

Supplementary Information

Table S1. Expression profiles for 15 genes in *Tetraselmis* sp. Transcript abundances are shown relative to *ACTIN* measured by qRT-PCR from three independent biological replicates. Data represent mean values \pm SDs.

Genes	Salinity								
	5			10			30		
	2	4	6	2	4	6	2	4	6
BKAS	0.149 \pm 0.028	1.649 \pm 0.404	0.149 \pm 0.101	0.166 \pm 0.078	1.639 \pm 0.130	0.204 \pm 0.086	0.379 \pm 0.325	1.947 \pm 0.328	0.768 \pm 0.480
Δ 5D	0.175 \pm 0.045	0.212 \pm 0.043	0.363 \pm 0.098	0.142 \pm 0.081	0.215 \pm 0.021	0.252 \pm 0.125	0.141 \pm 0.009	0.281 \pm 0.045	0.351 \pm 0.068
Δ 6E	0.051 \pm 0.007	0.686 \pm 0.115	0.174 \pm 0.073	0.017 \pm 0.010	0.300 \pm 0.061	0.107 \pm 0.024	0.054 \pm 0.066	0.323 \pm 0.030	0.035 \pm 0.029
ACSase	0.270 \pm 0.355	5.113 \pm 1.665	2.226 \pm 0.316	1.014 \pm 0.311	2.676 \pm 1.257	0.457 \pm 0.148	0.583 \pm 0.082	1.502 \pm 0.515	0.695 \pm 0.303
Δ 5E	0.029 \pm 0.011	0.644 \pm 0.767	0.074 \pm 0.086	0.015 \pm 0.009	0.119 \pm 0.018	0.029 \pm 0.002	0.105 \pm 0.156	0.135 \pm 0.033	0.217 \pm 0.062
D3PDH	0.040 \pm 0.007	0.184 \pm 0.102	0.065 \pm 0.016	0.035 \pm 0.014	0.079 \pm 0.026	0.064 \pm 0.045	0.278 \pm 0.403	0.096 \pm 0.024	0.160 \pm 0.163
G6Pi	0.368 \pm 0.039	0.364 \pm 0.084	0.392 \pm 0.184	0.252 \pm 0.110	0.296 \pm 0.040	0.141 \pm 0.057	0.533 \pm 0.398	0.599 \pm 0.262	0.648 \pm 0.373
PyKPA	1.920 \pm 0.796	9.048 \pm 0.878	7.455 \pm 3.141	1.691 \pm 0.803	14.376 \pm 2.968	3.208 \pm 2.273	6.920 \pm 7.919	27.129 \pm 8.719	16.692 \pm 7.390
PHO	0.128 \pm 0.031	0.212 \pm 0.093	0.310 \pm 0.162	0.071 \pm 0.059	0.253 \pm 0.099	0.388 \pm 0.146	0.516 \pm 0.818	0.458 \pm 0.127	0.812 \pm 0.627
KAR	0.117 \pm 0.070	0.272 \pm 0.057	0.077 \pm 0.057	0.062 \pm 0.037	0.057 \pm 0.018	0.063 \pm 0.068	0.109 \pm 0.118	0.077 \pm 0.046	0.198 \pm 0.219
Δ 8D	0.336 \pm 0.097	0.728 \pm 0.072	0.861 \pm 0.327	0.304 \pm 0.102	1.373 \pm 0.228	0.835 \pm 0.402	0.350 \pm 0.058	2.266 \pm 0.582	1.672 \pm 1.165
ENR	0.494 \pm 0.287	0.647 \pm 0.080	0.130 \pm 0.058	0.207 \pm 0.061	0.431 \pm 0.103	0.089 \pm 0.022	0.157 \pm 0.135	0.328 \pm 0.055	0.649 \pm 0.293
PP	0.136 \pm 0.023	0.162 \pm 0.068	0.091 \pm 0.041	0.108 \pm 0.087	0.150 \pm 0.018	0.113 \pm 0.026	0.596 \pm 0.878	0.161 \pm 0.073	0.239 \pm 0.169
Δ 9D	0.795 \pm 0.071	0.950 \pm 0.113	0.701 \pm 0.335	0.601 \pm 0.304	0.504 \pm 0.046	0.272 \pm 0.129	1.129 \pm 1.509	0.564 \pm 0.078	0.516 \pm 0.470
DGAT	0.093 \pm 0.009	0.468 \pm 0.041	0.240 \pm 0.077	0.093 \pm 0.015	0.247 \pm 0.075	0.131 \pm 0.040	1.142 \pm 1.865	0.134 \pm 0.017	0.171 \pm 0.060

Table S1. Cont.

