

Figure S1. Alignments of the consensus sequences between different satDNA families of *Triatoma delpontei*. The regions with the highest similarity are marked.

TdelSat05-1000 vs TdelSat23-112, TdelSat12-52, TdelSat51-46

TdelSat05-1000	ATCGTCGGAGCCATTTTGGAGAAATCGCAAAAAAGTAAAAAAAACAACCTAGTAAAGTG	60
TdelSat05-1000	GTACTTCCGGTTGAGGAATTTTGACAGATAACGTACTGTCA	120
TdelSat23-112	GATCCCATGGTGATACCTA GAACCCACGGTGATATCTA ** **	19
TdelSat05-1000	AACGGAATATCAAGTTTCAACTTTCTACGGTTTTTCGTTTTTGAGCTATGCTGTTACACAT	180
TdelSat23-112	AACAGAAATGTCAGTTTGAATTTTCTGCGATTTTGTGTTTTGTTGTGGTTGTGTTGTTC ** **	79
TdelSat05-1000	ACATACATACACACACACACACACACACACACACCATTTGCTAAAAACCACTTTTTTGGACTCAGG	240
TdelSat23-112	CGGTTGTGGAATTTTGACAGATAACTTAGTGTC * * * *	112
TdelSat05-1000	GGACCTCAAAACGGATATTTCCGGTGAAAACCTCGATATCGAAAATTTGACACGATTACAA	300
TdelSat05-1000	TACTTCCTCTTACTAGGAGTAAGAGAAAGTAAAAAAA	360
TdelSat12-52	AAATCTGGTGTGAAACACTCA ATATAATCTGATGT--GTAATCA * * **	22
TdelSat05-1000	CACAACCTTCTCTTACTCCAGTTCTCAAATTTATAATGACAAATTTTATAGTTTGTGTA	420
TdelSat12-52	CACGACTTCTCTTGTGCTGTAGGAGGTG ** **	52
TdelSat05-1000	CCAAATTTAATGAAATTCGTCGAAAACCTGAAAAAACTGTTTCAAGTAAAGCGCACTTCCG	480
TdelSat05-1000	GTTTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGGCCATCTATTTATTTCTAATTAATTTTG	540
TdelSat05-1000	TTTGATGATAGAAATGTATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATAACCCCA	600
TdelSat05-1000	CCCTCCCTTAAAGTGCCTTAAATGAATTTTCCAGAGAAATGTTTAAATAAAAGTT	660
TdelSat05-1000	GTAGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAAATCGTCGGAGCCATTTT	720
TdelSat05-1000	TGAGAAAATCGCGAAAAGTGAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTAAACGCACTT	780
TdelSat05-1000	CCGGTTATCCGATTTTTCAAACTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTTCAATTAACA	840
TdelSat05-1000	TTATTTAGATGACAGAATTTGTCTAATAAACTGAAATAGCACTTTAGATGAAAACCTAAC	900
TdelSat05-1000	CCACCCCTCCCCAAAAGTGCCTTAAATGAATTTTCCCGGAGAAATGTTTC	960
TdelSat51-46	AAATAAAA CCGATACAGAAAGTGT ** * *	31
TdelSat05-1000	GTGTAGCTCTTTGTATGTGTAGTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA	1006
TdelSat51-46	GTGTGCTCTTTGTATGTACAG *****	46

