0			
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_15743_12245AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A--T-CT-C-T-T-----																											
	AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-T-GC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-T-A-A-G--T-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-																											
	T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1240	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_13149_10690 C---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----A-G-T-A-G-----G---TC-G-G-----																											
---GT---G-T-G-A-----A-A-T--T--TC---AG-GG-C-T-CA-----AC-----C-C-T-G-A-A-A-----C-G-CC-A--C-C-----C--GA-T-A--C-----T--G-C-TG-TG-G-C---T-A-G-A-G-T-C--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--CG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1241	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	74	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_8559_11800 T---AC---GT-AA-GGA-----CCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-T-----G--C-CT-A-G-T-----AA-																											
---G-T-T-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--A-T-AT-A-G----CT-T-AA-----C-T-A-T-A-T-A-A-----A-G-C-T---T-T-----T--AA-A-A--C-----T--G-C-TA-G-G-C---T-T-G-A-G-A-G--A-TG---AA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-A-T-----C-C---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1242	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_4972_7951 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AC-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-T-G-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-A-A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C-AG--G-A-C---T-T-G-A-G-G-T--A-GG---TA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----C-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1243	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_27494_9381 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-G-C-----																											
AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-A-C---T-G--C-C---T--C-----C--AG-G-A--C-----T--G-C-CG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GG---GA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-G---CTG--G--CC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1244	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	59	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_11044_8253 T---AC---GA-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-A-C-----																											
AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-T---A-G--C-A--T--T-----C--AA-G-A--C-----T--G-T--TT--T-A-C---T-T-G-A-A-T--T---C-GG---TA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-G-----A-C---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

Otu1250
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 38 12 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_21788_20393 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-A-T-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G-TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G--T--T-----T-GA-G-A--C-----T-G-G-TG--T-G-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT-----
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1251 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 25 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_3797_20219 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-C-----GC-
---G-T-C-G-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--T-C---T-G--C-A--G--T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CG--G-A-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GG----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1252 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 26 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_11921_9338 C---TC--CG-TG-CCA-----GCAGCCG-----CG-G--T--A--AT-A-CGG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T-----AT-CC-GG-AT-----T-TA-G-G-T-G-----G--G-TT-G-G-T-----
AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-C--A--T-----T-GA-T-A--C-----T-A-T--CA-A-T-C---T-T-G-A-A-T--A--T-CC-----TG-G-A-----G-G-T-G---AG-C-----GG--A--ATA---T-G-T-C-
AT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--A-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-A---CTA--C--GG-G-G-----T-C---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1253 0
0
0
0 32 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_20549_15513 C---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-G-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-TT--T-C-AG-G-G-----CT-C-AAC-----C-C-T-G-A-A-A-----C-G-CC-A--C--C-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--
GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1254 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_13212_24079 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-AT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----
-----AA---G-T-G-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-T--G-C---T-G--C-A--T--T-----T--CA-A-A--C-----T--G-G--AT--A-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);Clostridium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1255	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_11827_14973 T---AC---AT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TC-G-T-C-----																											
----AC---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-CT--C-T-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-A-G-A-C-C---T-G-C-A---T-T-----C-GA-T-A---C-----G-G-G--CG--A-G-C---T-T-G-A-G-T-A---T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---TC-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G-G-A-C-T---CTG--G--GC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Frankineae(100);Sporichthyaceae(100);hgcl_clade(100);unclassified(100);																											
Otu1256	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_16150_9689 G---AC---GT-AG-GAT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G-C-TT-G-T-C-----AA--																											
--G-T-T-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-G--A-C---T-G-C-A---T-T-----G-AA-T-A---C-----T-G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G---T-GG-----TA-G-A-----G-G-C-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GTA-G--G-C--G-----A-C-T-A-G---CTG--G--GC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-T--AG-																											
C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1257	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_6703_8097 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-T-G-C-----AA-																											
--G-T-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-TT--C-T-CG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-G-G-C--G-C---T-G-C-T---T-C-----T-GA-A-A---C-----T-G-T-AA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A---C-TG-----GA-G-G-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--A---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G-C-T-T-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1258	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_20779_4411 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-C-C-T-----AA-																											
--G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-G-A---C-----T-G-G--GT--C-G-C---T-T-G-A-A-T-C---C-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																											
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G-C-T-C-A---CTG--G--AC-C-G-----G-C---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1259	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_17857_18984 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-G-T-C-----																											
-----AC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--C-G---T-G--C-A--G-T-----G--GA-T-A---C-----G-G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-G--C---A-GG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G-T-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1260
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 30 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_7525_23353 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-T-T-C-----AA-
---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-T---G-G--C-C---T--T-----T--GA-G-A--C-----T-A-G--AG--A-A-C---T-A-G-G-G-T--A---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----T-T---A-C-C--GA--CG-C-T-C--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1261 0
0
0
0 27 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_24579_14818 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C-AT--C-G-C---T-A-G-A-A-C--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-A-----C-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1262 0
0
0
0 14 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_3204_18259 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-C-T-T-----AA--
--G-C-G-C-----A-G-G--G--TC--T-AA-GG--C-T-AT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-T--T-----C-G--C-C---C-T-----G--TG-A-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A---T-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1263 0
0
0
0 18 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_6524_8289 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-G-G-C-----
AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-G-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-A-C-A-G--A-C---T-G--C-A---T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG----TA-G-A-----G-G-C-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1264 0
0
0
0 14 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_5050_14066 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-G-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G--A-T---T-G--C-A--C---T-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--CA--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1265	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_16426_21261 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G-G-TG--A-AA-TC-C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--TG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--C--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1266	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_8423_10154 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-C-G-T-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-CC-C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G---C--T-----T-GA-T-A--C-----G--G-C--GG--G-G-C---T-T-G-A-G-G-A--C-GG---GA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G-G-C--G-----G--C-G-A-G---CTG--G--CC-C-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-CA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1267	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_23119_10145 T---AC---GT-AA-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TT-G-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-T-G-G--A-C---T-G--C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG---GA-G-A-----G-G-C-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C--G-----G--CC-T-G---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1268	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_4842_19235 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----																											

Otu1270	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_5111_17127 T---TA---GC-TG-CAG-----AAT-A-A---G-C-A---C-CG-G-CTA-AC-----TC-T--G-T-GC-CA-----GC-AG---CC-GC-GG-TA-----A-TACA-G-A-G-----G-G-TC-C-A-A-----																											
GC---G-T-C-A-----G-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G-C-A--T-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-AG-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GT----GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T----AG-A-ATT---C-C-A-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G-G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-C-T-T--CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1271	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_7155_9886 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G---C-G-T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-GC-G-A-C-----																											
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AT--T-A-TG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-A--C-C---T-G-C-G--T-C-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-TG-C-T-C---T-T-G-A-G-A-G--T-GG---GA-G-A-----G-G-T-A--AA-T----GG--A-ATT---C-C-C-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-T-T-T-A--CTG--G--AC-C-A-----C-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1272	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_12107_8729AC---T-A--CGT-----GCC-A-G---C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----CA-C-G-T-AG-GG-----GG--C---AA-GC-G-TT-----G-T---C-C-G-----G-A-TT-C-G-T-----AA---G-																											
T-T-G-----G-G-C--G--TA--AAGA-GCT-C-G-TA-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-GAG-A-----C-G-CC-A--C--C---C-GA-T-A--C-----T-G-C--GA-TG-A-C---T-A-G-A-G-T-C--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--TG-T----GG--A-ATT---C-C-T-G-GT-																											
-GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--C-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-A-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-G-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1273	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0
M02255_76_00000000																											

Otu1275	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_16029_12335										T---AC---GT-AG-GAC-----CCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-A-----AA---G-C-G-A-----A-T-A--G--TG--A-AA-GA--T-G-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T--CA-G--A-A---C-A-T-T--G-T-----T--CG-A-A--C-----T--C-A--CA--G-A-C---T-C-G-A-G-A-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATT-----T-C-G-T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A-A-A--TC-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-C-T-A--CTG--G--AC-C-A-----T-T--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG															Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1276	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_28220_12171										T---AC---AG-GG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-A-T-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----C--GA-A-A--C-----T--G-T--CG--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT-----C-T-T-G-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----A-T--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--T-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1277	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_13451_20462										T---AC---GA-AT-GGA-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CA-T-G-A-----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T-T-----T--AA-A-A--C-----T--C-C--AT--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A--C-TG----GA-G-A-----G-G-T-T--GG-C-----GG--A--ATT---C--C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GC-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--C-C-A-A--CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG															Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1278	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_																																							

Otu1280	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_14859_19479 T---A---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----TG--C----AA-GC-GT-TA-----T-CC-G-G--A-----T--T-CT-T---T-----																											
	--AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T-G-G--AA--A-T-C---T-T-G-A-G-T--T---T-AG-----TT-G-A-----A-G-T-G--GG-C-----GG--A--ATA---T-G-																											
	A-C-AT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-T-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--A--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-A---CTA--A--AC-T-T-----G-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-TG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1281	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_24120_11194 T---AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----																											
	----AC---G-T-C-G-----G-C-T-G--TG--A-AA-AT--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A--C-C---T-G--C-A--G--T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG-----CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1282	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_8107_19829 T---AC--GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GC-T-C-T-----AA-																											
	--G-T-T-C-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CT-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AA--T-G-C---T-T-G-A-G-C--G---T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
	GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--T--G--GT-GTA-G--A-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-A-----T-A--G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																											
	A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1283	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_26687_10542 C---GG--CT-AA-CTA-----CG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----GA-GC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--A-TT-T-A-T-----																											
	----AA---G-T-C-G-----G-T-G--G--TC--T-AA-GT--C-C-GA-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-C-G-G-T--T-----C-G--C-C---A-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--AG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--A--T-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-																											
	T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--T---A-A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG--G--TC-C-A-----C-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----TA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Mollicutes(100);RF9(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1284	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	48	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_10182_13778 G---AC---GA-GG-GAT-----CCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GG-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-T-G-T-----																											
	----AA---G-T-C-G-----A-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-G-A--A-G---T-G--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--GA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG-----GA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----AG--A--ATT---																											
	G-T-T-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--C-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-A---CTG--G--CC-G-G-----A-C---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--C-C-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Bdellovibrionales(100);Bdellovibrionaceae(100);Bdellovibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1285	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_14262_22103 GT---TC---GT-GCCAGC-----AGC-C-G-----C--G--G---T-AA-G-ACG-AA-----CC-G--T-G--CG-AA-----CG--T----TA-TT-CG-GA-----A-TC-A-C-T-G-----G--C-CC-G-G-C----																											
	-----GC---G-T-C-C-----TTC-G--C--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--A-G---T-G--G-C---G-G-----G-GA-T-A--C-----G--G-C--CG--G-G-C---T-C-G-A-G-G--G--G-GG----TA-G-G-----G-G-G-A--GC-C-----GG--A--ACT-																											
	---C-A-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-T--G-A-G-G-A-AC-G-CC---CG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--G-C-T-C---CTG--G--GC-C-C-----C-G---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--																											
	GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Planctomycetacia(100);Planctomycetales(100);Planctomycetaceae(100);Singulisphaera(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1286	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_17927_23565 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----TG--C---AA-GC-GT-----TA-T-C-C-G-----G--A-CT-T-G-T-----																											
	--TA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AT-A-G----CT-T-AA-----C-T-A-T-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C--AG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A--A-AT---TT-G-A-----A-G-T-G---GC-T---GG--A--ATA---A-G-T-																											
	A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-A---CTA--A--GA-T-T-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
	C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Candidatus_Amoebinatus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1287	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0		
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_22601_15535 T---AA--CT-A--CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A--T-TT-A-T-T-----																											
	--AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--G-----G-GC-C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--TA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-C-----GG--A--ATT---C-																											
	C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Paenibacillaceae(100);Ammoniphilus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1288	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	43	0	0	34	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_16088_20785 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-AT-G-G-C----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-AC--C-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-G--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-G-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---																											
	C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1289	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_10863_20771 T---AC--GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																											
	----GC---G-C-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--C-T-GG-G-G----CT-T-AA-----C-T-T-T-G-G-G--A-T---T-G--C-A---G-T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG---TA-G-G-----G-G-T-A--AT-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTG--G--GC-C-A-----C-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1290	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_7693_19807 C---GG---CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GT-----AG-G---TG-GC-AA-GC-----G-TT-G-T-C-C-----G---GA-T-T-T-----A---T-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--CG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1291	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	38	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_4807_12334 T---AC--GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TA-A-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CC-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T-TG--A-A-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1292	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_23394_6639 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TC-T-T-T-----AA---G-C-G-C-----A-G-G-G--TT--T-AA-GG--C-A-AT-G-G-----CC-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T--T-----C-G--C-C--C-T-----G--CG-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1293	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	78	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_24472_19389 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG																											

Otu1295 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_21336_9373 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-T-C-T-----AA-
---G-T-T-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G-C-G---C-C-----G-AA-A-A--C-----T--G-G--GT--G-A-C---TG-G-A-G-T--G---T-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--T--G--GT-GTA-G--A-C--A-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1296 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_20720_18691 T---AC---GT-AA-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-A-A-C-----
-----AA---G-T-T-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-TC--C-T-AT-A-G-----CT-C-AA-----C-T-A-T-A-G-T-A-----A-G--C-T---T-T-----T-AA-A-A--C-----T-A-T--TT--G-G-C---T-T-G-A-G-A--T--A-TG---GA-A-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--CC-A-T-----G-A--T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Anaerococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1297 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_16679_4786 T---AA---GC-AC-CG-----GCT-A-A-----C-----T--AC-G-TGC-CA-----GC-A--G-C--CG-CG-----GT--A----AT-AC-GT-A-----G---G-G-T-G-----C--A-AG-C-G-T-----TA---A-
T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G--C-A---T-T-----G--GA-G-A--C-----T--G-C--AA-G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-GG---CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-C-GT--
GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-G---A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Oxalobacteraceae(100);Janthinobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1298 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 18 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_9926_9559AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A-G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-CT-T-T-T-----AA---G-
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-G--G-----G-GT-C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1299 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 8 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_20926_23895 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----AT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-G-----G-CA---T-C-----G-----T-----
AG---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---C-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--AG--T-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG---GA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Erythrobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1300	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	55	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_14447_23173														T---AC---GA-AT-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-T-C-----														
-----AA-----G-T-C-A-----G-A-A--G-TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-A--TA-G-G-C---T-A-G-A-G-T--A--C-TG-----GA-G-A-----G-G-T-T---AG-C-----AG--A--ATT---C-																												
C-A-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GC-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T--G--GC-GCA-A--G-C-G-----G--C-T-A-A---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AT-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);DB1-14(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1301	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_18231_23580														T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-A-G-C-----														
-----AA-----G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-AC--T-G-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-C-A-G--C-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--A--C-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A--GA-T-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-T-G---CTG--G--AC-A-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1302	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_11589_14477														T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-C-C-----														
-----AA-----G-T-T-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----C--AA-A-A--C-----T-G-G--AT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---																												
T-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Rhodobiaceae(100);Parvibaculum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1303	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_11605_11861														T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-CT-T-T-C-----														
-----AA-----G-C-G-G-----C-GGC--G--TC--G-AA-GC--C-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-G-G--A-----A-G--C-G---C-C-----C--CG-A-A--C-----T--G-G--AA--G-C-C---T-C-G-G-A-T--G---C-GG---CA-G-G-----G-G-G-A---GG-C-----GG--A--ATT---																												
-C-C-C-G-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GA--C--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GC-C-G-----G-C---A-T-C--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-GG--																												
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Slackia(100);unclassified(100);														
Otu1304	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_25169_10978														T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-G-G-A---														
-----CA-----G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A--C-----G--T-G--TT--G-T-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG---AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---																												
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----G-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														

Otu1305 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 34 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_5009_4856 G---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----C-TA-G-G-T-G-----G--T-TC-A-G-T-----AA-
---G-T-C-G-----A-C-T--G--TG--A-AA-AT--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G-A-----C-G-CC-A--G--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG-----TA-G-A-----G-G-A-G---TG-T-----GG--A--ATT---T-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--C--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-AG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1306 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_5686_12538 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----AA-
---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G-C-G---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--TG--G-A-C---T-G-G-A-G-T--T---T-GG-----GA-G-A-----G-G-C-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-G-
GT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-G-G---CTG--G--AC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1307 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_14869_20931 T---AC---GT-AG-GGG-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TC-G-T-C-----
-----AA---G-C-C-T-----G-A-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G---T--C-----G--GG-G-A--C-----T--G-G--CG--A-G-C---T-T-G-A-G-G-T--C-GG-----CA-G-G-----G-G-C-T--GG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C--GGT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C-----GG--C-C-A-G---CTG--G--GC-C-G-----G-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G---AGG-C-G-CG---AA-GGC---G-T---
GGGG--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1308 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 59 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_24500_11047 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-T---
-----AA---G-T-T-A-----G-G-A--G--TG--A-AA-GT--C-C-CG-C-T-----TT-C-AA-----G-G-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-T---T--T-----T--AA-T-A--C-----T--G-A--TG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--GC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1309 0
0 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 34 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_20727_20880 T---AC---GG-AG-GGG-----GTT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CT-G-G-A---
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-G-A--C-----T--T-C--CA--G-C-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-CG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1310
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 11 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_22116_23019 GT---TC---GT-GCCAGC-----AGC-C-G-----C--G--G--T-AA-G-ACG-AA-----CC-G--T-G--CG-AA-----CG--T----TA-TT-CG-GA-----A-TC-A-C-T-G-----G--G-CC-G-G-A---
-----AC---G-T-C-C-----GTA-G-C--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--A-G----T-G--G-C--G--T-----G--GA-A-A--C-----G--A-C--CG--G-C-C---T-G-G-A-G-T--G---G-AG----GA-G-G-----G-G-G-A--TC-C-----GG--A--ACT--
--C-C-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-G-CC--GG--C--G--GC-GAA-A-G-C--G-----G--G-A-T-C--CTG--G--AC-T-T-----C-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Planctomycetacia(100);Planctomycetales(100);Planctomycetaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1311 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 25 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_5255_13667 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-A-C-----AA-
---G-T-T-G-----A-A-G--T--TT--T-AA-AC--T-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-A-T-C-----A-G--G-C---T--T-----C-AA-A-A--C-----T--G-T-AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT-
-GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1312 0
0
0
0 0 0 0 0 0 5 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_3033_12308 C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT--G-----CA-AG-CG-TT-----G-TT-C-G--G-----A--A-TT-A-C-T-----AA---
G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TT-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-A-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--TA--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-G-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-T-G-GT--
GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--TG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-C-A-T--CTG--G--AA-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1313 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 4 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_21078_19365 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-A-G-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--T-A-CG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-T-G-A--A-C---T-G--C-G--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-G--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--G-T-T-A--CTG--G--AC-G-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1314 0
0
0
0 0 0 0 0 0 0 10
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_26815_16754 T---AC---GT-AT-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-AC-G-G-C-----
-----AA---G-C-C-C-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-G-G--A-T---T-G--C-A--T--T-----A--GG-A-A--C-----T--G-T--CG--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-A-----T-G--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1315	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_14103_14321 T---AC---GG-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-G-----T-----A---G-GC-----G-G-C-----TT-T-G-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-A-G-TG-A-AA-GT--T-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-A-A-T---T-G-C-T---T-C-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-AT-A-G-C---T-A-G-A-A-T-C--A-GG---AT-G-A-----G-G-T-C--AG-C----GG-A-ATG---T-G-G-C-AT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--C-C-A-T-A-G-A-AC-A-CC--AA--T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-G-G---CTA-G--AC-C-T-----G-T---A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1316	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_18198_7987 G---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-A-G-T-----AA---G-T-T-G-----G-G-A-G-TG-A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G-C-T---T-T-----C-AA-A-A--C-----T-A-C-TA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-G---A-AG---TA-G-A-----G-G-A-T--GA-T-----GG--A-ATT---T-C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-TT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-T-C-A-T---CTG-G-AC-T-T-----C-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1317	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_17891_20822 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AT-T-T-C-----AA---G-T-C-T-----G-C-G-G--TC-A-AA-GG--T-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-A-A-C-A---G-G--C-C--G-T-----G-GA-A-A--C-----T-G-A-AA-A-G-C---T-A-G-A-G-T-G--T-GG---TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G-GC-GAA-A-G-C-G-----C-T-C-T-G---CTA-G--GC-C-A-----A-G--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A-AA-G-C--T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1318	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2110_9582_8051AC---T-A--CGT-----GCC-A-G-----C---A--G-CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-G--TA-GG-----GT--G---CA-A-GC-GT-----T-CA--T-C-G-----G--T-TT-T-G-T-----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G--TG-A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G-C-A--T-T-----G-GA-G-A--C-----T-G-C-AA-G-G-C---T-A-G-A																											

Otu1320	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_20743_11527AC---T-A-CGT-----GCC-A-G----C-A-G--C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GG-----GG-C---AA-GC-G--TT-----G-T---C-C-G-----G-T-TT-C-T-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-A-G-C-----G-GT-C-A--T-T-----G-GA-A-A--C-----T-G-G-GG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-																											
A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-C-T--CTG-G-TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--																											
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Bacillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1321	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_22875_6970 T---AC--GT-AG-GGT-----CCA-A-G----C-G-T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TC-G-G-T-----AA--																											
--G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-G-A---C-G-CC-A--T-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-C-TG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T-C--T-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--AT-C-----GG--A-ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-A-T-C-T--CTG-G-GC-C-A-----G-T--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1322	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_8688_15542 A---AC--GA-GG-AAG-----CCA-C-G----G-C-T--A-AC-T-ACG-TG-----CC-A-G-C-AG-CC-----GC-G---GT-AA-TA--C-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-AAGCGT-T-----																											
GT---C-C-G-G-----A-C-T--T-TA--A-AA-GT--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-G-A---G-G-G-G--G-T-----C-CG-A-A--C-----T-G-A-CT-T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG---GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A-ATT---C-C-T-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-T--CTG-G-AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-T--AG-																											
C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Veillonellaceae(100);Megamonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1323	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_17632_14207 T---AC--GA-AG-GGG-----GCG-A-G----C-G-T--T-AT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GA-GT-GC-----G-TAGG---C-G-----G--T-TA-T-A-A---																											
-----AA---G-T																											

Otu1325	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_6583_6697 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-GA-T-A-T-----CA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G-G-C---T-G--C-A--T-T-----T-GA-T-A--C-----G--G-T-AT-T-G-C---T-T-G-A-G-T-A--G-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG-A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-T---A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1326	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_26458_7201 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--G-AG-A-G-C-----AA---G-T-T-G-----G-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-A-G-G-A-A-C---T-G--C-A--A-C-----C-AA-A-A--C-----T-A-T-TC--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-TG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG-A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-T-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1327	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_24891_5946 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-C-G-T-----TG---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G-G-C---T-G--C-G--C-C-----C-GA-G-A--C-----G--G-C-GG-G-G-C---T-G-G-A-G-G-A--C-GG----GA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG-A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G---CTG--G--CC-C-G-----T-T---T-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1328	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_17636_11519 C---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-G-G-T-----AA---G-T-C-A-----																											