Genes	Salinity					
	40		50			6
	2	4	2	4		
BKAS	0.223 ± 0.005	0.0487 ± 0.073	0.471 ± 0.126	0.774 ± 0.130	0.467 ± 0.096	1.052 ± 1.209
Δ5D	0.154 ± 0.019	0.536 ± 0.049	0.623 ± 0.096	0.164 ± 0.013	0.503 ± 0.069	0.048 ± 0.072
Δ6E	0.015 ± 0.004	0.210 ± 0.042	2.046 ± 0.491	0.100 ± 0.014	0.255 ± 0.043	16.182 ± 24.053
ACSase	0.616 ± 0.087	1.073 ± 0.095	0.137 ± 0.145	1.387 ± 0.458	1.765 ± 0.168	0.277 ± 0.086
Δ5E	0.039 ± 0.012	0.046 ± 0.018	0.113 ± 0.026	0.036 ± 0.011	0.020 ± 0.007	0.171 ± 0.076
D3PDH	0.066 ± 0.002	0.065 ± 0.007	0.054 ± 0.025	0.103 ± 0.016	0.070 ± 0.020	0.303 ± 0.378
G6Pi	0.428 ± 0.028	0.528 ± 0.062	0.638 ± 0.256	0.546 ± 0.053	0.644 ± 0.064	0.666 ± 0.514
PyKPA	1.924 ± 0.229	19.629 ± 3.267	28.159 ± 15.907	6.85 ± 2.404	25.619 ± 8.388	16.751 ± 11.871
PHO	0.036 ± 0.008	0.311 ± 0.086	0.884 ± 0.419	0.017 ± 0.007	0.386 ± 0.085	0.703 ± 0.478
KAR	0.059 ± 0.020	0.088 ± 0.020	0.082 ± 0.010	0.177 ± 0.018	0.059 ± 0.013	2.503 ± 4.230
Δ8D	0.400 ± 0.079	1.946 ± 0.203	1.555 ± 0.490	0.478 ± 0.031	1.478 ± 0.401	0.733 ± 0.590
ENR	0.147 ± 0.035	0.081 ± 0.008	0.567 ± 0.216	0.207 ± 0.073	0.095 ± 0.001	0.803 ± 0.677
PP	0.088 ± 0.003	0.116 ± 0.019	0.172 ± 0.057	0.049 ± 0.011	0.127 ± 0.042	0.312 ± 0.294
Δ9D	0.897 ± 0.093	0.671 ± 0.015	0.325 ± 0.303	0.889 ± 0.142	0.688 ± 0.115	0.720 ± 0.119
DGAT	0.091 ± 0.008	0.309 ± 0.048	0.147 ± 0.055	0.095 ± 0.023	0.344 ± 0.191	0.209 ± 0.036

Table S2. Total FA shown in ng/mg DW and %FA/mg DW in *Tetraselmis* sp. cultivated at different salinities (5 ppt, 10 ppt, 30 ppt, 40 ppt and 50 ppt), under nutrient stress (Day 2, nutrient replete; Day 4, nutrient deplete; Day 6, nutrient starved. Data represent mean values \pm SDs from three independently-grown cultures.

Salinity	Day	Total FA ng/mL	%FA/mg DW
5 ppt	2	147.57 \pm 3.26	22.14 \pm 0.49
	4	63.09 \pm 11.12	11.36 \pm 2.00
	6	144.28 \pm 22.72	17.31 \pm 2.73
10 ppt	2	130.45 \pm 1.21	19.57 \pm 0.18
	4	83.53 \pm 4.30	12.53 \pm 0.64
	6	159.05 \pm 9.37	19.09 \pm 1.12
30 ppt	2	96.66 \pm 14.58	14.5 \pm 2.19
	4	122.44 \pm 14.44	14.69 \pm 1.73
	6	179.02 \pm 36.55	16.11 \pm 3.29
40 ppt	2	97.16 \pm 9.32	14.57 \pm 1.40
	4	144.39 \pm 48.85	17.33 \pm 5.86
	6	114.1 \pm 98.91	15.4 \pm 0.56
50 ppt	2	113.72 \pm 24.65	17.06 \pm 3.70
	4	88.55 \pm 16.78	13.28 \pm 2.52
	6	175.31 \pm 47.33	21.04 \pm 5.68

© 2014 by the authors; licensee MDPI, Basel, Switzerland. This article is an open access article distributed under the terms and conditions of the Creative Commons Attribution license (<http://creativecommons.org/licenses/by/3.0/>).