TdelSat05-1000 vs TdelSat70-86, TdelSat29-137

TdelSat05-1000	ATCGTCGGAGCCATTTTGGAGAAATCGCAAAAAAGTAAAAAAAACAACCTAGTAAAGTG	60
TdelSat05-1000	GTACTTCCGGTTGAGGAATTTTGACAGATAACGTACTGTGATCCCATG	120
TdelSat70-86	GTACCACTGCTTCTAACGACGGAAGTTAGTGGCAGTTTGTGATACCTA * * * *	52
TdelSat05-1000	AACGGAATATCAA	180
TdelSat70-86	ACTTGGTATTTCCGTTTATGTA *****	86
TdelSat05-1000	ACATACATACACACACACACACACACACACACACCATTTGCTAAAAACCACTTTTTTGGACTCAGG	240
TdelSat05-1000	GGACCTCAAAACGGATAT--TTCCGGTGAAAACCTCGATATCGAAAATTTGACACGATTAC	298
TdelSat29-137	CTACAATGAGATATATATAAAGTGACGAATTTACTT--TAACTT--CCAATTTT * * * *	51
TdelSat05-1000	AATACTTCCTCTTACTAGGAGTAAGAGAAAGTAAAAAAAATCTGGTGTGAAACACT	358
TdelSat29-137	ACTCATTTGTCTTAACATATAGTTTGTGTAGTTAGGAGGGGGAGGTGGTGGGGGACACT * * * *	111
TdelSat05-1000	CACACAACCTTCTCTTACTCCAGTTCTCAAAATTTATAATGACAAATTTTATAGTTTGTG	418
TdelSat29-137	CACACGACTTCTCTTACTCCTGTTA *****	137
TdelSat05-1000	CGGTTTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGGCCATCTATTTATTTCTAATTAATTT	538
TdelSat05-1000	TGTTTGGATGATAGAAATGTATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATAACCC	598
TdelSat05-1000	CACCCCTCCCTTAAAGTGCCTTAAATGAATTTTCCAGAGAAATGTTTAAATAAAAG	658
TdelSat05-1000	TTGTAGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAAATCGTCGGAGCCATT	718
TdelSat05-1000	TTTGAGAAAATCGCGAAAAGTGAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTAAACGCAC	778
TdelSat05-1000	TTCCGGTTATCCGATTTTTCAAACTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTTCAATTA	838
TdelSat05-1000	CATTAATTTAGATGACAGAATTTGTCTAATAAACTGAAATAGCACTTTAGATGAAAACCTAA	898

TdelSat05-1000 vs TdelSat43-111

TdelSat05-1000	GTCTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGGCCATCTATTTTATTTCTAATTAATTTTG	540
TdelSat05-1000	TTTGGATGATAGAAATGTGATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATAAACCCCA	600
TdelSat05-1000	CCCCCCCCCTTAAAGTCGCCCTTAAATGAATTTTCCGAGAAATGTTTAAATAAAGGCTT	660
TdelSat05-1000	GTAGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAATCGTCGGAGCCATTTT	720
TdelSat05-1000	TGAGAAAAATCGCGAAAAAGTGAAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTAAACGCACCTT	780
TdelSat05-1000	CCGGTATTCGGAATTTTTTCAAACTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTCATTAACA	840
TdelSat05-1000	TTAATTTAGATGACAGAATGTGCTTAATAAATCGAATAGCACTTTAGATGAAACCTTAACC	900
TdelSat05-1000	CCACCCCTCCCCCAAAGTCGCCCTTAAATGAATTTTCCCGGAGAAATGTTTCAAATAAAA	960
TdelSat05-1000	GTGTAGCTCTTTGTATGTGTAGTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA	1006

TdelSat05-1000 vs TdelSat48-118

TdelSat05-1000	CCAAATTATTAATGAAATTCGTCGAAAAC TGAAAAAACTGTTCAAGTAAAAGCGCACTTCCG	480
TdelSat05-1000	GTTTTCACTAAATTTCTTGAAACTCGGAATTTGGCCATCTATTTATTTCTAAATTAATTTTG	540
TdelSat05-1000	TTTGGATGATGAGAATGTATAATCACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATACCCCA	600
TdelSat05-1000	CCCCCTCCCCTAAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCCAGAGAAATGTTTTAAATAAAAGTT	660
TdelSat05-1000	GTAGATCTCTTGATATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAAATCGCTCGGAGCACTTTT	720
TdelSat05-1000	TGAGAAAAATCGCGAAAAGTGAAAAAAATCACTTAGTAAAGTGGTAAATCAACGCATTT	780
TdelSat05-1000	CCGGTTATCCGATTTTTTTCAAAC TCGGAATTTCAACAACATATTTAAATCTAATTAAACA	840
TdelSat05-1000	TTAATTTAGATGACAGAATTTGTCTAATAAATCGAATAGCACTTTAGATGAAAACCTTAACC	900
TdelSat05-1000	CCACCCCTCCCCCAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCCGGAGAAATGTTTCAAATAAAA	960
TdelSat05-1000	GTGTAGACTCTTTGTATGTGTAGTTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA	1006