Otu1330	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_18503_17455 A---AC---GT-AG-GTT-----CCG-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GT-----T-CA-G-G-C-G-----G--C-TG-G-T-C-----																											
----AA---G-T-C-G-----G-G-C-A--TG--A-AA-GC--T-C-TC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G--A-G---G-C-T-G--T--C-----C--GA-T-A--C-----T--G-A-TC--G-G-C---T-T-G-A-G-G--G---C-AG----TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT----																											
C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----TA---C-C-T-GA--CG-C-T-C--A-AA--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Anaerolineae(100);Anaerolineales(100);Anaerolineaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1331	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_18725_9767 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-A-T-----AA-																											
---G-A-C-T-----G-G-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G-G---G-T-C-G--T--T-----G--GT-G-A--C-----T--G-T-CG--G-A-C---T-T-G-A-A-G--A--C-AG----CA-G-G-----G-G-C-A--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
GGT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C-----GG--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-G-----G-T---C-T-T-GA--CG-C-T-G---AGG-C-G-CG---AA-GGC---G-T---GGGG--																											
AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1332	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_8533_13564 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CG-A-C-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-CG-C-T----TT-T-AA-----G-G-T-G-G-G-T--C-G---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--GC-C-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1333	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	47	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_27369_11056 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-C-----																											
----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--AT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--C---T-TG----GA-G-A-----G-G-T-C--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-G-A---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1334	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_26441_16658 G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-T-----																											
----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-G--A-G---T-G--C-A--T--T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-G-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-A-----G-G-C-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GTA-G--G-C-G-----A--C-T-A-G---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1335	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	161	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_26201_20236 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TG-T-T-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-C-G-TG-A-AA-GG-C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-G---T-T-----T-GA-G-A--C-----T-G-G-AC-G-G-C---T-T-G-A-G-T-C---C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-C-----GG-A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G-AC-C-G-----G-T---A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG-C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1336	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_27452_16424 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-CT-T-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG-A-AA-TG-C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-AA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-C---C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG-A-ACT---G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A---CTG-G-CC-C-G-----G-A--A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GA-C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1337	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_18250_10192 T---AC---GT-AA-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-CT-A-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TT-A-AA-TC--T-C-AT-G-G----CC-T-AA-----C-C-A-T-G-A-T--A-----A-G--C-A---T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-A-AA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-T---A-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG-G-AC-T-T-----A-T---A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1338	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_19570_18641 G---AC---AG-AG-GTG-----CCG-A-G-----C-G-T---T-AG-G-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----TT-A-----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CC-G-T-T-----AA---G-T-A-C-----C-T-T-G--TG-A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C																											

Otu1340	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_13113_22549 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G-T-TT-T-C-T-----AA---G-A-C-C-----G-A-T-G--TG-A-AA-TC--T-C-CG-C-G----CT-T-AC-----C-G-T-G-G-A-G--A-G---G-T-C-G---T-T-----G--GT-G-A--C-----T-G-G-GA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-T--T-GG----CA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT-----C-C-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--GC-C-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1341	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_15193_10923 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AC-C-CGG-AA-----TC-A-----C-----T-----GG-GC-----G---G--G-----G---A-C-T-T-----AA---G-T-C-T-----G-G-C--T--TT--A-AA-GA--C-A-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-T-G-G--A-A---T-G--G-G---C-T-----G--GG-T-A--C-----T--G-G-GT--T-T-C---T-T-G-A-C-C--T--C-TG----GA-G-A-----G-G-A-A--GC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-CC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-C-T-T---CTG--G--AC-A-G-----A-A--G-G-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1342	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_3831_13729 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-A-A-----CA---G-T-T-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-AG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-G--A-C---T-G--C-G---T-T-----C--AA-T-A--C-----G--T-T--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-T--C-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-G-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1343	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_10669_14002 T---AC---GA-GG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-GC-G-G-T-----AA---G-T-C-A-----C-C-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-																											

Otu1345	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_27429_5980 C---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GG-----AG--G-----GT-GC-AA-AC-----G-TT-GCT-C-G-----G--A-CC-A-T-C-----AA- ---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-A-G-G-A--C-G---T-G--C-A---T--T-----C--GA-A-A---C-----T--G-C--TG--G-C-C---T-T-G-A-G-T--A---C-GA---CA-G-A-----G-G-A-T---CG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-T---CTG--G--GT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1346	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_7045_17060 G---AC---AG-AG-GTC-----CCG-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A-----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-C-C-T----- AA---G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AC-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T--G-----G--TA-T-A---C-----T--G-G--GT--G-T-C---T-T-G-A-G-C--C---A-CT---TA-G-G-----G-G-C-T---AC-C-----GG--A--ACA---A-A-T- G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--T--G--GT-GAA-A--A-C-A-----G--G-T-A-G---CTG--G--GA-G-T-----G-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1347	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_15327_19254 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-A-T-A--- -----CA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-G-A---C-----G--T-G--TG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---G-GG---AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT--- C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1348	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	6	23	8	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_19346_21029 G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-G--G-----G-T-----T-C-----G---T---T-----AA- ---G-T-C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-G--A-G---T-G--C-A---T--T-----G--GA-T-A---C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-G-G-A-G-T--G---C-AG-----TA-G-A-----G-G-C-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-A-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GCA-A--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-T--AG-C- G-AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1349	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_15042_22107AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA---GC-G-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-AT-G-A-T----- AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--G-T--CA--T-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A- T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Staphylococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1350	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_14114_21404								C---GT---GC-CA-GCA-----GCC-G-C----G--G--T--A-AT-A-CGG-AG-----GG-T-G-C-GA-GC-----GT--T----GT-CC-GG-AT-----T-TA-G-G-T-G-----G--G-TT-G-A-T-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TA--C-A-GC-C-G----CT-C-AA-----C-G-G-T-T-G-A--G-G---T-G--C-C--A--T-----T--GA-T-A--C-----T-G-T--CA--A-G-C---T-T-G-A-A-A--G--A-AT----TG-G-A-----G-G-C-T--GC-C-----GG--A--ATG---G-A-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-T--C-C-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-G-G---CTA--C-GA-T-T-----G-A---T-T-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Cytophagaceae(100);Dyadobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);															
Otu1351	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_24531_16378								T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-C-T-----TA---G-T-C-A-----G-A-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G--T--T-----T--GA-G-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-G--A--T-GG---AA-G-A-----G-G-C-T--CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-G---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);															
Otu1352	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_24298_17196								T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-CG-A-G-T-----AA---G-T-T-A-----C-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AT-C-T---TT-T-AA-----G-G-A-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--G-----T--AA-T-A--C-----T--G-C--TT--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);															
Otu1353	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0														
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_6146_14735								T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----																															

Otu1355	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_21868_14502																T---AC---AG-AG-GTT-----ACA-A-G-----C--A--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GTTTC-----G-CA-G-G-T-G-----T--T-TT-T-C-T-----														
---AA---G-T-T-A-----T-G-T--T--TG--A-AA-GA--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--A-A---C-G--G-G---C-G-----T-AA-T-A---C-----T--G-G--AA--A-A-A---T-T-G-A-A-G-G---G-TA-----TC-G-G-----G-G-C-T---AT-T-----GG--A--ACT---G-																														
T-C-G-GT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-TG--AT-A-TC--G-A--C-A-G-G-A-AC-T-CC---GA--G--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--A-T-A-G---CTA--G--GT-A-C-----C-T---C-T-T--GA--CA-C-T-C--A-TG--A-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																														
AG-C-G-AA-----AG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																														
Otu1356	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_19076_21094																T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-C-C----														
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---C-T-----T-GA-G-A---C-----T--G-G--CT--C-G-C---T-C-G-A-A-C--A---C-GG---GA-G-A-----G-G-C-G---GG-T-----GG--A--ATT---																														
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-G---CTG--G--AC-C-G-----T-T---G-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																														
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																														
Otu1357	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_12832_18343																G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-T----														
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-C-----C--GA-G-A---C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ATA---																														
-T-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CC-C-G-----G-A---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-																														
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																														
Otu1358	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_7008_21476																T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-T-T-T-----														
AA---G-T-C-T-----G-G-A--G--TG--A-AA-GT--C-C-TG-T-T----TT-T-AA-----G-A-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-T-A---C-----T--G-G--AT--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG---GA-G-A-----G-G-T-T---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-C-																														
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-A-A---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--																														
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																														
Otu1359	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	35	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7909_21025																T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AC-G-A-C-----														
AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----C--AA-G-A---C-----T--G-T--CG--A-C-C---T-G-G-A-G-T--T---T-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-																														
G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																														
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																														

Otu1360	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	53	0	34	160	58	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7903_17884 G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-T-----AA-																												
--G-T-C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-G--A-G---T-G--C-A--T-T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-G-G-A-G-T-G--C-AG---TA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-A-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GCA-A-G-C-G-----G--C-T-T-G--CTG--G--GC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-T--AG-C-																												
G-AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1361	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_22321_19415 T---AC---GT-AT-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-T-T-----																												
----AA---G-T-C-G-----A-G-T--G--TG--A-AA-GG--T-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-T-A--A---A-G--C-A--C--T-----C--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--A-A-C---T-T-G-A-G-A-T--G-TG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T---GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--C-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T--CTG--G--AC-A-C-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1362	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0		
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_5313_18244 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC-																												
---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-T-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-A-A-G--C-T---G-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-A-C---T-G-G-A-G-T-G--C-AG---TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T---GG--A--ATT---C-C-T-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T--CTG--G--GC-T-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																												
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1363	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_23055_9937 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-G																												

Otu1365	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_28223_11342 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-GA-T-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-G-A-G--TG--A-AA-TC--T-A-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-T-A-A--A-C---T-G--C-T--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T-AT--C-C-C---T-T-G-A-G-T-A--T-CG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1366	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_19063_12573 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-C-T-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-G-G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-G--GT--C-G-C---T-T-G-A-A-T-C---A-CG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-G-T-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1367	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_20572_11539 G---AC---AG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AG-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CG-G-G-T-----AA---G-T-G-G-----T-G-T-G--TG--A-AA-GC--G-C-GC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-C-G--A-G---G-C--C-A---T-G-----C--CA-G-A--C-----T-G-C-TC--A-A-C---T-C-G-A-G-T-C---C-GG----TA-G-A-----G-G-T-T---CG-T-----CG--A--ATT---G-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--C-A-G-G-A-AG-A-CC---AA-G-G--GT-GCA-G--A-C-A-----G--C-G-A-A---CTG--G--GA-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-TGA---AG--G-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1368	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_27019_10397 T---AC---GA-GG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-G-C-----AA---G-T-C-T-----C-G-T-G--TG--A																											

Otu1370	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_13643_11130 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-CG-T-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TA-A-AA-GC--C-C-AG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-AC-G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G---TG-T-----GG-A--ACT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-A-C-A---CTG--G--CC-C-G-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1371	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_5384_15115 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TT-G-T-T-----GC---G-T-C-G-----G-A-A--G-TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G---CT-T-AA-----C-T-C-T-G-A-G-C-C---T-G-C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----G-G-G-CA-G-A-C---T-T-G-A-G-G-A--A-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GA-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC-A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG-T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-T-T-C-T---CTG--G--AC-C-T-----T-T---C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Propionibacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1372	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_26246_12116 G---AT---AG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-A--T---T-AT-C-TGG-AA-----TG-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-T-T-C-----AA---G-T-C-C-----G-C-T-G--TC--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-C-A---G-G--C-G--G-T-----G-GA-A-A--C-----T-A-A-CA--A-G-A---T-G-G-A-G-T-A--C-GG---TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---T-G-C-G-GT--GG-A-G-GG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-G--A-A-A-T-A-AC-A-CC---AA--C-G--GC-GAA-A-G-C-A-----C-T-C-T-G---CTG--G--GC-C-G-----A-C---A-T-T-GA--CA-T-T-G--A-GA--G-A-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-A-A-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1373	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_7028_8880 T---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CG-T-G-T-----AA---G-C-G-A-----A-T-A--G-TG--A-AA-TC																											

Otu1375 0
0 6 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_7090_23734 C---GG---CT-AA-CTC-----TGT---G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GA-----AG-G----GG-GC-TA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G--A-CT-A-T-T-----AA--
--G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-T---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1376 0
0 13 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_8709_11797 C---TC---CG-TG-CCA-----GCA-G-C-----C--G--C--G--GT---AAT-AC-----GG-A--G-G--GT-GC-----AA-G----CG-TT-AT-CC-----G-GA--T-C-T-----G--A-TT-T-G-T-----AA---
G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AC-A-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-A-A--A-C---T-G-C-C---A-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-C-AA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-G---T-TG----TT-G-A-----A-G-T-A---GC-T-----GG--A--ATA---A-G-T-A-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA-T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTA--A--GC-A-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);Chryseobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1377 0
0 4 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_8761_13276 C---CG---GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GA-----AG-G----GG-GC-TA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G--A-CT-A-T-T-----AA-
---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G--TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-T---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Phyllobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1378 0
0 8 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_7694_8196 T---AC---AG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----CA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-C-G-----
AC---G-T-G-C-----C-G-T--G--TG--A-CA-AG--C-C-AC-C-G----CT-T-AC-----C-G-G-T-G-G-A--G-G---G-C--C-A---T-G-----G--TA-C-A---C-----G--A-G--CG--G-T-C---T-G-G-A-G-G--C---A-GG----GA-G-A-----G-G-G-A---TG-T-----GG--A--ATG---C-C-
C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-C-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-T-C---CTG--G--TC-C-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--GA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CT--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1379 0
0 14 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_15610_15008 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T---
-----TA---G-T-T-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G-C-G---C--T-----T-AA-T-A--C-----A--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G---T-GA----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---
T-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TT-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1380
0 69 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_10079_6749 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-A-C-C-----
AA---G-T-T-A-----G-G-C-G--TG--A-AA-GT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--TG--T-G-C---T-T-G-A-G-G--A---T-GG----AA-G-A-----G-G-G-T---TG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1381 0
0 7 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_22479_10578 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--A--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-G-T-A-----
-----AA---G-C-G-A-----A-T-A--G--TG--A-AA-TC--T-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-ACA-G--A-C---T-A--T-T---A--T-----T--CG-A-A--C-----T--C-A--CT--A-A-C---T-C-G-A-G-A--A---T-GG----TA-G-A-----G-G-T-A---AC-T-----GG--A--ATT---T-
C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1382 0
0 28 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_20143_9713 G---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-T-----
AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--T-G---T-G--C-G---T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-C--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG----AA-G-G-----G-G-A-G---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1383 0
0 7 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_27610_19560 G---AC---AG-AG-GAT-----GTA-A-G-----C--A--T---T--AT-C-TGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GA-----AT--A----AA-AC-GT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-T-T-C-----
-----AA---G-T-C-T-----G-T-C--G--TC--A-AA-CC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--T-A---G-G--T-G---G--T-----G--GA-A-A--C-----T--A-C--CA--A-G-C---T-G-G-A-G-T-A---C-GG----TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---T-
T-C-G-AT--GG-A-G-TG-GT--G---A--A---TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC--AA--C--G--GC-AAA-A--G-C--A-----C--T-C-T-G---CTG--G--GC-C-G-----A-C---A-C-T--AA--CA-C-T-G--A-GA--G-A-TG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1384 0
0 10 0 0 0 0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2106_26844_18278 T---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-GG-A-C-C---
-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G---T--C-----T--GG-G-A--C-----T--G-G--TA--T-G-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---
-C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-C-G-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu1390	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_22063_15733 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CT-T-G-T-----TA---G-T-C-A-----G-G-C-G--TG--A-AA-AT--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G-C-G--C-T-----T-GA-T-A--C-----G-G-C-AG-G-G-C---T-T-G-A-G-G-A--T-GG----AA-G-A-----G-G-C-T--CG-T-----GG-A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-G-A-G--CTG-G--TC-C-A-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1391	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_24976_5924 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-T-----G-A-TC-G-T-T-----AA---G-T-G-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G-C-C--C-T-----T-CA-T-A--C-----T-G-G--CG-A-T-C---T-C-G-A-G-T-C--C-GG----AA-G-A-----G-G-T-T--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-A-A--CTG-G--TC-C-G-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1392	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_6206_7782 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-A-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GT-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-AA-A-T-T-----AA---G-T-A-G-----G-A-G--G-TG--A-AA-TC--T-C-TG-G-G----CC-C-AA-----C-C-C-A-G-A-A-C-C--C-G-T-T--T-C-----C-TA-A-A--C-----T-G-G--TT-T-A-C---T-A-G-A-G-G-T--A-TG---TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A-ATT---T-C-C-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A-A-A--TC-C-GT-TG--AG-A-TC--G-G-A-A-G-G-A-AC-G-CC--AA-A-A-GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-T-A--CTG-G--AC-A-T-----A--C-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--A-A-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1393	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2105_26397_18519 T---AC---AG-AG-GCC-----CCA-A-G-----C-G-T---T-AG-G-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----TT-A---AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-G-G-T-----AA---G-T-A-C-----T-T-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-A--A-T---																											

Otu1395	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	3	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_22152_21720 T---AC--GT-AG-GTC-----CCG-A-G----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GA-GC-----G-CA-G-G-T-G-----G-T-TT-A-A-T-----																											
	----AA----G-T-C-T-----G-A-T-G--TA--A-AA-GG--C-A-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T-G-----T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-TA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----TA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA-T-G-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG-T-T-G-GC-GAA-A-G-C-G-----G--C-T-C-T--CTG-G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Lactococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1396	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	29	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_12228_7051 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-CT-A-A-T-----AA-																											
	---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-T-TA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG---AA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																											
	GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG-G--TC-C-A-----T-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
	A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Brucellaceae(100);Ochrobactrum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1397	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	10	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_2141_13736 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-GA-A-G-C-----																											
	AA----G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-AT--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-G---T-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-TT-T-G-A---T-A-G-A-G-T-G--T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
	G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--A-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG-G--AC-G-A-----T-A--A-C-T-GA-CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-A--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Oribacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1398	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_14357_19836 T---AC--GT-AT-GTC-----GCA-A-G----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----AT-A----AA-GG-GC-AT-----C-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-T-G-T-----																											
	----AA----G-T-C-T-----A-G-G--G--TG--A-AA-AC--C-T-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-G-G--C-C---T-G--C-C--C-C-----G--GA-A-A--C-----T-A-T-AG--G-G-C---T-G-G-A-G-T-A--C-TG---GA-G-A-----G-G-T-G--GA-C-----GG--A--ACT---A-																											
	C-A-C-GA--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--T-A-G-G-A-AT-G-CC--GA--T-T-G--AT-GAA-G--A-T-A-----G--T-T-C-A--CTG-G--AC-G-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-AG--T-T-G-CG-A--AA-G-C---T-GG--GG-G-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteria(100);Fusobacteriales(100);Leptotrichiaceae(100);Leptotrichia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1399	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_16336_10523 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TG-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CT-C-G-C-----																											
	-----AA----G-T-T-G-----G-A-T-G--TG--T-AA-TA--C-CCAG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-G-T-G-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T-A-C-GA-G-T-C---T-T-G-A-G-T-G--T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---																											
	C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T-T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A--CTG-G--AC-G-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1400	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_13317_21543																											
T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-A-A-T----																											
-----AA---G-T-T-A-----G-A-A--G-TG--T-AA-TA--CCC-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-G-T--G-C---T-G--C-T--T--C-----T-AA-A-A--C-----T--G-T--TA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G--T-AG-----TA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----																											
C-A-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-T--G-A-A-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-A-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1401	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	72	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_13415_13065																											
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-G-T-T----																											
-----CA---G-T-C-A-----G-A-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G---T--T-----T--GA-G-A--C-----G--G-T--TC--A-T-C---T-A-G-A-G-T--T--T-GG-----AA-G-A-----G-G-G-T--CG-T-----GG--A--ATT----																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C--CTG--G--TC-C-T-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1402	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	38	159	0	83	20	0	0	65	24	0	0	0	0	0	166	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_22138_19486																											
T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-G-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----C--CA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);Caloramator(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1403	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	24	10	0	10	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_16371_11042																											
T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-A-A----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AA--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-A-G-G-G--T-A---T-G--C-A--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--A-A--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-T--C---A-AG-----GA-G-A-----G-G-A-G--AG-C-----GG--A--ATT----																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AT-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T--CTG--G--AC-T-T-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Thermoanaerobacterales(100);Family_III_Incertae_Sedis(100);Thermoanaerobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1404	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	4	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	7	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_28128_18151																											
T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA---G--G-----G--A-----G---C--G-T-T-----																											
AG---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--TG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-A-T-A--CTG--G--TC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);Caulobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1405	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_9336_13064 C---GG---CT-AA-CTT-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-AA-----GG--A---TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA--																											
--G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G----CT-T-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--A--T-AG-----TT-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG---T-G-T-C-																											
AT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-G---CTA--A--AC-T-A-----T-A--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CT-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1406	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	1	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_10973_9965 G---AC---GT-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-G--G-----G-T-----T-C-----G---T---T-----AA---G-T-																											
C-T-----G-A-T--G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--A-G---T-G--C-A---T--T-----G--GA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-G-G-A-G-T--G---T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-																											
A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GTA-G--G-C-G-----A--C-T-A-A---CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-G-AA--																											
-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);MLE1-12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1407	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	6	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_20360_19990 AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-TT-C-T-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GT-C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1408	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	61	0	37	5	0	0	14	10	1	0	0	0	0	75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_9741_16744 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-AG-T-T-T-----AA-																											
---G-T-G-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-G-G-A-G-C---T-G--C-G--C--T-----C--CA-A-A--C-----T--G-G--AC--T-A-C---T-C-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1409	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	16	0	0	0	2	2	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_19729_8193 T---AC---GT-AG-GGT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AA-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TG-T-G-C-----AA-																											
---G-A-C-C-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A-A-T---T-G--C-A---T--T-----G--GT-G-A--C-----T--G-C--AC--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT-----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-C-																											
GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Burkholderiaceae(100);Ralstonia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1410
0
0 0 15 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_28706_16264 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TA-A-T-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GG--C-T-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-A-G-----T-TG-C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-G--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A--ATT----C-
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--CC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1411 0
0
0 0 6 2 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_22876_15582 T---AA---GG-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G-TG-C-CAG-CA-----GC-C-G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----C-CA-A-G-C-G-----T--T-AA-TCG-G-----
-----AA---G-A-C-C-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A---T-T-----G--GT-G-A---C-----T--G-C--AC--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT----C-
C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1412 0
0
0
29 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_21040_19221 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GG-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-AA-G-C-T-----
-----AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--G-C---T-G--C-A---T-C-----C--AA-A-A---C-----T--G-G--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---G-AG----TA-G-A-----G-G-C-A---AG-C-----GG--A--ATT----C-
C-C-G-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--GC-T-C-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-C-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1413 0
0
9 0 8 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_14127_12584 G---AA---TA-AG-CAC-----CGG-C-T-----A--A--C---T--AC-G-TGC-CA-----GC-A--G-C--CG-CG-----GT-A----AT-AC-GT--A-----G-GG-T-G-C-G-----A--G-CT-G-T-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GT-G-A---C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT----C-
C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1414 0
0
6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0 0 0 0 0 0
5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_12351_10624 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-G-G-C-----
-----AG---G-C-A-G-----G-G-G--G--TC--A-AA-TG--G-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-C--C-----C-G--C-C---C-C-----C--TG-A-A---C-----C--G-C--CG--G-G-C---T-C-G-G-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ACA---
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--GC--G-----G--C-C-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-G---A-C-C--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-GG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Collinsella(100);unclassified(100);

