

TRD1

```

861160 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
920694 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
941372 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
2001171 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
GD-0098 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
940255 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
950136 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
2012092 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
2302008 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
2051729 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
GD-0073 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
GD-0096 -----TTGTCAGAAAGTCGGTAGCTATGTCTCTGAAAAAATC
931260 TTGAACGATTGGAAATGGGTAAAGATTTTCAGAAATCATAGATTTT---AATCCAAAAGAA
GD-0057 TTGAACGATTGGAAATGGGTAAAGCTTTTCAGAAATCATAGATTTT---AATCCAAAAGAA
GD-0119 TTGAACGATTGGAAATGGGTAAAGATTTTCAGAAATCATAGATTTT---AATCCAAAAGAA
YS12    TTGAACGATTGGAAATGGGTAAAGCTTTTCAGAAATCATAGATTTT---AATCCAAAAGAA

```

```

861160 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
920694 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
941372 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
2001171 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
GD-0098 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
940255 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
950136 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
2012092 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
2302008 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
2051729 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
GD-0073 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
GD-0096 AATGTGAGTAAGTTAAGGCTGGAGAACTATATTTCTACCGAGAATATGATCTCTAATCGT
931260 CGGTTGCTTAAGGGAAAGCATTTCTAAAAAAATAGCAATGGAAAAAATAGAACCATTCACT
GD-0057 CGGTTGCTTAAGGGAAAGCATTTCTAAAAAAATAGCAATGGAAAAAATAGAACCATTCACT
GD-0119 CGGTTGCTTAAGGGAAAGCATTTCTAAAAAAATAGCAATGGAAAAAATAGAACCATTCACT
YS12    CGGTTGCTTAAGGGAAAGCATTTCTAAAAAAATAGCAATGGAAAAAATAGAACCATTCACT

```

```

861160 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
920694 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
941372 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
2001171 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
GD-0098 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
940255 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
950136 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
2012092 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
2302008 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
2051729 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
GD-0073 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
GD-0096 GGTGGAATTAGTTTGGCAACAAAACTTCCAAGGTAAAAAACTACAACGTCATTTCAAAG
931260 CGTGATATTTCTGAGTTTGAGAGATTA---GAATTTAAAGGAGGTACAAAATTTAGAAAT
GD-0057 CGTGATATTTCTGAGTTTGAGAGATTA---GAATTTAAAGGAGGTACAAAATTTAGAAAT
GD-0119 CGTGATATTTCTGAGTTTGAGAGATTA---GAATTTAAAGGAGGTACAAAATTTAGAAAT
YS12    CGTGATATTTCTGAGTTTGAGAGATTA---GAATTTAAAGGAGGTACAAAATTTAGAAAT

```

861160	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
920694	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
941372	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
2001171	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
GD-0098	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
940255	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
950136	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
2012092	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
2302008	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
2051729	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
GD-0073	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
GD-0096	GGAGATATTCTAATTTCCAATATTCGCCCTTACTTTAAG-----
931260	GGCGATACTTTAATAGCCCGTATTACGCCAGTCTTAAAAATGGGAAACAGCTAAGGTA
GD-0057	GGCGATACTTTAATAGCCCGTATTACGCCAGTCTTAAAAATGGGAAACAGCTAAGGTA
GD-0119	GGCGATACTTTAATAGCCCGTATTACGCCAGTCTTAAAAATGGGAAACAGCTAAGGTA
YS12	GGCGATACTTTAATAGCCCGTATTACGCCAGTCTTAAAAATGGGAAACAGCTAAGGTA

861160	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
920694	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
941372	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
2001171	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
GD-0098	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
940255	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
950136	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
2012092	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
2302008	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
2051729	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
GD-0073	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
GD-0096	AAAAATTTGGCTAGCAGACAAATCTGGAGGGTGTTCTAATGATGTTTTAGTAATCAGGTCG
931260	AACCTTACTGGATGAAGATGAAATAGGGTTTGGTTCAACAGAATTTATCGTAGCAAGAGCC
GD-0057	AACCTTACTGGATGAAGATGAAATAGGGTTTGGTTCAACAGAATTTATCGTAGCAAGAGCC
GD-0119	AACCTTACTGGATGAAGATGAAATAGGGTTTGGTTCAACAGAATTTATCGTAGCAAGAGCC
YS12	AACCTTACTGGATGAAGATGAAATAGGGTTTGGTTCAACAGAATTTATCGTAGCAAGAGCC