TdelSat05-1000 vs TdelSat57-271

TdelSat05-1000	CACA-----ACTTTCCTCTACTCCAGTTCTCAAATAATGACAAAATTTTATAGTT	414
TdelSat57-271	GTGGGCCGAGAAGAGTGTCGAATAACATCTCAACCATCA-----AGCCCATAAAAAATT	128
	* * * * *	
	* * * * *	
	* * * * *	
	* * * * *	

TdelSat05-1000	TGTGTACCAAAATTTAATGAAATTCGTGCGAAACTGAAAAAACTGTTTCAGTAAAAGCGCA	474
TdelSat57-271	TGAATTTCA----- ** * **	137
TdelSat05-1000	CTTCCGGTTTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGCCATCTATTTATTTCTAATTA	534
TdelSat05-1000	ATTTTGTTTGGATGATAGAATTGTATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATA	594
TdelSat05-1000	ACCCACCCCTCCCTAAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCC-CAGAGAAATGTTTTAAAT	653
TdelSat57-271	ACGCTACAGATTCGCGAAAACTACATTAATAATCCATGTTTTCAAAAAAATTTACAAAT ** * ** * ** * ** * ** * ** * ** * ** * ** * ** *	197
TdelSat05-1000	AAAA-GTTGT-AGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAAGTTTCAAGAAAATCGTCGG	711
TdelSat57-271	AAAAAGTGAAGGGATTTTATATGTGTAGATAGTATACAAAATTTGAAGCC----- **** * * ** * **** * * **** * * *	249
TdelSat05-1000	AGCCATTTTTGAGAAAATCGCGAAAAGTGAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTA	771
TdelSat57-271	--ATTCTTTGAGGAAATCGCAAAA * **** * **** *	271
TdelSat05-1000	AACGCACTTCGGTTATCCGATTTTTTTCAAACCTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTC	831
TdelSat05-1000	TAATTAACATTATTTAGATGACAGAATTGTCTAATAAACTGAAATAGCACTTTAGATGAA	891
TdelSat05-1000	AACCTAACCCACCCCTCCCCCAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCGGAGAAATGTTT	951
TdelSat05-1000	CAAATAAAAGTTGTAGCTCTTTGTATGTGTAGTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA 1006	

TdelSat05-1000 vs TdelSat74-137

TdelSat05-1000	ATCGTCGGAGCCATTTTTTGAGAAAATCGCAAAAAAGTAAAAAAAACAAC TAGTAAAGTG	60
TdelSat05-1000	GTACTTCCGGTTGAGGAATTTTGACAGATAACGTACTGTGTCAGATCCCATGGTGATACCTA	120
TdelSat05-1000	AACGGAATATCAAGTTTCAACTTTCTACGGTTTTTCGTTTTTGAGCTATGCTGTTTCACAT	180
TdelSat05-1000	ACATACATACACACACACACACACACCATTTGCTAAAAACCCTTTTTTGG- ACTCAG	239
TdelSat74-137	TCAATATATGATGGTCG * * * * *	19
TdelSat05-1000	GGGACCTCAAAACGGATATTTCCGGTGAAACTCGATATCGAAAATTTGACACGATTACA	299
TdelSat74-137	GGCT-----ACAGAT-TCTGTAAAAATTCATGATGAAGAAAATTTGTCCCGTCGCA ** * * * * * * * * * *	71
TdelSat05-1000	ATACTTCCTCTTACTAGGAGTAAGAGAAAAGTAAAAAATAAAAAATCTGGTGTGAAACACTC	359
TdelSat74-137	AGTTTCCTCTTACGAGGAGTAAAAGGAAATAAAAAACTAATAATGTACAATTATGGCCC * **** * * * * * * * * * * * * * * * * *	131
TdelSat05-1000	ACACAACTTTCTCTTACTCCAGTTCTCAAAATTATAATTGACAAATTTTATAGTTTGTGT	419
TdelSat74-137	CCCCCA * * *	137
TdelSat05-1000	ACCAAATTTAATGAAATTCGTGCGAAACTGAAAAAACTGTTTCAGTAAAAGCGCACTTCC	479
TdelSat05-1000	GGTTTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGCCATCTATTTATTTCTAATTAATTTT	539
TdelSat05-1000	GTTTGGATGATAGAATTGTATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATAACCCC	599
TdelSat05-1000	ACCCCTCCCTAAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCAGAGAAATGTTTTAAATAAAAGT	659
TdelSat05-1000	TGTAGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAAATCGTCGGAGCCATTT	719
TdelSat05-1000	TTGAGAAAATCGCGAAAAAGTGAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTAAACGCACT	779
TdelSat05-1000	TCCGGTTATCCGATTTTTTTCAAACCTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTTCTAATTAAC	839
TdelSat05-1000	ATTATTTAGATGACAGAATTGTCTAATAAACTGAAATAGCACTTTAGATGAAAACCTAAC	899
TdelSat05-1000	CCACCCCTCCCCAAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCCGAGAAATGTTTCAAATAAA	959
TdelSat05-1000	AGTTGTAGCTCTTTGTATGTGTAGTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA 1006	