Otu1415	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_15907_22717 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-A----CT-C-AA-----T-C-G-T-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-G-A---C-----T-G-C-TT--C-G-C---T-T-G-A-A-G--A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-T---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1416	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
34	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_7589_17799 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AA-T-G-T-----AA-																											
---G-T-C-T-----G-C-T-G--TC--A-AA-GC--G-T-CT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-G-A-T-A--A-A---G-G--C-A--G-T-----G--GA-A-A---C-----T-A-C--AT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A---A-GG-----TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----C--T-C-T-G---CTG--G--AC-C-T-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1417	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5	48	0	120	0	2	0	7	5	0	0	0	0	0	0	9	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_22116_19660 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-TT-A-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-G-----A-T-T--G--TC--A-AA-GG--T-C-CT-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-A--C-A---G-G--C-A--G-T-----G--GA-A-A---C-----T-G-A--AA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-GG-----TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----C--T-C-T-A---CTA--G--GC-C-T-----G-C---A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																											
G--AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);SubsectionII(100);SubgroupII(100);Chroococcidiopsis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1418	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17261_4206 T---AC---AG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AC-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A-----CA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-CG-T-G-T-----																											
AT----G-T-G-C-----T-G-G--G--TG--A-CA-TC--C-T-CC-C-G----CT-C-AA-----C-G-G-G-A-G-G--C-G---G-C--C-C---C-G-----G--TA-G-A---C-----A--G-C--AG--G-G-C---T-G-G-A-G-G--C---A-GG-----GA-G-A-----G-G-G-A---TG-T-----GG--A--ATG---C-C-																											
C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-C-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--G--CC-C-T-----G-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--TA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1419	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	213
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_26670_17085 G----AC---AG-AG-GCC-----TCA-A-G-----C-G-T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT-A-----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----																											
-----AA---G-T-G-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---G-G--C-T--G--G-----G--CA-T-A---C-----T-G-G--CG--A-T-C---T-T-G-A-G-C--A---G-CC-----TA-G-G-----G-G-C-G---AC-C-----GG--A--ACA---																											
A-A-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-T--T-T-G-G-A-AC-G-CC---AA--T--G--GT-GAA-A--A-C--A-----G--G-T-C-G---CTG--G--GG-G-C-----T-C---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1420	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_13524_17850 G---AC---AG-AG-GCC-----CCA-A-G-----C-G-T--T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT-A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CG-C-C-T-----																											
-----AA---G-T-G-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AC-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T--G-G-----G--CA-T-A--C-----T--G-G--GC-G-T-C---T-T-G-G-G-C--C---A-AC-----TA-G-G-----G-G-C-A--GC-C-----GG--A--ACA---A-																											
G-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-C--T-T-G-G-A-AC-G-CC--GA--A--G--GT-GAA-A--A-C--A-----G--G-C-T-G--CTG--G--GG-T-T-----G-C---G-C-C--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1421	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	154	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7747_7291 G---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-TC-----C-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-A-G-T-----																											
AAA---G-T-C-G-----A-C-T--G--TG--A-AA-AT--C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G-A-----C-G-CC-A--G--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GG---TA-G-A-----G-G-A-G---TG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--C--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-A-C-T--CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1422	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_20755_8199 C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT--G---CA--A-GC-GT-----TG-T-T-C-G-----G--A-CT-G-C-T-----AA----																											
G-T-C-A-----T-G-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-A-G-G-A--A-C---G-A--C-G--C--A-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--C-CA-----AA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--TT-G-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);GR-WP33-30(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1423	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_24980_5045AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CT-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TT-C-T-T-----AA---G-																											
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-G--C-----G-GC-C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-GT--																											
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1424	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	53	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_25083_3995 G---AC---AG-AG-GTG-----CCA-A-G-----C--G--T--T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT-A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-C-T-----AA--																											
---G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T--C--G-----G--TA-T-A--C-----T--G-G--GG--G-T-C---T-T-G-A-G-C--C---A-CT-----TA-G-G-----G-G-T-C---GT-C-----GG--A--ACA---A-G-C-G-																											
GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-C--T-T-G-G-A-AC-G-CC--AA--C--G--GT-GAA-A--A-C--A-----G--A-C-G-A---CTG--G--GA-G-T-----G-C---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1425	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_13857_14464.....AC---T-AC-GTG-----CCA-G-C-----A-G--C---C--G--C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-AC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-TT-A-T-T-----																											
	AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AAG-C--C-T-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-A-G-A--A-G---T-G--C-A--T--C-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-A-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ACT---T-C-A-																											
	T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-																											
	C-A-AA-----CA--GGBacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Lactobacillaceae(100);Lactobacillus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1426	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_21061_20643T---AC--GT-AG-GTG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CG-T-T-C-----																											
	----AA---G-T-C-G-----A-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-A--C--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-A--TC--G-A-C---T-T-G-A-A-G--G---C-GG---GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A--ATT---																											
	C-C-C-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CC-C-G-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-																											
	T--AG-C-A-AA-----CG--GGBacteria(100);Chloroflexi(100);KD4-96(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1427	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_5010_19515T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-GT-G-C-C-----																											
	AA---G-T-T-T-----G-C-A--G--TG--A-CA-GT--T-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-G-A--A-G---G-A--C-T--G--T-----G--AA-A-A--C-----T--G-G--TA--C-A-C---T-T-G-A-A-G--G---T-TT---CA-G-A-----G-G-G-A--CA-T-----GG--A--ATT---C-C-G-																											
	G-GT--GG-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--T-G-T-C---CTG--G--GA-A-G-----C-T---C-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--																											
	AG-C-G-AA-----CG--GGBacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1428	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	73	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	73	1	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_5218_19762T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-AT-G-G-C-----																											
	AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-TG--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-C---T-G--C-T--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--CG--A-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-TG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
	G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-A--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GGBacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Oribacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1429	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	708	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7009_9824T---AC--GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GC-GA-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AC-G-G-C-----																											
	AA---G-T-T-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-TC--T-G-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-C-A-A--A-C---T-G--C-T--T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-C--TG--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-TG---GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
	A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GGBacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1430	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	51	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_22319_10893 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-GA-T-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-G-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--GT--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A--ATT-----C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1431	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	138	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_7208_3210 G---TG--CC-AG-CAG-----CCG-C-G-----G--T--A--AT-A-CGG-AG-----GA-T--C-C--GA-GC-----GT--T----AT-CC-GG-AT-----T-TA-G-G-T-G-----G--G-TT-G-A-T-----AA---G-T-C-A-----G-C-G--G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-A-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-A-A-A--A-A--T-G--C-C--G-T-----T-GA-A-A--C-----T--G-T--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--T-AA----AT-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG-A--ATG---C-G-T-G--GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-C--G-C-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A--CTA--A--GC-T-A-----C-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);Parabacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1432	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	49	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_6444_13621 T---AC--GT-AG-GGG-----ACA-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-AC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--T-A-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-T-G-A--C-A---T-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T--G-A-AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--T-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG-A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G--CTG--G--AC-A-A-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Eubacteriaceae(100);Acetobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1433	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	52	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_22186_5761 T---AC--GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--																											

Otu1435	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_19495_20151 T---AC---AG-AG-GCC-----ACA-A-G-----C--G--T---T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A-----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-G-G-T-----																											
-----AA---G-T-A-C-----T-T-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-A---T-G--C-T---T-G-----G--TA-T-A--C-----T-G-C--CG--T-T-C---T-T-G-A-A-T--C--A-CC-----TA-G-G-----G-G-C-A--GC-T-----GG--A--ACT---G-A-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-T--C-A-G-G-A-AC-G-CC--AA--T--G--GT-GCA-G-A-C-A-----A-G-C-T-G--CTG-G--GG-G-T-----G-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1436	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_13746_14505 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-----AA-----A--G--G-----G--C-TC-G-T-C-----GC---G-T-C-C-----G-G-T--G--TG--A-AA-GT--C-C-AT-C-G-----CT-T-AA-----C-G-G-T-G-G-A--T-C---T-G--C-G--C--C-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-G-G-A-G-T--G--C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-A-CG-GT--G---G--A-A---TG-T-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG-G--GC-C-G-----T-C--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Bifidobacteriales(100);Bifidobacteriaceae(100);Bifidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1437	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_17355_14788 C---CG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G---T--AA-TACGG-GG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T---AC-TC-GG-AA-----T-CA-C-T-G-G-----G--A-TT-A-A-T-----AA---G-T-T-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-TC--C-T-AT-A-G-----CT-T-AA-----C-T-A-T-A-G-A--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--AA-A-A--C-----T--G-T--TA--A-T-C---T-A-G-A-A-T--G--T-GG---GA-G-A-----G-G-T-A--GA-T-----GG--A--ATT---T-C-T-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-T-A--CTG-G--AA-C-A-----T-T--A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Arcobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1438	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_17174_13846 T---AC---GT-AG-GGT-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GA-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-TA-G-G-C-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-T-T-G-A-G--A-C---T-G--C-A--T-C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG---AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A--CTG-G--GC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1439	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	4	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_3505_8514 T---AC---GG-AG-GAG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-CC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-TCT-C-----AA---G-T-C-T-----G-C-G--G--TT--A-AA-GA--C-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-A---G-G--C-C--G--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A-AA-G-G-C---T-A-G-A-G-A--G---C-CG---TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G---GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-C-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-TC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C-G-----C--T-C-T-A--CTG-G--AC-G-G-----T-A--T-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1440	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_22317_21913		A---GA---AA-CC-CCG-----GCT-A-A-----C--T--C---C-GTGC-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-GA-GG-GG-----G-TT-A-G-C-GT-----T--G-TT-C-G-G--- -----AAT---G-A-C-T-----G-G-GC-G--TG--A-AA-GCG-CGCGTAGG-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--T-----C-AA-G-A--C-----T--C-G--CG-G-T-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G---GG-T-----GG--A-- ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G- CG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
		Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1441	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	3	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_13001_23478		C---GT--GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G--T--A--AT-A-CGT-AT-----GG-A--G-C--GA-GC-----GT--T-----GT-CC-GG-AA-----T-TA-T-T-G-G-----G--C-GT-A-A-A----- -----GG---G-TAC-G-----C-A-G--G--TT--A-AA-GA--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-A-A-----A-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--TA--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--G-TG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT--- C-C-T-A-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-C-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
		Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Finegoldia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1442	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_27940_11581		C---CG--GC-TA-ACT-----TCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GA-----AG--G-----GT-CC-AA-GC-----G-TT-GTT-C-G-----G--A-TC-A-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-A--A-C---T-G--C-G---C--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TA-G-T-C---T-A-G-A-A-T--A--T-CG---GA-G-G-----G-G-G-C---AG-G-----GG--A--ATT--- T-C-A-C-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A---TC-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--G--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--C-T-G-C---CTG--G--AC-G-A-----T-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
		Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Bdellovibrionales(100);Bacteriovoraceae(100);Peredibacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1443	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_25764_17739		T---AC--GA-GG-GGT-----CCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-G--G-----G-T---G-T-----G-----T-----AA- ---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-G---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--GT--A-G-C---T-T-G-A-G-T-A--C-CG---AA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-G- GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-T---CTG--G--TC-G-A-----G-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AT-C- A-AA-----CA--GG																											
		Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1444	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_13467_12684		T---AA---CT-A--CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----CG--C-----GA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A--T-TT-A-T-T----- --GG---G-C-C-T-----G-T-C--G--TG--T-AA-TC--C-T-CT-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-G-G--T-G---T-G--C-G---G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---AT-T-----GG--A--ATT---C-C- T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-G-AA-----CA--GG																											
		Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1445 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 11 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_3260_12175 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-G-G--G-----G---G--C-----G----T-A-T-A-----AA---G-
T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-C-GC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-C-G-G-A--G-T---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A---C-----T--T-A--TA--A-G-C---T-G-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-G-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AA-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1446 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 11 0 0 0 0 0 0 0 0 21 0
 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 36 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_14357_8337 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----TG--C-----AA-GC-GT--T-----A-TC-C-G--G-----A--C-TT-A-T-T-----AA---
G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AT-A-G-----CT-C-AA-----C-T-A-T-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A--TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-AT-----TT-G-A-----A-G-T-A--GC-T-----GG--A--ATA---A-G-T-A-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--A--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-T-A---CTA--A--GA-T-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--GA-G-C--G-TA--GG-G--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1447 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_2104_23038_9753 C---GG---CT-AA-TTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----AG--G-----TC-CA-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-CT-G-T-T-----AT--
--G-T-C-A-----G-C-G--G--TT--A-AA-GA--G-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-G-C---G-A---T-G--C-C---G--T-----T--GA-A-A---C-----T--G-G--TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AC-----AC-A-G-----G-G-A-T--GC-T-----GG--A--ACT---C-G-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-T-G-A-AC-T-CC--GA--T--C--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-G-T---CCG--G--GG-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T--G-TG--GG-T--AT-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1448 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 32 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_9123_12671 G---AC---GG-AG-GAG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CTG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-AC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-GA-G-A-C-----
AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--T-G---T-G--C-A---T--C-----C--GA-T-A---C-----T--G-T--TT--T-G-C---T-G-G-A-G-T--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-C-G-----G-T--A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-AG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1449 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 17 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_12425_11233 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CA-G-A-T---
-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A---C-----G--G-T--TT--G-G-C---T-T-G-A-G-G--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-G---CTG--G--CC-T-G-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1450	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_13666_15503										C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TC-G-G-T-----																	
										-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-TT--T-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-TCG-A-G-A-----C-G-CC-A--C-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-G-C---T-A-G-A-G-T--C--C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--CG-T-----GG--A--ATT----																	
										C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																	
										GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu1451	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_14262_23204										T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-T-G-T-----																	
										-----AA---G-T-C-A-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--T-G---T-G--C-A--T--C-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--GG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-TG---GA-G-G-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																	
										C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																	
										G--AG-A-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu1452	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_6094_3047										T---AC---GG-GG-GGA-----GC--AAG-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A-----C-----T-----G-G--GC-----G-G-C-----C-AC-C-G-C-----AA---G-T-C-																	
										G-----A-C-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-G-A-A--A-G---G-T--C-A--G--C-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--GG--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-G-----G-G-C-A--AC-T-----GG--A--ATT---C-T-C-G-GT--GT-																	
										A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-G-AA--																	
										-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu1453	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	70
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_12972_14521										T---AC---AG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----CA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-C-C----																	
										-----AC---G-T-G-C-----C-G-T--G--TG--A-CA-AG--C-C-AC-T-G----CT-C-AA-----C-A-G-T-G-G-A--G-G---G-C--C-A--T--G-----G--TA-C-A--C-----G--A-G--CA--G-T-C---T-G-G-A-G-G--C---A-GG-----GA-G-A-----G-G-G-A--TG-T-----GG--A--ATG---																	
										-C-C-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-C-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--G--TC-C-T-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--GA-G-C---G-TG--																	
										GG-G--AG-C-A-AA-----CT--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	
Otu1454	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_7565_20411										C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-----AA--A-----G--A-----G--C-TC-G-G-T-----AG----G-T-																	
										C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-CC--C-T-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-GA-----C-G-CC-A--C-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--CA-TG-G-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--																	
										GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T--CTG--G--GC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																	
										AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																	

Otu1455	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_24998_8949 T---AC---GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-T-T-----AA--																											
--G-T-T-T-----G-T-C--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G--G-C-----G--AA-T-A--C-----T--G-A-GA-A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GT-GTA-A--A-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Solibacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1456	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_9988_18372 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AG-T-G-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-C-T--G--TC--A-AA-GG--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-A-C-A---G-G--C-A--G--T-----G-GA-A-A--C-----T--A-C-AC--A-G-A---T-A-G-A-G-T--G---C-GG-----TG-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-																											
C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----C--T-C-T-G---CTA--G--GC-C-G-----C-A--A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-TG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--																											
AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1457	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2111_25678_12362 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GA-C-T-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-G-GT--C-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG-----GA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-A-A-----G-T--A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1458	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	468	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_16891_16797 C---GG---CT-AA-CTA-----CG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----GA-GC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--A-AA-T-A-T-----																											
-----AA---G-T-C-T-----A-A-G--G--TT--T-AA-GC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-T--T-----C-G--C-C---T--T-----A--GA-A-A--C-----T--G-T--AT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-																											
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-G---CTG--G--GC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----TA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1459	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	139	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_9305_8127 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C--C--A---G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GG-----AG--G----AT-GC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-C-G--G--TA--A-AA-TT--T-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G---T--C-G---T-G--C-C---G--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG-----AT-G-A-----A-G-T-G---GG-C-----GG--A--ATT---T-G-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TT--A-C--A-A-G-G-A-AC-T-CC---GA--T--T--GC-GCA-G--G-C--A-----G--C-T-C-A---CTA--A--AC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AT-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1460	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_17910_17046	G---	AA--GC-CC-CGG-----CTA-A-C-----T-A-C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C-G-C-GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GG-----GCGA-GCG-T-T-----G--T-CC-G-G-T-----AA---G-T-C-T-----G-C-C--G--TG--A-AA-AC--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--C-G---T-G-C-G--G--T-----G--GA-T-A--C-----T-G-C--CG--G-G-C---T-A-G-A-G-G-A--C-GG----TA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-G--CTG--G--GC-C-G-----T-T--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Rubrobacteridae(100);Rubrobacterales(100);Rubrobacterineae(100);Rubrobacteriaceae(100);Rubrobacter(100);unclassified(100);																							
Otu1461	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_11612_23442	T---	CG--GC-TA-ACT-----CCG-T-GC-----C-A-G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----GG--A----TC-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--T-TT-G-A-T-----AA---G-T-C-A-----G-C-G--G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-A-G----CT-T-AA-----C-T-G-T-A-A-A--A-A--T-G--C-C--G--T-----T--GA-A-A--C-----T-G-T--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G--T-AA----AT-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG---C-G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-C--G-C-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A--CTA--A--GC-T-A-----C-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);Parabacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																							
Otu1462	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_13925_12900	C---	AC--GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-G-T-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-CC--C-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-GA-----C-G-CC-A--C-C-----C--GA-T-A--C-----T-G-C--TA-TA-G-C---T-A-G-A-G-T-C--C-AG----TA-G-G-----G-G-A-G--TG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-T--CTG--G--GC-T-G-----G-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-AG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiidae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																							
Otu1463	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_17089_19834	T---	AC--GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TC-C-G-T-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-----C-G																								

Otu1465	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	55	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_5986_16812 T---AC---GA-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TA-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--G-TG-T-G-T-----																											
GC---G-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--AA-T-A---C-----G--G-C--AC--G-T-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GA----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATG---G-C-																											
G-A-GT--GG-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-TG--AG-A-TT--C-G--C-T-A-G-A-AC-A-CC---AG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CT-C-G-----C-T---A-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1466	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_18211_15294 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-T-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-G-C-G-G---G-T--C-A---T--C-----C--GA-A-A---C-----T--G-C--GG--A-T-C---T-T-G-A-G-T-A---C-TG----GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Fastidiosipila(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1467	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_18850_12125 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-A-G--A-----C-G-CC-A--C--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-C--CC-TG-G-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---CG-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1468	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_22331_15015 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----																											
-----GC---G-T-C-T-----T-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-A-A-G--C-T---T-G--C-A---G--G-----G--GA-T-A---C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A---C-TT-----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GA-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);Nocardiaceae(100);Nocardia(100);unclassified(100);																											
Otu1469	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_26201_13474 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TG--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--GT--A-T-C---T-G-G-A-G-T--T---T-GG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--A--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1470	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_16602_13316 C---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T---T--AC-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----CA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-G-C-C-----																											
-----AA---G-C-G-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-A--C-C-----G--CG-A-A--C-----TG-G-T--CT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-G-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT-----																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--CC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1471	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_8539_17151 G---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----AC--																											
---G-T-C-G-----T-C-C-G--TG--A-AA-AC--T-T-CA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-A-G--C-G---T-G--C-G---G--T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CT--G-G-C---T-A-G-A-G-G--C---A-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1472	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_12473_9704 C---TA--AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT--G-----CA--A-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-TT-G-C-T-----CA----																											
G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T-G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG-----AA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-T---CTG--G--TC-C-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1473	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_19885_20520 T---AC---GG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----																											
-----GC---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--G-G---T-G--C-A--C--T-----T--GA-T-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-G-G-A-G-T--C---C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---																											
-C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1474	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_9597_9522 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC--																											
---G-T-C-T-----G-T-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-G--T-C---T-G--C-G---G--T-----G--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-G--C---A-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AA-T-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Streptosporangineae(100);Thermomonosporaceae(100);Actinomadura(100);unclassified(100);																											

Otu1475	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_5422_11496 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC- ---G-T-C-G-----T-T-C--G--TG--A-AA-AC--T-C-CA-C-G-----CT-T-AA-----C-G-T-G-G-A-G--C-G---T-G--C-G--G--G-----C-GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Pseudonocardineae(100);Pseudonocardiaceae(100);Amycolatopsis(100);unclassified(100);																											
Otu1476	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_6911_11562 T---AC---GT-AG-GAC-----CCA-A-G-----C-G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GT-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-C-----AA--- -G-T-C-A-----G-T-T--G--CG--A-AA-TC--C-T-TC-C-G-----CT-C-AA-----C-G-G-AAT-G-G--A-C---T-G--T-G--A--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-A--AT--T-A-C---T-A-G-A-G-G--T--T-GG-----TA-G-A-----G-G-T-G---CG-T-----GG--A--ATT---T-C-T-G-GT- -GT-A-G-GA-GT--G---A--C-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-G-C-A---CTG--G--GC-C-A-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G- AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1477	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7984_20512 T---AC---AG-AG-GCC-----CCA-A-G-----C--A--T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GT-G-A-T-----TA- ---G-T-C-G-----G-G-T--G--TT--A-AA-TC--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-A--A-T---C-G--C-A--T--T-----C--GA-A-A--C-----G--G-T--CA--T-A-C---T-A-G-A-A-G--A--A-GT-----CA-G-A-----G-G-T-G---AA-C-----AG--A--ACT---C-T-C-G- GT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-TG--AT-A-TC--G-A--G-G-G-G-A-AT-A-CC---AA--A--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--T-T-C-A---CTG--G--GG-C-T-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C- G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_OD1(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1478	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_13844_11716 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-----G---G-G-C-----TC-G-T-C-----AC- ---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-A-G--C-C---T-G--C-T---T--C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-G--T---A-GG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AG-C-----GG--A--ACT---C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Kribbella(100);unclassified(100);																											
Otu1479	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_12266_7061 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GT-G-C-A----- TA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A--T--T-----T--GA-T-A--C-----G--T-G--TG--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G---T-GA---AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C- A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TT-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1480	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	47	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_26633_15992																											
T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-T-----																											
-----AA----G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-A-G-A-----G-G-CC-A--C--T-----C-GA-T-A--C-----T--G-C--CG-TG-A-C---T-T-G-A-G-T--C---T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G--CA-C-----GG--A--ATT----																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-AC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-G-C-T---CTG--G--GC-C-A-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1481	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	93	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_12857_17142																											
T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----AT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-C-T-----																											
-----AA----G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-G--AT--G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG-----GA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG--A--ATT-----C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1482	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_21944_16789																											
T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-A-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-G-T-----																											
-----AA----G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-G-T-A-----A-G--C-A--C--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--GG--G-C-C---T-T-G-A-G-G--G---A-AG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT-----																											
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1483	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	34	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_21199_18226																											
T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AT-G-G-C-----																											
-----AA----G-T-C-T-----G-A-T--G--TGA-A-A-AC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-G--A-C---T-G--C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT-----																											
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1484	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_11582_14431																											
T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-G-T-C-----																											
-----GC---G-T-T-G-----T-T-C--G--TG--A-AA-AC--T-A-AA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-T-T-G-G--C-G---T-G--C-G---G--G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-G-G-A-G-T--A--C-TG-----CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT-----C-																											
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1485	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	53	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_5096_11408 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-CT-G-G-T-----																										
AA---G-T-C-A-----A-A-T--G--TG--A-AA-TG--C-A-CA-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-T-G--A-GC--T-G-C-G--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-T--CA-G-A-C---T-G-G-A-G-A-T--C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T----GG-A-ATT---C-C-T-																										
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G-G-A-A-G-A-AC-A-TC---AA-T-G-GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-T-T-T---CTG--G--CC-T-G-----A-A--A-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																										
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu1486	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_18935_7879 T---AC---AA-AG-GAT-----GCA-A-G-----T-G--T---T--AT-C-AAG-AA-----TG-A-T-T-GG-GT-----GT-A----AA-GT-GT--TT-----G-TA-G-G-T-G-----A-C-TT-T-T-T-----AA---																										
-G-T-C-C-----G-C-C--G--TC--A-AA-TC---C-----G-----A-----C-----A---A---G-T-G--G-T-----G--GA-A-A--C-----T-A-C--CA--A-G-C---T-G-G-A-G-T-A--C-AA---TA-G-G-----G-G-C-A--TA-G-----GG--A-ATT---T-C-T-A-GT--GG-A-G-																										
TG-GT--G---A-A-A---TA-T-GT-AG--AG-A-TC--A-T--A-A-A-G-A-AC-A-CC---AA-T-G-AA-GAA-A-G-C-A-----C-T-T-T-G---TTG--G-GC-C-G-----A-C--A-T-T-GA-CA-T-T-G--A-GA--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-T-G-AA-----																										
TG--AG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu1487	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_4041_18703 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CT-T-T-G-----																										
GT---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--G-G---T-G-C-A---T-C-----C-GA-A-A--C-----T-C-A-GG--G-G-C---T-C-G-A-G-G-C---C-GG----AA-G-A-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A-ATA---C-C-																										
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G-GC-GAA-A-G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG--G--TC-C-G-----G-T---C-C-T--GA-CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--																										
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																										
Otu1488	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_27979_18851 T---CG--GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A-A-T-AC-GG-----AG--G---AT-CC-AA-GC-----GTGA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----																										
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA																										