861160	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
920694	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
941372	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
2001171	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
GD-0098	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
940255	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
950136	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
2012092	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
2302008	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
2051729	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
GD-0073	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
GD-0096	GACAGTAACTTTTCCAAC---CGTTTTCTATATTATGTGCTATCAAGTGATACATTTTTT
931260	AAAAAAGGTATTAGTGATGAAAAATTTGTTTATTATCTAATGCTTGACCCAAAGGTTAGA
GD-0057	AAAAAAGGTATTAGTGATGAAAAATTTGTTTATTATCTAATGCTTGACCCAAAGGTTAGA
GD-0119	AAAAAAGGTATTAGTGATGAAAAATTTGTTTATTATCTAATGCTTGACCCAAAGGTTAGA
YS12	AAAAAAGGTATTAGTGATGAAAAATTTGTTTATTATCTAATGCTTGACCCAAAGGTTAGA

861160 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
920694 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
941372 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
2001171 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
GD-0098 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
940255 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
950136 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
2012092 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
2302008 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
2051729 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
GD-0073 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
GD-0096 GATTATGCA^{AGTATCAACTTCTAAGGGGACGAAG}---ATGCCCCGTGGAGATAAGAGTTCA
931260 GAAGTTGCTATCAAA^{TCAATGGTAGGAACTTCTGGAA}GACAAAGAGTTCAGCTAGATGTT
GD-0057 GAAGTTGCTATCAAA^{TCAATGGTAGGAACTTCTGGAA}GACAAAGAGTTCAGCTAGATGTT
GD-0119 GAAGTTGCTATCAAA^{TCAATGGTAGGAACTTCTGGAA}GACAAAGAGTTCAGCTAGATGTT
YS12 GAAGTTGCTATCAAA^{TCAATGGTAGGAACTTCTGGAA}GACAAAGAGTTCAGCTAGATGTT

861160 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
920694 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
941372 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
2001171 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
GD-0098 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
940255 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
950136 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
2012092 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
2302008 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
2051729 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
GD-0073 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
GD-0096 ATTATGAAATATACAG^{TTCTTTATTTTCCTTAGAGGAGCAAGAGTTGATTT}CAGATATA
931260 GTTCAGAATTACGAA^{ATTCTATGTCCTCCATTAGAGGAGCAAATTCAAATTGGC}AGAATT
GD-0057 GTTCAGAATTACGAA^{ATTCTATGTCCTCCATTAGAGGAGCAAATTCAAATTGGC}AGAATT
GD-0119 GTTCAGAATTACGAA^{ATTCTATGTCCTCCATTAGAGGAGCAAATTCAAATTGGC}AGAATT
YS12 GTTCAGAATTACGAA^{ATTCTATGTCCTCCATTAGAGGAGCAAATTCAAATTGGC}AGAATT

Conserved region TRD2

861160 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTACTTGAG
920694 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTACTTGAG
941372 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTACTTGAG
2001171 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTACTTGAG
GD-0098 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTACTTGAG
940255 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
950136 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
2012092 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
2302008 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
2051729 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
GD-0073 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
GD-0096 TTGAAGTCCTATGAC^{GAGAAAAATAAACTTAATAAA}CAGATAAATCATCATTTAGCTGAG
931260 TTGAGTGTAATTGAT^{GATAAAATGAAAATAATAAAAA}GATAAATCATCATTTACTTGAG
GD-0057 TTGAGTGTAATTGAT^{GATAAAATGAAAATAATAAAAA}GATAAATCATCATTTACTTGAG
GD-0119 TTGAGTGTAATTGAT^{GATAAAATGAAAATAATAAAAA}GATAAATCATCATTTACTTGAG
YS12 TTGAGTGTAATTGAT^{GATAAAATGAAAATAATAAAAA}GATAAATCATCATTTAGCTGAG

861160	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
920694	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
941372	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
2001171	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
GD-0098	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
940255	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
950136	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
2012092	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
2302008	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
2051729	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
GD-0073	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
GD-0096	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT
931260	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
GD-0057	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
GD-0119	CAAGCTAGATTGCTTTATAAAAAATTTAATATCGTCTAATGACACTAAATATCAAAATCTT
YS12	CTAATCGATGCTCAATTTGCTCAGTTGCTTGAAGATAATGAATTATATAAGTCGACCTTT

861160	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
920694	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
941372	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
2001171	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
GD-0098	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
940255	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
950136	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
2012092	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
2302008	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
2051729	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
GD-0073	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
GD-0096	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG
931260	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
GD-0057	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
GD-0119	TCAGATATTGCTAGAATTACGATGGGACAATCTCCTAAG-----GGTGAGACTTAT
YS12	TCAGAAATTGGTGAATAGTGGGCGGTGGTACGCCATCTAAAAAGGTAGATGATTACTGG