TdelSat05-1000 vs TdelSat81-185

TdelSat05-1000	ATCGTCGGAGCCATTTTTTGAGAAAATCGCAAAAAAGTAAAAAAAACAAC TAGTAAAGTG	60
TdelSat05-1000	GTACTTCCGGTTGAGGAATTTTGACAGATAACGTACTGTGTCAGATCCCATGGTGATACCTA	120
TdelSat05-1000	AACGGAATATCAAGTTTCAACTTTCTACGGTTTTTCGTTTTTGAGCTATGCTGTTACAT	180
TdelSat81-185	CACACACCACA * * ****	16
TdelSat05-1000	ACATACATACACACACA-CACACACACACCATTGCTAAAAACCACTTTTTTGGACTCAG	239
TdelSat81-185	ACATATATATATAGAAAAGAGAAAGAAAACAATTTTATAAAAATCACATTTTGGACTCAG ***** ** * * * * * * * * * * * * * * * *	76
TdelSat05-1000	GGGACCTCAAAACGGATATTTCCGGTGAAACTCGATATCGAAAATTTGACACGATTACA	299
TdelSat81-185	GGGATCTCAAAACATACACTTGCAATTTTATTTAATTGAAACTGCGTGTGCTATTCCTTA **** * * * * * * * *	137
TdelSat05-1000	ATACTTCTCTTACTAGGAGTAAGAGAAAAGTAAAAAAAATACTGGTGTGAAACACTC	359
TdelSat81-185	GAGATATCCATAATATGAGAGTTTATATTGTTTCCCTCTCACACGCATA * * * * *	185
TdelSat05-1000	ACACAACTTTCTCTTACTCCAGTTCTCAAAATTATAATTGACAAATTTTATAGTTTGTGT	419
TdelSat05-1000	ACCAAATTTAATGAAATTCGTGCGAAACTGAAAAAACTGTTTCAGTAAAAGCGCACTTCC	479
TdelSat05-1000	GGTTTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGCCATCTATTTATTTCTAATTAATTTT	539
TdelSat05-1000	GTTTGGATGATAGAATTGTATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATAACCCC	599
TdelSat05-1000	ACCCCTCCCTAAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCAGAGAAATGTTTTAAATAAAAGT	659

TdelSat05-1000	TGTAGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAAAATCGTCGGAGCCATTT	719
TdelSat05-1000	TTGAGAAAAATCGCGAAAAAGTGAAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTAAACGCACT	779
TdelSat05-1000	TCCGGTTATCCGATTTTTTTTCAAACCTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTCTAATTAAC	839
TdelSat05-1000	ATTATTTAGATGACAGAATTGTCTAATAAACTGAAATAGCACTTTAGATGAAAAACCTAAC	899
TdelSat05-1000	CCACCCCTCCCCCAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCCGGAGAAATGTTTCAAATAAA	959
TdelSat05-1000	AGTTGTAGCTCTTTGTATGTGTAGTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA	1006