Otu1490	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_7894_24450 T---AC---GTGCC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G--T-AA-TACGT-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T----AATCGGAATTA-----C-TG-G-G-C-G-----G--T-TT-T-G-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----G--GA-G-A--C-----T-G-C-AA--G-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-GG-----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-																											
C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-G---A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Oxalobacteraceae(100);Janthinobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1491	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_16297_19108 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C----																											
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C--T--T-----C--AA-G-A--C-----T-G-G--CA--G-G-C---T-G-G-A-G-T--A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1492	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_25558_22587 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GG-GG-----GG--G---CA-AG-CG-TT-----G-T---T-C-G-----G--A-CA-A-C-T-----																											
---AA---G-T-C-A-----G-A-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G--T--C-----T--GA-T-A--C-----T-G-G--AT--G-G-C---T-T-G-A-G-A--T---T-GG-----GA-G-A-----G-G-G-A--TG-C-----GG--A--ATT---C-C-																											
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-T-C---CTG--G--AC-C-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1493	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2112_12348_16566 C---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GG-----AG--G---GT-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--A-TT-C-A-T-----																											
-----AA---G-T-C-C-----G-T-G--G-TG--A-AA-GC--C-A-AC-A-G----CT-C-AA-----C-T-G-T-T-G-A--A-C---T-G--C-C--A--T-----G--GA-T-A--C-----T-G-T--GA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--A---C-AG-----AC-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATG---																											
G-A-T-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-AT-AG--AT-A-CG--A-T--C-C-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-A---CTA--G--GC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1494	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_12629_15171AC---T-A--CGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A--T-TA-T-A-C-----																											
AG---G-T-C-C-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-G-GA-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-C-C-A-G--A-C---G-T--C-G--G--T-----G--GA-A-A--C-----C--G-T--AT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																											
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--GA-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Rubrobacteridae(100);AKIW543(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1495	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_17992_13613 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-C-A-G-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G-G-C---T-G--C-G--C--T-----T--GA-T-A---C-----G--C-T--GG--T-G-C---T-A-G-A-G-G--A---C-GG----AA-G-A-----G-G-C-T---CG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-G---CTG--G--TC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1496	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_28147_8734 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--CA-A-T-C---T-G-G-A-G-A-T---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--A--A--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-A---CTG--G--CC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1497	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_8522_19061 G---AC---GT-AG-GAG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-G-C-----AA---G-T-C-G-----T-G-T--G--TT--A-AA-GC--C-C-CT-G-G----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-G--A-G---G-T--C-A---T-G-----C--GA-G-A---C-----T--G-C--GC-G-G-C---T-G-G-A-G-G--G---C-AG----TA-G-A-----G-G-C-A---CA-T-----GG--A--ACT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-G-T-G---CTG--G--GC-T-G-----C-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Caldilineae(100);Caldilineales(100);Caldilineaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1498	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_25715_20690 T---AC---GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-C-C-----AA---G-T-C-T-----A-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C-C-----G--GA-T-A---C-----T--G-G--CA-A-G-C---T-AG--A-G-T--G---C-GG----GA-G-A-----G-G-G-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GT-GTA-G--A-C--G-----G--C-T-T-C---CTG--G--AC-C-G-----C-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1499	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_12571_25138 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-A-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A--TG-G-T-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1500	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_13850_10052 T---AC--GA-AG-GGG-----GCG-A-G----C-G-T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-GT-A-C-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-G-G-A-A-C---T-G--C-G--T-T-----T-GA-G-A--C-----T-G-G-TA-T-G-C---T-G-G-A-G-T-G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-C--GG-C-----GG-A-ATT-----																											
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A--TT-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GTA-G--G-C-G-----G-C-C-G-A--CTG-G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1501	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_23223_21076 T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G----C-G-T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-T-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-G-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-T-G----CT-C-AA-----C-A-C-G-G-A-G-G-----G-G-CC-A--C-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-C--CA-TG-A-C---T-T-G-A-G-T-C--C-GG----TA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG-A-ATT-----																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-A--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-T--CTG-G--GC-C-G-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1502	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_14789_21871 T---AC--GT-AG-GGA-----GCG-A-G----C-G-T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-A-T-----																											
-----AA---G-C-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-CC--C-C-CA-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-G-G-C---G-G-CC-A--T-T-----C--GG-A-A--C-----T-G-T--CA-TG-G-C---T-A-G-A-G-T-C--T-GG----TA-G-G-----G-G-A-A--CA-C-----GG-A-ATT-----																											
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G--A-A-A--TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-G-T-T--CTG-G--GC-C-A-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1503	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_10343_19173 G---AC--GG-AG-GAG-----GCT-A-G----C-G-T--T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CG-G-G-C-G-----G--T-CT-A-G-C-----																											

Otu1505	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_11468_17641 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-T-T-----G--T-GT-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---A--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TG--C-A-C---T-A-G-A-A-T--C---T-CA-----GA-G-G-----G-G-G-T--AG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-A-A-AT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-C---CTG--G--AT-G-A-----G-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rickettsiales(100);SM2D12(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1506	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_18236_11884 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G--G-G---G-T--C-A--T--T-----C--GA-A-A--C-----T--G-C--CAT-G-A-C---T-A-G-A-G-T--T--C-GG-----TA-G-A-----G-G-A-G--TG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---CG--T--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1507	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_28583_13361 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-CG-A-G-T-----																											
-----AA---G-T-C-G-----A-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-CCGG-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--A-C---G-T--C-A--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G---TTC-G-G-C---T-C-G-A-A-GA---T-AG---GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A--ATT---																											
T-C-A-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CC-T-A-----T-T---C-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1508	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_9236_17761 T---AC---GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C-G--T---T--AT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----AA--																											
--G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--AA--G-A-C---T-T-G-A-A-T--C---T-TG---GA-G-A-----G-G-T-C--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																											
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-G-A---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1509	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_12337_19537 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-T---G-G--C-C---T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--AT--G-T-C---T-G-G-A-G-A--T--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--A--A--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-A---CTG--G--CC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1510
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_22755_8453 T---AC---GG-AA-GAT-----CCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AT-A-G-C-----
AA---G-T-A-G-----G-T-A-G--TG--A-AA-GC--G-T-TC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-A-T-A--T-C---C-A--T-T--A-C-----C-TA-A-A--C-----T-G-T--TA--A-G-C---T-A-G-A-G-G-A--T-GA----GA-G-A-----G-G-T-T--AT-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--A-T-A-A---CTG--G--CT-C-A-----T-T---C-C-T--GA--CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1511 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 24 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_28353_17498 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-T-G-T-----
-----AA---G-T-A-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----C-TA-G-A--C-----T-G-C-AA-G-T-C---T-T-G-A-G-A--T---C-AG----GA-G-A-----G-G-C-G--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-G--CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1512 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 26 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_12928_14988 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-T-A-C-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----C-GA-A-A--C-----T-G-T--CG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--C---C-GA----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1513 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 16 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_13378_8762AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC---G-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-TT-T-T-T-----AA---G-
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-A-A-G-A--A-G---T-G--C-A---T-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----AA-G-A-----G-G-A-C---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-G-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Lactobacillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1514 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 19 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2111_22102_10996 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G---G-----T--C-AT---T-T-----
-----A---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A-A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A-TG--A-T-C---T-TGG-A-G-T--C---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG--A--ACT---G-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1515	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	48	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_24143_8271 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-T-G-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-T---A-G--C-A---T--T-----T--GA-T-A---C-----T--G-C--GA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--C---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-T---CTG--G--AC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---GTGG--GG---AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);MND8(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1516	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	37	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_3393_8760 T---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TT-A-T-T-----TT- ---G-T-C-A-----G-G-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G---C--T-----T--GA-G-A---C-----G--G-A-TG--G-G-C---T-A-G-A-G-T--T---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-C-G-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1517	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_13675_10283 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CT-G-G-A--- -----AA---G-T-T-G-----G-G-G-G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---C--T-----C--AA-A-A---C-----T--T-T--CA--G-T-C---T-G-G-A-G-T--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1518	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_16387_20366 T---AC---GA-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----GT-C-CG-C-A-C--- -----CA---G-T-C-A-----G-G-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-T---A-G--C-G---C--T-----T--GA-T-A---C-----T--A-G--CG--G-G-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-T---AG-T-----GG--A--ATT--- C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-A-T---CTG--G--AC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---GTGG-- GG---AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1519	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_19008_23029 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-G-T----- -----AA---G-T-T-G-----G-G-G-G--TG--A-AA-TC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--C-----C--AA-A-A---C-----T--A-C--AA--G-T-C---T-G-G-A-C-T--C---A-AG---TA-G-A-----G-G-C-A---AG-T-----GG--A--ATT---G- C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-G---CTG--G--AC-T-T-----G-T---A-G-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1520	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	31	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_16204_8221 T---AC--GG-AG-GAG-----GCA-A-G----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----TT-A----AA-GC-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-AA-G-G-C-----																											
GG---G-T-G-T-----C-C-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-TC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-A-T---T-G-C-A--G-A-----G-CA-A-A--C-----T-A-C-CT-T-T-C---T-T-G-A-G-G-C--A-GG---TA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ACT---A-T-G-																											
G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--C-A-T-G-G-G-A-AC-G-CC--GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----G-C-T-T-G--CTG--G--GC-C-T-----G-T--C-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GA--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TA--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1521	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_12990_4908 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-----G-----G--C-CT-T-G-C-----AA---																											
G-T-C-G-----A-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A-A-T---T-G-C-C--T-T-----C-GA-G-A--C-----T-G-C-TT-G-G-C---T-TCG-A-G-T-A--C-GG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT-																											
-GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT-G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG--G--CC-C-G-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-C-A-GG--C-G-CG-A-CA-G-C--G-TG--GG-G--AT-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1522	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_26838_11597 T---AC--GA-AA-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A-A-C---T-G--C-C--T-T-----T-AA-G-A--C-----T-G-C-AA-A-G-C---T-T-G-A-G-G-A--T-GC---GA-G-A-----G-G-T-T--GG-C-----GG--A--ATT---C																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT-C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-C-A-A--CTG--G--CG-C-A-----T-T--T-C-T-GA--CG-C-T-G-A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Parvularculales(100);Parvularculaceae(100);Parvularcula(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1523	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_17079_17986 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G-T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-T-T-----																											
-----AA																											

Otu1525	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_6366_8067 T---AC---GA-AG-GGG-----ACT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TC-G-C-T-----AA- ---G-T-C-A-----G-G-G-G-TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-A-CG-A-T-C---T-G-G-A-G-A-T--T-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG-A-ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G-G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A-A--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG-G-CC-C-A-----A-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG-C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1526	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	64	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_17464_15658 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TG-A-C-C--- -----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-T---T-G-C-C---T-T-----C-AA-A-A--C-----T-G-G--TT-G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-T-G--TG-T-----GG-A-ACT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-C-A-C-A--CTG-G-CC-C-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1527	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_14149_16330 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TA-C-T-T--- -----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-A-GT--A-T-C---T-T-G-A-G-A-C--C-GG----TA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A-ACT--- G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A--CTG-G-AC-C-G-----G-T---T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1528	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_22645_11961 T---AC---GT-AG-GGG-----TCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT-A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TC-G-G-C--- -----AA---G																											

Otu1530	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_10969_9432 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-G-AA-A-T-T-----AA- ---G-T-T-A-----G-T-T-G-TG--A-AA-TC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-A-G-G-A-A-C---T-G-C-A--A-C-----T-AA-A-A--C-----T-G-G--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C--G-----A-C-T-T-T---CTG--G-AC-C-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1531	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	77	0	0	0	0	0	74	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_18185_22607 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-T-T-T----- -----AA---G-T-G-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-G-G-A-A-C---T-G-C-A--T-T-----C-CA-A-A--C-----T-G-G--AG--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--T--ATT---C- C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--A--GC-GAA-G-G-C--G-----G-C-T-T-T---CTG--G-AA-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Clostridiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1532	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	123	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_17845_22883 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-AC-T-G-C----- -----AA---G-T-T-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TA--C-C-GC-A-G----CT-T-AA-----C-T-G-C-G-G-A-A-C---T-G-C-T---T-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-T--AG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---G-AG---TA-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG--A--ATT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G-G-C--G-----G-C-C-T-A---CTG--G-GC-T-C-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1533	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	132	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_15034_23589 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A----AA-GC-GT-																											

Otu1535 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 36 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_12972_18835 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-AA-G-G-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TG--T-A-TG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-A-T-A-C-C-C---T-G-C-G---T-C-----T-GA-A-A---C-----T-G-C-TT-T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-T-----GG--A-ATT---C-
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1536 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 27 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_14782_20951 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G-C-AG-T-G-C-----
-----AA---G-T-C-T-----G-A-A-G--TG--A-AA-TT--T-C-GC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-C-G-A-A-A-C---T-G-C-T---T-T-----G-GA-A-A---C-----T-G-T-AC-A-G-C---T-A-G-A-G-T-A---C-CG----GA-G-G-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A-ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T-GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1537 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 46 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_12441_15759 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GT-GA-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-AG-A-T-C-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-A-AA-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-T-T-G-A-A-A-C---T-G-C-A---T-T-----T-GA-A-A---C-----T-G-T-TC-T-T-C---T-T-G-A-G-T-A---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A---AT-T-----GG--A-ATT---C-C-
C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1538 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 29 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_26239_16610 T---AC---GA-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TT-G-T-C-----
-----AA---G-T-T-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-CC--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-A-C---T-G--C-C---A-T-----T-GA-T-A---C-----T-G-A-TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A---T-TG----GA-G-A-----G-G-A-T---AA-C-----GG--A-ATA---T-
C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--A-T-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-A-T---CTG--G--CC-G-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-GA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1539 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
4 0 0 0 0 7 0 0 0 0 0 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_10632_17368 C---AA---GC-CA-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A---CG-TA-GG-TG-----G-CA-A-G-C-G-----T--T-GT-C-C-G-----
-----GA---G-T-C-C-----A-T-C--T--TA--A-AA-GT--G-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-T-G--A-----T-G--G-G---A-T-----G--GA-A-A---C-----T-G-G--GA--A-G-C---T-G-G-A-G-T-A---T-CG----GA-G-A-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A-ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--AC-G-A-----A-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Veillonellaceae(100);Dialister(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1540	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	9	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_15601_12055 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-T-----																											
-----AG---G-T-C-A-----A-G-A--G--TT--A-AA-TC--C-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-G-T--C-----C-G--C-T--C-C-----T--GA-T-A--C-----C--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--C---T-GG-----TA-G-G-----G-G-A-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-T---CTG--G--GC-C-A-----C-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Olsenella(100);unclassified(100);																											
Otu1541	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	26
	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_6099_15840 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GTA-----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-T-C-T-----AA-																											
---G-C-G-T-----G-G-G--G--TG--A-AA-GG--C-A-GT-G-G-----CT-T-AA-----C-C-A-T-T-G-T-A-----A-G--C-C---T-T-----G--CG-A-A--C-----T--G-G--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-G-----G-G-A-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1542	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	33	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_21345_16078 T---AC---AG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-G-A-T-----																											
-----AA---G-T-A-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--T-T-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-A-G--G-C---T-G--C-C---T-T-----C--TA-A-A--C-----T--G-T--CG--G-G-C---T-G-G-A-G-C--A---C-GG-----TA-G-A-----G-G-C-A--GA-T-----GG--A--ATT---																											
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-C-T-G---CTG--G--GC-CG-----T-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1543	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_5671_7124 G---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-CC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-TA-T-T-C-----AA-																											
---G-T-C-T-----G-C-T--G--TC--A-AA-GA--G-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-T-C--A-A---G-G--C-A--G--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--AA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GG-----TA-G-G-----G-G-T-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-C-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----C--T-C-T-A---CTG--G--AC-C-T-----G-C---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1544	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_12409_13968 T---AC---GG-AG-GGG-----GTT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-G-C-----																											
-----AA---G-T-A-T-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-C-----G--TA-A-A--C-----T--G-T--TG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--T---C-GA-----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodobacterales(100);Rhodobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1545 0
0
0 9 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_24119_6977 T---AC--AG-AG-GCC-----TCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TA-T-A-T-----TA--
--G-T-C-G-----C-A-G-G--TC--A-AA-TC--T-C-CG-A-G----CC-C-AA-----C-T-C-G-G-A-A--A-C---T-G--C-T--T-G-----C-GA-A-A--C-----G--G-T-AT--A-T-C---T-A-G-A-G-G--A--T-GT----GA-G-A-----G-A-T-G--AC-T-----GG--A--ACT---C-A-T-G-
GT--GT-A-G-TA-GT--G---A--A---TG-C-GT-TG--AT-A-TC--A-T--G-G-G-G-A-AC-A-CC--AA--A--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-A--TTG--G--CA-C-A-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-C--A-G-A-T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
G-AA-----TG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1546 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_7382_19940 T---A---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AG-A--C-A--GA-GG-----GT--G---CA--A-AC-GT-----TG-C-T-C-G-----G--A-TT-G-G-G-----AA----
G-T-C-G-----G-G-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-A-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T-T-----C-GA-A-A--C-----T-C-T-CA--A-T-C---T-A-G-A-G-T-G--A-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--
GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-T-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1547 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 85 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_6493_13789 T---AC--GT-AG-GGA-----CCA-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AA-T-T-C-----AA--
--G-T-C-A-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-C-G-G-A-A--C-G---G-T--C-A--G--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TT--T-G-C---T-A-G-A-G-T-G--C-AG----AA-G-G-----G-G-C-A--AT-C-----GG--A--ATT---C-T-C-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--A--G--GT-GAA-G--A-C--G-----G--G-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-T--AG-
C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1548 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 57 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
10
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_27410_15960 T---AC--GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-AT-G-A-C---
-----AA---G-T-C-A-----G-CAA--G--TG--A-AA-GC--G-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-T-G--A-----T-G--C-G--G--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--T-T-C---T-A-G-A-G-G--C---A-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--AA-C-----GG--A--ATT---
C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-T-G---CTG--G--CC-A-T-----G-A--A-C-T--GA--CG-C-T-C--ATAG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--
GG-T--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Synergistetes(100);Synergistia(100);Synergistales(100);Synergistaceae(100);Jonquetella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1549 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 23 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_20031_9546 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-A-C-G-----G--G-AC-T-G-C-----AA--
--G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TT--T-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-A--C-C---T-G--C-A--T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--GG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G--A-TG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-A-T-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1550 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 63 0 287 236 83 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_6019_18654 T---AC---GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-C-T-----AA--
--G-T-T-T-----G-G-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C-C-----G--AA-A-A---C-----T--G-G--CA-G-A-C---T-C-G-A-G-T--G--C-GG----GA-A-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GT-GTA-G--A-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1551 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_4385_14764 G---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-A-A-T-----
CA---G-T-C-A-----G-G-C-G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-A-G----CT-C-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---A-G--C-G---C-T-----T--GA-T-A---C-----T--A-T--TG--T-G-C---T-A-G-A-G-A-G---C-GG----GA-G-A-----G-G-A-T--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-T---CTG--G--AC-C-G-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1552 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 19 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_24050_19375 G---AC---GA-GG-GAT-----CCT-A-G-----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GG-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--G-CT-T-C-T-----
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-G---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-G--AA-G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---T-GG----TA-G-A-----G-G-T-T---AC-T-----GG--A--ATT---G-
T-T-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A---TA-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--C-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--A--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--G-T-A-A---CTG--G--GC-C-A-----A-C---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GA--C-C-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Deltaproteobacteria(100);Bdellovibrionales(100);Bdellovibrionaceae(100);Bdellovibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1553 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_14300_14994 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-AG-A-G-C---
-----AA---G-T-C-A-----G-T-A--G--TG--A-AA-TC--C-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-G-T-G-A--A-C---T-G--C-T---A-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--TC--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG----TA-G-A-----G-G-T-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-
C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-A---CTG--G--GC-T-T-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-
T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1554 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_20598_11969 C---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-A-C-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-T--G--TG--A-AA-CC--T-C-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-G---T---C-G-CC-A--C-T-----C--GA-A-A---C-----T--G-T--TG-TG-A-C---T-A-G-A-G-T--C---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---CA-T-----GG--A--ATT---
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--T-G-C-T---CTG--G--GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1555	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_19415_19303																											
	T---AC--AG-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-G-T----																											
	-----AA---G-T-C-G-----G-G-G-G--TG--A-AA-CG--C-T-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-C-A-G-C--A-C---T-G--C-C--T--T-----C--GA-G-A--C-----T--G-T--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-C--A---C-GG---TA-G-A-----G-G-C-T--GG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-TC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-G--CTG--G--GC-CG-----T-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1556	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_15588_17173																											
	T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-G-T-----																											
	-----AA---G-T-C-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-C-G-----CT-C-AA-----C-G-T-G-G-A-G--G-----G-G--CCA--T--T-----C--GA-T-A--C-----T--G-C--TG-TG-A-C---T-C-G-A-G-T--C---C-GG---TA-G-G-----G-G--AG--TG-T-----GG--A--ATTC---																											
	C-C--G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--CG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-A-C-T--CTGG---GC-C-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Acidimicrobiae(100);Acidimicrobiales(100);Acidimicrobinaeae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1557	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1118_11490_14483																											
	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-GC-A-T-T-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-G-A--A-T---T-G--C-A--C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--T-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-GG---AA-G-A-----G-G-A-T--GA-C-----GG--A--ATT----																											
	C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-AT-TG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-C-A-T--CTG--G--TC-C-G-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1558	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_20850_23281																											
	T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-AT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TC-G-T-T-----																											
	-----AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--C-----T--AA-A-A--C-----T--G-G--CG--A-C-C---T-G-G-A-G-C--A---A-GA---TA-G-A-----G-G-C-G---AG-T-----GG--A--ATT----C-																											
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-G---CTG--G--AT-C-T-----T-T---G-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1559	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_22408_18041																											
	A----AC---GT-AG-GAG-----GCG-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GC-GC-GT-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-C-T-----																											
	-----AA---G-T-T-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-A-G--A-G---G-T--C-G--T--A-----C--AA-G-A--C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-G-G-A-G-T--G---T-GG---TA-G-G-----G-G-A-A--GG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-G-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-C-T-T--CTA--G--AC-C-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-																											
	T--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Anaerolineae(100);Anaerolineales(100);Anaerolineaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