861160	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
920694	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
941372	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
2001171	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
GD-0098	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
940255	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
950136	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
2012092	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
2302008	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
2051729	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
GD-0073	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
GD-0096	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA
931260	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
GD-0057	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
GD-0119	AATGATGAC-----AAGATTGGTTTGCCGTTATTAAT
YS12	AATGGTGATATCCCATGGCTTTCTCCAAAAGATTTATCATTAAATCCTGCTATGTTTACA

861160	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
920694	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
941372	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
2001171	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
GD-0098	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
940255	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
950136	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
2012092	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
2302008	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
2051729	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
GD-0073	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
GD-0096	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG
931260	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
GD-0057	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
GD-0119	GGAGCTACAGACTTCAGAAACAGTATTTACCCCTCAAATGGACATCTGATCCTAGAAAA
YS12	GGTAGAGGT-----CAAATTCAATCACTGAGCTTGGCTATAAGAAGAGCAGTGCTAAG

861160	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
920694	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
941372	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
2001171	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
GD-0098	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
940255	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
950136	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
2012092	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
2302008	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
2051729	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
GD-0073	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
GD-0096	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA
931260	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
GD-0057	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
GD-0119	ATAGCTAGACCTGGAGAATATGTGTTTGGTGTGAGAGCAACTATTGGTTTAAACAACAAAA
YS12	TTAATGCCTCGGAATTCAATACTTTTCAGTTCCCGCGCTCCGATTGGTTATATCACCATA

861160	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
920694	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
941372	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
2001171	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
GD-0098	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
940255	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
950136	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
2012092	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
2302008	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
2051729	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
GD-0073	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
GD-0096	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC
931260	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
GD-0057	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
GD-0119	ATATTTAAAGAATATGCTATTGGTCGAGGAACAGGTAGTGCAAAACCAATTTCTAATATC
YS12	GCAGAAAATGATATTTCAACTAACCAAGGTTTTAAGTCAATCATTCCCAACCTGAATAC

861160	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
920694	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
941372	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
2001171	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
GD-0098	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
940255	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
950136	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
2012092	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
2302008	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
2051729	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
GD-0073	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
GD-0096	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT
931260	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
GD-0057	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
GD-0119	TTTGATGAATATTTATTTTTGCTTTGGAGACCTTTTGTACTATGCTAATCTTGGT
YS12	CCATATACTTTCTGTATGAACTCTTGAACAGGAACTCCTTCCCTCGAGAGTAGTGCT

861160	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
920694	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
941372	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
2001171	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
GD-0098	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
940255	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
950136	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
2012092	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
2302008	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
2051729	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
GD-0073	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
GD-0096	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT
931260	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
GD-0057	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
GD-0119	TCGGGAACAGTTTATATAAATATTTCAAATCTGATTCGATAGCTTCAAAGTTATTCTT
YS12	TCAGGTTCTACATTTAAAGAGGTATCTGGAACCTATTTGAAGAACCATGAGATTCGAATT

861160	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
920694	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
941372	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
2001171	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
GD-0098	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
940255	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
950136	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
2012092	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
2302008	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
2051729	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
GD-0073	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
GD-0096	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA
931260	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
GD-0057	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
GD-0119	CCAATAAAAGATCAATTTTTAGTTGACTTCCATAAAACAGTGCAACCATTATTTAATTTA
YS12	CCG---CCCCATTAGCAATAATTAAAGTTTCATGAGTCAGTTGAGCCACTATTCAGACA

Cons.Reg.

861160	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
920694	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
941372	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
2001171	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
GD-0098	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
940255	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
950136	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
2012092	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
2302008	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
2051729	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
GD-0073	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
GD-0096	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA
931260	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
GD-0057	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
GD-0119	ATATTTAATAATAATGCTGAAATTCAAAAGTTATCCGAGTTAAGGGATTGCCTCTTGCCA
YS12	ATTAATTTGAATGAGAAAGAGATTCAAAAGTTAATCGAAGTGCGCGATCTTTTACTACCA

Cons.Reg.

861160	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
920694	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
941372	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
2001171	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
GD-0098	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
940255	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
950136	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
2012092	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
2302008	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
2051729	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
GD-0073	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
GD-0096	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----
931260	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
GD-0057	AAACTCCTATCAGGCGAAATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
GD-0119	AAACTCCTATCAGGCGATATTTCCATAAATCAAGCCACTAAATGA
YS12	ACGCTTATGTCAGGCGAAATATCAGTCTCTGATTAA-----