TdelSat05-1000 vs TdelSat-138-63

TdelSat05-1000	ATCGTCGGAGCCATTTTTGAGAAAAATCGCAAAAAAGTAAAAAAAACAACCTAGTAAAGTG	60
TdelSat05-1000	GTACTTCCGGTTGAGGAATTTTGACAGATAACGTACTGTGATGCCATGGTGATACCTA	120
TdelSat05-1000	AACGGAATATCAAGTTTCAACTTTCTACGGTTTTTCGTTTTTGAGCTATGCTGTTACAT	180
TdelSat05-1000	ACATACATACACACACACACACACACCATTGCTAAAAACCCTTTTTTGGACTCAGG	240
TdelSat05-1000	GGACCTCAAACCGATATTTCCGGTGAAAACTCGATATCGAAAAATTTGACACGATTACAA	300
TdelSat05-1000	TACTTCTCTTTACTAGGAGTAAGAGAAAGTAAAAAAAAAAATCTGGTGTGAAACACTCA	360
TdelSat-138-63	---TTGCCACTAACAGCAAATAGAGAAAGTAAAAAAAAAGAGAAATTTGCCATTTTACATA * * * * *	
TdelSat05-1000	CACAACTTTTCTCTTACTCCAGTTCTCTCAAATTATAATTGACAAATTTTATAGTTTGTGTA	420
TdelSat-138-63	TAATTA *	63
TdelSat05-1000	CCAAATTTAATGAAATTCGTCGAAAACTGAAAAAACTGTTTCAGTAAAAGCGCACTTCCG	480
TdelSat05-1000	GTTTACTAATTTTCTTGAAACTCGGAATTTTGCCCATCTATTTATTTCTAATTAATTTTG	540
TdelSat05-1000	TTTGATGATAGAATTGTATAATCAACTATGATAGCACTTTAGAGAAAAACATAACCCCA	600
TdelSat05-1000	CCCTCCCCCTAAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCAGAGAAATGTTTAAATAAAAGTT	660
TdelSat05-1000	GTAGATCTTTGTATGTGTAGTTTATATACGAAGTTTCAAGAAAAATCGTCGGAGCCATTTT	720
TdelSat05-1000	TGAGAAAAATCGCGAAAAAGTGAAAAAAATCATTTAGTAAAGTGGTAAAGTAAACGCACTT	780
TdelSat05-1000	CCGGTTATCCGATTTTTTTCAAACCTCGGAATTTCAACAACATATTTAATTCTAATTAACA	840
TdelSat05-1000	TTATTTAGATGACAGAATTGTCTAATAAACTGAAATAGCACTTTAGATGAAAACCTTAACC	900
TdelSat05-1000	CCACCCCTCCCCCAAAGTGCCCTTAAATGAATTTTCCCGAGAAATGTTTCAAATAAAA	960
TdelSat05-1000	GTTGTAGCTCTTTGTATGTGTAGTTGATATACCAAGTTTAAAGAAA	1006

TdelSat12-52 vs TdelSat48-118

TdelSat48-118	ATACAATTTAACTGTTCAATCGCTTGTACAGCAGTAAATGGAACCATTAACTTGCTACCA	60
TdelSat12-52	ATATAAAA---TCTGATGTCTAATCACACGACTTTCTCTTATGCTGTAGGA	48
TdelSat48-118	GGTGTTCCAAAGTAAACTGGTGTGAAATATTCACACGACTTTCTCTTACTCCAGTTA * * * * *	118
TdelSat12-52	GGTG	52

TdelSat12-52 vs TdelSat29-137

TdelSat29-137	CTACAATGAGATATATATAAAGTGACGAATTTACTTTAAACTTCCAATTTTACTCATTGG	60
TdelSat12-52	ATATAAATCTGATGTGTAAATCACACGACT	31
TdelSat29-137	TCCTAACATATAGTTTGGTGATGTTAGGAGGGGGAGGTGGTGGGGACACTCACACGACT * * * * *	120
TdelSat12-52	TTCTCTTAGTGCTGTAGGAGGTG	52
TdelSat29-137	TTCTCTTACTCCTGTTA	137
	* * * * *	