[illegible]

Otu1570	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	65	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_20448_10437 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-CG-T-G-C-----AA---G-T-T-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--C-T---T-G--C-A--T--C-----T-AA-A-A--C-----T-G-C--AC--A-T-C---T-T-G-A-G-T--G--T-CA----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-GT--GG-A-G-CG-GT--A--A-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-T--CTG--G--CT-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1571	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_20635_12350 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----AA---G-T-G-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--T--C-----T-CA-T-A--C-----T-G-G--CA--A-T-C---T-C-G-A-G-T--T--T-GG---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G--A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-A--CTG--G--CC-C-A-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1572	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_14241_13422 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-CC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CG-C-G-T-----CA---G-T-T-T-----G-G-G--G--TG--A-CA-GC--T-C-CT-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-A-G--A-G---G-A--C-C--T--C-----G-AA-G-A--C-----G--G-C--GT--G-A-C---T-T-G-A-G-G--G--C-CA---GA-G-A-----G-G-G-A--CA-T-----GG--A--ACT---C-C-G-G-GT--GG-A-G-TG-GT--G--A-A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AA--A--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--T-G-T-C--CTG--G--CT-G-G-----C-A--C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--G-G-CG-A-AA-G-C--G-AG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1573	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_13472_22947 T---AC--GA-AT-GGA-----GCG-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G																											

Otu1575 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_9189_19327 T---AC---GG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-TC-----G-CA-G-G-T-G-----G--T-AG-T-G-A-----
AA---G-T-T-T-----G-C-T--G--TT--A-AA-AG--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-A--C-C---G-G--C-G--G--T-----G--AA-A-A--C-----T--A-C-AC--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---C-C-T-
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-C-TC--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----C--T-C-T-G---CTA--G--AC-C-T-----G-C---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--
AG-C-G-AA-----TG--GG Bacteria(100);Cyanobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1576 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_19181_23516 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-A-T-----
-----CA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--CA--A-T-C---T-A-G-A-G-T--C--C-AG----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-T-G-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Rhizobiaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1577 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_26982_16185 T---AC---GT-AG-GAC-----CCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-T-T-T-----
-----AA---G-C-A-G-----A-T-A--G--TG--A-AA-GC--A-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-TAT-G--T-C---T-A--T-T--A--T-----C--TG-A-A--C-----T--G-A--AT--C-A-C---T-T-G-A-G-A--A--T-GG----TA-G-A-----G-G-T-A---GC-T-----GG--A--ATT---T-
C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-C-T-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1578 0
0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_13063_16755 T---AC---GT-AG-GGG-----CCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-GC-G-T-T-----
-----CT---G-C-C-C-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-G---G-T--C-G---T--C-----G--GG-G-A--C-----G--G-G--CG--C-G-C---T-T-G-A-G-G--G---T-AT-----CA-G-G-----G-G-C-T---GG-T-----GG--A--ATT---
---CCC-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-G---CTG--G--GA-T-A-----C-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-G--
GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Chloroflexi(100);Thermomicrobia(100);JG30-KF-CM45(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1579 0
0 0
0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 0 8 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_25950_15086 C---GT---GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G--T---A--AT-A-CGT-AG-----GG-G--G-C--TA-GC-----GT--T---AT-CC-G--GA-----T-TT-A-C-T-G-----G--G-CT-G-T-A-----
---AA---G-T-C-G-----G-T-G--C--GT--A-AA-GG--C-T-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-G-T--T-----A-G--C-C---T--C-----C--GA-A-A--C-----T--G-G--AA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--A--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Peptostreptococcaceae(100);Peptostreptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1580	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_1118_29031_16527 T---AC--AG-AC-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T--T--AT-T-CAG-CA-----TA-A-A-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-AT-----G-TA-----G-T-TT----T-----																											
	AA---G-C-T-----A-A-A--T--AG--A-AA-TG--C-T-AG-G-C---GT-A-AA-----T-C-T-T-A-G-C-A-G---A-T-A-T--T-T-----T-AT-T-A--C-----T-T-A-CTA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--T-AA---TT-G-G-----T-G-T-A--AA-A-----GG--A--ATT---T-C-T-A-																											
	CA-GTT-A-G-TG-GT--T---A-A-A---TA-C-GA-GG--AG-A-GT--A-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--G--GT-GAA-G--A-C--A-----T-T-T-T-T---CAA--A--AT--T-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-G--AG-G-T---T-TG--GG-G--AG-C-																											
	A-AA-----TC--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1581	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_22688_11482 T---AC--GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-CC-G-C-C-----																											
	-----AA---G-C-G-G-----CCT-C-G--TC--G-AA-GC--C-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-G-G--A-----A-G--C-G--A--C-----C-CG-A-A--C-----T-G-G--CG--G-G-C---T-C-G-A-G-T--G--G-GG---CA-G-G-----G-G-A-G--GA-T-----GG--A--ATT---																											
	-C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--C--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-C-T---CTG--G--GC-C-T-----T-C--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-GG--																											
	GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Slackia(100);unclassified(100);																											
Otu1582	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_4630_20182 T---AC--GG-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA-																											
	---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T--GA-G-A--C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-AG---GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A-																											
	GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
	A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1583	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_25431_5497 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-G-C-----																											
	CA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G--C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-G--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-																											
	A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-C-A-C---CTG--G--CT-C-G-----G-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--GG-G--																											
	AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1584	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_17935_13113 T---AC--GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TG-T-T-T-----																											
	-----AA---G-T-T-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G--C--C-----G--AA-T-A--C-----T--G-A--GT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---																											
	C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GT-GTA-A--A-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-C-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Solibacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1585	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_22950_9139 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC-- --G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--G-C-AG-G-C----CT-T-AA-----T-T-C-T-G-C-G--C-T---T-G--C-T---T-T-----C-GA-T-A--C-----G-G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-G--T---A-TG-----CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT----C-C-T-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----G-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG- C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardioidaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1586	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_24265_14931 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T---- -----TA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----C-AA-T-A--C-----T--G-G--CG--A-T-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T----GG--A--ACT--- C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-A---CTG--G--CC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1587	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_25734_15369 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TT-A-A-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TTC-C---GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-C--G-C---T-G--C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T--G-T--TA--A-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-TG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Acetivibrio(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1588	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_15025_7955 G---AG--GA-AG-CCA-----CGG-C-T-----A-A--C---T--AC-G-TGC-CA-----GC-A--G-C--CG-CG-----GT-A----AT-AC-GT-AG-----G-TG-G-C-G-A-----G--C-GT-T-G-T-----CC- ---G-G-A-T-----T-T-C--T--TA--A-AA-GT--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-T-G--A-----T-G--G-G--A--A-----A-GA-A-A--C-----T--A-C--AT--G-T-C---T-T-G-A-G-T-A--C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT----C-C-C-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-G--AG- C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Veillonellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1589	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_3357_16010 T----AA---CT-AC-GTG-----CC--A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----CC--C----GA-GC-GT-TG-----T-CC-G-G-T-G-----G--T-TT-A-A-T-----AA--- -G-T-C-T-----G-A-T--G--TA--A-AA-GG--C-A-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T--G-----T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--G-A-C---T-G-G-A-G-T-G---C-AG-----TA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT----C-C-A-T-GT- -GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A- AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Lactococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1590	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_13731_8674 T---AC---GG-AA-GAT-----CCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-AT-G-A-T-----																											
AA---G-T-C-A-----G-C-A-G-TG--A-AA-GC--G-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-T-A-T-A---C-A-T-T--G-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-T-TA-A-G-C---T-A-G-A-G-G-A--T-GA---GA-G-A-----G-G-T-T--AT-T-----GG-A-ATT---C-C-C-																											
A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A-A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA-T-G-GC-GTA-G--G-C-A-----G-A-T-A-A---CTG--G--CT-C-A-----T-T---C-C-T-GA-CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1591	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_14278_15046 G---AC---GA-GG-GGT-----CCA-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GG-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-CT-T-G-C---																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-A-G-TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-G-G-A-A-G---T-G-C-T--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-C-AG-G-G-C---T-T-G-A-G-T-G--T-GG---GA-G-A-----G-G-A-T--AG-T-----GG-A-ATT---																											
C-C-A-G-GT--GT-A-G-TG-GT--G---A-A-A---TA-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-A-T---CTG--G--CC-C-A-----A-C--A-C-T-GA-CG-C-T-C-A-GA--C-C-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1592	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_18852_13360 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G-T-TC-G-C-T-----																											
-----AA---G-T-C-G-----G-A-T-G-TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-A-G--A-C---G-C-C-A--T-C-----C-GA-T-A--C-----T-G-G-CGT--G-A-C---T-T-G-A-G-T-C--T-GG---TA-G-G-----G-G-A-G--AT-C-----GG-A-ATT---C-																											
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-A-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----G-T--A-C-T-GA-CG-C-T-G-A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1593	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_2																											

Otu1595	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	1	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_8445_7056 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-G-GA-GG-----GT--G---CA-A-GC-GT-----T-AA-T-C-G-G-----A--T-TT-G-T-T-----AA----																											
G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-GT---																											
GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G--A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-																											
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1596	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_9078_17931 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G----C-G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-A-G-T-----																											
AA---G-T-T-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--AA-T-A--C-----T--G-C--TG--G-T-C---T-G-G-A-G-T--C---C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-																											
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--CT-C-G-----G-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1597	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_20435_12803 T---AC--GT-AG-GTG-----ACA-A-G----C-G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-C-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-G-G-G-C--G-C---T-G--C-T---T--C-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TA--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-TG---GA-G-G-----G-G-A-T--AG-C-----GG--A--ATT---C-																											
C-T-A-GT--GG-A-G-CG-GT--A---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-A-T---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1598	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_21																											

Otu1600	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_18042_19017 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-A-TC-G-G-A-----CA---G-T-C-A-----G-A-G--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A-A-C---G-G--C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-T-C-CG--G-T-C---T-T-G-A-G-T-T--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG-A-ATT---C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-C-C-A---CTG--G--CT-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-CG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1601	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_18231_7711 T---AC---GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AG-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TT-A-T-T-----AA---G-T-A-G-----G-T-G--A-TG--A-AA-GC--T-G-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-TCA-G--A-T---T-G-T-T--A-T-----C-TA-A-A--C-----T-G-G--TA--A-A-C---T-T-G-A-G-A--G--T-AG---CA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A-ATT---T-C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A-A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G-G-T-T-A---CTG--G--GC-T-A-----T-T---T-C-T-GA-CA-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1602	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	67	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_24063_19483 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AA-G-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G-TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-C-TT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G--T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A-C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1603	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_14182_18275 T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-TT-T-G-C-----AA---G-T-C-T																											

Otu1605	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_25165_4428 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--A-TT-A-T-C-----AA- ---G-T-C-T-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-A-AT-A-G----CT-T-AA-----C-T-A-T-T-A-A--A-T---T-G--C-T---T--G-----G--GA-A-A--C-----T--G-A--TA-G-T-C---T-A-G-A-G-T--A---G-GG----GA-G-A-----G-G-C-A---GA-T-----GG--A--ACT---C-T-T-G- GT--GT-A-G-GA-GT--A---A--A---TC-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-A-G-A-AT-A-CC---TA--T--T--GC-GAA-A--G-C--G-----A--T-C-T-G---CTA--G--AA-C-C-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Campylobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1606	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_18487_10182 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-AT-G-G-T----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C- C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1607	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1119_18640_20364 T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-G-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-T--A-G---T-G--C-T---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TG--A-G-C---T-T-G-A-G-T--A---C-GG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT--- C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-C-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1608	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_21990_16470 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-T-T-T----- -----AA---G-C-A-G-----A-A-T--C--TC--T-AA-TC--T-G-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-A-G--C-----C-G--G-A--T--T-----C--TG-A-A--C-----T--G-G--AT--G-T-C---T-C-G-A-G-T--T---T-GG----TA-G-A-----G-G-A-A--GA-T-----GG--A--ATT---C- C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--T-C-T-T---CTG--G--GC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1609	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_10523_10873 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GA-T-G-C----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-GCG-G--A-T---T-G--C-T---T--T-----T--GA-G-A--C-----T--G-T--GT--T-G-C---T-G-G-A-G-T--A---C-AG----GA-G-G-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT---C- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1610	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2102_18863_17666																											
T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TG-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-TT-T-A-T-----AA---G-T-C-T-----G-G-A-G-TG--A-AA-GT--C-C-TC-T-T----TT-C-AA-----G-G-G-A-G-G-A-A-T---T-G-C-T---T-T-----G--GA-A-A---C-----T-A-T-AG--A-G-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----GA-G-A-----G-G-T-T---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC---GG-T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-A-A---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1611	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_11161_13835																											
T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GA-GC-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----GC---G-T-C-T-----G-C-T-G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-A-G-C-C---T-G-C-A---G-T-----G--GG-T-A---C-----G-G-G-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-A---T-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-A-----T-A---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Intrasporangiaceae(100);Ornithinicoccus(100);unclassified(100);																											
Otu1612	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_21140_10770																											
T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-A-T---T-AT-C-CGG-AG-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT-A---AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CA-G-T-A-----AA---G-T-G-A-----A-T-A-G--TG--A-AA-TC--T-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-TCA-G--G-C---T-A--T-T---A-T-----T--CA-A-A---C-----T--C-A-CT--G-A-C---T-C-G-A-G-A-A---T-AG----CA-G-A-----G-G-T-A---AC-T-----GG--A--ATT---T-C-T-T-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TA--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTG--G--GC-T-A-----T-T---T-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG																											
Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1613	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0
	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1112_5487_15700																											
C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C-A-G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A--CG-GA-----GG--G---TG-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--G-TT-A-T-T-----AA--G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-TC--T-C-AT-A-G----CT-C-AA-----C-T-A-T-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A-T-----T--GA-T-A---C-----T--G-A-TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-AT-----TT-G-A-----A-G-T-A---GC-T-----GG--A--ATA---A-G-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-C--T-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--A--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A---CTA--A--GA-T-A-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--G-A-CG-A--GA-G-C---G-TA--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Flavobacteria(100);Flavobacteriales(100);Flavobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1614	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_16331_14533																											
T---AC---GA-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-T-----GC---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-T-A---C-----G--G-G--CG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--C---C-AA-----GA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-C---CTG--G--CT-T-G-----G-T---A-T-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Rhodospirillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1615	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_25337_7595 A---CT---AC-GT-GCC-----AGC-A-G-----C-C-G--C-GG-T-GAT-AC-----GT-A-G-G-GC-GC-----G-A---GC-GT-TG-TC-----C-GG-A-A-T-T-----A-T-TG-G-G-C-----GC-----G-T-C-T-----G-T-C--G--TG--A-AA-AC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-G-C-T---T-G--C-G--G-T-----G--GG-T-A--C-----G-G-G--CC--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T----GG--A--ATT---C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1616	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_18955_13517 T---CG--GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C-C-A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T-AC-GG-----AG--G---AT-GC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----GA-T-CT-A-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GT--T-T-GT-C-G----CT-C-AA-----C-G-A-T-A-A-A-A-T---T-G--C-C--G-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G-TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG----AT-G-A-----A-G-T-A--GG-C----GG--A--ATG---C-G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AG-A-TC--A-C-G-C-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T-GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A--CTA--A--GG-C-A-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AT-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);Tannerella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1617	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_20704_17107 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TT-G-T-T-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A-A-T---T-G--C-C--T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-CA--A-T-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG----AA-G-A-----G-G-T-T--AG-T----GG--A--ACT---G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-A--CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1618	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	20	53	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_20582_10688 T---AC--AT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---																											

Otu1620	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_27681_15192														T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-CT-G-G-C-----AA---G-T-T-G-----A-G-A--G--TG--G-AA-GC--A-G-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-T-G-A-C---T-G--C-T--C-C-----C-AA-A-A--C-----T-G-T--TG--G-A-C---T-G-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG-A--ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A--TG-C-TC-AG--AT-A-TT--A-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-C-T-G--CTG--G--AC-C-A-----A-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--GA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Catonella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);													
Otu1621	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_18973_14722														T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-TA-T-C-C-----AA---G-T-C-A-----G-T-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C--A--T-----T--GA-A-A--C-----T-G-T--TT--A-G-C---T-T-G-A-G-G--A--C-GA---GA-G-A-----G-G-T-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-T-C-A--CTG--G--CT-C-G-----T-T--T-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--C-G-CG-A--TA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);Methylocystaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);													
Otu1622	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_20310_16503														T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T-GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-T-A-T-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-G--T--T-----T--GA-T-A--C-----G-G-T--GT--G-T-C---T-T-G-A-G-T-G--G-GG---AA-G-A-----G-G-G-T--CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G-G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G-C-G-A-C--CTG--G--TC-C-T-----T-G--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG														Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);													
Otu1623	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	0	0	0	0	0	223	0	0	0	0															
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															
	M02255_77_000000000-ADUT																																									

Otu1625	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	139	168	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_17240_10394										C---A---GC-A--GCC-----GCG-G-T----G-A-T--A--CG-T-AGG-GC-----GC-G--A-G--CG-TT-----GT--C----CG-GA-AT-TA-----T-TG-G-G-C-G-----G--C-TG-G-T-C-----																									
										----GC---G-T-C-T-----G-T-C--G--TG--A-AA-AC--C-C-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-G-G-G-C-T---T-G--C-G---G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CC--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT----																									
										C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																									
										GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1626	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	84	57	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_17646_14396										T---AC--GT-AG-GAT-----CCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AG-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-T-----																									
										-----AA---G-C-G-A-----A-T-A-G--TG--A-AA-TC--T-G-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-TAC-A-G--A-C---T-A--T-T---A--T-----T--CG-A-A--C-----T--G-G--CA--A-A-C---T-C-G-A-G-A--G---T-AG----CA-G-A-----G-G-T-A--AC-T-----GG--A--ATT---T-																									
										C-T-A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G--G-C-A-----G--G-T-T-A--CTG--G--GC-T-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																									
										AG-C-G-AA-----CC--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1627	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_18362_20766										T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-AC-T-G-C-----																									
										-----AA---G-T-C-T-----G-G-A-G--TG--A-AA-CC--C-G-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-C-G-G--C-A---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--GG--T-A-C---T-G-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT----																									
										C-C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---TG--G--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AG-G-C---G-TG--GG-																									
										G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1628	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_9733_24596										G---TG---CC-AG-CAG-----CCG-C-G-----G--T---A--AT-A-CGT-AG-----GG-G--G-C--GA-GC-----GT--T-----GT-CC-GG-AA-----T-TA-C-T-G-G-----G--C-GT-A-A-A-----GG-																									
										---G-C-A-C-----G-C-T--G--TA--A-AA-GG--A-T-GC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-T-T--A-----T-G--C-G---G--C-----T--GA-G-A--C-----T--G-A--GG--T-G-C---T-G-G-A-G-T--A--C-CG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-A-																									
										GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-TC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-G---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-T--AG-																									
										C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Synergistetes(100);Synergistia(100);Synergistales(100);Synergistaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									
Otu1629	0	0	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_21753_19784										T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-GT-A-T-C-----																									
										-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-T-G-G--A-C---T-G--C-A---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TA--T-G-C---T-C-A-A-G-T--G---C-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---																									
										C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																									
										G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																									

[illegible]

Otu1635	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_14196_19934																											
.....AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G--G-----A--T-GA-C-T-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-																											
A-T-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----A--C-T-T-T---CTA--T--TC-T-G-----A-C---A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1636	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_17411_19641																											
C---GG--CT-AA-CT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G-----TC-CC-GA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--T-TT-A-T-T-----																											
---AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TA--A-AA-GG--C-A-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T--A-----T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--TA-G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-A-G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Lactococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1637	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1119_4959_17893																											
C---GG--CT-AA-CT-----CCG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G-----TG-GC-AA-GC-----G-TT-GTC-C-G-----G--A-TC-T-T-T-----AA--																											
--G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-C-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1638	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_14636_22495																											
T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--C--T--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--AC---AGA-GG-GT-GC-----A-AG-C-G-T-T-----A--A-TC-G-G-T---																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T-TG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A--T-GT----GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT---																											
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																											
T--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1639	0	0	0	0	0	0	0	0	59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1110_27863_13995																											
C---GG--CT-A--ACT-----ATG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-AT-----AG--G-----AT-GC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--A-TT-T-A-C-----																											
---AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-GG--C-A-AT-T-G-----CT-T-AA-----C-G-ATT--G-T--T-----T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T-AA--G-T-C---T-A-G-A-G-T--A--T-AG-----TA-G-G-----G-A-G-T---TC-T-----GG--A--ACT---C-C-																											
A-T-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--G-A-A-C---TTT--G--GC-T-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-T--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-T---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----TA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Mollicutes(100);Mycoplasmatales(100);Mycoplasmataceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1640	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2112_20153_7675 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G---C-A-----G---A-T-G-C-----AA---G-T-C-T-----G-G-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-AT-G-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-TG---GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-T-T-C--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1641	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_15191_16657 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-G-G-GC-----G-G-C-G-----T--A-GG-----TA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G--C-T-----T--GA-T-A--C-----G--G-C-TA-G-G-C---T-A-G-A-G-G-A--T-GG---AA-G-A-----G-G-G-T--CG-C---GG--A-ATT---C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C--CTG--G--TC-C-A-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1642	0	0	0	0	0	0	0	0	79	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_6754_3878 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-A-G-C-----AA---G-T-T-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TG--C-A-TG-G-G---CT-T-AA-----C-C-C-A-T-G-A--G-C---T-G--C-T---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--G-T-TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---A-AG---TA-G-A-----G-G-C-A--GG-C---GG--A-ATT---C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1643	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_8463_21662 G---AC---AG-AG-GAT-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGA-AA-----TG-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA																											

Otu1645	0	0	0	83	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_6555_17898 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-T-T-----AA--																											
--G-T-A-G-----A-A-A--G--TG--A-AA-GG--T-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-A-C--A-C---T-G--C-T--T-C-----C-TA-T-A--C-----T-G-G--GA--G-T-C---T-T-G-A-A-T-G---C-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--GA-T-----GG--A--ACG----A-C-A-C-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AG-A-TG--T-G--T-C-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-A--G-C--A-----A-T-C-T-T---CTG--G--AC-G-G-----A-T---A-T-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---T-AA--GG-T--AG-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1646	0	0	0	67	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_10815_19532 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CA-G-T-T----																											
-----AA---G-T-T-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----C-AA-T-A--C-----T-G-G--CT--G-T-C---T-T-G-A-G-T-G---T-GA---GA-G-A-----G-G-T-G---TG-T-----GG--A--ACT---																											
C-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-A-C-A---CTG--G--CT-C-A-----C-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Caulobacterales(100);Caulobacteraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1647	0	0	0	0	0	0	22	10	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1104_20163_7171 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-GC-----C--A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A-----TC-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-TT-TAT-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-C-G--G--TG--A-AA-GT--C-T-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-A--A-T---T-G--C-C---G-T-----T--GA-A-A--C-----T-G-G--GG--G-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GT-----TT-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATG---C-G-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-C--G-C-A-G-A-AC-C-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-G---CCA--A--GC-C-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);Parabacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1648	0	0	0	0	0	0	18	0	15	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_18729_15257 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G---G---C-----A--T-GA-T-----																											
-AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-T-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T--CG--T-G-C---T-G-G-A-G-T-G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-																											
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1649	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_3866_9648 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC-																											
---G-T-C-G-----A-T-C--G--TG--A-AA-AC--T-T-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-T---T-G--C-G---G-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CAT-G-A-C---T-G-G-A-G-T--T---C-GG----CA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Pseudonocardineae(100);Pseudonocardiaceae(100);Pseudonocardia(100);unclassified(100);																											

Otu1650 3 0 1 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 5 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_6779_9115 C---TC---CG-TG-CCA-----GCAGCCG-----CG-G--T---A--AT-A-CGG-AG-----GG-T--G-C--AA-GC-----GT--T----AT-CC-G--GA-----T-TC-A-C-T-G-----G--G-TT-G-G-T-----
AA---G-T-C-A-----G-T-G--G-TG--A-AA-TC--T-C-CG-T-G----CT-T-AA-----C-A-T-G-G-A-A--A-C---T-G--C-C---A--T-----T--GA-T-A--C-----T--A-C--TG--G-T-C---T-T-G-A-A-T--T---T-TC-----TG-G-A-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATA---T-G-T-C-
AT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--A-T-A-G-A-AC-A-CC---AA--T-T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A--CTA--C--AG-G-G-----A-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AT-C-
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Chitinophagaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1651 0 0 0 0 0 0 0 0 0 22 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_3735_19287 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-C-C-T-----AA-
---G-C-G-C-----A-G-G--G-TA--T-AA-GG--C-A-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T-T-----G-G--C-C---C--T-----G--CG-A-A--C-----T--G-G--GC-T-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-A-----G-G-A-A---AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1652 0 0 0 74 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_19494_14229 T---AC---GG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-A-G-C-----
-----AA---G-T-C-A-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--T-T-TG-G-G----CT-T-AA-----C-T-C-A-A-A-G--C-G---G-C--C-A--A-G-----T--GA-T-A--C-----T--G-C--TA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG---AA-G-G-----G-G-C-A---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-
T-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--A--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--A-T-T-G---CTG--G--GC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-
T--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);Candidatus_Chloroacidobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1653 0 0 0 0 0 1 0
0 23 0 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_11928_6867 C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GT--G-----CA--A-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-AC-A-A-T-----AA---
G-T-T-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---G-G--C-G---T--T-----G--AA-G-A--C-----T--G-T--TG--T-T-C---T-A-G-A-G-T--T---T-GA-----CA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-G-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-G-A-C---CTG--G--GT-C-T-----A-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1654 0 0 0 0 7 0
0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2105_15891_16502 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AA-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-AA-T-G-T-----
-----AA---G-A-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GT-G-A--C-----T--G-C--AT--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G---C-GG---CA-G-A-----G-G-G-G---GA-T-----GG--A--ATT---
C-C-G-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----A--T-C-C-C---CTG--G--GC-C-T-----G-C---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Comamonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1655 0 0 0 0 0 1 0
 0 1 4 1 0 0 0 0 0 6 22 1 0 0 0 0 0 115 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_4510_16214 T---AC---GA-GA-GGC-----CCG-A-G-----C--G--T---T-AA-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-GC-C-G-C-----
AA----G-T-G-T-----C-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-T----CT-C-AA-----T-C-G-G-G-G-A-A-T---G-G--C-G--G--G-----G--CA-T-A--C-----T--G-C--GG--T-T-C---T-T-G-A-G-G--C---G-GG----TA-G-G-----G-G-T-T---GT-C-----GG--A--ACG---C-T-C-
G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-A--G-C-G-G-A-AC-G-CC---GA--T--G--GC-GAA-A--G-C--A-----G--A-C-A-A---CTG--G--GC-C-C-----G-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1656 0 0 0 0 0 1 0
 0 25 0 0 0 0 1 0 0
 0
 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_1109_21110_22627 C---GG--CT-A--ACT-----ACG-T-G-----C--C--A--G--CA-G-CCG-CG-----GT-A--A-T--AC-GT-----AG--G----GT-GC-AA-GC-----GTTA-A-T-C-G-----G--A-CC-G-C-T-----
-----AA---G-A-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GT-G-A--C-----T--G-G--CG--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A---T-GG----CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-
C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1657 0 0 0 67 0
 0 0 0 0 0 0 0 37 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_21628_12209 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AA-----G-CA-G-G-C-G-----G--A-CT-G-T-T-----
-----AA---G-T-A-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-GG--T-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-A-C--A-T---T-G--C-T---C--C-----C--TA-T-A--C-----T--G-G--CA--G-T-C---T-T-G-A-G-T-C---T-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ACG---A-
T-A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-TG--AT-A-TG--T-A--T-C-G-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-A-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TT--T-G-CG-A--AA-G-C---C-GA--GG-T--
AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Candidate_division_OP10(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1658 0 0 0 0 0 0 0 0 48 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_9886_6363 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GA-G-A-C-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-A-TG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-A-T-A-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--A-T--TT--C-T-C---T-T-G-A-G-T-G---A-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1659 0 0 0 0 5 0
 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_15009_23295 G---AA---GA-AG-CAC-----CGG-C-T-----A--A-C---T--CC-G-TGC-CA-----GC-A--G-C--CG-CG-----GT--A----AT-AC-GG-A-----G-GG-T-G-C-A-----A--G-CT-G-T-T-----
-----AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G---CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A---T-T-----C--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---C-
C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);Enteric_Bacteria_cluster(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu1665	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	2	20	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	2	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_17839_10608 T---AA--CT-AC-GTG-----CC-A-G-----C--A-G--C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GT-----CC-C---GA-GC-G--TT-----G-TC-C-G--G-----A-T-TT-A-T-T-----																											
-AA---G-T-C-T-----G-G-T--G--TA--A-AA-GG--C-A-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T-A----T-G--C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--TA-G-A-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG----GA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A-ATT---C-C-																											
A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG--G--CC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Lactococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1666	0	0	0	0	88	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1102_23868_15546 C---TA--AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A-C-A-GA-GG-----GT-----GC-TA-GC-G-----T-TA-A-T-C-G-----G--A-TT-G-A-T-----																											
--AA---G-T-C-G-----G-T-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G--C-G--G--C-----C-GA-T-A--C-----T-G-T--CA--G-A-C---T-A-G-A-A-A-A--C-GG---TA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----GG--A-ACT---C-C-																											
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-C-T-C---CTG--G--GC-C-T-----G-T---T-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-T--																											
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Xanthomonadales(100);Sinobacteraceae(100);Nevskia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1667	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	
	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_16997_11159 A---AG---TC-AC-GGC-----TAA-C-T-----A-C-G---T--GC-C-AGC-AG-----CC-G--C-G-GT-AA-----TA-C---GT-AG-GT-GA-----C-AA-GCG-T-T-----G--T-CC-G-GAT-----																											
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A-A-C---G-G-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--CG--G-A-C---T-T-G-A-A-T-G--T-AG---CA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A-ATT---																											
C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-A-G-C-G-----A-C-T-T-T---CTG--G--GC-T-A-----T-G---A-T-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-																											
G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);Alloiococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1668	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	17	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_9373_10246 C---GT---GC-CA-GCA-----GCC-G-C-----G--G-T---A--AT-A-CGG-AG-----GA-T--G-C-GA-GC-----GT--T---AT-CC-GG-AT-----																											

Otu1670 0 0 0 0 0 0 0 14 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0
1 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7413_12065 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TC-G-T-C-----GC--
--G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--A-AA-GT--C-C-GA-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-C-G-G-A--T-C---T-G--C-A---G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG-G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-GG-----TA-G-A-----G-G-A-G--AT-G-----GG--A--ATT---C-C-T-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----C--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1671 0 0 0 0 0 0 16 1 43 0
0
0
0 0 0 6 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 54 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_6560_14917 T---AC---GT-AG-GTG-----ACA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A--C-T-GTC-----AA-
---G-T-C-A-----G-T-C--G--TG--A-AA-TA--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G--G-C---T-G--C-G---A--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-A--CA--G-C-C---T-T-G-A-G-T--A--T-CG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-G-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1672 0 0 0 0 0 0 48 4 172 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 2 28 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_17302_14845 T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-T-----
-----AA---G-C-A-A-----G-G-T--C--TT--A-AA-TC--T-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-A-G--C-----C-G--G-A--T--C-----T--TG-A-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-C-G-A-G-T--A--T-GG-----TA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-C-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-T---CTG--G--GC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1673 0 0 0 0 178 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_18394_10042 T---AC---GT-AG-GGA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-T-G-C---
-----AA---G-T-T-G-----A-A-T--G--TC--A-AA-TC--T-A-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-T-A-G---C---C-G--C-G---T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-C--GT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-AG-----TA-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AGA-T--A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1674 0 0 0 35 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_10326_9035 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GC-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TG-T-C-T-----
TT---G-T-C-G-----G-G-C--G--TG--A-AA-TT--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G--A-C---T-G--C-G---T--T-----C--GA-G-A--C-----G--G-G--AT--G-T-C---T-A-G-A-G-T--T---T-GG-----CA-G-A-----G-G-G-T---CG-T-----GG--A--ATT---C-C-C-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-C---CTG--G--TC-C-T-----T-G---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1675 0 0 0 76 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_11517_5654 G---AC---GG-AG-GGT-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TC-T-T-G-----
AA---G-T-C-G-----G-A-T--G-TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---G-G--C-A---T-C-----C--GA-T-A--C-----T--C-T--TG--G-G-C---T-T-G-A-G-A--C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATA---C-C-
C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-T-G-GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1676 0 0 0 0 168 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_21820_11000 T---AC--AG-AG-GCC-----CCG-A-G-----C--G--T---T-AG-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-T-G-T-----
-----AA---G-T-G-C-----T-T-T--G-TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-C---C-G--C-A---G-G-----G--CA-T-A--C-----T--G-C--AA-G-T-C---T-T-G-A-G-G-A--A-GC-----TA-G-A-----G-G-C-G---GG-T-----AG--A--ACG---
A-T-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--G-A--T-C-G-G-A-AT-G-CC---AA--G--G--GT-GAA-G--A-C-A-----A--C-C-C-G---CTG--G--GG-C-T-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--
GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1677 0 0 0 0 0 0 0 0 0 48 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_4413_8206 T---AC--GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-G-G-C-----
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-G--C-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---C-TG-----GA-G-A-----G-G-C-A---AT-C-----GG--A--ATT---C-C-G-T-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--A-T-T-G---CTG--G--AC-A-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);Incertae_Sedis(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1678 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2119_26179_21370 T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----AT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-G-G-C---
-----AA---G-T-C-A-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-C---C--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--TT--C-G-C---T-A-G-A-A-T--C---T-TG-----GA-G-A-----G-G-T-C---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-G-A---CTG--G--AC-A-A-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1679 0 0 0 76 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_7341_18101 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TA-T-T-T-----AA-
---G-T-C-G-----G-G-G--G-TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---G-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--GT--A-T-C---T-T-G-A-G-T-C---C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---G-C-G-A-
GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-G-----G-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1680	0	0	0	0	0	0	24	3	58	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_4089_13402	T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-C-AT-G-A-T-----	AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-AC--C-C-AA-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-G-G-G--A-C---T-G-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-CG-T-G-C---T-G-G-A-G-T-G--T-CG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG-A-ATT---C-C-T-	A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG-T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A--CTG--G--AC-G-A-----T-G--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--	AG-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu1681	0	0	0	0	147	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_17526_14122	T---AC---GA-AG-GGT-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-G-T-C-----	AA---G-T-C-A-----G-G-G--G--TG--A-AA-TC--C-T-GA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-A-G-A--A-T---T-G--C-C--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-A-G-CA--G-G-C---T-G-G-A-G-T-G--T-CG---GA-G-G-----G-G-A-T--AG-C-----GG--A-ATT---	C-C-T-A-AT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG-T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-A-T--CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--	GG-G--AT-C-A-AA-----CA--GG	Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu1682	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_28763_14140	G---AC---AG-AG-GTG-----CCA-A-G-----C--G--T--T--AG-G-CGG-AA-----TC-A--C-T-GG-GC-----TT--A----AA-GC-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-TC-G-T-T-----	AA---G-T-A-C-----C-T-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--A-C---T-G--C-T--C--G-----G--TA-T-A--C-----T-G-G-CG--G-T-C---T-T-G-A-G-C--C--A-CC---TA-G-G-----G-G-C-A--GC-T-----GG--A-ACA---A-	G-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-C--T-T-G-G-A-AC-G-CC--AA--C-G--GT-GAA-A--A-C-A-----G--G-C-T-G--CTG--G--GG-G-T-----G-T--G-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-C--C-AG--GG-	G--AG-C-G-AA-----CG--GG	Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);WD2101(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																					
Otu1683	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0
	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_26976_5194	T---AC---GT-AG-GTC-----CCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT--A----AA-GC-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-A-T-----AA--	--G-T-C-T-----G-A-A--G--TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-A-G-T-T-----C-G--C-T--T-T-----G--GA-A-A																								

Otu1685	0	0	0	38	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1108_10222_4794 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-TA-C-C-T-----AA- ---G-C-A-G-----G-G-G--G--TT--T-AA-GG--C-T-AT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T--T-----C-G--C-C--C--C-----C-TG-A-A--C-----T-G-G--GC--T-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1686	0	0	0	0	18	0	0	46	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	18	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	11	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_25190_8008 T---AC---GA-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----TT--A----AA-GC-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--G-CA-G-G-A----- TA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-T---T--T-----T-GA-A-A--C-----T--T-C-CT-G-T-C---T-G-G-A-A-T--T---C-GG----TA-G-A-----G-G-C-T--GA-T-----GG--A--ATA---C-C-C- A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GC-AG--AT-A-TT--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--T-C-A-G---CTG--G--GC-C-G-----A-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1687	0	0	0	0	0	0	77	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	47	0	126	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	44	0	0	40	
	0	0	0	0	0	4	7	0	0	0	35	0	0	0	0	0	0	36	0	0	0	1	0	0	6		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_1957_14465 T---AC---GG-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CT-T-T-T-----AA- ---G-C-G-T-----A-G-G--G--TA--T-AA-GG--C-A-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T--T-----C-G--C-C--C--T-----A-TG-A-A--C-----T--G-G--AA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-A- GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC---AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----C-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XIII_Incertae_Sedis(100);Eubacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1688	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_22471_16737 C---TG---TG-CC-AGC-----AGC-C-G-----C--G--G---T-AA-TACAG-AG-----GG-T--G-C-AA-GC-----GT--T----AA-TC-GG-AA-----T-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-G-A-T----- -----AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TA--G-G-C---T-A-G-A-A-T-A--G-GT----GA-G-A-----G-G-A-A--GG-T-----AG--A--ATT---C- C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-C-----A-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1689	0	0	0	0	0	0	57	180	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	66	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_22968_10622 T---AC---GT-AT-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TA-T-T-T----- -----AA---G-T-C-C-----T-A-A--T--TA--A-AA-GG--C-A-AT-G-G----CT-C-AA-----C-C-A-T-T-G-T--A-----A-G--G-T---T-A-----G--GA-A-A--C-----T--A-G--AT--A-A-C---T-T-G-A-G-T-A--G-AT----GA-G-G-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C- C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---TG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--AA-T-C-----A-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AG-G-C---G-TG--GG-G- -AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Family_XI_Incertae_Sedis(100);Helcococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1690	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	5	0	0	0	0	0	6		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_14942_2302AC---T-A-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GG-----TG--C----GA-GC-GT-GA-----A-TC-G--G-A-----A-T-TA-C-T-T-----AA----																												
G-C-A-G-----G-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-G--T--T-----C-TG-A-A--C-----T--G-G-GT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--T-GT----CA-G-A-----G-G-G-A--GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-C-GT-																												
-GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-C---CTG--G--GA-T-A-----A-C---A-C-T--GA--CG-T-T-C--A-TG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Neisseriales(100);Neisseriaceae(100);Neisseria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1691	0	0	0	54	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1105_7395_23170 T---AC---GT-AG-GTG-----ACA-A-G-----C-G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-A-G-C-----AA-																												
---G-T-C-A-----G-T-C--G--TG--A-AA-TA--C-C-GA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-G--G-C---T-G--C-G--A--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T-TA--T-T-C---T-T-G-A-G-T--A--T-CG----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-A-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T--CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--AG-																												
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1692	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1113_24061_15740 T---CG--GC-TA-ACT-----CCG-T-GC-----C-A--G--C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A-----TC-CG-GG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----G--A-TG-TAT-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-A--A-T---T-G--C-A--G--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--AT--A-T-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG----TT-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-																												
G-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-G---CTA--A--GC-T-G-----C-A--A-C-T--GA--CA-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--																												
AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Bacteroidaceae(100);Bacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1693	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	734	0	0	0	0	0	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2114_23450_11350 T---AC---GG-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AC-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GG-AT-GC-----G-TA-G-G-C-T-----G--T-AA-T-A-T-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-TC--C-A-AC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-T-T-G-A--A-C---T-G--C-T---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-A-C---T-A-G-A-A-T--A--T-GG----GA-G-A-----G-G-T-A--GA-T-----GG--A--ATT---G-																												
G-T-G-GT--GT-A-G-GG-GT--A---A--A-A--TC-C-GT-AG--AT-A-TC--A-C--C-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--G-----A--T-C-T-A--CTG--G--AA-C-A-----T-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-TG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Epsilonproteobacteria(100);Campylobacterales(100);Campylobacteraceae(100);Sulfurospirillum(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1694	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	8	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_25308_22707 G---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--C--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-GA-GG-GT-----G-CG-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G----																												
-----AA---G-C-A-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-C---A-G--C-A---T--T-----T--TG-A-A--C-----T--G-G--CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T--C---T-TG----TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT----																												
T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);Photobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1695	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1107_19073_2634 A---AC---AG-AA-GAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AACT-CCG-TG-----CC-AG-C-A-GCC-GC-----GG--T----AA-TA-CG-GA-----G-GG-T-G-C-G-----A--G-CT-G-T-T-----																												
AA---T-C-A-G-----G-A-A-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---A-G-C-A---T-T-----T--TG-A-A---C-----T--G-G--CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---T-C-A-																												
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1696	0	0	44	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_29435_14777 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--T-T-GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AT-T-G-C-----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-AC--T-G-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-C-A-G--C-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--AG--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---T-CG----GA-G-A-----G-G-C-A---AT-C-----GG--A--ATT---C-																												
C-G-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--A-T-T-G---CTG--G--AC-G-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1697	0	163	55	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	76	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	
	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_8732_13626 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-AA-G-G-C-----																												
AA---G-T-C-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-T--A-C---T-G--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-T--CT--A-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																												
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1698	0	63	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_24542_12219 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-G-A-C---																												
-----AA---G-T-T-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-TG--T-A-TG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-A-TAA-A---C---T-G--C-T---T-T-----C--AA-A-A---C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T-G---A-AG----TA-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-																												
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AAA-T--A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-T-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T-																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1699	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_19309_22621 A---AC---AG-AA-GAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T--AACT-CCG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G----GT-AA-TA-CG-----G-AG-G-G-T-GC-----G--A-GC-G-T-T---																												
-----AA---G-T-C-G-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A--A-G---G-T--C-A---T-T-----T--GA-A-A---C-----T--G-G--CA--A-A-C---T-A-G-A-G-T-A---C-TG----TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---																												
-T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AT-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-GA--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Vibrionales(100);Vibrionaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1700 0 39 0 6
0 0 0 0 134 0 79 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0
0 15
0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 60 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_13800_9467 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AA-----TC-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CC-G-T-T-----
AA---G-T-C-G-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----C--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-GG----TA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ACT---C-C-G-
A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-A-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1701 0 0 28 0 27 6 7 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1
0 0 14 0 0 0 0 0 10 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0 6 0 0 0 0
4 0 4 9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 6 0 0 0 0 5 19 13 7 16 0 0 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_23501_18373 T---AC---GT-GC-CAG-----CAGCC-G-----CG-G--T---A--AT-A-CGT-AG-----GT-G--G-C--GA-GC-----GTT--AT---CC-GGAAT-TA-----T-TG-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-T--
-----AA---G-T-A-A-----G-T-G--G--TT--A-AA-TT--G-T-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-A-A-T-C-C-----A-G--C-C--A-C-----T--TA-A-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--AG-T-----GG--A--ATT---
C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--A---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTA--G--CC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----TA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Erysipelotrichi(100);Erysipelotrichales(100);Erysipelotrichaceae(100);Solobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1702 0 49 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_16102_18618 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-T-T-T-----
-----AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-G---T-G--C-A---T-C-----C--AA-T-A--C-----T--G-G--AG--G-A-CT---T-G-G-A-G-T--A---C-AG----GA-G-A-----G-G-G-A--AG-C-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----A-C---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1703 0 0 0 0 0 48 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_10895_14827 T---AC---GA-AG-GGA-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-C-----
-----AA---G-T-T-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--G-C--TT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GT----AA-G-A-----G-G-G-T---GA-C-----GG--A--ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-AT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-C-A-C---CTG--G--GA-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1704 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1112_13041_4839 C----TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--A-G--AG-GG-----GG--C----AA-GC-GT-TA-----A-TC-G-G---A-----A--T-TA-G-T-T-----AA--
--G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T-T-----C--AA-A-A--C-----T--G-A-CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Pseudomonadaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

[illegible]

Otu1710	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1103_2317_9858 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C-G-T---T-AT-C-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-G-AC-G-A-C-----																												
AA---G-T-C-A-----G-A-T-G-TG--A-AA-AT--T-G-CA-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-A-A-G---T-G-C-A--T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-C-CG-T-T-C---T-T-G-A-G-A-G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AA-T-----GG-A--ATT---C-C-C-																												
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----A-T-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1711	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	3	0	0	1	4	0	0	10	4	0	5	0	1	0	0	3	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	39	0	21	62	2	0	0	
	1	2	4	6	2	14	5	0	26	18	3	1	0	19	0	0	1	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	2	0	37	0	17	0	1	9	41	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_21351_24941 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C-G-T---T-AA-T-CGG-AA-----TT-A-C-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G-T-TT-T-G-T-----																												
----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G-TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---T-G-C-A--T-T-----G-GA-G-A--C-----T-G-C-AA--G-G-C---T-A-G-A-A-T-C---T-GG----CA-G-A-----G-G-G-G--GG-T---AG-A--ATT---C-																												
C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GA--T-G--GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-G--A-T-T-GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);Oxalobacteraceae(100);Janthinobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1712	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	1	0	14	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	
	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	0	5	0	0	0	0	0	0	1	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2109_26812_11010 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G-T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-CT-C-T-T-----																												
----AA---G-T-C-T-----G-A-T-G-TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GT-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-G-A--C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T---GG-A--ATT---C-																												
C-C-A-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T-G--GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-T--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1713	0	0	151	0	0	0	106	0	32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	19	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	9	28	0	0	0	