TdelSat21-33 vs TdelSat57-271

TdelSat21-33	TCTACACACATAAAATACC-TATCAC-----	23
TdelSat57-271	TCTACACATATAAAATCCCTTTCAGTTTTATTTGTAAATTTTTTTTGAAAAACATGGAT ***** * * * *	60
TdelSat21-33	-----	23
TdelSat57-271	TTTAATGTAGTTTTGCGGAATCTGTAGCGTTGAAATTTCAAATTTTATATGGGCTTGATGG	120
TdelSat21-33	-----	23
TdelSat57-271	TTGAATGTTATTGGCACACTCTTCTGGCCGACTTGTCATCACTTCTACTATCCTACTTTT	180
TdelSat21-33	-----	23
TdelSat57-271	TTACTTTCTCTTACTCCTACTAACAGGAAGTATTTTATTTTTTTGTGTTTGCGATTTCC	240
TdelSat21-33	-----TGTATACTA	33
TdelSat57-271	TCAAACAATGGCTTCAAATTTTGTATACTA	271
	* * * * *	

TdelSat21-33 vs TdelSat64-39

TdelSat21-33 ACTATCTACACACATAAAATA-----CCTATCACTGTAT 33
TdelSat64-39 ACTAACTACACACATAAATTATTAAATTATATATCGTAT 39
***** * ****

TdelSat24-147 vs TdelSat122-43

TdelSat24-147 CCAAGAAAGTTTCATTTTATGGCGTTTTGGGTGGGGGGTAAGGGGCAAGCTTTTCCCAAAA 60

TdelSat24-147 TAGTGGTTTTTATTGTTTAGATTCTCCCACTGATGTAAAAATTGAAGACAACATAACATCT 120
TdelSat122-43 ACTTAAGTATGTAAAAATTGAAGACAAGCAAACGAAA 37
* * *****

TdelSat24-147 AGTGAGAGAATTAGACTTTTGAAAGTT 147
TdelSat122-43 TTGAAG 43
**

TdelSat29-137 vs TdelSat48-118

TdelSat29-137 CTACAATGAGATATATATAAAGTGACGAATTACTTTAAACTTCCAATTTTACTCATTTG 60
TdelSat48-118 -----ATACAATTAACTGTTCAATCGCTTG-----TACAGCAGTAAATGG 41
***** *

TdelSat29-137 TCCTAACATATAGTTTGGTGATGTTAGGAGGGGGAGGTGGTGGGGACACTCACACGACT 120
TdelSat48-118 AACCATTAACCTTGCTACCAGGTGTTTCAAAGTAAACGGGTGAAATATCACACGACT 101
* * * * * * * * * *

TdelSat29-137 TTCTCTTACTCCTGTTA 137
TdelSat48-118 TTCTCTTACTCCAGTTA 118

TdelSat36-128 vs TdelSat54-189

TdelSat36-128 TCTCAA TTACTCATATGTCTTAATATAAATATACAGGTGGTGGGAGACAAG----T 52
TdelSat54-189 TTTCAAATTTTGCTCATATATCCCAACATAAATATCCAGGTGGTGGGGGGAGGGACGAGT 60
* * * * * * * * * *

TdelSat36-128 GCCAGCCTAGCAACACAGACAGGTACAGAATGATTACATTGTAGACAGCCAATAATATTG 112
TdelSat54-189 GCCAATGTACCACCAGGCAGGTAGATAACGGATTGCACGGTAGAGA-GCGTCAATAATG 119
* * * * * * * * * *

TdelSat36-128 AACAAACACATTTGAA 128
TdelSat54-189 AACAAACACATTGAA TTTTAAACGTCTCTTGATTCTCAGAGAACCACCTAAAAACAAT 179

TdelSat54-189 TTTTTTTAAA 189

TdelSat36-128 vs TdelSat72-85

TdelSat36-128 TCTCAATTACTCATATGTCC TAATATAAATATACAGGTGGTGGGAGACAAGTGCCAGCCT 60
TdelSat72-85 ATAAACATAAATATGGAGGTGGTGGGAGATAGGTAAATACCT 41
* * * * * * * * * *