Otu1715	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1111_15137_10294																											
.....AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C-----AA-GC-GT-TA-----T-C-----C-G-----G--A-AC-T-A-A-----																											
GG---G-T-C-T-----G-T-G--G-TG--A-AA-GA--T-C-GA-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-C-G-G-T--A-----A-G--C-C---A-T-----G--GA-A-A--C-----C-G-T--AG--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-GT-----GA-G-A-----G-G-A-T--CG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-																											
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-G-A-T---CTG--G--CG-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GT--C-C-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----TA--GG																											
Bacteria(100);Firmicutes(100);Erysipelotrichi(100);Erysipelotrichales(100);Erysipelotrichaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1716	0	39	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1104_5655_18482																											
T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TC-A--T-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-C-T-C-----AA-																											
---G-C-G-G-----G-A-T--C--TC--T-AA-TC--C-G-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-G-G--C-----C-G--G-A---T--C-----C--CG-A-A--C-----T--G-G--GA--G-G-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GG---TA-G-A-----G-G-C-A---GG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-T-G---CTG--G--GC-C-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Eggerthella(100);unclassified(100);																											
Otu1717	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2116_18764_12619																											
G---AC---GT-AG-GAA-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GC-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A-----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GG-C-G-T---																											
-----GC---G-T-C-C-----G-A-A--A--GG--A-AA-TC--T-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-G--G-C---T-T-T--T---C-----G--GA-T-A--C-----G--G-C--GC--T-T-C---T-T-G-A-G-G--G---T-GA---GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---																											
C-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--C--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-T---CTG--G--CT-C-A-----T-T---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
T--AG-C-G-AA-----CG--GG																											
Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1718	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	
	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_4777_8912																											
T---AC---GG-AG-GAT-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-----TT-----G-G--G-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-T-----AA---G-T-																											
C-A-----G-C-G--G--TG--A-AA-TC--T-A-GG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-T-A-A--A-T---T-G--C-C---A-T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---T-AG---AT-G-A-----G-G-T-A---GG-C-----GG--A--ATG---C-G-T-G-GT--GT-																											
A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TC--A-C--G-C-A-G-A-AC-T-CC--GA--T--T--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-T-A---CTA--A--GG-T-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-AG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AT-C-A-AA-----																											
---CA--GG																											
Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);Porphyromonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1719	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	
	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	30	16	6	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2108_15526_12638																											
T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C---G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A-----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T-TAATC-G-G-A---																											
-----AT---T-A-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T---T-----T--GT-G-A--C-----T--G-G--CG--G-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG---CA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT---																											
C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG																											
Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1720	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_24272_9536 T---AC---GT-AG-GCA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-GT-T-C-C-----AA- ---G-T-C-T-----G-T-T-G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G-----CT-T-AA-----C-T-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---G--C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G-AA--T-G-C---T-G-G-A-G-T--G---T-GG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--TG--C--G--GT-GTA-G--A-C--G-----G--C-T-T-A--CTG--G--AC-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C- A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1721	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2115_23858_6147 G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C--T--AA--C-T-CT-----GT-G--C-C--AG-CA-----GC--C---GC-G--GT-AA-----T-AC-A-G-A-G-----G--G-TG-C-A-A-----GC--- -G-T-T-G-----A-A-T--C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---G-G--C-A--T--C-----C--AA-A-A--C-----T--G-G--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----TA-G-A-----G-G-G-T--AG-T-----GG--A--ATT---T-C-C-T- GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA-G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-A-C--CTG--G--AC-T-G-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1722	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	19	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_26202_13343AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--T-TC-T-T-T----- AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-G-----G-GT-C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG----AA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C- A-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC--GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T--CTG--G--CA-T-A-----A-T--A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-T-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1723	0	59	32	0	59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1
	3	0	0	0	0	7	0	33	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	22	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	49	
	0	0	9	7	50	0	0	0	0	0	0	0	34	0	9	0	27	7	0	212	4	0	0	3	107	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_15813_11092 T---AC---GT-AG-GGT-----ACA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CT-G-T-C----- ----AC---G-T-C-T-----G-C-T--G--TG--G-AA-AC--G-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-C-G--C-G---T-G--C-A--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG----TA-G-G-----G-G-A-G---TC-T-----GG--A--ATT---C-C- C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-A-C-T--CTG--G--GC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG- G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);Brevibacteriaceae(100);Brevibacterium(100);unclassified(100);																												
Otu1724	0	27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_23857_13505AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-GG-----GG--C---AA---GC-GT-----TG-T-C-C-G-----G--C-AA-T-A-T----- AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--T-G-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-T-A-G--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--AT--A-G-C---T-T-G-A-G-T-G---T-GA----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T- A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T--CTG--G--CT-C-A-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G-- AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

[illegible]

Otu1730	0	0	0	0	0	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2113_27176_14055 T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T-T-GG-GT-----GT-A-----AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G-C-AT-G-G-C-----AA-G-T-C-T-----G-A-T-G--TG--A-AA-AT--C-C-GG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-A-C-C---T-G-C-A--T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-T-CA-G-G-C---T-G-G-A-G-T-G--T-CG-----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG-A-ATT---C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG-T-T-G-GC-GAA-G-G-C-G-----G-C-T-T-A---CTG-G--AC-G-A-----C-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C--G-TG--GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1731	0	175	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_23211_10947 T---CG---GC-TA-ACT-----CCG-T-GC---C-A-G---C-AG-C-CGC-GG-----TA-A-T-A-CG-GA-----GG-A---TG-CG-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----AA-G-T-T-A-----G-T-G-G--TT--A-AA-TA--T-T-TG-A-G---CT-A-AA-----C-T-C-A-A-T-T-G-T---G-C-C---A-T-----T-AA-T-A--C-----T-G-G-TA--A-A-C---T-G-G-A-G-T-A--C-AG---AC-G-A-----G-G-T-A--GG-C-----GG-A-ATA---A-G-T-T-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TA-A-C--T-T-A-G-A-AC-T-CC--GA--T-A-GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-T-A---CCA-G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA-CG-C-T-G--A-TG--C-A-CG-A-GA-G-C--G-TG--GG-T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Porphyromonadaceae(100);Odoribacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1732	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_2783_16749 T---AC---GG-AA-GGT-----CCA-G-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-----TT-----G-G-G-----G-TA-G-G-C-T-----G-G-AG-A-T-T-----AA-G-T-G-T-----G-T-T-G--TG--A-AA-TG--T-A-GA-C-G-----CT-C-AA-----C-G-T-C-T-G-A-A-T---T-G--C-A--G-C-----G-CA-T-A--C-----T-G-G-TT--T-C-C---T-T-G-A-G-T-A--C-GC---AC-A-A-----C-G-T-T--GG-C-----GG-A-ATT---C-G-T-C-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TG--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC--GA--T-T-GC-GAA-G-G-C-A-----G-C-T-G-A---CGG-G--AG-C-G-----C-A--A-C-T-GA-CG-C-T-T-A-AG--C-T-CG-A-AG-G-T--G-CG--GG-T--AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Prevotellaceae(100);Prevotella(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1733	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	17	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_11748_5697 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C-A-G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-G--AG-GG-----GG-C---GA-GCGTT-AA-----T-CG-G-A-A-T-----T--A-CT-G-T-T-----AA---G-C-A-A-----G-A-T-G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-C-G-G-A-A-C---A-G-C-A--T-T-----T-TG-A-A--C-----T-G-G-CA-G-A-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG-A-ATT---T-C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--																											

Otu1735 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 37 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_8140_19981 T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-G-T-C-----GC-
---G-T-C-C-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-G-G-G-C-C---T-G--C-A--G-T-----G--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-G-G-A-G-G-C--A-GG----CA-G-G-----G-G-A-G--AA-C-----GG--A--ATT---C-C-C-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----G-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Frankineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1736 0 0 0 0 0 0 0 0 1 1 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0 4 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 1 1
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_1109_9665_3913 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C-----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GTG-C-----AA-GCGTT-AA-----T-CG-G-A-A-T-----T--A-CT-G-T-C-----AA-
---G-T-C-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-A--T-T-----C--GA-A-A--C-----T--G-G--CA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G--GG-T----AG--A--ATT---C-C-A-G-
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);Enteric_Bacteria_cluster(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1737 0 0 1 0
 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 49 0 0 0 0 0 0
 M02255_76_000000000-ADUNE_1_1115_9908_20781 GT---TC---GT-GCCAGC-----AGC-C-G-----C-G--G---T--AA-G-ACG-AA-----CC-G--T-G--CG-AA-----CG--T-----TA-TT-CG-GA-----A-TC-A-C-T-G-----G--G-CG-G-C-C-----
AC---G-T-C-G-----AGA-G--C--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-G-A-A-G---G-G--G-C--C-T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--TC-G-C-C---T-C-G-A-G-T-G---G-CG---GA-G-G-----G-G-G-A--GC-C-----GG--A--ACT---C-
A-C-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-T--G-A-G-G-A-AC-G-CC---GA--C--G--GC-GAA-A--G-C-A-----G--G-C-T-C---CTG--G--AC-G-C-----C-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---C-AG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Planctomycetacia(100);Planctomycetales(100);Planctomycetaceae(100);Singulisphaera(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1738 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0
 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2118_11433_15471 G---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T--G--T---T--CT-T-CGG-AA-----TG-A--C-T--AG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-AC-----G-GA-G-G-C-G-----G--T-GA-A-T-C---
-----GG---G-T-T-G-----A-A-A--G--GG--A-AA-GT--C-G-CC---A-----AA-A-AC-----T-G-G-T-G-G-A-A-T---G-C--T-C---T--C-----G---A-A-A--C-----C--A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T-G---A-GA---CA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---
T-C-G-T-GT--GT-A-G-GG-GT--G---A--A-A---TC-C-GA-AG--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--A--GC-GAA-G--G-C-A-----G--C-T-C-T---CTG--G--GT-C-C-----C-T---A-C-C--GA--CG-C-T-G--G-AG--T-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-
G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1739 0 0 0 0 0 0 19 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0 0 0 0 0 0 0 28 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
 0
 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 0
 M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_26030_11995 T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C-----
----GC---G-T-C-G-----T-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-C-GG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-C-C-G-G-G-C-G---T-G--C-A--G-G-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-A--C-TA---CA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-
C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GT-A-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-
T--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Corynebacterineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1740	0	126	58	0	0	0	80	0	66	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0
	0	357	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	18	8	0	0	0	0	90	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_3174_11382 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-TG-T-G-C-----																												
AA---G-T-C-T-----G-A-A--G-TG--A-AA-GG--C-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-T-G-G--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--GC--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG----GA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																												
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Dorea(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1741	0	0	101	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_9253_13466 T---AC---GT-AG-GGA-----GCG-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GA-A-G-C-----																												
AA---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-AC--C-A-GT-G-G-----CT-C-AA-----C-C-A-C-T-G-G--C-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---A-TG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-G-																												
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-A-T-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1742	0	137	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_6958_15729 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GC-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-AA-G-A-C-----																												
AG---G-T-C-A-----G-A-T--G-TG--A-AA-TG--T-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-A-A--C-----C--G-T--TT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-CG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-																												
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-G-A-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1743	0	432	140	0	0	0	404	21	1213	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	242	0	24	0	0	0	0	0	0	132	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	82	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	26	11	248	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_14241_16007 T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A-----AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-AT-A-G-C----																												
-----AA---G-T-C-A-----G-C-T--G--TG--A-AA-AC--T-A-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-A-T-A-A--A-C---T-G--C-A---G--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--T-T-C---T-T-G-A-G-T--G---G-AG----TA-G-A-----G-G-C-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-																												
C-G-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--GC-T-C-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-G--																												
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Ruminococcaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1744	0	0	0	7	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0		
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_12624_13351 T---GG---GT-TA-ATG-----AAG-C-G-----C--C--G---G--CT-A-ACT-AC-----GT--G--C-C--AG-CA-----GC--C-----GC-GG-TA-AT-----A-CG-T-A-G-G-----G--C-TG-C-G-A-----																												
-----GC---G-T-C-T-----GTC-C--G--TG--A-AT-TC--C-T-CT-G-G-----CT-C-AG-----C-T-G-G-G-G-G--C-G---T-G--C-G---G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CT--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG----TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ACT----																												
C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--																												
GG-G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1745	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	
	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_20466_11590 T---AC---GT-AG-ATG-----GCA-A-G-----C-G-T--T-GT-C-CGG-AT-----TT-A-T-T-GG-GC-----GT-A---AA-GC-GA-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--T-TC-T-T-T-----																											
----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GA--C-C-CC-A-G-----CT-C-AA-----C-T-G-G-G-G-A--A-----G-GT-C-A--T--T-----G-GA-A-A--C-----T-G-G--AG--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ATT----																											
C-C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Carnobacteriaceae(100);Carnobacterium(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1746	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_28608_16556AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C-A--G---C-CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G---T-C-C-G-----G--A-TT-G-A-T-----																											
AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-A-A-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----A-GA-A-A--C-----T-G-T--CA--A-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-G---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-																											
T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1747	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	2	0	0	63	5	15	0	0	0	0	81	0	0	0	11	12	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	19	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	8	6	19	0	28	23	8	0	0	0	50	0	0	
	6	0	0	0	0	21	8	0	0	51	2	268	1	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2104_24045_6228 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TC-A-T-T-GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CC-G-G-C-----																											
AG---G-C-C-G-----G-G-G--G--TC--G-AA-GC--G-G-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-C-C-G--A-----A-G--C-C--C-C-----C--GG-A-A--C-----C-T-C--CGC-G-G-C---T-T-G-G-G-T--C---C-GG-----TA-G-G-----G-G-A-G---GG-T-----GG--A--ACA---C-C-																											
C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--G-G--G-T-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G---C-----GGC--C-C-T---CTG--G--GC-C-G-----A-G--A-C-C--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---T-GG--GG-G-																											
-AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Coriobacteridae(100);Coriobacteriales(100);Coriobacterineae(100);Coriobacteriaceae(100);Collinsella(100);unclassified(100);																											
Otu1748	0	0	0	0	0	0	0	0	0	21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1108_27539_19078 T---GG---CT-AA-TCT-----CGT-G-C-----C-A--G---C--AG-C-CGC-GG-----T-A--A-T--AC-GA-----GG--G---GT-GC-AA-GC-----GTTA-T-T-C-G-----G--A-AT-G-C-T-----																											
----AA---G-T-C-A-----A-C-T--G--TT--A-AA-TT--C-C-TC-G-G-----CC-T-AA-----C-T-G-A-G-G-A--T-C---A-G--C-G---G--T-----A-GA-A-A--C-----T--G-G--CG--C-G-C---T-T-G-A-G-G--G---T-GA---GA-G-A-----G-A-G-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
T-C-G-GA--GT-A-G-CG-GT--A---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-C-TC--G-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-C---TTG--G--CT-C-A-----T-A---C-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Candidate_division_TM6(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1749	0	333	153	0	0	0	35	63	234	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	94	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_7862_22325 T---AC---GT-AT-GGA-----GCA-A-G-----C-G-T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A-C-T--GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CA-G-G-C-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T--T--T-----T-GA-A-A--C-----T--G-C--AG--G-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-G-----G-G-C-A---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-A-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-																											
C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Lachnospira(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1750 0 55 0 0 0 0 35 0 239 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 128 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 1 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_20459_9615 T---AC---GT-AG-GGG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-G-T-----
AA---G-T-T-G-----G-A-T--G--TG--A-AA-TA--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-G--G-C---T-G--C-A--T--C-----C-AA-T-A--C-----T--G-T--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----GA-G-A-----G-G-A-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-C-T-
A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1751 0 395 177 0 0 0 447 95 347 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 4 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 20 9 0 0 49 0 0 0 32 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 19 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 10 0 0 0 0 0 0 16 367 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_13770_10071 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T---T-AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--A-CT-G-G-C-----
-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-G-GG-G-G-----CT-CA-A-----C-C-C-C-T-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TA--G-T-C---T-T-G-A-G-T--G---C-CG-----GA-G-AG-----G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---
C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A--A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);Blautia(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1752 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 17 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_14852_10405 T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-TA-G-A-T-----
-----AA---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--AA-T-A--C-----T--G-T--CT--A-T-C---T-G-G-A-G-T--A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-
C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A--TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--TC-C-A-----T-T--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1753 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_27062_19370 G---AC---AG-AA-TAA-----GCA-C-C-----G--G--C---T-AACT-CTG-TG-----CC-A--G-C--AG-CC-----GC--G---GT-AA-TA-CA-----G-AG-G-G-T-G-----C--A-AG-C-G-T-----
-----TA---A-T-C-G-----G-A---A--T---T-AC-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--T-----C--AA-A-A--C-----T--G-A--CT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-G-T---GG-T-----GG--A--ATT---T-
C-C-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TA--G-G--A-A-G-G-A-AC-A-CC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-C-A-C---CTG--G--AC-T-G-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1754 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 5 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_12548_23972 C---TA---AC-TC-CGT-----GCC-A-G-----C----A---G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-G--GA-GG-----GT--G----CA--A-GC--G-----T-TA-A-T-C-G-----G--T-AA-G-T-T-----
---AA---G-T-C-A-----G-C-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--G--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-G--CT--T-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----TA-G-A-----G-G-G-G---TG-T-----GG--A--ATT---T-C-
A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A--TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--A-A-G-G-A-AC-A-TC--AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-A-C-C---CTG--G--AC-C-A-----A-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1755	65	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_10866_17474																											
	T---AC---GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T---T--GC-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-C-C-----																											
	-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G-TG--A-AA-TT--C-C-TG-G-G----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-G--A-C---T-G--C-G--C--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-T-G-A-G-G--A---T-GG-----AA-G-A-----G-G-C-T---CG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-G-A-G---CTG--G--TC-C-A-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--CA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);Acetobacteraceae(100);Roseomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1756	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2117_16347_12506																											
	T---AC---GT-AG-GGT-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GG-GA-TT-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-G-T-C-----																											
	-----GC---G-T-C-G-----A-A-A-G-TG--A-AA-AC--T-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-A-G--C-C---T-G--C-T---T--T-----C--GA-T-A--C-----G-G-G--CG--G-A-C---T-A-G-A-G-G--T---A-TG---CA-G-G-----G-G-A-G---AA-C-----GG--A--ATT----																											
	C-C-T-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--A-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
	GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1757	0	0	0	0	0	0	1	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	4	0	0	0	0	
	M02255_76_000000000-ADUNE_1_2114_26320_16859																											
	T---AC---GTGCC-AGCA-----GCC-G-C-----G--G-T---A--AT-A-CGT-AG-----GG-T--A-C--TA-GC-----GT-T-----GT-CC-GG-AT-----T-TA---T-T-G-----G--T-TT-G-T-C-----																											
	---GC---G-T-C-T-----G-T-C--G-TG--A-AA-GC--C-T-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-G-G-G--C-T---T-G--C-G--G--T-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CA--G-G-C---T-T-G-A-G-T--G---C-GG---TA-G-G-----G-G-A-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-C-G-----T-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1758	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_10242_18631																											
	T---AC---GT-AG-GAG-----GCG-A-G-----C-G-T---T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A-----AA-GC-GC-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--C-AT-G-G-C-----																											
	-----AA---G-T-A-A-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-T-G----CC-T-AA-----C-G-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-A--C--T-----T--TA-G-A--C-----T--G-C--CA--A-G-C---T-A-G-A-G-G--A---C-GG---TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T-----AG--A--ATT----																											
	G-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--A-G--C-A-G-G-A-AT-A-CC---CG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-C---CTG--G--GC-C-G-----A-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AG-G-C---T-AG--																											
	GG-G--AG-C-G-AA-----CG--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1759	0	0	0	0	0	0	71	0	53	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_19432_23475																											
	T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT-A-----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--T-AT-G-G-C-----																											
	-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GG--C-C-AG-G-G----CT-C-AA-----C-C-C-T-G-G-G--A-C---T-G--C-A--T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--CG--A-A-C---T-A-G-A-G-T--G---T-CG---GA-G-A-----G-G-C-A---AG-T-----GG--A--ATT----																											
	C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-G---CTG--G--AC-G-A-----T-G---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]

Otu1765	0	0	0	0	0	0	1	29	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1117_22972_11780									G---AC--AG-AG-GAT-----GCA-A-G-----A-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TG-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GT-TT-CT-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-TT-T-T-C-----																		
									----AA---G-T-C-C-----G-T-C--G--TC--A-AA-TC--C-C-AG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-A-G-A--C-A---G-A--C-G--G--T-----G--GA-A-A--C-----T-A-T--CA--A-G-C---T-G-G-A-G-T--A---T-GG----TA-G-G-----G-G-C-A--GA-G-----GG--A--ATT---T-																		
									C-C-G-GT--GG-A-G-CG-AT--G---A--A-A---TG-C-GT-TG--AG-A-TC--G-G--A-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-A--G-C--T-----C--T-C-T-G---CTG--G--GC-C-G-----A-C---A-C-T--GA--CA-C-T-C--A-GA--G-A-TG-A--AA-G-C---T-AG--GG-G-																		
									-AG-A-A-AA-----TG--GG																		
									Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		
Otu1766	130	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_9029_13006									T---AC--GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T--T--GT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--G-GA-T-G-C-----																		
									AA---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-A-A--A-C---T-G--C-A---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--G-C--AT--T-T-C---T-T-G-A-G-T--A---T-CG----GA-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-G-																		
									T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-G-A-----C-A--A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--																		
									AG-C-A-AA-----CA--GG																		
									Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		
Otu1767	141	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_11795_21241									T---AC--GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TG-C-T-C-----																		
									----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T--T-----T--GA-A-A--C-----T--A-G--GT--G-A-C---T-T-G-A-A-T--C---C-AG----GA-G-A-----G-G-T-G---AG-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																		
									C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-A---CTG--G--AC-T-G-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																		
									G--AG-C-A-AA-----CA--GG																		
									Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		
Otu1768	0	0	0	0	0	0	4	92	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_27853_9522									T---AC--GG-AG-GAT-----CCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GA-GTTGC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-AT-T-G-T-----																		
									AA---G-T-A-G-----G-T-A--G--TG--A-AA-TC--C-T-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-C-T-T-T-A--A-A---C-A--T-T---A--T-----C--TA-A-A--C-----T--G-C--AAA-G---C---T-A-G-A-A-T--A---T-GA----GA-G-A-----G-G-T-C---GC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-																		
									A-GT--GT-A-G-GA-GT--G---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GTA-G--G-C--A-----G--G-C-G-A---CTG--G--CT-C-A-----T-T---A-T-T--GA--CG-C-T-A--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-																		
									C-A-AA-----CG--GG																		
									Bacteria(100);Candidate_division_TM7(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		
Otu1769	0	0	0	0	0	0	6	1	92	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1115_17008_22576									T---AC--GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GA-GC-----G-TA-G-A-C-G-----G--C-AA-G-G-C----																		
									-----AA---G-T-C-T-----G-A-A--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-T-G-----CT-T-AA-----C-G-C-C-G-G-G--A-C---T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--G-G-C---T-G-G-A-G-T--G---C-CG----GA-G-A-----G-G-T-A---AG-C-----GG--A--ATT----																		
									C-C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-G-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																		
									G--AG-C-A-AA-----CA--GG																		
									Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																		

Otu1770	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	24	1	0	0	2	2	12	6	25	0	3	0	2	0	0	1	1
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	1	7	0	0	2	16	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	6	0	2	2	0	3	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2103_9878_12175 C---AG---CA-GC-CGC-----GGT-A-----A-T-A--C-AG-A-GGG-TG-----CA-A-G-C-GT-TA-----AT-C---GG-AT-TT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G-C-CA-A-T-T-----AA--																												
--G-T-C-A-----A-A-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A-A-T---T-G-C-A--T-T-----C-GA-T-A--C-----T--G-G--TT-G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T----AG--A--ATT---C-C-A-G-																												
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA-T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G-C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A-AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-C-																												
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1771	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1117_10898_24269 C---AA---CA-AA-AGA-----AGC-A-C-----C-G-G--C--TA-A-C-T-CC-----GT-G--C-C-AG-CA-----GC-C---GC-G--GT-AA-----T-AC-G-G-A-G-----G--G-TG-C-A-A-----																												
----GC---G-T-T-A-----G-A-T-C--GG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---G-G-C-A--T-C-----T-AA-A-A--C-----T--G-G--TC-A-G-C---T-A-G-A-G-T-C---T-TG---TA-G-A-----G-G-G-G---GG-T----AG--A--ATT---C-																												
C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-C-C---CTG--G--AC-A-A-----A-G---A-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--T-G-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-																												
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Enterobacteriales(100);Enterobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1772	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_8002_4121 T---AC---GT-AG-GGG-----GCA-A-G-----C-G-T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T-GG-GT-----GT-A---AA-GG-GA-GC-----G-CA-G-G-T-G-----G--C-AA-G-G-C-----																												
AA---G-C-C-A-----G-A-A-G--TG--A-AA-AC--C-C-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-GTG-G--A-T---T-G-C-T---T-T-----T--GG-A-A--C-----T--G-T-CT--G-G-C---T-A-G-A-G-T-G---C-AG---GA-G-G-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-C-																												
T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-C-T-G---CTG--G--AC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CA-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-C---G-TG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);Lachnospiraceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1773	0	0	0	0	0	0	1	28	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1116_16772_6211AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A-G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T-AG-GT-----GG--C---AA-GC-G--TT-----G-TC-C-G---G-----A-T-CT-T-T-T-----AA---G-																												
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-G-A-G-A-A-G---T-G--C-A--T-C-----G--GA-A-A--C-----T--G-G--GA--G-A-C---T-T-G-A-G-T-G---C-AG---AA-G-A-----G-G-A-C--AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--																												
GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-T-G-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A-AA-G-T---A-TG--GG-T--AG-C-A-																												
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Lactobacillaceae(100);Lactobacillus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												
Otu1774	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2119_12624_16976AC---T-CT-GT-----GCC-A-G-----C-----A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-G-----GT--G---GC-AA-GC-G-----T-TG-T-T-C-G-----G--A-CT-T-C-T-----																												
AA---G-T-C-A-----G-A-C--G--TG--A-AA-TC--C-C-CC-G-G----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-C---T-G--C-G---T-C-----T--GA-T-A--C-----T--G-G--GA--G-G-C---T-T-G-A-G-T-A--T-GG----GA-G-A-----G-G-G-A--TG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-																												
G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----G--C-A-T-C---CTG--G--AC-C-A-----T-A--A-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A-AA-G-C---T-AG--GG-G--																												
AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);uncultured(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																												

Otu1775	247	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_11814_8362 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T-GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A----AA-GC-GC-AC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----AA- ---G-T-T-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-T-G----CT-C-AA-----C-A-T-C-A-G-A-A-C---T-G--C-C---T--T-----T--AA-G-A--C-----T--G-C--AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---A-TG----GA-G-A-----G-G-T-G--GG-T-----GG--A--ATT---C-C-G-A- GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-C-A---CTG--G--AC-A-T-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG- C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);Sphingomonadaceae(100);Sphingomonas(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1776	0	0	0	0	0	0	4	52	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2107_12933_15940 T---AC---GT-AG-GGT-----CCG-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-G-T-C----- ----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AC--C-T-AC-A-G-----CT-T-AA-----C-T-G-T-G-G-G--C-T---T-G--C-T---T--T-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--CA--G-A-C---T-T-G-A-G-G--C---A-TG----CA-G-G-----G-G-A-G--AA-C-----GG--A--ATT---C- C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-T-C-T---CTG--G--GC-A-T-----G-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG- G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Propionibacterineae(100);Nocardiodaceae(100);Nocardioides(100);unclassified(100);																											
Otu1777	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_11285_15948 T---AC---GT-AG-GTG-----GCG-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A----AA-GG-GT-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TA-A-T-T----- -----AA---G-T-T-A-----G-T-T--G--TG--A-AA-AC--C-T-TA-G-G-----CT-C-AA-----C-T-T-A-A-G-G--A-G---T-G--C-A--A-C-----T--AA-A-A--C-----T--G-G--GT--A-G-C---T-A-G-A-G-T--G---C-AG----GA-G-A-----G-G-A-T---GA-C-----GG--A--ATT---C- C-C-G-GA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--T-C-A-T---CTG--G--AC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG- G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1778	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	4	1	0	0	0	1	0	0	6	0	0	0	0	1	0	0	0	0	5	0	0	3	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	7
	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_9936_6260 T---AA---CT-AC-GTG-----CC--A-G-----C--A--G---C--CG-C-GGT-AA-----TA-C--G-T--AG-----GT--C---CC-GA-GC-G-----T-TG-T-C-C-G-----G--T-TA-G-A-T-----AA--- G-T-C-T-----G-A-A--G--TT--A-AA-GG--C-T-GT-G-G----CT-T-AA-----C-C-A-T-A-G-T-A-----T-G--C-T---T--T-----G--GA-A-A--C-----T--G-T--TT--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG----AA-G-G-----G-G-A-G--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-A-T-GT-- GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-A--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--AG-C-A- AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Streptococcaceae(100);Streptococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1779	0	0	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2115_22179_14678 T---AC---GT-AG-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T-GT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT--A----AA-GG-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CC-A-T-C----- ----GC---G-T-C-G-----G-G-A--G--TG--A-AA-AG--C-T-GG-G-G----CT-T-AA-----C-C-C-C-A-G-T--C-C---T-G--C-T---T--C-----C--GA-T-A--C-----G--G-G--TG--G-A-C---T-A-G-A-G-G--T---A-GG----TA-G-G-----G-G-A-G--AT-C-----GG--A--ATT--- C-C-T-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--A-T-C-T---CTG--G--GC-C-T-----T-A---C-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG-- GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1780 0 0 0 7 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 3 0 0 1 0 3 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 2 2 0 0 0 0 0 0 0 0 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 15 0
10 1 6 0 9 0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2106_24636_9457 T---AC---GG-GG-GGG-----GCA-A-G-----T--G--T---T-CT-T-CGG-AA-----TG-A-C-T--AG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-A-----G-T-----G-----A--A-TC-G-----G-----
G-T-T-G-----C-A-A--G--TT--C-AA-----G-T-CG-C-C----AA-A-AA-----C-C-G-G-C-G-G--A-A---T-G--C-T--C--T-----C-GA-A-A--C-----C--A-A--TT--C-A-C---T-T-G-A-G-T--G--A-GA----CA-G-A-----G-G-A-G--AG-T-----TT--C--ATT---T-C-G-T-GT--
GT-A-G-GG-GT--T---A--A-A---TC-C-GT-AG--AT-C-TA--C-G--A-A-G-G-A-AG-G-CC---AA--A--A-GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-C-T---TTG--G--GT-C-C-----C-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C--A-TG--GG-G--AG-C-A-
AA-----CT--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1781 179 0
0 39 0 0 0 0 0 0 0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1103_6563_19350AC---T-AC-GT-----GCC-A-G-----C--A--G--C--CG-C-GGT-AA-----TA-C-G-T--AG-GT-----GG--C---AA-GC---G-----T-TA-T-C-C-G-----G--T-TT-T-C-T-----AA---G-
T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-T-TC-G-G-----CT-T-AA-----C-C-G-A-A-G-A--A-G---T-G--C-A--T--C-----G-GA-A-A--C-----T--G-G--AT--G-A-C---T-T-G-A-G-T--G--C-AG---AA-G-A-----G-G-G-C---AG-T-----GG--A--ACT---C-C-A-T-GT--
GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TA--T-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-G-C---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-T--AG-C-G-
AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Lactobacillales(100);Lactobacillaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1782 0 0 0 0 0 0 120 8 174 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 13 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 4 0 0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_25108_12239 T---AC---GT-AT-GGT-----GCA-A-G-----C--G--T---T--AT-C-CGG-AT-----TT-A--C-T--GG-GT-----GT--A---AA-GG-GT-GA-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CA-T-G-C-----
----AA---G-T-C-A-----T-A-T--G--TG--A-AA-TG--T-C-AG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-T-G-G-C--G-C---T-G--C-A--T--A-----A-GA-A-A--C-----T--G-T--AT--G-A-C---T-A-G-A-G-T--G--C-AG---GA-G-A-----G-G-T-A--AG-C-----GG--A--ATT---C-
C-T-A-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TT--A-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--AC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GT--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-
-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Clostridia(100);Clostridiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1783 23 0
0
0
0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1106_17885_9326 T---AA---CT-CT-GTG-----CCA-G-C-----A--G--C---C--GC-G-GTA-AT-----AC-A--G-A--GG-TC-----C--C---AA-GC-GT--T-----G-TT-C-G---G-----A--T--T-G-G-C-----AA---
G-T-T-C-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-C-G-G-G-A--A-T---G-G--C-A--T--T-----G-GA-T-A--C-----T--G-T--TG--A-T-C---T-G-G-A-G-G--G---T-CG---GA-G-G-----G-G-G-G---AC-T-----GG--A--ATT---C-T-T-G-GT-
-GT-A-G-CA-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--A-A--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--G-T-C-C---CTG--G--AC-G-A-----T-A---C-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---C-AA--GG-G--AG-C-A-
AA-----CA--GG Bacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1784 0 0 0 25 0
0
0
0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_12064_19066 T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C--G--T---T--GT-C-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-T-G-----G--T-CT-G-C-C-----
-----AA---G-T-C-G-----G-G-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-G-G-----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T--C-----C--GA-G-A--C-----T--G-G--CG--G-A-C---T-C-G-A-G-T--T---C-GG---GA-G-A-----G-G-A-G--AG-C-----GG--A--ATT---
C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--CC-C-G-----C-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);

Otu1785	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	42	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_26189_19434													T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-TT-T-G-T-----														
	-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-T-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-A-G-A--A-C---T-G--C-C---T-T-----T-GA-G-A--C-----T-G-C-AT--C-G-C---T-T-G-A-A-T--C---A-TG-----GA-G-A-----G-G-T-T--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-A-A---CTG--G--AC-A-T-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G-																											
	-AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1786	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1113_23507_11947													T---AC---GT-AG-GCA-----GCA-A-G-----C-G--T--T--GT-T-CGG-AG-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GT-GT-----G-TA-G-G-C-G-----G--C-CT-T-C-T-----														
	-----AA---G-T-T-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--T-C-CC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-G-G-A-G--G-G---T-G--C-G---C-C-----G-AA-G-A--C-----T-G-G--GG--G-G-C---T-A-G-A-G-T-A--T-GG-----GA-T-G-----G-G-A-G--AG-T-----AG--A--ATT---																											
	C-C-C-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---TG--T--G--GT-GTA-G--A-C--G-----G--C-T-C-T---CTG--G--AC-C-A-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GA--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	T--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteria(100);Acidobacteriales(100);Acidobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1787	0	0	0	0	0	0	0	109	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1114_12150_22676													T---AC---GG-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G--T--T--AT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-C-----														
	-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GC--C-C-GG-A-G----CT-C-AA-----C-T-C-C-G-G-A--A-T---T-G--C-C---T-T-----T-GA-A-A--C-----T-G-G--AT--C-A-C---T-A-G-A-A-T--C---A-TG-----GA-G-A-----G-G-T-C---AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-G-A---CTG--G--AC-A-T-----G-T---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Sphingomonadales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1788	83	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1106_21795_20599													T---AC---GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-G-T-C-----														
	-----GC---G-T-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-GT--C-C-AT-G-G----CT-T-AA-----C-C-G-T-G-G-A--T-T---G-G--C-G---C-C-----G--GG-T-A--C-----G--G-G--CG--G-G-C---T-G-G-A-G-T--G---C-AG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---																											
	C-T-C-G-GT--GT-A-A-CG-GT--G---G--A-A---TG-T-GT-AG--AT-A-TC--G-G--G-A-A-G-A-AC-A-CC---AA--T--G--GC-GAA-G--G-C-A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-T-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	G--AG-C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Bifidobacteriales(100);Bifidobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1789	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		
	0	1	0	0	1	0	0	2	1	0	9	0	0	6	9	4	2	0	1	58	0	1	3	1	0	0		
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	5	0		
	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	0	0	2	0	0	1	0	4	0	0	0	0		
	M02255_77_000000000-ADUT3_1_1102_13368_11142													T---AC---GT-AG-GTG-----GCA-A-G-----C-G--T--T--AT-C-CGG-AA-----TT-A--T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GC-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TT-T-T-T-----														
	-----AA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--G-----G-GT-C-A---T-T-----G--GA-A-A--C-----T-G-G--AA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--G---C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-																											
	C-A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C-G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
	-AT-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);Staphylococcaceae(100);Staphylococcus(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

Otu1790	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_12892_16663													T---AA---CC-AG-AAA-----GCC-A-C-----G--G--C--T--AA-C-TAC-GT-----GC-C--A-G--CA-GC-----CG--C---GG-TA-AT-AC-----G-TA-G-G-T-G-----G--C-CA-A-T-T-----														
-----AA---G-T-C-A-----A-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-A-G-----CT-T-AA-----C-T-T-G-G-G-A--A-T---T-G--C-A--T--T-----C-GA-T-A--C-----T-G-G--TT--G-G-C---T-A-G-A-G-T--A---T-GG-----GA-G-A-----G-G-A-T---GG-T-----AG--A--ATT---C-													C-A-G-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-A-T---CTG--G--CC-T-A-----A-T---A-C-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-A-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G-														
-AG-C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Acinetobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1791	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_2101_6920_8305													A---AA---GC-CA-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A---CG-TA-GG-TG-----G-CA-A-G-C-G-----T--TATC-C-G-G-----														
AAA---G-T-C-T-----G-A-T--G--TG--A-AA-GC--C-C-AC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-G-G-A--G-----G-GT-C-A--T--T-----G-GA-A-A--C-----T--G-G--GA--A-A-C---T-T-G-A-G-T--A--C-AG-----AA-G-A-----G-G-A-A--AG-T-----GG--A--ATT---C-C-													A-T-GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GC-AG--AG-A-TA--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----A--C-T-T-T---CTG--G--TC-T-G-----T-A---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-TG--T-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--														
AT-C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Firmicutes(100);Bacilli(100);Bacillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1792	0	0	0	0	0	0	20	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	30	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_2101_19775_16466													G---AC---GA-AG-GGG-----GCA-A-G-----C--G--T--T--GT-T-CGG-AA-----TT-A--C-T--GG-GC-----GT--A---AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-TC-T-T-T-----														
-----AA---G-T-C-A-----G-G-C--G--TG--A-AA-GC--C-C-TG-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-G-G-G-A--G-T---G-G--C-G--C--T-----T-GA-T-A--C-----T--G-G--GG--G-A-C---T-A-G-A-G-A-G---T-GG-----GA-G-A-----G-G-T-T---GG-T-----GG--A--ATT---C-C-													-C-C-C-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A--A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--G-G--G-A-G-A-G-A-AC-A-CC---GG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-C-A-A---CTG--G--AC-C-A-----T-T---T-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--														
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhodospirillales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1793	0	0	0	2	0	0	0	1	0	17	0	7	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	
	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	11	0	33	0	0	0	0	
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1110_20827_5399													C---TA---AC-TC-TGT-----GCC-A-G-----C---A--G--CC-G-CGG-TA-----AT-A--C-A--GA-GG-----GTG-C---AA-GC-GT-TA-----A-TC-G-GAATT-----A--C-TT-G-A-T-----AA-														
---G-T-C-A-----G-A-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A--A-C---T-G--C-A--T--C-----T--GA-T-A--C-----T--G-T--TA--G-G-C---T-A-G-A-A-T--A---G-GT-----GA-G-A-----G-G-A-A---GG-T-----AG--A--ATT---C-C-A-G-													GT--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TC--T-G--G-A-G-G-A-AT-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-T---CTG--G--CA-T-C-----A-T---A-T-T--GA--CA-C-T-G--A-GG--T-T-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-T--AG-C-														
A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Proteobacteria(100);Gammaproteobacteria(100);Pseudomonadales(100);Moraxellaceae(100);Psychrobacter(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														
Otu1794	42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1101_11440_21710													C---GG---CT-AA-CTC-----CGT-G-C-----C--A--G---C--AG-C-CGC-GG-----TA-A--T-A--CG-GA-----GG--A---TC-CA-AG-CG-----T-TA-T-C-C-G-----GA-T-TT-A-T-T-----														
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G--G--TG--A-AA-GG--C-G-GT-A-G-----CT-T-AA-----C-T-A-T-C-G-G--A-G---T-G--C-C--T--T-----T--GA-T-A--C-----T--G-A--TG--A-G-C---T-T-G-A-A-T--G--C-AG-----CT-G-A-----G-G-T-A---GG-C-----GG--A--ATG---T-													G-A-C-AA--GT-A-G-CG-GT--G---A--A-A---TG-C-AT-AG--AT-A-TG--T-C--A-C-A-G-A-AC-A-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-T-T-A---CTA--A--AG-T-G-----T-G---A-T-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-G--														
-AT-C-A-AA-----CA--GG													Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Sphingobacteria(100);Sphingobacteriales(100);Sphingobacteriaceae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);														

Otu1795	84	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1111_13590_10367 T---AC--AG-AG-GGC-----CCA-A-G-----C-G-T--T-AA-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----TT-A----AA-GG-GT-GC-----G-CA-G-G-C-G-----G--G-CC-T-G-T-----																											
-----AA---G-T-G-C-----T-T-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-AC-T-G-----CT-C-AA-----C-G-G-T-G-G-A-A-T---T-G-C-T---C-G-----G-CA-A-A--C-----T-A-C--AG--G-T-C---T-T-G-A-G-C-C--C-GA-----CA-G-G-----G-G-T-C---AT-C-----GG--A--ACG---C-																											
T-A-G-GT--GG-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AT-A-TC--T-A--G-C-G-G-A-AC-G-CC---AA--A--G--GT-GAA-G--A-C--A-----G--A-T-G-A---CTG--G--GT-C-G-----G-C--G-C-T-GA--CG-C-T-C--A-GG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CG--GG Bacteria(100);Planctomycetes(100);Phycisphaerae(100);Phycisphaerales(100);Phycisphaeraceae(100);Phycisphaera(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1796	139	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1101_21442_12746 T---AC--GA-AG-GGG-----GCT-A-G-----C-G-T--T-GC-T-CGG-AA-----TC-A-C-T--GG-GC-----GT-A----AA-GG-GC-GC-----G-TA-G-G-C-G-----G--A-CT-C-T-T-----																											
-----AA---G-T-C-A-----G-A-G-G--TG--A-AA-GC--C-C-AA-G-G-----CT-C-AA-----C-C-T-T-G-G-A-A-T---T-G-C-C---T-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-GA--G-T-C---T-A-G-A-G-A--C--C-GG-----AA-G-A-----G-G-T-A--AG-T-----GG--A--ACT---																											
G-C-G-A-GT--GT-A-G-AG-GT--G---A-A-A---TT-C-GT-AG--AT-A-TT--C-G--C-A-A-G-A-AC-A-CC---AG--T--G--GC-GAA-G--G-C--G-----G--C-T-T-A---CTG--G--TC-C-G-----G-T--T-C-T-GA--CG-C-T-G--A-GG--C-G-CG-A--AA-G-C---G-TG--GG-																											
G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Alphaproteobacteria(100);Rhizobiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1797	61	236	281	0	0	13	171	39	457	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0
	1	0	6	44	0	0	0	0	0	0	281	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	5	3	0	20	0	0	0	0	0	0	0	111	0	0
	0	30	0	0	0	17	11	5	0	0	53	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	26	4	125	0	0	0
M02255_76_000000000-ADUNE_1_1105_12169_5346 T---CG--GC-TA-ACT-----CCG-T-G-----C-C-A--G-CA-G-CCG-CG-----GT-A-A-T--AC-GG-----AG--G-----AT-CC-GA-GC-----GTTA-T-C-C-G-----G--A-TG-TAT-T-----AA-																											
---G-T-C-A-----G-T-T-G--TG--A-AA-GT--T-T-GC-G-G-----CT-C-AA-----C-C-G-T-A-A-A-A-T---T-G--C-A--G-T-----T-GA-T-A--C-----T-G-G-AT--A-T-C---T-T-G-A-G-T-G--C-AG-----TT-G-A-----G-G-C-A--GG-C-----GG--A--ATT---C-G-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---A-A-A---TG-C-TT-AG--AT-A-TC--A-C--G-A-A-G-A-AC-T-CC---GA--T--T--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-T-G---CTA--A--GC-T-G-----C-A--A-C-T--GA--CA-T-T-G--A-GG--C-T-CG-A--AA-G-T---G-TG--GG-T--AT-C-																											
A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Bacteroidetes(100);Bacteroidia(100);Bacteroidales(100);Bacteroidaceae(100);Bacteroides(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1798	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1107_9933_15015 T---AC--GT-AG-GGC-----GCA-A-G-----C-G--T--T-GT-C-CGG-AA-----TT-A-T-T--GG-GC-----GT-A----AA-GA-GC-TC-----G-TA-G-G-C-G-----G--T-CT-G-T-C-----GC-																											
---G-T-C-T-----G-G-T--G--TG--A-AA-TC--C-C-AT-G-G-----CT-C-AA-----C-T-G-T-G-G-G--C-T---T-G--C-A--T--C-----G--GG-T-A--C-----G--G-G-CA--G-A-C---T-A-G-A-G-T-G--C-TG-----TA-G-G-----G-G-A-G--AC-T-----GG--A--ATT---C-C-T-G-																											
GT--GT-A-G-CG-GT--G---G--A-A---TG-C-GC-AG--AT-A-TC--A-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--G-T-C-T---CTG--G--GC-A-G-----T-T---A-C-T--GA--CG-C-T-G--A-GG--A-G-CG-A--AA-G-C---A-TG--GG-G--AG-																											
C-G-AA-----CA--GG Bacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteria(100);Actinobacteridae(100);Actinomycetales(100);Micrococcineae(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											
Otu1799	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
M02255_77_000000000-ADUT3_1_1116_23536_15213 T---AA---GC-AC-CGG-----CTA-A-C-----T--A--C--G--TG-C-CAG-CA-----GC-C--G-C--GG-TA-----AT--A----CG-TA-GG-GT-----G-CA-A-G-C-G-----T--TAAT-C-G-G-----																											
-----AA---T-TAC-T-----G-T-T-G--TG--A-AA-TC--C-C-CG-G-G-----CT-T-AA-----C-C-T-G-G-G-A-A-T---G-G--C-A--A-T-----G--GA-G-A--C-----T-G-C-AA--G-G-C---T-A-G-A-G-T-T---T-GG-----CA-G-A-----G-G-G-G--GG-T-----AG--A--ATT---																											
C-C-A-C-GT--GT-A-G-CA-GT--G---A-A-A---TG-C-GT-AG--AG-A-TG--T-G--G-A-G-G-A-AC-A-CC---GA--T--G--GC-GAA-G--G-C--A-----G--C-C-C-C---CTG--G--GT-C-A-----A-G---A-C-T--GA--CG-C-T-C--A-TG--C-A-CG-A--AA-G-C---G-TG--																											
GG-G--AG-C-A-AA-----CA--GG Bacteria(100);Proteobacteria(100);Betaproteobacteria(100);Burkholderiales(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);unclassified(100);																											

[illegible]