TdelSat36-128 AGCAACACAGACAGGTACAG--AATG-ATTACATTGTAGACAGCCAATAATATTGAACA 116
TdelSat72-85 CTCTACTCAGCTGGCAGGTAGACAAGTGTATGTATTGTCTT -----AAATTTCTTTA 85
* * * * * * * * * *

TdelSat36-128 AACACATTGAA 128

TdelSat48-118 vs TdelSat88-87 (reverse)

TdelSat48-118 ATACAATTAACTGTTCAATCGCTTGTACAGCAGTAAATGGAACCATTAACTTGCTACCA 60
TdelSat88-87 (rev) ATACAATTACAATTAC-----AAATTTCTTTA 29
***** * * * *

TdelSat48-118 GGTGTTTCAAAGTAAAC TGGTGTGAAATATTCACACGACTTTCTCTTACTCCAGTTA 118
TdelSat88-87 (rev) TATTGTAATGTTACTCAAT TGGTGTGAAACATTGACACGACTTGGTCTCATTGCAGTTA 87
* * * * * * * * * *

TdelSat54-189 vs TdelSat72-85

TdelSat54-189	TTTCAAATTTTGCTCATATATCCC	AACATAAATATCCAGGTGGTGGG	GGGAGGGACGAGT	60
TdelSat72-85		AT	AACATAAATATGGAGGTGGTGGCAGATAGGTA-AAT	37
		*****	***** *	** *
TdelSat54-189	GCCAATGTACCACCAG	GGCAGGTAGATAA	CGGATTGCACGGTAGAGAGCGTCAATAATGA	120
TdelSat72-85	ACCTCTCTACTCAGCT	GGCAGGTAGACAA	GTGTTTATGTATTGTCTT	85
	** * **	***** **	* **	* *
TdelSat54-189	ACAAACACATTTGAATTTTAA	CGTCTCTTGATTCTCAGAGAACCACTAAAAACAATT		180
TdelSat54-189	TTTTTTAAA	189		

TdelSat68-160 vs TdelSat73-372

The sequence of TdelSat73-372 was separated into two regions: the first one between positions 1 to 237 (TdelSat73-372-1) and the second one between positions 238 and 372 (TdelSat73-372-2). Ast

TdelSat73-372-1	TAGTGCTGCGTTTGTGCCGGCGATTACCAAATTTCAACGTTTGTGCCGTAAAATTGACA	60
TdelSat68-160	TAGTGCTGCGTTTGTGCCGGCGATTACCAAATTTTCATCGTTTGTGCCGTAAAATTGACA	60
TdelSat73-372-2	AAGTGATTCATTTGTGCCAGCGACCCACCAAATTTTCAGCGTTTGTGCTGCAAAATTGACA	297
	**** * *	***** *
	***** * ***** **	** *
TdelSat73-372-1	AAGATATTGACGAAAACTGTTTCGTCGTACTTGAAAACCAAAGGCCATGGCTGCGAGTAA	120
TdelSat68-160	AAGATATTAAAGAAAAAAGTGCCAGTCCAACCTTGA-----	97
TdelSat73-372-2	AAGTTATTGAGG-----	309
	*** **** *	
		**
TdelSat73-372-1	CATTTGAATGTGCGCGTGCTCCACTGACCGCCAACGGCCCTTATCAGGGCCAGCAACTAA	180
TdelSat68-160	-----CGTCAA	103
TdelSat73-372-2	-----CGTCAA	315

	* ***** * ***** **	** * ***** * ** * * * *
TdelSat73-372-1	AATGTACTGGCCCTCGATTCTAATCAAAATTTCTGGAATTTTCTTCGCTATTCTT	237
TdelSat68-160	GTTAGACTGGCCACCAATTCTATTCACTTTTTTAAATTTTCTTTTACCAATCGT	160
TdelSat73-372-2	GTTAGACTGGCCACCAATTCTATTCACTTTTTTAACTTTTCTCTTTGCCAATCGT	372
	*****	***** ** *